

PATENTANWÄLTE

European Patent Attorneys
European Trade Mark Attorneys



Example 1

DIPL.-ING. N. WEICKMANN
DIPL.-ING. F. A. WEICKMANN
DIPL.-CHEM. B. HUBER
DR.-ING. H. LISK
DIPL.-PHYS. DR. J. PRECHTEL
DIPL.-CHEM. DR. B. BÖHM
DIPL.-CHEM. DR. W. WEISS
DIPL.-PHYS. DR. J. TIESMEYER
DIPL.-PHYS. DR. M. HERZOG
DIPL.-PHYS. B. RUTTENSBERGER
DIPL.-PHYS. DR.-ING. V. JORDAN

POSTFACH 860 820
81635 MÜNCHEN

KOPERNIKUSSTRASSE 9
81679 MÜNCHEN

TELEFON (089) 45563 0
(0700) WEICKMAN

TELEFAX (089) 45563 999
E-MAIL email@weickmann.de
TELEX 522 621

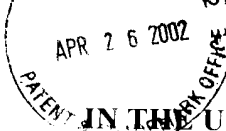
31. Jan. 2000

Unser Zeichen:
21914P DE/WWvo

Anmelder:
metaGen
Gesellschaft für Genomforschung mbH
Innestraße 63

14195 Berlin

Nachweis von differenzieller Genexpression



IN THE UNITED STATES PATENT AND TRADEMARK OFFICE

In re Application of :

Andre ROSENTHAL et al.

Serial No. : 09/930,213

Filed : January 31, 2001

For : DETECTION OF DIFFERENTIAL GENE EXPRESSIONS

SUBMISSION OF PRIORITY DOCUMENT(S)

Assistant Commissioner for Patents
Washington, D. C. 20231

Sir:

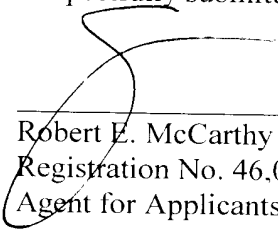
Submitted herewith is a certified copy of each of the below-identified document(s),
benefit of priority of each of which is claimed under U.S.C. § 119:

<u>COUNTRY</u>	<u>APPLICATION NO.</u>	<u>FILING DATE</u>
GERMANY	100 04 102.7	31 January 2000

Acknowledgment of the receipt of the above document(s) is requested.

No fee is believed to be due in association with this filing, however, the Commissioner is hereby authorized to charge fees under 37 CFR 1.16 and 1.17 which may be required to facilitate this filing, or credit any overpayment to Deposit Account #13-3402.

Respectfully submitted,


Robert E. McCarthy
Registration No. 46,044
Agent for Applicants

MILLEN, WHITE, ZELANO
& BRANIGAN, P.C.
Arlington Courthouse Plaza I
2200 Clarendon Blvd. Suite 1400
Arlington, Virginia 22201
Telephone: (703) 243-6333
Facsimile: (703) 243-6410

Attorney Docket No.: ALBRE-14

Date: April 26, 2002



Prioritätsbescheinigung über die Einreichung einer Patentanmeldung

Aktenzeichen: 100 04 102.7

Anmeldetag: 31. Januar 2000

Anmelder/Inhaber: metaGen Gesellschaft für Genomforschung mbH,
Berlin/DE

Bezeichnung: Nachweis von differenzieller Genexpression

IPC: C 12 Q, C 07 H

Die angehefteten Stücke sind eine richtige und genaue Wiedergabe der ursprünglichen Unterlagen dieser Patentanmeldung.

München, den 26. Januar 2001
Deutsches Patent- und Markenamt
Der Präsident
Im Auftrag

Handwritten signature

Nachweis von differenzieller Genexpression

Beschreibung

5

Die Erfindung betrifft ein Verfahren zum Nachweis von differenzieller Genexpression sowie neue durch dieses Verfahren erhältliche Nukleinsäuresequenzen.

10

Die genetische Komplexität der zellulären Transformation auf der Ebene der mRNA Expression wurde zuerst vor mehr als 10 Jahren beschrieben (siehe z.B. Groudine und Weintraub, PNAS USA 77 (1980), 5351-5354; Augenlicht et al., Canc. Res. 47 (1987), 6017-6021). Globale Sequenzinformationen hinsichtlich der bei der Pathogenese von humanem Krebs veränderten Genaktivität wurden erst vor Kurzem erhalten, nachdem neue Methoden zur Ermittlung von Genexpressionsprofilen entwickelt wurden (Zhang et al., Science 276 (1997), 1268-1271; Chang et al. Oncogene 16 (1998), 1921-1930; von Stein et al., Nucleic Acids Res. 25 (1997), 2598-2602). Komplexe Genexpressionsprofile, die den zahlreichen tumorspezifischen Zellfunktionen zugrundeliegen, werden zumindest teilweise durch Akkumulierung multipler genetischer Veränderungen in abnormal aktivierten Signaltransduktionswegen und Transkriptionsfaktoren reguliert (Fearon und Vogelstein, Cell 61 (1990), 759-767; Stanbridge, Annu. Rev. Genet. 24 (1991), 615-657).

25

Ein wichtiger Aspekt der mehrstufigen Tumorgenese ist die durch Mutationen bewirkte Aktivierung von Mitgliedern der Ras-Genfamilie. Ras-Mutationen stehen im Zusammenhang mit einer ungünstigen Tumorprognose (Mao et al., Cancer Res. 54 (1994), 1634-1637; Sasaki et al., Cancer Res. 53 (1993), 1906-1910; Yaginuma et al., Gynecol. Oncol. 46 (1992), 45-50; Ahnen et al., Cancer Res. 58 (1998), 1149-1158). Ras-Mutationen sind besonders häufig bei sporadischen Tumorerkrankungen von

30

Pankreas, Colon, Lunge und des myeloischen Systems (Boss, Canc. Res. 49 (1989), 4682-4689).

Die Ras-Genprodukte sind kleine GTP-Bindeproteine, welche die
5 Transkription auf globale Weise beeinflussen, indem sie als "Hauptschalter"
in Signaltransduktionsprozessen wirken, bei denen extrazelluläre Signale mit
Vorgängen im Zellkern verknüpft werden (Abdellatif et al., J. Biol. Chem.
269 (1994), 15423-15426; Malumbres und Pellicer, Frontiers in Bioscience
3 (1998), 887-912). In normalen Zellen wird die Konzentration an Ras-GTP
10 in Reaktion auf die Bindung von Wachstumsfaktoren, Cytokinen oder anderen
Liganden von membrangebundenen Tyrosinkinaserzeptoren transient
erhöht. Die Umwandlung in die inaktive, GDP-gebundene Form von Ras
erfolgt durch seine geringe intrinsische GTP-Hydrolyseaktivität und wird
durch zusätzliche Ras-GTPase-Aktivatorproteine (GAP) beschleunigt.
15 Oncogene, an den Aminosäurekodons 12, 13, 59 oder 61 mutierte Formen
von Ras, sind gegenüber von GAP-Stimulierung insensitive und werden
folglich in ihrem aktiven Zustand festgehalten (zum Überblick siehe
Malumbres und Pellicer (1998), supra, Marshall, FASEB J. 9 (1995), 1311-
1318; Macdonald und McCormick in: Oncogenes und Tumour Suppressors,
20 Eds Peters G. und Vousden K.H., 121-153, Oxford University Press, Oxford
1997). Die Ras-GTP Mengen sind selbst in Tumoren erhöht, die keine
Aktivatormutationen enthalten (Patton et al., Cancer Res. 58 (1998), 2253-
2259; Clark und Der, Breast Cancer Res. Treat. 35 (1995), 133-144). Beim
Fehlen von intrinsischen Mutationen kann der Ras-Signaltransduktionsweg
25 durch inaktivierende Mutationen des Ras-Regulators NF-1 GAP bei der
Neurofibromatose Typ I (DeClue et al., Cell 69 (1992), 265-273), durch
Komplexbildung von stromaufwärts wirkenden Effektorproteinen mit der
Bcr-Abl Proteintyrosinkinase in chronischer myelogener Leukämie (Puil et al.,
EMBO J. 13 (1994), 764-773) und durch direkte Assoziierung von Ras mit
30 dem STP-C488 Protein des DNA Tumovirus Herpes saimiri (Jung und
Desrosiers, Mol. Cell. Biol. 15 (1995), 6506-6512) stimuliert werden.

Auf der zellulären Ebene werden zwei hauptsächliche Veränderungen als Ergebnis der Ras-Aktivierung beobachtet: Mitogenese und Reorganisation des Cytoskeletts. Eine permanente Aktivierung von Ras bewirkt eine Verstärkung der normalen zellulären Reaktion. Essentielle Signale für die zelluläre Transformation, Invasivität, Angiogenese und Metastasierung werden mittels verzweigter Signalwege stromabwärts von Ras transduziert. Diese Signalwege umfassen die Raf/Mek/Erk Kaskade von cytoplasmatischen Kinasen, den die kleinen GTP-Bindeproteine Rac/Rho beinhaltenden Signalweg, den PI3 Kinase Signalweg u.a. Über diese Signalwege werden verschiedene Transkriptionsfaktoren wie etwa Elk1, SRF, Jun, ATF2 und NFkB stimuliert (zur Übersicht siehe z.B. Khosravi et al., Adv. Cancer Res. 72 (1998), 57-107).

Angesichts der Komplexität der nichtlinearen Ras-Signalgebung und der überaus großen Anzahl potentieller Targets besteht ein großes Bedürfnis, ein Verfahren bereitzustellen, das eine Bestimmung der mit einer Ras-Transformation assoziierten transkriptionellen Veränderungen erlaubt. Weiterhin sollte dieses Verfahren auch für die Analyse transkriptioneller Veränderungen verursacht durch andere Prozesse einsetzbar sein.

Zur Lösung dieses Problems wurden die Konzentrationen bzw. Mengen einzelner Transkripte in phänotypisch normalen 208 F Rattenfibroblasten (Quade, Virology 98 (1979), 461-465) mit denjenigen in der aus 208 F-Zellen abgeleiteten H-Ras transformierten Zelllinie FE-8 (Griegel et al., Int. J. Canc. 38 (1986), 697-705) mittels einer auf PCR-basierenden cDNA Subtraktionsmethode, der subtraktiven Suppressionshybridisierung (Diatchenko et al., PNAS USA 93 (1996), 6025-6030) bestimmt. Dieses Verfahren erlaubte überraschenderweise eine effiziente Isolierung bekannter Genen - und von besonderer Bedeutung - die Isolierung von neuen Sequenzen. Die beiden verwendeten Zelllinien sind nahe verwandte, quasidiploide Zelllinien, um transkriptionelle Veränderungen aufgrund struktureller und numerischer chromosomaler Aberrationen, die nicht direkt

mit der Ras induzierten Transformation im Zusammenhang stehen, möglichst gering zu halten. Die auf diese Weise nach Vorwärts- und Rückwärts-Subtraktion erhaltenen cDNA Fragmente ($n=1257$) wurden sequenziert und in einem Array angeordnet. Nach reverser oder konventioneller Northern Analyse wurde ein H-Ras spezifisches Expressionsprofil umfassend neue Sequenzen ($n=45$), exprimierte Sequence Tags ($n=104$) und bekannte Gene ($n=244$) etabliert. Anschließend wurde dieses Genprofil zum Vergleich der mRNA Expression zwischen H-Ras transformierten 208 F-Zellen und mit Zellen verwendet, die durch zwei andere tumorassoziierte Ras-Isoformen K-ras und N-Ras, transformiert waren. Darüber hinaus wurden Targetgene ($n=61$) identifiziert, deren transkriptionelle Veränderungen durch den Ras/Raf/Mek-Signalweg reguliert sind.

Ein erster Aspekt der Erfindung betrifft ein Verfahren zur Bestimmung von transkriptionellen Veränderungen in einer Zelle, insbesondere in einer Säugerzelle wie etwa einer Nagetierzelle oder einer menschlichen Zelle, assoziiert mit einer physiologischen Veränderung, z.B. einer Transformation, vorzugsweise einer Ras-vermittelten Transformation, gegenüber einer anderen Zelle, die diese bestimmte physiologische Veränderung nicht aufweist. Das erfindungsgemäße Verfahren zur differentiellen Transkriptionsanalyse ist dadurch gekennzeichnet, daß man mRNA aus einer ersten Zelle und einer zweiten Zelle gewinnt, eine subtraktive Suppressionshybridisierung mit der gewonnen mRNA durchführt und eine Population von in beiden Zellen differentiell exprimierten Genen identifiziert, wobei sich die erste und die zweite Zelle bezüglich einer zu untersuchenden physiologischen Veränderung unterscheiden. Vorzugsweise umfaßt das Verfahren weiterhin eine Verifizierung der differentiellen Expression, vorzugsweise durch reverse oder/und konventionelle Northern Blot Analyse.

Als erste Zelle wird vorzugsweise eine transformierte Zelle und als zweite Zelle eine nichttransformierte Zelle verwendet. Besonders bevorzugt wird als

erste Zelle eine Ras-transformierte Zelle und als zweite eine nichttrans-
formierte Zelle verwendet, wobei als Ras-transformierte Zelle eine
insbesondere eine mit einem mutierten Ras-Genprodukt transformierte Zelle,
beispielsweise eine H-Ras-, K-Ras- oder N-Ras-transformierte Zelle
5 verwendet wird.

Die erste Zelle und die zweite Zelle stammen vorzugsweise von dergleichen
Spezies, insbesondere einem Säuger wie etwa Ratte, Maus, Mensch etc.
Weiterhin stammen die erste Zelle und die zweite Zelle bevorzugt vom
10 gleichen Zelltyp, beispielsweise Fibroblasten. Darüber hinaus hat es sich als
günstig erwiesen, eine erste Zelle und zweite Zelle zu verwenden, die im
wesentlichen keine chromosomalen Aberrationen aufweisen, die das Muster
der durch die zu untersuchende physiologische Veränderung, z.B. die Ras-
Transformation hervorgerufenen differenziellen Genexpression möglicher-
15 weise verfälschen könnten

Die subtraktive Suppressionshybridisierung ist eine auf Nukleinsäure-
Amplifikation, z.B. PCR-basierende Technik, die einen Reversen
Transkriptionsschritt umfasst, bei dem die differenziell exprimierten
20 Transkripte in cDNA Moleküle umgeschrieben werden. Eine weitere
Charakterisierung der differenziell exprimierten Gene kann eine zumindest
partielle Sequenzanalyse der identifizierten cDNA Moleküle und einen
Abgleich mit Sequenzdatenbanken wie Genbank, EMBL oder EST umfassen.

25 Durch das erfindungsgemäße Verfahren wurden bislang 1257 cDNA
Sequenzen durch Vorwärts-Subtraktion (normale 208 F-Zellen minus
transformierte FE-8 Zellen) und Rückwärts-Subtraktion (transformierte FE-
Zellen minus normale 208 F Zellen) erhalten. Daraus wurden insgesamt 823
individuelle Sequenzen identifiziert, von denen 427 bekannten Genen und
30 303 exprimierten Sequence Tags entsprechen. 93 Sequenzen sind bislang
unbekannt. Die differenzielle Expression von 393 (47,8 %) Genen und
Genfragmenten wurde durch Northern Analyse verifiziert. Darüber hinaus

wurden 236 cDNA Sequenzen entsprechend in nur sehr geringen Konzentrationen vorkommender Transkripten erhalten. Mit hoher Wahrscheinlichkeit weist ein Anteil dieser Sequenzen (> 100) ebenfalls eine differenzielle Expression auf.

5

Die durch das erfindungsgemäße Verfahren mittels cDNA Subtraktion erhältliche Population von vorzugsweise mindestens 100 differenziell exprimierten Genen kann auf neue Weise, z.B. durch Anordnung auf Arrays, zur Untersuchung der Beziehung zwischen einem Signalgebungsmolekül und einem Transkriptionstarget auf der Ebene des Transkriptoms eingesetzt werden. Auf diese Weise kann die Anzahl von biologisch relevanten Targets in den untersuchten Zellen auf eine beschränkte Anzahl von Genen verringert werden, die dann gründlich auf ihre Beteiligung an spezifischen Aspekten der jeweiligen physiologischen Veränderung, z.B. der Tumorgenese untersucht werden kann.

15

Ein Gegenstand der Erfindung ist weiterhin eine Nukleinsäure, dadurch gekennzeichnet, daß sie eine differenzielle Expression in Tumorzellen und normalen Zellen zeigt, umfassend

20

- (a) eine der in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen,
- (b) Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotidenm
- (c) eine mit einer Sequenz aus (a) oder/und (b) unter stringenden Bedingungen hybridisierende Sequenz, oder/und
- (d) eine zu einer Sequenz aus (a), (b) oder/und (c) komplementäre Sequenz.

25

30

Das erfindungsgemäße Verfahren erlaubt die Identifizierung von Genen, deren Expression in der Ras-transformierten Zelle erhöht im Vergleich zur nichttransformierten Zelle ist. Diese Gene umfassen vorzugsweise die entsprechenden in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen (T-Klone)

oder Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden.

5 Weiterhin erlaubt das erfindungsgemäße Verfahren die Identifizierung von Genen, deren Expression in der Ras-transformierten Zelle verringert im Vergleich zur nichttransformierten Zelle ist. Diese Gene umfassen vorzugsweise die entsprechenden in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen (N-Klone) oder Teilsequenzen davon mit einer
10 Länge von mindestens 50, vorzugsweise 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden.

Neben den in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen und Teilsequenzen davon umfaßt die Erfindung auch Nukleinsäuresequenzen, die
15 unter stringenten Bedingungen mit einer der in Fig. 11 angegebenen Nukleinsäuresequenzen oder Teilsequenzen davon (wie zuvor angegeben) hybridisieren. Der Begriff "Hybridisierung" gemäß vorliegender Erfindung wird wie bei Sambrook et al., Molecular Cloning. A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory Press (1989), 1.101-1.104) verwendet. Gemäß
20 vorliegender Erfindung spricht man daher von einer Hybridisierung unter stringenten Bedingungen, wenn nach Waschen für eine Stunde mit 1 x SSC und 0,1 % SDS bei 55°C, vorzugsweise bei 62°C und besonders bevorzugt bei 68°C, insbesondere für 1 h in 0,2 x SSC und 0,1 % SDS bei 55°C, vorzugsweise bei 62°C und besonders bevorzugt bei 68°C noch ein
25 positives Hybridisierungssignal beobachtet wird. Eine unter derartigen Waschbedingungen mit einer unter Fig. 11 gezeigten Nukleotidsequenzen hybridisierende Nukleotidsequenz wird von der vorliegenden Erfindung umfaßt.

30 Insbesondere werden von der vorliegenden Erfindung auch zu den in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen homologe Gene, insbesondere homologe Gene aus anderen Spezies, insbesondere humane Gene, oder allelische

Variationen dieser Gene erfaßt. Derartige Sequenzen hybridisieren vorzugsweise unter den oben angegebenen Bedingungen mit den in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen.

5 Die durch das erfindungsgemäße Verfahren identifizierten Gene, bzw. deren Transkripte oder Genprodukte eignen sich als Target für die diagnostische oder therapeutische Zwecke, insbesondere für die Tumordiagnostik oder die Tumorthherapie. Diagnostische Anwendungen umfassen eine qualitative oder quantitative Bestimmung des Vorhandenseins, der Menge, der Aktivität oder
10 der Lokalisierung der Nukleinsäure oder des Genprodukts nach bekannten Methoden. Therapeutische Anwendungen umfassen beispielsweise eine Modulation der Expression der Nukleinsäure, z.B. durch gentherapeutische Verabreichung der Nukleinsäure oder eine Verabreichung von Antisense-RNA oder Ribozymen. Weiterhin kann auch die Menge, Aktivität oder/und
15 Lokalisierung des von der Nukleinsäure kodierten Polypeptids z.B. durch Verabreichung des Polypeptids oder eines Aktivators davon oder durch Verabreichung eines gegen das Polypeptid gerichteten Antikörpers, z.B. in Form eines Konjugats mit Radioisotopen oder cytotoxischen Substanzen, oder eines Inhibitors des Polypeptids moduliert werden.

20 Außerdem erlaubt das erfindungsgemäße Verfahren die Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in von unterschiedlichen Ras-Isoformen transformierten Zellen zeigen. So wurde die Genexpression in unterschiedlichen Zellen untersucht, die jeweils eine der drei prädominanten
25 mutierten Ras-Isoformen H-Ras, K-Ras und N-Ras exprimieren. Dabei wurde ein identisches Muster von positiven und negativen Veränderungen für 237 Gene (90%) gefunden. 26 Gene zeigten jedoch ein Isoform-spezifisches Expressionsmuster.

30 Außerdem erlaubt das erfindungsgemäße Verfahren die Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in mit einer Wirksubstanz behandelten Zellen und unbehandelten Zellen, insbesondere Tumorzellen,

zeigen. Als Wirksubstanzen können grundsätzliche beliebige Stoffe, insbesondere pharmakologisch aktive Stoffe, die einen Einfluß auf die Transkription in der Zelle zeigen, verwendet werden. Bevorzugte Beispiele für Wirkstoffe sind Modulatoren, d.h. Aktivatoren oder Inhibitoren der Tumorgenese. Besonders bevorzugt werden Modulatoren der Ras-Aktivität verwendet.

In dieser Ausführungsform des erfindungsgemäßen Verfahrens kann der Einfluß von Wirksubstanzen, die der ersten oder/und zweiten Zelle zugegeben worden sind, auf die Population der differenziell exprimierten Gene getestet werden. Bei Zugabe des MAP-Kinaseinhibitors PD98059 zu einer Ras-transformierten Zelle wurde beispielsweise gefunden, daß die Transkription von 61 Genen im Vergleich zu unbehandelten Zelle deutlich verringert und zumindest teilweise auf die Höhe vor der Transformation zurückgeführt werden konnte.

Die Sensitivität der transkriptionellen Modulation dieser Gene hinsichtlich der Inhibierung einer Signalgebung durch die MAP-Kinase definiert eine Unterklasse von Ras-sensitiven Targets, welche durch Substrate von Erk1/Erk2 reguliert werden und voraussichtlich für die transformierenden Eigenschaften der Zelle direkt verantwortlich sind. Die 116 durch den Inhibitor nicht beeinflussten Gene werden vermutlich durch MEK-unabhängige Signaltransduktionswege stromabwärts von Ras reguliert.

Überraschenderweise konnten durch das erfindungsgemäße Verfahren eine unerwartet hohe Anzahl an Genen identifiziert werden, welche einer malignen Proliferation entgegenwirken können. Bei diesen durch die differenzielle Expressionsanalyse identifizierten Genen handelt es sich um Tumorsuppressorgene der Klasse II, da sie kein primäres Ziel von tumorinitiiierenden Mutationen sind. Stattdessen zeichnen sich die Gene der Klasse II dadurch aus, daß ihre Expression durch Gene der Klasse I reguliert wird, die für transkriptionelle Regulatoren wie etwa onkogene

Transkriptionsfaktoren oder Repressoren kodieren, und der Gegenstand einer Mutation sein können. Eine Erhöhung der Expression von Transformationssuppressorgenen der Klasse II kann den transformierten Phänotyp von Ras exprimierenden Zellen blockieren (Sers et al., J. Cell. Biol. 136 (1997), 935-944). Somit besteht eine funktionelle Verbindung zwischen einer permanent aktivierten Ras-Signalgebung und der Repression der Klasse II Suppressoraktivität.

Bemerkenswerterweise konnten mehr als zehn negative Wachstumsregulatoren in einem unabhängigen Expressionsprofil durch Subtraktion von 208 F cDNA (Driver) von REF-52 cDNA (Tester) gefunden werden. REF-52 Zellen zeichnen sich dadurch aus, daß sie in Reaktion auf H-Ras-Expression ein vorzeitiges Alterungsprogramm aktivieren (Serrano et al., Cell 88 (1997), 593-602) und hohe mRNA-Konzentrationen der negativen Regulatoren aufweisen, die in 208 F-Zellen nicht exprimiert werden.

Weiterhin wird die Erfindung durch die nachfolgenden Figuren und Beispiele erläutert.

Beschreibung der Figuren

Figur 1 zeigt eine Übersicht der nach Vorwärts- und Rückwärts-Subtraktion erhaltenen DNA-Bibliotheken. Sequenzanalyse: Homologieuntersuchungen wurden unter Verwendung des BLASTN-Programms gegen die NCBI Non-Redundance und EST-Datenbanken durchgeführt. Übereinstimmungen gegenüber einer Datenbanksequenz wurden als eine Sequenzidentität von > 95% über eine Region von 150 bis 1000 bp abhängig von der cDNA-Insertlänge definiert.

Figur 2 zeigt eine Übersicht von differenziell exprimierten Sequenzen bestätigt durch Reverse (R) und/oder konventionelle Northern

Blot Analyse (N, T). Sequenzidentität, Spezies und Zugriffsnummer sind gemäß der besten Übereinstimmung in der Blast-Analyse aufgelistet. Speziesabkürzungen: H, human; M, Maus; R, Ratte; C, Huhn; HA, Hamster; X, *Xenopus laevis*. Redundanz bedeutet die Anzahl an individuellen cDNA Klonen, die einem übereinstimmenden Gen in der BLAST-Analyse entsprechen. Die Nummern N1-N70 entsprechen den durch Ras-Transformation herabregulierten Genen wie durch Northern Blot in Fig. 7 gezeigt. Die Nummern T1-T74 entsprechen heraufregulierten Genen wie in Fig. 7 gezeigt. Die Mengen an mRNA wurden densitometrisch analysiert. Die angegebenen Zahlen entsprechen dem Verhältnis von densitometrischen Werten (Volumenanalyse) von 208F gegenüber FE-8 mRNA (Ausmaß der Herabregulierung, linker Abschnitt) und von FE-8 gegenüber 208F mRNA (Ausmaß der Heraufregulierung, rechter Abschnitt). Ein Wert von 30 oder mehr zeigt, daß ein Transkript in einer der untersuchten Zellen nicht nachweisbar war.

Die folgenden cDNA Fragmente waren bei Reverser oder konventioneller Northernblot Analyse nicht nachweisbar. 208 F spezifische Klone: p190-B (Zugriffs-Nr. U170032, SLIT-2 (AF141386), Slugh Zinkfinger (U79550), Semaphorin E (AB000220), GLE-1 (AF058922), TID1 (AF061749), ARF-GEP1 (AF023451), DEAD Box RNA Helicase-artiges Protein (NM-004398); FE-8-spezifische Klone: G21 Protein (AF131207), p68 RNA Helicase (X65627), LZTR-1 (D38496), Smcx (Z29651), SHMT (L11932) und CRK SH3-Protein/C3G (D21239).

Figur 3 zeigt Ras-Targetgene, die auf eine MEK-Inhibierung durch PD98059 reagieren. Linke Spalte: präferentiell in normalen 208

F-Zellen exprimierte und bei H-ras-Transformation herabregulierte Gene; rechte Spalte: bei H-ras-Transformation heraufregulierte Gene. Transkriptmengen: 0, mRNA bei Northern Blots mit Gesamt RNA nicht nachweisbar; + bis + + +, niedrige, mittlere oder hohe mRNA Expression. Die als a bis e bezeichneten Sequenzen wurden bei den in Fig. 8 gezeigten Northern Blots als Sonden verwendet.

Figur 4: zeigt transkriptionelle Ras-Isoformen spezifische Änderungen. Transkriptmengen: 0, mRNA nicht nachweisbar in Northern Blots mit Gesamt RNA, + bis + + + +, geringe, mittlere, hohe oder sehr hohe RNA-Expression. Die als f bis i bezeichneten Sequenzen wurden in den in Fig. 8 gezeigten Northern Blots als Sonden verwendet.

Figur 5: zeigt Eigenschaften von Zellen, die für die Identifizierung von Ras-Transformationstargets verwendet wurden.

- a) Morphologie von normalen 208 F Fibroblasten und H-Ras-transformierten FE-8 Zellen unbehandelt und mit dem MEK-Inhibitor (PD98059) inkubiert. Phasenkontrast, 100fache Vergrößerung.
- b) DNA Histogramm von 208F und FE-8 Zellen erhalten mit Durchflußzytometrie. Abszisse: Fluoreszenzintensität; Ordinate: gezählte Zellen; die Zahlen beziehen sich auf den Anteil von Zellen (%) in verschiedenen Phasen des Zellzyklus. Die 208 F und FE-8 Rattenzellen zeigten einen pseudodiploiden Karyotyp ohne größere numerische chromosomale Aberrationen.
- c) ankerunabhängige Proliferation von Zellen in Kulturen auf Poly-Hema-beschichteten Oberflächen. Ordinate: Absorption bei 490 nm.
- d) Westerblot-Analyse der 21-Ras Expression und

e) der Phospho-p44/42 MAPK Expression.

Figur 6: zeigt eine Reverse Northern Blot Analyse von subtrahierten cDNA Fragmenten. Repräsentatives Beispiel von 93 angeordneten ESTs, die aus einer 208F - FE-8 subtrahierten Bibliothek erhalten wurden (N-Klone).

- a) Hybridisierungssonde: ^{32}P -markierte 208 F cDNA,
b) Hybridisierungssonde: ^{32}P -markierte FE-8 cDNA.
Kontroll-DNAs: Klonierungsvektor PCR2.1 (Filterposition D22), GAPDH (D23), H-Ras (D24).

Figur 7: zeigt eine konventionelle Northern Blot Analyse von präferentiell exprimierten Genen. Obere Hälfte, Klone N1-N70 entsprechend in H-ras-tranformierten FE-8 Zellen herabregulierten Genen wurden als Hybridisierungssonden verwendet. Untere Hälfte, Klone T1-T74 entsprechend in FE-8 Zellen heraufregulierten Genen wurden als Hybridisierungssonden verwendet. Linke Spalten, einzelne Blots von Gesamt RNA aus normalen 208 F Zellen, rechte Spalten, aus FE-8 RNA. Schwarze Pfeile zeigen die korrekte Transkriptgröße wie in der Literatur beschrieben. Weiße Pfeile zeigen aberrante Transkripte. Kontrollhybridisierungen erfolgten mit einer GAPDH Sonde (A bis E). Originalgröße der Northern Filter: 3 x 1 cm.

Figur 8: zeigt repräsentative Beispiele für die Wirkungen des Ras/Raf/Mek Signaltransduktionswegs und verschiedener Ras-Isoformen auf die Targetgentranskription.

- a bis e) Northern Blot Analyse der mRNA-Expression in normalen 208 F Fibroblasten, H-ras-transformierten A-Zellen und mit PD98059 behandelten FE-8 Zellen.

- f bis i) Northern Blot Analyse der mRNA Expression in normalen 208 F Zellen und in mit mutiertem H-Ras, K-Ras und N-Ras transformierten 208F Zellen.
- k) MMP-3, repräsentatives Beispiel für ein Gen ohne signifikante differenzielle Expression.

Figur 9: zeigt eine Charakterisierung von mit Isoformen des Ras Onkogens transformierten Zellen.

- a) Morphologie von normalen 208F Fibroblasten, H-Ras-transformierten FE-8 Zellen, K-Ras und N-Ras transformierten 208F Zellen. Phasenkontrast, 100fache Vergrößerung.
- b) Ankerunabhängige Proliferation von Zellen in Kulturen auf Poly-Hema-beschichteten Oberflächen. Ordinate: Absorption bei 490 nm.
- c) Westerblot-Analyse der Ras-Expression.

Figur 10: zeigt repräsentative Beispiele einer differenziellen mRNA Expression in stabil mit K-Ras transformierten Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen und in konditionell H-Ras-transformierten Fibroblasten. Links: Northernblot Analyse von Gesamt RNA aus normalen Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen (ROSE199) und 2 K-Ras transformierten Derivaten (ROSE A2/1 K-Ras und ROSE A2/5 K-Ras). Rechts: RNA aus 208F Zellen, stabil transformierten FE-8 Zellen und konditional transformierten 208F-iHRas-Zellen vor (- IPTG) und nach 4 Tagen einer Ras-Induzierung (+ IPTG).

Figur 11 zeigt die Nukleotidsequenzen von cDNAs entsprechend den identifizierten differenziell exprimierten Transkripten.

Figur 12 zeigt die Nukleotidsequenzen von homologen menschlichen cDNAs.

5 Figur 13 zeigt eine Zuordnung der Fig. 11 gezeigten Nukleotidsequenzen (Ratte) zu den homologen menschlichen Sequenzen gemäß Figur 12.

Beispiele

10 1. Methoden

1.1 Zellkultur und DNA-Transfektionen

15 Zellen wurden in Dullbeco's modifiziertem Eagle's Medium (DMEM) supplementiert mit 10% fötalem Kälberserum kultiviert. Die Transfektionen erfolgten durch Calciumphosphat-Präzipitation wie bei Griegel et al. (Int. J. Canc. 38 (1986), 697-705) beschrieben. Zur Etablierung von N-Ras Transformanten wurden 208F Zellen mit pcDneo und dem N-Ras (G12D) Onkogen (Souyri et al., Virology 158 (1987), 69-78) cotransfiziert und in
20 DMEM mit 400 µg/ml G418 selektioniert. Das K-Ras (C12V) Onkogen wurde aus der humanen Colonkarzinomzelllinie SW480 kloniert und in 208F Zellen transfiziert. 208F-K-Ras Zellen wurden aus morphologisch transformiertem Transfektanten isoliert. FE-8 Zellen sind G418-resistente H-rus (G12V)-transformierte Derivate von 208F (Griegler et al., supra).

25 Zur Herstellung von subtrahierten Bibliotheken wurden Zellen aus einem frühen Isolat der FE-8 Zelllinie verwendet. 208F-Zellen wurden in Kultur nicht länger als 30 Tage nach Transfektion gehalten. K-Ras transformierte Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen wurden nach Transfektion von
30 ROSE199 Zellen (Adams und Auersperg, Exp. Cell Biol. 53 (1985), 181-188) mit K-Ras (C12 V) isoliert. Zur Herstellung von 208F-iH-Ras-Zellen, die eine induzierbare Expression des H-Ras Onkogens zeigen, wurden 208F

Zellen mit den Plasmiden pSVlacOras und pH β lacINLSneo (Liu et al., Canc. Res. 52 (1992), 983-989) cotransfiziert und in Standardmedium mit 400 μ M G418 selektioniert. Für die Ras-Expression wurden die Zellen mit 20 mM Isopropyl-1-thio- β -D-galactosid (IPTG) vier Tage lang inkubiert.

5 Der MEK Inhibitor PD98059 (Dudley et al. PNAS USA 92 (1995), 7686-7689) wurde in einer Endkonzentration von 50 mM in DMSO gelöst. FE-8-Zellen wurden 2 Tage lang mit PD98059 in einer Endkonzentration von 50 μ M behandelt. Die ankerunabhängige Proliferation wurde semiquantitativ
10 in Kulturen bestimmt, die auf Mikrotiterplatten beschichtet mit Poly-2-hydroxyethylmethacrylat (Poly-Hema; Sigma) gewachsen waren. 75 μ l einer Poly-Hema-Stammlösung (5 mg/ml in 95% Ethanol) wurden in die Vertiefungen gegeben und für 72 h bei 37°C trocknen gelassen. Zellsuspensionen wurden auf beschichteten Platten (1000 Zellen/Vertiefung)
15 ausgesät und das Wachstum wurde nach 5 Tagen unter Verwendung eines XTT Assay (Roche, Mannheim, Deutschland) bestimmt.

1.2. Klonierung von differenziell exprimierten Sequenzen durch subtraktive Suppressionshybridisierung (SSH)

20 Gesamt-RNA wurde aus subkonfluenten Kulturen wie von Chomczynski und Sacchi (Anal. Biochem. 162 (1987), 156-159) beschrieben gewonnen. mRNA wurde aus 1 mg Gesamt-RNA unter Verwendung des mRNA Separatorkit (Clontech, Palo Alto, Kalifornien, USA) isoliert. cDNA Synthese
25 und Subtraktion wurden unter Verwendung des PCR-SelectTM Subtraktionskit (Clontech, Palo Alto, Kalifornien, USA) gemäß der Vorschrift des Herstellers mit folgenden Modifikationen durchgeführt: Ein Driver/Tester-Volumenverhältnis von 2:12 wurde bei der ersten Hybridisierung verwendet. 26 Zyklen der primären PCR und 10 Zyklen der
30 sekundären PCR wurden unter der Verwendung des Advantage cDNA Polymerase Mix (Clontech) durchgeführt. Um die Effizienz der cDNA Subtraktion zu bestimmen, wurden die Transkriptmengen des konstitutiv

exprimierten Gens GAPDH durch RT-PCR in subtrahierten und unsubtrahierten Populationen von 208F RNA bzw. FE-8 RNA verglichen. Der Nachweis von GAPDH Sequenzen für beide Subtraktionen erforderte 28 PCR Zyklen bei Verwendung von subtrahierter cDNA als Matrize, während zur Amplifizierung von GAPDH aus Kontroll cDNA nur 18 Zyklen benötigt wurden. Außerdem wurden die Mengen von Genen, für die eine differenzielle Expression in 208F und FE-8 Zellen bekannt ist, durch RT-PCR getestet. Wie erwartet war H-ras spezifische cDNA in subtrahierter gegenüber und unsubtrahierter FE-8 cDNA angereichert. Die Menge an Lysyloxidase cDNA war höher in subtrahierter als in unsubtrahierter 208F cDNA und zeigte eine Abnahme von einer geringen Menge in unsubtrahierter FE-8 cDNA bis zu einer nicht mehr nachweisbaren Menge in subtrahierter FE-8 cDNA.

Die subtrahierten cDNA Sequenzen wurden unter Verwendung des QIA Quick PCR Reinigungskit (Qiagen, Valencia, Kalifornien, USA) aufgereinigt. 10 ng cDNA wurden in den Vektor pCR2.1 (Invitrogen, Leeg, Niederlande) durch T/A-Klonierung inseriert. Individuelle Transformanten mit cDNA Fragmenten wurden aus weißen Kolonien auf X-Gal/IPTG-Agar-Platten isoliert. Um die Qualität der Bibliothek hinsichtlich der Redundanz und Spezifität zu ermitteln, wurden 35 willkürlich gepickte cDNA Transformanten aus jeder DNA-Bibliothek isoliert und sequenziert. Die differenzielle Expression der inserierten Sequenzen wurde in Northern Blots mit 10 μ g Gesamt RNA aus 208F und FE-8 Zellen analysiert.

25

1.3 Sequenzanalyse

Sequenzierungsreaktionen wurden mit dem M13 Universalprimer unter Verwendung des BigDye-Sequenzierungskit (Perkin Elmer) gemäß der Vorschrift des Herstellers durchgeführt. Die Sequenzen wurden auf einem ABI377 Sequenziergerät bestimmt. Die Sequenzierung der cDNA Insertionen von subtrahierten Bibliotheken wurde beendet, wenn die Anzahl redundanter

30

Sequenzen diejenige von neuen Klonen signifikant überstieg. Das Clustering erfolgte unter Verwendung der GAP4 Software (Staden Package). Sequenzhomologie-Untersuchungen erfolgten gegen die Datenbanken GenBank (nr) und Expressed Sequence Tag (dbest) unter Verwendung des BLASTN Programms bei NCBI (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/BLAST>).

1.4 Hybridisierungsanalyse

Nicht redundante Plasmid-DNA Sonden aller identifizierter Fragmente wurden in 96-Loch-Mikrotiterplatten überführt. Unter Verwendung von PCR-Select™ adaptorspezifischen Primern wurde eine PCR-Amplifikation mit 30 Zyklen (30 sec 94°C, 30 sec 68°C, 90 sec 72°C) durchgeführt. Die mittlere Größe der inserierten Fragmente war 800 bp. Die PCR amplifizierten Insertionen wurden auf jeweils 2 25 x 12 cm Nytran Nylonmembranen (Schleicher und Schuell, Dassel, Deutschland) geplottet. Es wurde eine Reverse Northern Analyse wie bei von Stein et al. (Nucleic Acids Res. 25 (1997), 2598-2602) beschrieben durchgeführt, außer daß die folgenden Hybridisierungsbedingungen verwendet wurden: Die Vorhybridisierung der Membranen erfolgte mit 5 x Denhardt's Reagenz, 5 x SSC, 50 mM Phosphatpuffer, 0,5% SDS, 100 ng/ml tRNA bei 65°C für 3 h. Die Hybridisierung erfolgte im selben Puffer ohne Denhardt's Reagenz und 50 mM Phosphatpuffer bei 65°C für 16 h.

Für die konventionelle Northern Blot-Analyse wurden 10 µg Gesamt-RNA elektrophoretisch in 1 % Agarosegelen mit Formaldehyd aufgetrennt und in 20 x SSC auf Protran Nitrozellulosemembranen (Schleicher und Schuell, Dassel, Deutschland) geblottet. Die cDNA Fragmente wurden unter Verwendung des Ready Prime Systems (Amersham, Braunschweig) mit ³²P-dCTP markiert. Die Hybridisierung erfolgte in ExpressHyb Hybridisierungspuffer (Clontech) bei 68°C über Nacht. Die Membranen wurden zweimal in 2 x SSC, 0,1 % SDS bei 42°C für 20 min und 2 x 0,1

SSC, 0,1 % SDS bei 66°C für 30 min gewaschen und autoradiographisch analysiert.

2. Ergebnisse

2.1 Eigenschaften der zur Identifizierung von Ras-Transformationstargets verwendeten Zellen

Die präneoplastische Zelllinie 208F und deren malignes Ras-transformiertes Derivat FE-8 (Fig. 5a) zeigen einen nahezu diploiden Karyotyp ohne größere numerische oder strukturelle chromosomale Aberrationen (Fig. 5b). Während 208F Zellen keine spontane Transformation zeigen, sind FE-8 Zellen ankerunabhängig (Fig. 5c) und zeigen eine stark maligne Wirkung bei subkutaner Injektion in athymische Nacktmäuse oder neugeborene Ratten (Griegel et al. (1986), supra; Sers et al. (J. Cell Biol. 136 (1997), 935-944). Das 208F/FE-8 Zellsystem eignet sich somit für die Bereitstellung einer Population an transkriptionell veränderten Genen, die durch eine permanente Ras-Signalgebung sowie durch Änderungen in der allgemeinen Genregulation hervorgerufen werden.

2.2 Isolierung von differenziell beim Übergang vom normalen zum transformierten Zustand exprimierten Sequenzen

cDNA-Klone, die präferentiell in normalen 208F Rattenzellen oder in transformierten FE-8 Zellen exprimierte mRNAs repräsentieren, wurden aus zwei subtrahierten cDNA-Bibliotheken gewonnen. Zur Isolierung von beim Übergang vom normalen zum transformierten Zustand herabregulierten Sequenzen (N-Klone) wurde Tester cDNA aus normalen 208F Fibroblasten und Driver cDNA aus transformierten FE-8 Zellen (Vorwärts-Subtraktion) verwendet. Um bei während der neoplastischen Transformation heraufregulierte Sequenzen (T-Klone) zu erhalten, wurde FE-8 cDNA als Tester und 208F cDNA als Driver verwendet (Rückwärts-Subtraktion). Es

wurden die Nukleotidsequenzen von 1357 subtrahierten cDNA Klonen nach T/A Klonierung und bakterieller Transformation bestimmt. Dabei wurden 823 individuelle Sequenzen identifiziert (Fig. 1, 11). Um die differenzielle Expression durch unabhängige Methoden zur verifizieren, wurden subtrahierte cDNA Sequenzen unter Verwendung von Nested Adapter Primern durch PCR amplifiziert. Die PCR Produkte wurden gelelektrophoretisch aufgetrennt und auf Hybridisierungsmembranen überführt. Jeweils zwei Membranen wurden mit radioaktiv markierten Sonden aus normalen 208F Zellen bzw. transformierten FE-8 Zellen hybridisiert (Reverse Northern Analyse, Fig. 6). Zusätzlich wurde Gesamt-RNA aus 208F und FE-8 Zellen mit Standard Northern Blots unter Verwendung einzelner cDNA Fragmenten als Sonden analysiert. Durch konventionelle Northern Analyse wurde die differenzielle Expression von 48 aus 50 willkürlich ausgewählten cDNA Fragmenten (96%) auf Reversen Northern Blots verifiziert. Außerdem wurden 193 bekannte Genfragmente, die keine eindeutigen oder gar keine Hybridisierungssignale auf Reversen Northern-Membranen ergaben, auf konventionelle Weise analysiert. Die Ergebnisse aller Standard-Northern Blot Analysen mit Hinweis auf differenzielle Expression von Ras-Transformationstargets sind in Fig. 7 gezeigt. Exprimierte Sequence-Tags und neue Sequenzen wurden nicht weiter analysiert, wenn die Sensitivität des Reversen Northern Blots nicht ausreichend war, um eine differenzielle Expression eindeutig zu verifizieren. Die Liste aller differenziellen Gene klassifiziert nach ausgewählten Eigenschaften ihrer Produkte ist in Fig. 2 gezeigt. Die zum Nachweis von Expressionsdifferenzen zwischen normalen und transformierten verwendete Methode erlaubt die Isolierung von stark und gering exprimierten Genen. Aufgrund des im SSH Verfahren enthaltenen Ausgleichsschritts wurde eine Identifizierung von stark exprimierten Transkripten (z.B. kodierend für Proteine des Cytoskeletts) und von mRNAs mit geringer Kopienzahl (z.B. kodierend für Transkriptionsfaktoren) ermöglicht. Die bei dieser Untersuchung identifizierten cDNA Fragmente stellen einen signifikanten Bruchteil der in den zwei Zelllinien differenziellen exprimierten Genen dar.

2.3 Transkriptionelle Basis für abnormes Wachstum, invasive und metastatische Eigenschaften in Ras-transformierten Zellen

5 Aus FE-8 Zellen wurde eine Anzahl von Genen gewonnen, von denen bereits bekannt war, daß sie in Ras- transformierten Zellen in veränderten mRNA-Mengen vorliegen. Die potentiellen Ras-Targets, die eine stimulierte oder de novo Expression aufweisen, umfassen die Gene kodierend das Metastase-assoziierte Glykoprotein CD44, den Transkriptionsfaktor Fra-1, das alpha-Chemokin Mob-1, die Metalloproteinasen MMP-1 und MMP-3
10 sowie die regulatorische leichte Kette von Myosin. Die bekannten herabregulierten Ras-Targets beinhalten die Gene für α -Actin, Kollagen α -1, Entaktin/Nidogen, Fibronectin, TGF β -stimulierte Sequenz TSC36, Lysyloxidase, Glattmuskel-Myosin-Leichtkette (MLC)-2 und NAD-Dehydrogenase.

15 Das Transkriptionsmuster von Ras-transformierten Zellen zeigte eine enge Korrelation mit aggressivem Tumorverhalten. So war beispielsweise die Expression von Lamininrezeptor, MMP-1 (Collagenase), MMP-3 (Stromelysin-1), MMP-10 (Stromelysin-2) und CD44 Glykoprotein, deren
20 Bedeutung für die Metastasierung bekannt ist, in FE-8 Zellen stimuliert. Gleichzeitig war eine große Anzahl von antiproliferativen, antiinvasiven oder antiangiogenen Genen in FE-8 Zellen reprimiert. Diese Gene kodieren für Syndecan-2, Gewebeinhibitor von Metalloproteasen (TIMP)-2, Lysyloxidase (rrg-1), Thrombospondin-1, Proteinkinase A II, das myristoylierte,
25 alaninreiche C-Kinasesubstrat (MARCKS) und das Wachstumsarrest-spezifische Protein GAS-1.

Es wurde auch eine Verknüpfung zwischen der Ras-Onkogen vermittelten Signalgebung und der Arzneimittelresistenz gefunden basierend auf der
30 Heraufregulierung von Genen in FE-8 Zellen, die beim Transport und der Prozessierung von cytotoxischen Arzneimitteln beteiligt sind, einschließlich des multispezifischen Anionentransporters MOAT-B, der Exopeptidase

Bleomycinhydrolase und der Aldehydreduktase. Weiterhin wurden diverse Gene identifiziert, die an Signaltransduktionsprozessen für die Regulierung der mitogenen Aktivität und des Überlebens der Zelle beteiligt sind, sowie von Genen, welche die Reorganisierung des Cytoskeletts, die Reaktion auf Stress, oxidative Phosphorylierung, glykolytische Energieerzeugung und Fettsäureoxidation beeinflussen (Fig. 2).

3.4 Sensitivität von Ras-vermittelten transkriptionellen Änderungen auf die Inhibierung des Raf/Mek-Signaltransduktionswegs

Es ist bekannt, daß eine Anzahl von Signaleffektorproteinen mit der Haupt-Effektordomäne von Ras interagiert. Neben der Raf-Kinase, dem Haupteffektor von Ras, sind auch Raf-unabhängige Mechanismen an der Ras-vermittelten Transformation beteiligt (zum Überblick siehe Khosravi et al., Adv. Cancer. Res. 72 (1998), 57-107). Es wurde nun untersucht, in welchem Ausmaß die Raf-Signaltransduktionskaskade stromabwärts von Ras die Gentranskription und den transformierten Phänotyp in FE-8 Zellen beeinflußt.

Bei Behandlung mit dem spezifischen Mek-Inhibitor PD98059 zeigten FE-8 Zellen eine normalere Morphologie ähnlich wie 208 F-Zellen (Fig. 5a) und eine signifikant verringerte Fähigkeit zur ankerunabhängigen Proliferation (Fig. 5c) trotz gleichbleibender Mengen an p21 Ras (Fig. 5d). Die Raf/Mek-Signalkaskade war blockiert, wie sich durch verringerte Mengen an Phospho-p44/42-MAPK Mengen zeigte, die von denjenigen nichtransformierten 208 F-Zellen nicht unterscheidbar waren (Fig. 5e). cDNA Arrays umfassend alle differenziell exprimierten Sequenzen, die durch Reverse Northern Analyse (Fig. 2) nachweisbar waren, wurden mit radioaktiv markierten Sonden aus RNA von unbehandelten und Inhibitor behandelten FE-8 Zellen hybridisiert. Weiterhin wurden insgesamt 77 präferentiell exprimierte bekannte Gene, die entweder auf DNA Arrays positiv oder auf Arrays nicht nachweisbar waren, durch konventionelle

Northern Blot Analyse untersucht (Fig. 8a bis e). Dabei wurden 61 bekannte Transkripte identifiziert, die gegenüber einer MAP-Kinase Hemmung sensitiv waren (Fig. 3, Fig. 8a-e). Die H-Rras vermittelte Herabregulierung wurde für 36 Ttranskriptionstargets revertiert, während die Heraufregulierung von 25 Targets blockiert wurde. Die mRNA Mengen von 116 Genen oder exprimierten Sequenzen war in mit Inhibitor behandelten FE-8 Zellen nicht beeinflusst.

3.5 Ras Isoform-spezifische Genexpressionsprofile

Die Onkogene H-Ras, K-Ras und N-Ras und ihre Produkte ähneln sich in Struktur und Funktion. Die Ras-Proteine unterscheiden sich jedoch erheblich in der Aminosäurezusammensetzung des C-Terminus, dem Expressionsmuster und ihrer posttranslationalen Modifikation (zum Überblick siehe Malumbres und Pellicer, *Frontiers in Biosciences* 3 (1998), 887-912). Weiterhin sind einzelne Isoformen in unterschiedlichen Krebsarten bevorzugt mutiert (Bos, *Canc. Res.* 49 (1998), 4682-4689).

Um herauszufinden, auf welche Weise die beiden anderen Ras Isoformen die Transkription von H-Ras Targetgenen beeinflusst, wurden 208F Rattenzelllinien hergestellt, welche das aktivierte K-Ras bzw. N-Ras Gen exprimieren. Diese Zelllinien zeigten ähnliche Eigenschaften in der neoplastischen Transformation wie FE-8 Zellen (Fig. 9). Radioaktiv markierte cDNA Sonden aus 208F Zellen transformiert durch mutiertes K-Ras bzw. N-Ras wurden mit den die H-Ras transformationssensitiven Sequenzen ($n = 233$) enthaltenden cDNA Arrays hybridisiert. Die Ergebnisse einer Reversen Northern Analyse wurden durch konventionellen Northern Blot verifiziert. Weiterhin wurden 30 Gene mit geringer Expression auf Northern Blots analysiert (Fig. 8f bis i). Etwa 90% aller gegenüber einer H-Ras Transformation sensitiven Sequenzen zeigen ein sehr ähnliches Expressionsmuster in Zellen, die durch die beiden mutierten Ras Isoformen transformiert worden waren. Die Mengen von 26 cDNA Fragmenten zeigten

jedoch deutliche Unterschiede (Fig. 4, Fig. 8f-e). Es wurden mehr spezifische H-Ras Targets als K-Ras oder N-Ras Targets gefunden.

5 Der hohe Grad an Ähnlichkeit der Targetgene in drei unabhängigen transfizierten Zelllinien, welche verschiedene Ras-Isoformen exprimieren, zeigt, daß die transkriptionellen Änderungen in hohem Maße reproduzierbar sind und nicht auf willkürlichen Unterschieden zwischen den Zelllinien beruhen. Um Zellen eines unterschiedlichen Gewebetyps zu untersuchen, wurde eine willkürlich ausgewählte Subklasse von Targetgenen von mit s
10 transformierten Rattenovarien-Oberflächenepithelzellen analysiert (Fig. 10, links). Die transkriptionellen Änderungen in FE-8 und K-Ras transformierten ROSE-Zellen waren sehr ähnlich. Außerdem waren die meisten der für FE-8 Zellen spezifischen transkriptionellen Änderungen in 208F-Zellen reproduzierbar, die mit einem IPTG induzierbaren H-Ras Gen transformiert
15 worden waren (Fig. 10, rechts).

Ansprüche

1. Verfahren zur differentiellen Transkriptionsanalyse,
dadurch gekennzeichnet,
daß man mRNA aus einer ersten Zelle und einer zweiten Zelle gewinnt, eine subtraktive Suppressionshybridisierung mit der gewonnenen mRNA durchführt und eine Population von in beiden Zellen differentiell exprimierten Genen identifiziert.
2. Verfahren nach Anspruch 1,
dadurch gekennzeichnet,
daß als erste Zelle eine transformierte Zelle und als zweite Zelle eine nichttransformierte Zelle verwendet wird.
3. Verfahren nach Anspruch 2,
dadurch gekennzeichnet,
daß als erste Zelle eine Ras-transformierte Zelle und als zweite Zelle eine nichttransformierte Zelle verwendet wird.
4. Verfahren nach Anspruch 3,
dadurch gekennzeichnet,
daß als Ras-transformierte Zelle eine H-Ras-, K-Ras- oder N-Ras-transformierte Zelle verwendet wird.
5. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 4,
dadurch gekennzeichnet,
daß die erste Zelle und die zweite Zelle von gleichen Spezies stammen.

6. Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 5,
dadurch gekennzeichnet,
daß die erste Zelle und die zweite Zelle vom gleichen Zelltyp
stammen.
- 5 7. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche,
dadurch gekennzeichnet,
daß die erste Zelle und die zweite Zelle so ausgewählt werden, daß
sie im wesentlichen keine chromosomalen Aberrationen aufweisen.
- 10 8. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche,
dadurch gekennzeichnet,
daß die erste und die zweite Zelle aus Fibroblasten .. ausgewählt
werden.
- 15 9. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche weiterhin
umfassend eine Charakterisierung der identifizierten differenziell
exprimierten Gene.
- 20 10. Verfahren nach Anspruch 9,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Charakterisierung eine zumindest partielle Sequenzanalyse
und gegebenenfalls einen Abgleich mit Sequenzdatenbanken umfaßt.
- 25 11. Verfahren nach einem der vorhergehenden Ansprüche,
dadurch gekennzeichnet,
daß man eine Population von mindestens 100 differenziell
exprimierten Genen identifiziert.
- 30 12. Population von in einer ersten Zelle und in einer zweiten Zelle
differenziell exprimierten Genen erhältlich durch ein Verfahren nach
einem der der Ansprüche 1 bis 11.

13. Genpopulation nach Anspruch 12 angeordnet in Form eines Array.

14. Anwendung des Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 11 zur Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in Tumorzellen und normalen Zellen zeigen.

15. Anwendung nach Anspruch 14, zur Identifizierung von Genen, die eine erhöhte Expression in einer Ras-transformierten Zelle im Vergleich zu einer nichttransformierten Zelle zeigen.

16. Anwendung nach Anspruch 15, **dadurch gekennzeichnet**, daß die Gene die in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen von T-Klonen oder Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden umfassen.

17. Anwendung nach Anspruch 14 zur Identifizierung von Genen, deren verringerte Expressions in einer Ras-transformierten Zelle im Vergleich zu einer nichttransformierten Zelle zeigen.

18. Anwendung nach Anspruch 17, **dadurch gekennzeichnet**, daß die Gene die in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen von N-Klonen oder Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotide umfassen.

19. Anwendung nach Anspruch 14 zur Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in mit unterschiedlichen Ras-Isoformen transformierten Zellen zeigen.

20. Anwendung nach Anspruch 14 zur Identifizierung von Genen, die eine differenzielle Expression in mit einer Wirksubstanz behandelten Zellen und unbehandelten Zellen zeigen.
- 5 21. Anwendung des Verfahren nach einem der Ansprüche 1 bis 11 zum Testen des Einflusses von Wirksubstanzen, die der ersten oder/und zweiten Zelle zugegeben worden sind, auf die Genexpression.
- 10 22. Verwendung nach Anspruch 20 oder 21,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Wirksubstanz ausgewählt wird aus Modulatoren der Tumorgenese.
- 15 23. Verwendung nach Anspruch 22,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Wirksubstanz ausgewählt wird aus Modulatoren der Ras-Aktivität.
- 20 24. Verwendung nach einem der Ansprüche 20 bis 23,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Wirksubstanz ausgewählt wird aus Modulatoren der Ras/Raf/Mek-Signalkaskade.
- 25 25. Nukleinsäure,
dadurch gekennzeichnet,
daß sie eine differenzielle Expression in Tumorzellen und normalen Zellen zeigt, umfassend
- 30 (a) eine der in Fig. 11 gezeigten Nukleinsäuresequenzen,
(b) Teilsequenzen davon mit einer Länge von mindestens 50, vorzugsweise mindestens 100 und besonders bevorzugt mindestens 200 Nukleotiden,

- (c) eine mit einer Sequenz aus (a) oder/und (b) unter stringenden Bedingungen hybridisierende Sequenz, oder/und
- (d) eine zu einer Sequenz aus (a), (b) oder/und (c) komplementäre Sequenz.

5

26. Nukleinsäure nach Anspruch 25,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Tumorzellen aus H-Ras, N-Ras und K-Ras transformierten Ratten-Fibroblasten ausgewählt sind.

10

27. Nukleinsäure nach Anspruch 26 oder 27,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Normalzellen aus 208F Rattenfibroblasten ausgewählt sind.

15

28. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 27,
dadurch gekennzeichnet,
daß sie eine erhöhte Expression in einer Ras-transformierten Zelllinie im Vergleich zu einer nichttransformierten Zelllinie zeigt oder in eine Ras-transformierten Zelllinie de novo exprimiert ist.

20

29. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 28,
dadurch gekennzeichnet,
daß ihre Expression in Ras transformierten Zellen herabreguliert ist.

25

30. Nukleinsäure nach Anspruch 28,
dadurch gekennzeichnet,
daß sie eine der Sequenzen N1-N297 gemäß Fig. 11 oder eine damit unter stringenten Bedingungen hybridisierende Sequenz umfaßt.

30

31. Nukleinsäure nach Anspruch 30,
ausgewählt aus den in der Ratte als mRNA noch nicht beschriebenen Sequenzen:

34

N100, N103, N104, N105, N106, N107, N109, N110, N111, N112,
N113, N114, N115, N116, N117, N118, N12, N120, N121, N122, N124, N125, N126,
N127, N128, N129, N13, N130, N131, N133, N134, N135, N136, N137, N138, N139,
N14, N140, N141, N143, N144, N145, N146, N147, N148, N149, N150, N151, N152,
N153, N154, N156, N157, N158, N16, N160, N161, N162, N163, N164, N165, N166,
N167, N168, N169, N17, N170, N171, N172, N173, N174, N175, N176, N177, N178,
5 N18, N180, N181, N182, N183, N184, N185, N186, N187, N188, N189, N19, N190,
N191, N192, N193, N194, N195, N196, N197, N198, N199, N2, N20, N201, N202,
N203, N204, N205, N206, N207, N208, N209, N21, N210, N211, N212, N213, N214,
N215, N216, N217, N218, N219, N22, N220, N221, N222, N223, N224, N225, N226,
N227, N228, N229, N23, N230, N231, N232, N234, N236, N237, N238, N239, N24,
N240, N241, N242, N244, N246, N247, N248, N249, N25, N250, N251, N252, N253,
N254, N255, N256, N257, N258, N259, N260, N261, N262, N263, N264, N265,
10 N267, N268, N269, N270, N271, N272, N273, N274, N275, N276, N277, N278,
N279, N28, N280, N281, N282, N283, N284, N285, N286, N287, N288, N289, N29,
N290, N291, N292, N293, N294, N295, N296, N297, N30, N32, N35, N38, N4, N44,
N46, N51, N55, N56, N57, N59, N60, N62, N64, N65, N68, N69, N71, N73, N74,
N75, N76, N77, N78, N79, N80, N81, N82, N84, N86, N87, N88, N89, N9, N90, N91,
N92, N93, N94, N96, N97, N98, N99

15 32. Nukleinsäure nach Anspruch 30 ausgewählt aus Sequenzen, für die
in Modellorganismen wie Maus, Huhn, Xenopus, C. elegans,
Drosophila homologe Sequenzen beschrieben sind, die aber nicht im
Menschen bekannt sind:

20 N103, N105, N112, N113, N115, N116, N121, N127, N128, N13,
N14, N151, N16, N163, N164, N17, N182, N184, N185, N189, N19, N199, N2, N20,
N212, N225, N241, N249, N252, N257, N264, N269, N289, N29, N296, N30, N38,
N4, N56, N57, N59, N60, N64, N65, N68, N69, N74, N9

25 33. Nukleinsäure nach Anspruch 29,
dadurch gekennzeichnet,
daß sie eine der Sequenzen T1-T235 gemäß Fig. 11 oder eine damit
unter stringenten Bedingungen hybridisierende Sequenz umfaßt.

30 34. Nukleinsäure nach Anspruch 33, ausgewählt aus den in der Ratte als
mRNA noch nicht beschriebenen Sequenzen:

T1, T100, T101, T102, T103, T104, T105, T106, T107, T108, T109,
T110, T111, T112, T113, T114, T115, T116, T118, T119, T12, T120, T121, T122,
T123, T124, T125, T126, T127, T128, T129, T130, T131, T134, T135, T136, T137,
T14, T140, T141, T142, T144, T145, T146, T147, T148, T149, T150, T151, T152,
T153, T154, T155, T156, T157, T158, T159, T160, T163, T164, T165, T168, T169,
T17, T170, T171, T172, T173, T174, T175, T177, T178, T179, T18, T180, T181,
T182, T183, T184, T185, T186, T187, T188, T189, T19, T190, T191, T192, T194,
T195, T196, T197, T198, T199, T2, T20, T200, T201, T202, T203, T204, T205, T206,
T207, T208, T209, T210, T211, T212, T213, T214, T215, T216, T217, T218, T219,
T220, T221, T222, T223, T224, T225, T226, T227, T228, T229, T230, T231, T232,
T233, T234, T235, T236, T237, T238, T239, T24, T241, T242, T243, T244, T245,
T247, T248, T249, T25, T250, T251, T252, T253, T27, T28, T29, T3, T31, T32, T34,
T35, T36, T37, T39, T4, T40, T42, T46, T48, T49, T50, T52, T58, T59, T60, T61,
T62, T63, T65, T66, T68, T69, T7, T70, T73, T76, T77, T78, T79, T8, T81, T82, T83,
T84, T85, T86, T87, T88, T9, T90, T91, T92, T94, T95, T96, T97, T99

35. Nukleinsäure nach Anspruch 33, ausgewählt aus Sequenzen, für die
in Modellorganismen wie Maus, Huhn, Xenopus, C.elegans,
Drosophila homologe Sequenzen beschrieben sind, die aber nicht im
Mensch bekannt sind:

T1, T118, T121, T122, T137, T142, T18, T2, T20, T222, T232,
T238, T25, T3, T31, T32, T35, T37, T49, T50, T59, T60, T63, T65, T69, T7, T73, T8,

36. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 35,
dadurch gekennzeichnet,
daß sie eine Homologie zu menschlichen Sequenzen, insbesondere
menschlichen ESTs oder EST-Clustern aufweist.

37. Nukleinsäure nach Anspruch 36 ausgewählt aus

N1, N10, N101, N102, N103, N104,
N108, N109, N11, N112, N116, N12, N121, N122, N125, N126, N128, N129, N13,
N131, N132, N134, N136, N137, N14, N142, N144, N148, N149, N151, N152, N154,
N156, N158, N159, N160, N163, N165, N17, N175, N18, N180, N181, N182, N183,
N186, N187, N188, N189, N192, N196, N198, N199, N20, N202, N204, N205, N207,
N209, N21, N212, N213, N215, N218, N22, N228, N234, N235, N238, N242, N243,
N248, N249, N250, N252, N253, N255, N256, N257, N26, N260, N261, N263, N264,
N266, N267, N270, N271, N275, N28, N280, N283, N289, N29, N294, N3, N30, N31,
N32, N34, N35, N36, N38, N39, N4, N40, N42, N43, N44, N45, N46, N48, N49, N5,
N50, N51, N55, N58, N59, N61, N62, N65, N7, N70, N71, N74, N75, N77, N78, N79,
N80, N81, N82, N85, N89, N92, T10, T100, T103, T105, T109, T11, T111, T116,
T117, T118, T119, T120, T121, T124, T125, T129, T132, T133, T137, T138, T139,
T14, T141, T143, T144, T146, T147, T148, T15, T153, T156, T159, T16, T160, T162,
T163, T166, T17, T170, T172, T174, T175, T176, T182, T183, T185, T186, T188,
T189, T19, T191, T192, T193, T196, T2, T20, T202, T204, T205, T208, T21, T211,

T212, T215, T216, T217, T219, T222, T223, T224, T225, T226, T227, T230, T232, T235, T237, T238, T239, T240, T243, T244, T245, T25, T250, T251, T253, T27, T3, T31, T34, T35, T36, T37, T38, T40, T42, T43, T44, T45, T47, T48, T49, T50, T54,

T58, T59, T6, T60, T61, T62, T64, T66, T67, T68, T69, T72, T73, T75, T76, T80, T82, T86, T88, T89, T9, T94, T96, T98,

5

10

38. Nukleinsäure nach Anspruch 31,

dadurch gekennzeichnet,

daß sie ein menschliches Gen, eine menschliche cDNA oder eine Teilsequenz davon darstellt und daß das entsprechende rattenhomologe Gen eine differenzielle Expression in Tumor- und normalen Zellen zeigt.

15

39. Nukleinsäure nach Anspruch 38,

dadurch gekennzeichnet,

daß sie eine der in Figur 12 gezeigten Sequenzen umfaßt.

20

40. Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 39,

dadurch gekennzeichnet,

daß sie als Oligonukleotid oder als cDNA auf einem Array angeordnet ist.

25

41. Verwendung einer Nukleinsäure nach einem der Ansprüche 25 bis 40 oder eines davon kodierten Polypeptids als Target für diagnostische oder therapeutische Zwecke.

30

42. Verwendung nach Anspruch 41 für die Tumordiagnostik oder Tumorthherapie.

43. Verwendung nach Anspruch 41 oder 42,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Expression der Nukleinsäure moduliert wird.
- 5 44. Verwendung nach Anspruch 43,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Modulation eine gentherapeutische Verarbeitung der
Nukleinsäure umfaßt.
- 10 45. Verwendung nach Anspruch 43,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Modulation eine Verabreichung von Antisense-RNA oder
Ribozymen umfaßt.
- 15 46. Verwendung nach Anspruch 41 oder 42,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Menge oder/und Lokalisierung des von der Nukleinsäure
kodierten Polypeptids moduliert wird.
- 20 47. Verwendung nach Anspruch 46,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Modulation eine Verabreichung des Polypeptids oder eines
Aktivators davon umfaßt.
- 25 48. Verwendung nach Anspruch 46,
dadurch gekennzeichnet,
daß die Modulation eine Verabreichung von gegen das Polypeptid
gerichteten Antikörpern oder Inhibitoren des Polypeptids umfaßt.

49. Verfahren zum Testen des Einflusses von Wirksubstanzen auf die Genexpression,

dadurch gekennzeichnet,

daß eine Wirksubstanz einer Zelllinie zugegeben wird, RNA aus der Zelllinie isoliert wird, die RNA markiert wird, anschließend auf ein Array hybridisiert wird und danach das Genexpressionsprofil der Zelllinie gewonnen wird.

50. Verfahren nach Anspruch 49,

dadurch gekennzeichnet,

daß das Genexpressionsprofil der mit der Wirksubstanz behandelten Zelllinie (a) mit dem Genexpressionsprofil einer nicht mit der Wirksubstanz behandelten Zelllinie oder/und (b) mit dem Genexpressionsprofil einer mit der Wirksubstanz behandelten, aber unterschiedlichen Zelllinie verglichen wird.

Zusammenfassung

Die Erfindung betrifft ein Verfahren zum Nachweis von differenzieller
5 Genexpression sowie neue durch dieses Verfahren erhältliche
Nukleinsäuresequenzen.

10

vo 31. Januar 2000

Figur 1

	Gesamt	N-Klone (208F-FE-8)	T-Klone (FE8-208F)
Anzahl von sequenzierten cDNA Klonen	1257	669	588
Anzahl von individuellen Sequenzen	823	416	407
Sequenzanalyse			
Bekannte Gene (nr/Genbank)	427	207	220
Exprimierte Sequence Tags (dbest)	303	161	142
Keine Übereinstimmung in Datenbanken (neu)	93	48	45
Expressionsanalyse: Reverse Northern Analyse / konventioneller Northern Blot			
Differenziell exprimiert	393	225	168
Bekannte Gene	244	126	118
Exprimierte Sequence Tags	104	74	30
Neue Sequenzen	45	25	20
nicht differenziell exprimiert	194	86	108
Nicht nachweisbar bei Expressionsanalyse	236	105	131

Gene herabreguliert durch H-Ras-Transformation

Gene heraufreguliert durch H-Ras-Transformation

Figur 2

Sequenzidentität (Genbank/EMBL)	Spezies	Zugriffs- Nr.	Redun- dan- z	Ausmaß der Re- gulation	Verifi- zierung
Signalgebungsmoleküle					
Y ₁ 5'-cyclic AMP phosphodiesterase	r	Z22867	1	>100	N1
Alk1 repressor	m	A13015140	1	38.0	R
cAMP-dependent protein kinase type II	r	M12492	1	>100	R
CSF-1 (colony stimulating factor-1)	i	M84361	2	5.6	N2, R
Gas-6	m	X59846	1	24.0	R
Guanine nucleotide-binding protein G-3 alpha	r	M12673	1	3.6	N3
I-TRAF (TRAF-interacting protein)	m	MMU59864	1	38.6	N4
IKK-complex-associated protein (IKAP)	h	AF044195	1	8.6	R
MARK3	m	M60474	2	3.3	N5
MS12 kinase	r	AJ001529	2	21.6	R
Myo-inositol monophosphatase (IMP)	r	U84038	1	44.5	N6
P5 protein	ha	X62678	1	3.4	R
Phosphoin- like protein (PILP)	r	L15354	2	>100	N7, R
Phosphatidylinositol 3-kinase p110 beta	h	S67334	1	>100	N8
Phosphatidylinositol 3-kinase p170	m	U55772	1	65.9	N9, R
Protein tyrosine phosphatase delta (MPTPd)	m	D13903	1	1.9	R
ROK alpha	r	U38481	1	26.1	N10
Serum inducible kinase (SIK)	m	M96163	1	>100	N11, R
SH3 binding protein (SAB)	h	AB005047	1	3.5	R
AKAP K1 (A kinase anchor protein)	m	AF033276	1	16.1	T1, R
BG1 (eek receptor ligand)	r	D38056	1	5.2	T2
c-Ha-ras-1	h	V00574	1	17.0	T3
c-yes	m	X67677	1	12.5	T4
Calmodulin-dependent protein kinase II-delta	r	J05072	1	8.1	R
Cyclooxygenase 1	r	U03388	1	90.7	T5, R
Cytocentin = Rat-binding protein 1	r	U28830	1	8.3	T6
FKBP51 (T-cell-specific immunophilin)	m	U16959	1	68.2	T7
FLIP (F1 ICE-like inhibitory protein)	m	U97076	2	>100	T8
GEF-1H1	h	U72206	1	32.1	T9
GTP-binding protein RAB5	r	AF072935	1	>100	T10
JAK1 protein tyrosine kinase 1	r	AJ000556	1	55.0	T11
MAP-kinase phosphatase (cpg21)	r	AF013144	1	27.9	T12, R
po7 (isoprenylated 67 kDa protein)	r	M80367	1	98.2	T13
Phosphatase 2A B56	h	L42373	2	50.6	T14
PKB kinase	r	Y15748	1	19.9	T15
R-esp2	r	L14463	1	>100	T16
Rap1B GTP binding protein	r	U07795	1	21.0	T17
Ras-GTPase-activating protein	m	AB001927	1	9.9	T18
RhoC	m	X80638	2	6.7	R
SBF1 phosphatase	h	U93181	1	27.1	T19, R
Sprouty 2 (SPRY2)	h	AF039843	2	11.60	T20, R
TDAG51	m	U44088	1	2.7	T21
Tyrosine phosphatase LA-2a	r	D38222	1	12.2	T22

Signalgebungsmoleküle

AKAP K1 (A kinase anchor protein)	m	AF033276	1	16.1	T1, R
B1 (eek receptor ligand)	r	D38056	1	5.2	T2
c-Ha-ras-1	h	V00574	1	17.0	T3
c-yes	m	X67677	1	12.5	T4
Calmodulin-dependent protein kinase II-delta	r	J05072	1	8.1	R
Cyclooxygenase 1	r	U03388	1	90.7	T5, R
Cytocentin = Ras-binding protein 1	r	U28830	1	8.3	T6
FKBP51 (T-cell-specific immunophilin)	m	U16959	1	68.2	T7
FLIP (F1 IGF-like inhibitory protein)	m	U97076	2	>100	T8
GEF-H1	h	U72206	1	32.1	T9
GTP-binding protein RAB5	r	AF072935	1	>100	T10
JAK1 protein tyrosine kinase 1	r	AJ000556	1	55.0	T11
MAP-kinase phosphatase (cpg21)	r	AF013144	1	27.9	T12, R
pc7 (isoprenylated 67 kDa protein)	r	M80367	1	98.2	T13
Phosphatase 2A B56	h	L42373	2	50.6	T14
PRB kinase	r	Y15748	1	19.9	T15
R-esp2	r	L14463	1	>100	T16
Rap1B GTP binding protein	r	U07795	1	21.0	T17
Ras-GTPase-activating protein	m	AB001927	1	9.9	T18
RhoC	m	X80638	2	6.7	R
SBF1 phosphatase	h	U93181	1	27.1	T19, R
Sprouty 2 (SPRY2)	h	AF039843	2	11.60	T20, R
TDAG51	m	U44088	1	2.7	T21
Tyrosine phosphatase LA-2a	r	D38222	1	12.2	T22

Nukleäre Proteine (Transkriptionsfaktoren, DNA Prozessierungsenzyme)

AlpHAK nucleoprotein	h	M80902	2	>100	N12	Alpha-prothymosin	r	M60664	1	2.4	R
ATP-dependent RNA helicase	m	U46690	1	8.9	N13	BRCA1-associated RING domain protein (Bard1)	m	AF057157	1	3.5	T23
BRG-1 (brahma homolog)	m	S08108	1	13.1	N14	cdc-like kinase (clk)	m	L29221	1	13.1	T24
CCAAT/enhancer binding (C/EBP gamma)	r	X64403	1	16.6	N15	FEI1-1 (flap endonuclease-1)	m	L26320	1	11.1	T25
Cdc21	m	D26089	1	3.9	R	Fra-1 (fos-related antigen 1)	r	M19651	3	>100	T26, R
Centromeric protein CENP-C	m	U03113	1	39.2	N16, R	Histone acetyltransferase (GCN5)	h	AF029777	1	2.7	T27
Chromosome-associated polypeptide C (CAP-C)	h	AF019987	1	9.6	R	hNop56 nucleolar protein	h	Y12065	1	2.9	T28
DNA polymerase epsilon	h	AF036899	1	5.1	R	LAP1C (lamina-associated polypeptide 1C)	r	U19614	1	7.6	T29
DNA repair protein RAD50	m	U66887	1	3.4	N17, R	Myb-binding protein (P160)	m	U63648	1	5.9	T30
ERS1 transcription factor	h	U17163	1	9.6	N18	NF-1 transcription factor	m	U57635	1	71.8	T31
ETP1/EA domain containing transcription factor	m	D50563	1	7.4	N19	p100 transcriptional coactivator	h	U83883	1	4.9	R
Gln binding protein	h	U78524	1	41.7	N20	PEBP2b2	m	D14571	2	45.4	T32
HIF-1 retinoblastoma-associated protein	h	AF017790	1	3.9	N21, R	RB (retinoblastoma protein)	r	D25233	1	6.5	T33
Helicase p68 (HUBP68)	h	AF015812	2	>100	N22, R	SA-1 (stromal antigen)	m	Z75332	1	89.1	T34, R
Histone H3.3	h	Z48950	2	5.8	R						
Ki-67 antigen	m	X82786	1	>100	N23, R						
LAP2 (Lamina associated polypeptide 2)	r	U18314	4	>100	N24, R						
Mouse zinc finger protein	m	D45210	1	5.6	N25						
mTFE3 (X-linked transcriptional activator)	m	S76673	1	3.6	R						
Nuclear autoantigen G52NA	h	U17989	1	31.9	R						
Nucleoporin 155	h	AJ007558	1	15.2	N26						
Poly(ADP-ribose) glycohydrolase (hPAR1)	m	AF079557	1	2.4	R						
Rnf4 transcription factor	m	U95141	2	64.9	R						
Single strand DNA-binding protein	h	AF077048	1	4.9	R						
STAT5a1 transcription factor	r	U24175	1	1.8	N27						
Topoisomerase I	m	D10061	1	20.1	R						
Topoisomerase II	r	Z19552	3	2.1	R						

Proteinprozessierung, Proteintransport und Proteinfaltungsmoleküle

26S proteasome subunit p55	h	A1003103	1	3.5	N28	Aminopeptidase P (APP)	r	AF038591	2	5.6	R
GRP94/endoplasmic	m	S09316	1	2.2	R	Chaperonin containing TCP-1 epsilon (CCT)	m	Z31555	2	2.2	T35, R
Heat shock protein 105	m	D67016	1	15.1	N29	Exportin	h	AF039022	4	48.5	T36
Heat shock protein 90	h	X15183	1	4.8	N30, R	GRP75	r	S78556	2	2.1	R

Figur 2 (Fortsetzung a)

Figur 2 (Fortsetzung b)

HAUSP (herpes ass. ubiquitin-spec. protease)	h	Z72499	1	28.8	R
Importin alpha Q1	m	AF020771	1	10.6	R
MPPB (mitochondrial processing peptidase beta)	r	L12965	1	4.3	R
Ran-GTPase	m	S83456	1	19.7	T37
Sec61	r	M96630	2	29.2	T38, R
Sort1 (sortilin)	h	X98248	1	10.5	T39
Translation initiation factor 3	h	U94855	1	5.7	T40, R

Metabolische Enzyme, Transporter, Ionenkanäle

3-beta-hydroxysteroid dehydrogenase isomerase	r	S63167	4	5.0	R
3-hydroxy-3-methylglutaryl coenzyme A synthase	r	X52625	2	12.7	R
Aldelyde dehydrogenase	r	J03637	1	37.8	N33
Alpha-mannosidase II	m	X61172	1	6.3	R
Antioxidant enzyme AOE372	m	U96746	1	1.8	N34
ATP-5b (acetaminophen-binding protein)	m	S56599	1	58.7	R
Apobec-1 binding protein 1	h	U76713	1	>100	N35
CalBP1 (calcium binding protein)	r	X79328	2	4.7	N36
Calcium channel beta subunit-III	r	M88751	1	18.8	N37
Dihydropyrimidinase related protein-3	h	D78014	1	2.3	R
Glutamine synthetase	r	M91652	3	10.4	R
HLADH dehydrogenase chain 5	r	X14848	1	2.5	R
HLADH dehydrogenase chain 6	r	X13220	1	5.3	R
HLADP transhydrogenase	m	Z49204	1	12.3	N38
Phosphatidate phosphohydrolase type 2	r	U90556	1	6.2	N39
Selenoprotein P	r	M63574	2	31.8	N40
4F2hc intestinal type II membrane glycoprotein	r	U59324	4	2.9	T41
ABC transporter MDA1-13	h	AF071202	1	10.8	T42, R
Acyl-CoA synthetase I	r	D30666	1	4.1	R
Aldelyde reductase	r	D10854	1	4.0	T43
Asparagine synthetase	r	U07201	4	15.3	R
ATP citrate-lyase	r	J05210	2	3.1	R
Bleomycin hydrolase	r	I87336	2	8.5	T44, R
ClC-6a (chloride channel)	h	X99473	1	19.6	R
Farnesyl pyrophosphate synthetase	r	M34477	2	3.3	T45, R
Glucose-6-phosphate dehydrogenase	r	X07467	1	2.4	R
Glutathione reductase	r	U73174	1	2.7	T46, R
Glvr-1 (leukemia virus receptor 1)	m	M73696	2	22.2	R
MCT1 monocarboxylate transporter	r	X86216	1	7.5	R
Mitochondrial trifunctional protein	r	D16478	1	2.4	T47
Non-neuronal enolase (NHE)	r	X02610	5	2.5	R
NPC-1 protein	m	AF003348	1	3.1	R
Phosphoglycerate mutase type B	r	S63233	4	5.6	R
Stearyl-CoA desaturase 2	r	AF036761	1	7.5	R
Transcript ass. with monocyte differentiation	h	X85750	1	8.2	T48
Transporter protein (g17)	h	U49082	1	4.2	R
X-chromosome linked phosphoglycerate kinase	r	M31788	1	2.9	R

Figur 2 (Fortsetzung c)

Cytoskelett-Komponenten-Moleküle beteiligt an Adhäsion und Zell-Zell-Interaktion

Arp280 (actin-binding protein / filamin)	h	X53416	1	5.8	R	Arp3 (actin-related protein 3)	h	AF006083	3	3.3	T49, R
Alpha-actin	r	X06801	5	4.2	R	Calcium-binding protein pp52 / LSP1 / WP34	m	M89956	2	29.7	T50, R
Cadherin-11	m	X77557	1	11.7	R	Calponin	r	U00755	1	5.2	R
Caldesmon	r	U18419	3	37.7	N41	CD44 glycoprotein	r	M61875	1	17.0	T51, R
Cytchesin-2	r	U70728	1	>100	N42	Laminin receptor	m	J02870	5	4.1	R
Gas-1	m	X65128	1	10.4	R	Leukocyte adhesion protein p150.95	h	Y00093	2	5.2	R
HSPG core filarglycan (syndecan-2)	r	M81687	1	61.9	N43, R	MAGI-13 gene cluster	h	U93163	2	15.3	T52
hulMAP microtubule associated protein	h	NM004434	1	26.9	N44	Myosin regulatory light chain	r	D14688	1	6.9	R
MLC-2	r	S77900	2	2.6	N45, R	TAL oncofetal gene	r	U00995	2	1.9	T53
P-cadherin	m	X06340	1	60.1	N46	Thymosin beta 4	r	M34043	1	2.4	T54, R
Podoplanin	r	U96449	1	9.4	R						
Ryodocan	r	S61868	6	27.7	N47, R						
Tropomyosin-4	r	Y00169	1	7.8	N48, R						
TRPM-2 / clusterin	r	M64723	1	39.4	N49						
Vimentin	r	X62952	1	1.6	R						

Extrazelluläre Proteine

Collagen alpha1	r	Z78279	34	22.3	R	MMP-1 (Collagenase)	r	M60616	19	>100	T55, R
Cyt61 (immediate-early gene)	m	M32490	4	16.0	N50, R	MMP-3 (Stromelysin 1)	r	X02601	7	32.3	T56, R
Entactin/Nidogen	m	X14194	14	35.8	N51	MMP-10 (Stromelysin 2)	m	X05083	12	33.8	R
Fibullin-1 (Fib1)	m	U22493	1	3.3	R	Mob-1	r	U17035	2	2.4	T57, R
Fibronectin	r	X15906	25	>100	N52	Testin	m	X78990	1	8.9	T58
FISP-12	m	M70642	2	49.4	N53						
Follistatin-related protein, TSC-36	r	U06864	5	2.0	N54, R						
Laminin B1	m	M15525	1	5.0	R						
Lysyl oxidase	r	U11038	14	9.2	R						
Lysyl oxidase-related protein (WS9-14)	h	U89942	1	59.2	N55, R						
Megakaryocyte potentiating factor	m	D86370	3	6.0	N56						
MGF (mast cell growth factor)	m	U44725	1	13.4	N57						
MRAP-2 (Gelatinase A)	r	U65656	3	50.6	N58, R						
Thrombospondin 1	m	M62470	25	42.5	R						
TIMP-2 (inhibitor of metalloproteinase 2)	r	S72594	1	18.3	N59, R						

Figur 2 (Fortsetzung d)

Andere

AAC11 (anti-apoptotic gene)	h	U83857	2	3.1	N60	Annexin IV	m	U72941	1	57.8	T59, R
Ania-6 (activity and neurotransmitter-inh. gene 6)	r	AF030091	1	10.2	R	B-cell receptor associated protein 37 (BAP 37)	m	X78683	2	42.8	T60, R
Antiquitin	h	S74728	2	7.4	N61, R	BC-2 protein p32	h	AF042384	1	2.8	T61, R
ATP-dependent metalloprotease FtsH	m	AF090430	1	21.3	R	BCSC-1 (breast cancer suppressor candidate 1)	h	AF002672	1	6.9	T62
CBP20 (CAF-binding protein)	h	X84157	2	5.0	R	BP-1 (similar to Lysyl hydroxylase isoform 3)	r	M18864	1	2.6	T63
Collapsin-2	c	U28240	1	>100	N62	C29 keratin-1 related	m	AB013607	1	6.4	R
DOC-2, p96 Phosphoprotein	r	U95177	1	>100	N63, R	Calmodulin (RCM3)	r	M19312	2	2.8	T64
FE124 (p53 responsive gene)	m	U41751	4	5.5	N64	EB1B 19K/Bcl-2-binding protein homolog (Nip3)	m	AF041054	1	63.0	T65
elF-4AII protein synthesis initiation factor	m	X56953	1	3.9	R	Fts353 activated in colon tumors	h	AB024704	1	2.3	R
H411 precursor	h	AF046870	1	>100	N65	Glycyl-tRNA synthetase	h	U09510	1	12.0	R
Interferon induced gene	r	X61381	1	>100	N66	HR23B2216 rat fetal brain gene	r	AB015345	1	2.9	T66
KIAA0045 (myeloblast)	h	D28476	1	16.3	R	Insulinoma Gene (rig)	r	M19393	1	1.6	T67
KIAA0128 (myeloblast)	h	D50918	1	33.8	R	KFE04p protein	h	AF064093	1	16.0	T68
KIAA0235 (myeloblast)	h	D87078	1	4.8	R	KIAA0013 (myeloblast)	h	D87717	1	3.2	R
KIAA0259 (myeloblast)	h	D87448	1	3.6	R	KIAA0310 (brain)	h	AB002308	1	6.0	R
KIAA0332 (brain)	h	AB002330	1	20.8	R	KIAA0431 (brain)	h	AB007891	1	10.7	R
L1 retroposon (ORF2)	r	X53581	5	20.2	R	KIAA0525 (brain)	h	AB011097	1	2.5	R
LARN3 (LINE 1 repetitive sequence)	r	M60824	1	26.2	R	KIAA0544 (brain)	h	AB011116	1	2.9	R
Mama gene	r	AF065438	1	14.5	N67	KIAA0595 (brain)	h	AB011167	1	9.4	R
Osteoglycin	m	D31951	5	2.7	R	KIAA0597 (brain)	h	AB011169	1	2.9	R
p53BP2 (p53binding protein)	m	U58881	1	10.3	R	LIM protein FHL2	m	AF055889	1	4.2	R
p53BP2a1	m	D14636	1	38.4	N68	LIM-protein FHL3	h	U60116	1	7.3	T69
p64F42 (maternal embryonic message gene 2)	m	X93350	1	29.4	N69	MAM domain protein	s	X1137376	1	>100	T70, R
SFRS7 splicing factor	h	L41887	2	10.4	R	Mu-calpain large subunit (cls1)	r	RNU53858	1	28.7	R
WIDNM2	r	X17464	1	>100	N70	Neurtin	r	RNU88958	1	1.8	R
Zinc-finger domain-containing protein	h	U90654	1	7.8	R	ORP150 (150 kDa oxygen regulated protein)	r	U41853	1	9.3	T71
ZNF-216 zinc finger protein	m	AF062071	1	6.7	R	PHD finger protein 2 (P1P2)	h	NM_0054924	1	2.1	R
						Rsc43 (rat spinocerebellar ataxia type 3 gene)	r	Y12319	1	55.5	T72
						Seryl tRNA synthetase	h	M88136	3	2.4	R
						Synexin (annexin VII)	m	L13129	1	2.2	R
						TACC2	h	AF095791	1	2.3	R
						TSG101 (tumor susceptibility protein)	m	U52945	2	2.2	T73
						Tyrosine phosphatase-like protein 1A-2a, PTP35	r	U40052	1	74.9	T74, R

Figur 2 (Fortsetzung e)

Exprimierte Sequenz Tags (EST)

herabregulierte ESTs		heraufregulierte ESTs	
ESTAA003302	ESTAA276763	ESTAA674746	ESTAA859477
ESTAA028510	ESTAA276806	ESTAA681418	ESTAA859644
ESTAA033320	ESTAA286358	ESTAA710096	ESTAA859740
ESTAA067238	ESTAA289129	ESTAA722531	ESTAA863640
ESTAA086565	ESTAA372927	ESTAA726511	ESTAA864031
ESTAA122792	ESTAA399748	ESTAA734740	ESTAA882328
ESTAA153720	ESTAA412823	ESTAA743557	ESTAA891207
ESTAA154450	ESTAA462855	ESTAA752120	ESTAA893976
ESTAA161894	ESTAA497642	ESTAA759531	ESTAA899090
ESTAA163325	ESTAA516974	ESTAA764153	ESTAA899584
ESTAA163444	ESTAA517260	ESTAA789552	ESTAA900577
ESTAA170629	ESTAA517339	ESTAA793073	ESTAA901340
ESTAA200452	ESTAA572112	ESTAA799790	ESTAA924035
ESTAA203784	ESTAA575650	ESTAA800749	ESTAA986886
ESTAA245968	ESTAA589518	ESTAA800908	ESTAA230694
ESTAA266966	ESTAA607513	ESTAA801125	ESTH135777
ESTAA267114	ESTAA646710	ESTAA817802	ESTW97088
ESTAA268366	ESTAA667811	ESTAA819247	
ESTAA270146	ESTAA674143	ESTAA851788	
25 neue Sequenzen		Neue Sequenzen	
		20 neue Sequenzen	
		ESTAA066174	ESTAA925028
		ESTAA079499	ESTAA943118
		ESTAA182063	ESTAA945179
		ESTAA417685	ESTAI007739
		ESTAA571144	ESTAI031015
		ESTAA589539	ESTAI041161
		ESTAA616986	ESTAI234525
		ESTAA792426	ESTI176796
		ESTAA798353	ESTHISAC001070
		ESTAA800034	ESTW20810
		ESTAA801415	ESTW65969
		ESTAA847689	
		ESTAA850112	
		ESTAA850123	
		ESTAA853333	
		ESTAA858918	
		ESTAA859425	
		ESTAA891266	
		ESTAA924000	

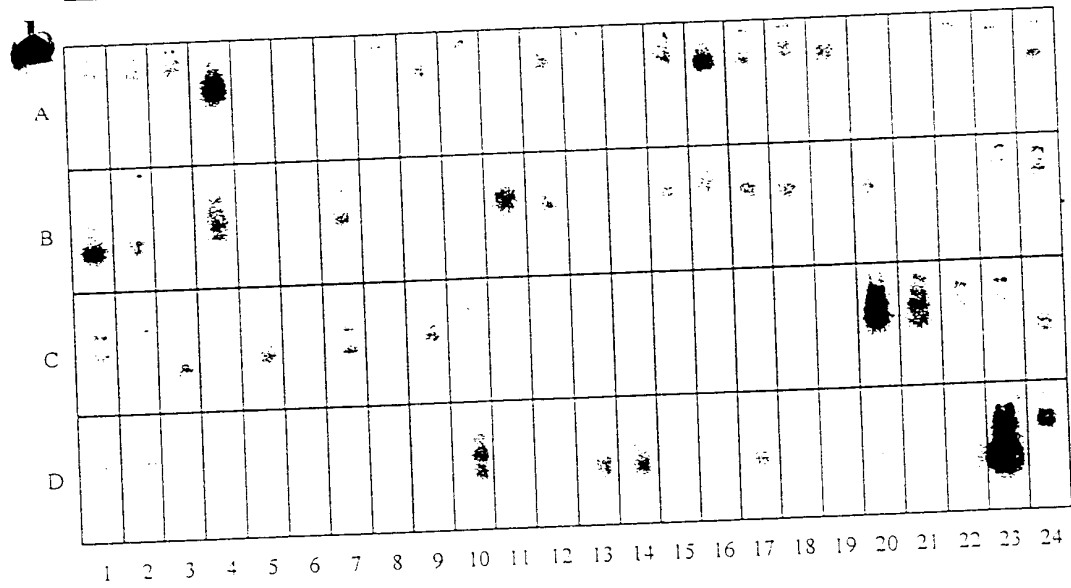
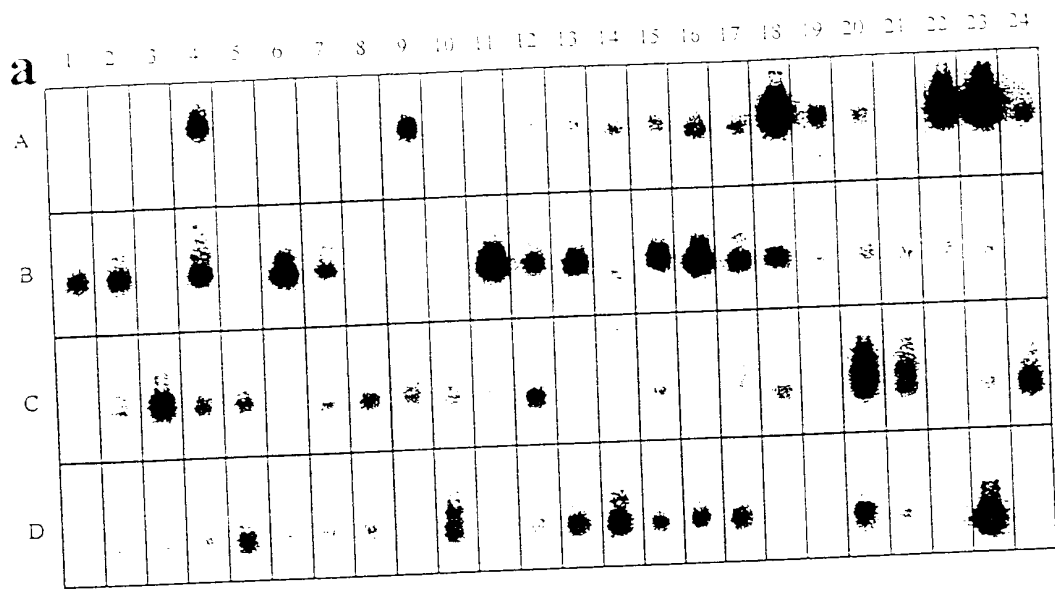
Figur 3

Sequenzidentität (Genbank / EMBL)	Expressionsstärke			Sequenzidentität (Genbank / EMBL)	Expressionsstärke		
	203F	FE3	FE3 +PD		203F	FE3	FE3 +PD
3-hydroxy 3-methylglutaryl coA synthase	+++	+	+++	Bleomycin hydrolase	+	+++	++
ABP-280 (actin binding protein / filamin)	+++	++	+++	BRCA1-associated RING protein (Bard1)	0	++	+
Alpha-actin	+++	+	+++	E1B 19K/Bcl-2-binding protein (Nip3)	0	+++	++
Antioxidant enzyme AOE372	++	+	++	Exportin	0	+++	+
AP56 (acetaminophen-binding protein)	++	0	++	FEN-1 (flap endonuclease-1)	0	+++	+
Cdc21	++	0	+++	FKBP51 (T-cell-specific immunophilin)	0	++	0
Centromeric protein CENPC (a)	+++	0	++	FLIP (FLICE-like inhibitory protein)	0	+++	+
Collagen alpha 1	+++	+	+++	GEF-H1	0	+++	0
CSF-1 (colony stimulating factor 1)	++	0	++	LAP1C (lamina associated polypeptide 1)	0	+++	+
DOC-2; p96 phosphoprotein	+++	+	++	MAM domain protein	0	+++	+
ER81 transcription factor	+++	0	++	MAP-kinase phosphatase (cpg21) (c)	0	+++	0
ETF transcription factor	+++	+	+++	MMP-10 (Stromelysin-2) (d)	0	+++	0
Fibronectin	++	+	+++	MMP-3 (Stromelysin-1)	0	+++	0
Follistatin-related protein; TSC36	+++	+	+++	Myb-binding protein (P160)	+	+++	+
GRP94 / endoplasmic	+++	0	+	NF-1 transcription factor	0	++	0
Gu binding protein	++	0	++	Non-neuronal enolase (NNE)	+	+++	++
Heat shock protein 90	+++	0	++	ORP150 (150 kDa oxygen regulated)	+	+++	+
HSPG core fibroglycan (syndecan-2)	+++	0	++	p67 (isoprenylated 67 kDa protein)	0	+++	++
Interferon induced gene	+++	0	++	PkB kinase	0	+++	+
L1 retroposon (ORF2)	+++	0	++	Rap1B GTP binding protein (c)	0	+++	+
Laminin B1	+++	+	++	Ras-GTPase-activating protein	0	+++	+
Lysyl oxidase	+++	0	+	Rscs3 (rat spinocerebellar ataxia gene)	0	++	+
Lysyl oxidase-related protein (WS9-14)	++	0	+	SA-1 (stromal antigen)	0	+++	++
Mama gene	+++	0	+	Sort1 (Scrulin)	++	+++	++
MMP-2 (Gelatinase A)	+	0	+++	TSG101 (tumor susceptibility protein)			
MTFE3 (transcriptional activator)	++	+	++				
Nuclear autoantigen GS2NA	++	0	+++				
Osteoglycin	++	0	++				
P5 protein	+++	+	++				
P-cadherin	++	0	+++				
Phosducin-like protein (PhLP)	+++	0	+				
Serum inducible kinase (SNK)	+++	0	++				
STAT5a1 transcription factor	++	0	---				
Thrombospondin 1	+++	0	+				
TIMP-2 (inhibitor of metalloproteinase 2)	+++	+	++				
TRPM-2 / clusterin (b)	+++	+	+++				

Figur 4

Sequenzidentität (Genbank / EMBL)	Expressionsstärke			
	20SF	FE-8 H-ras	20SF K-ras	20SF N-ras
ABC transporter MOAT-B	0	++++	0	-
BCSC-1 (breast cancer suppressor candidate 1)	+	++++	0	-
Cyclooxygenase 1	+	++++	+	+++
E1B 19K/Bcl-2-binding protein (Nip3)	0	++	++++	++
EST AA743557	++++	+	0	++
EST AA792426	+	++++	+	+
EST AA924000	+	++++	+	++
ETF TEA domain containing transcription factor	++++	0	++	++
Farnesyl pyrophosphate synthetase	+	+++	0	-
FEN-1 (flap endonuclease-1)	0	++++	+	0
FLIP (FLICE-like inhibitory protein)	0	+	++	++++
JAK1 protein tyrosine kinase 1	+	++++	+	+
MAGE-B gene cluster	0	++++	0	0
MAP-kinase phosphatase (cpg21)	0	++	++	++++
MARCKS	++++	0	+	+++
MMP-10 (Stromelysin 2)	0	++	++	++++
Mob-1 (f)	0	++++	++	+
mTFE3 (X-linked transcriptional activator)	++++	0	+	+
Myb-binding protein (P160)	+	++++	++	++
novel transcript N317	++++	0	++	++++
P-cadherin (g)	++++	0	0	++
Phosphatidylinositol 3-kinase p170	+++	0	+	++
Ras-GTPase-activating protein	0	++++	0	0
SBF1 phosphatase	0	++++	+	+
Serum inducible kinase (SNK) (It)	++++	0	+++	+++
Tyrosine phosphatase LA-2a (i)	0	++++	0	++

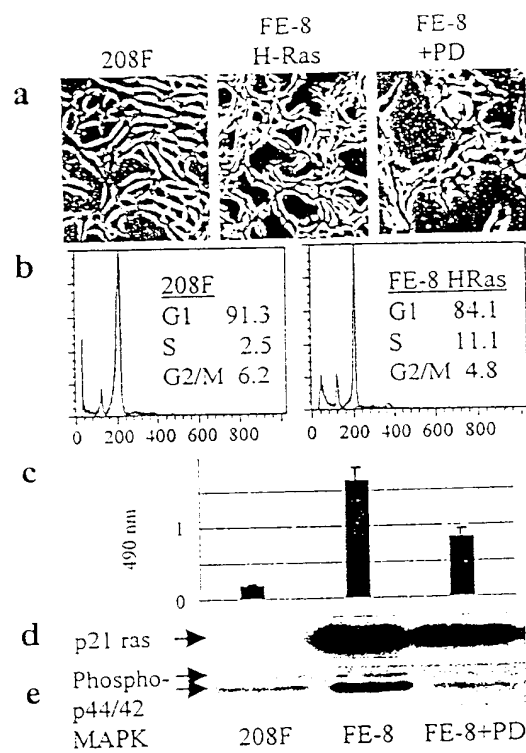
Figur 5



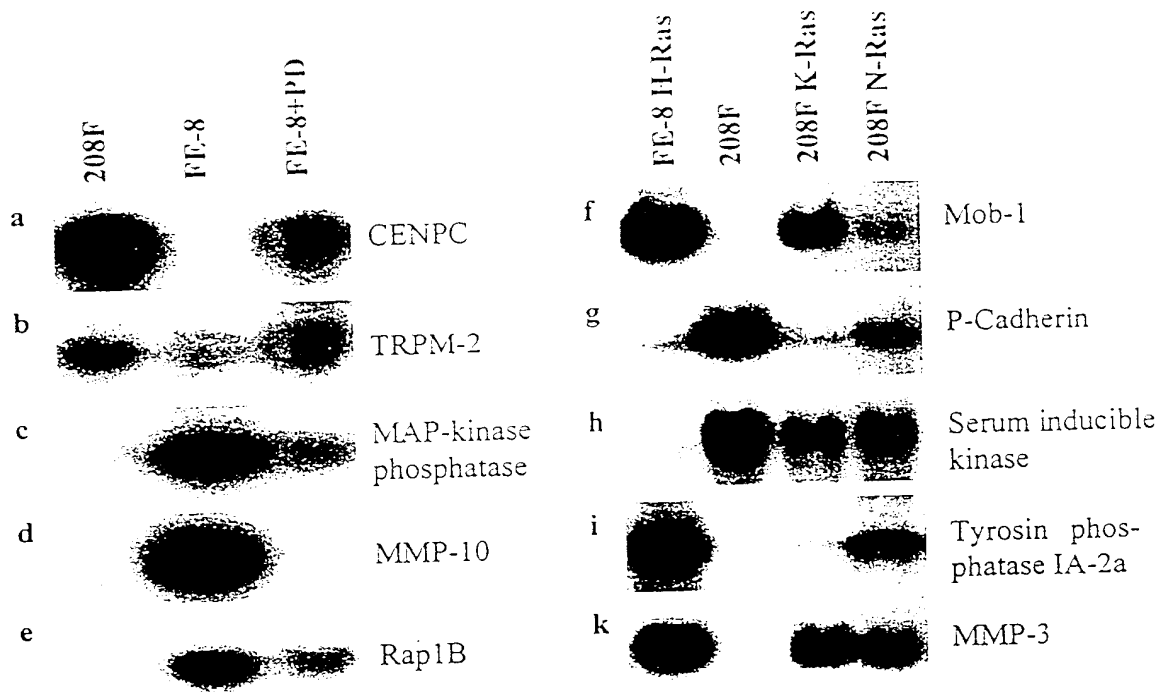
Figur 6



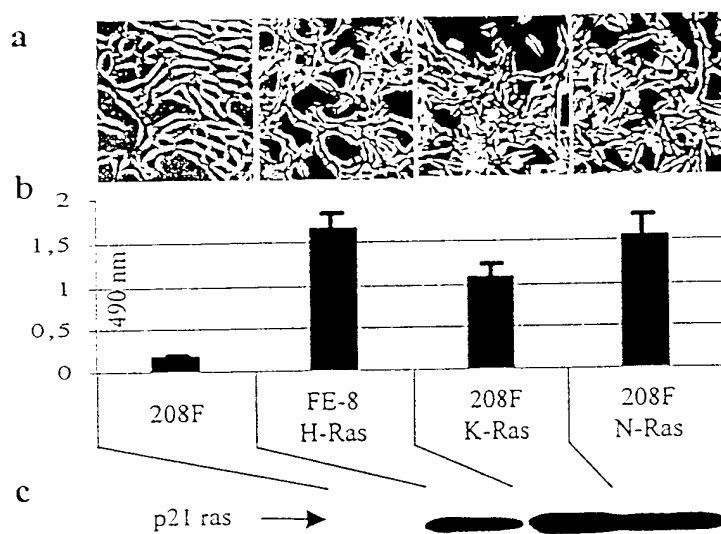
Figur 7



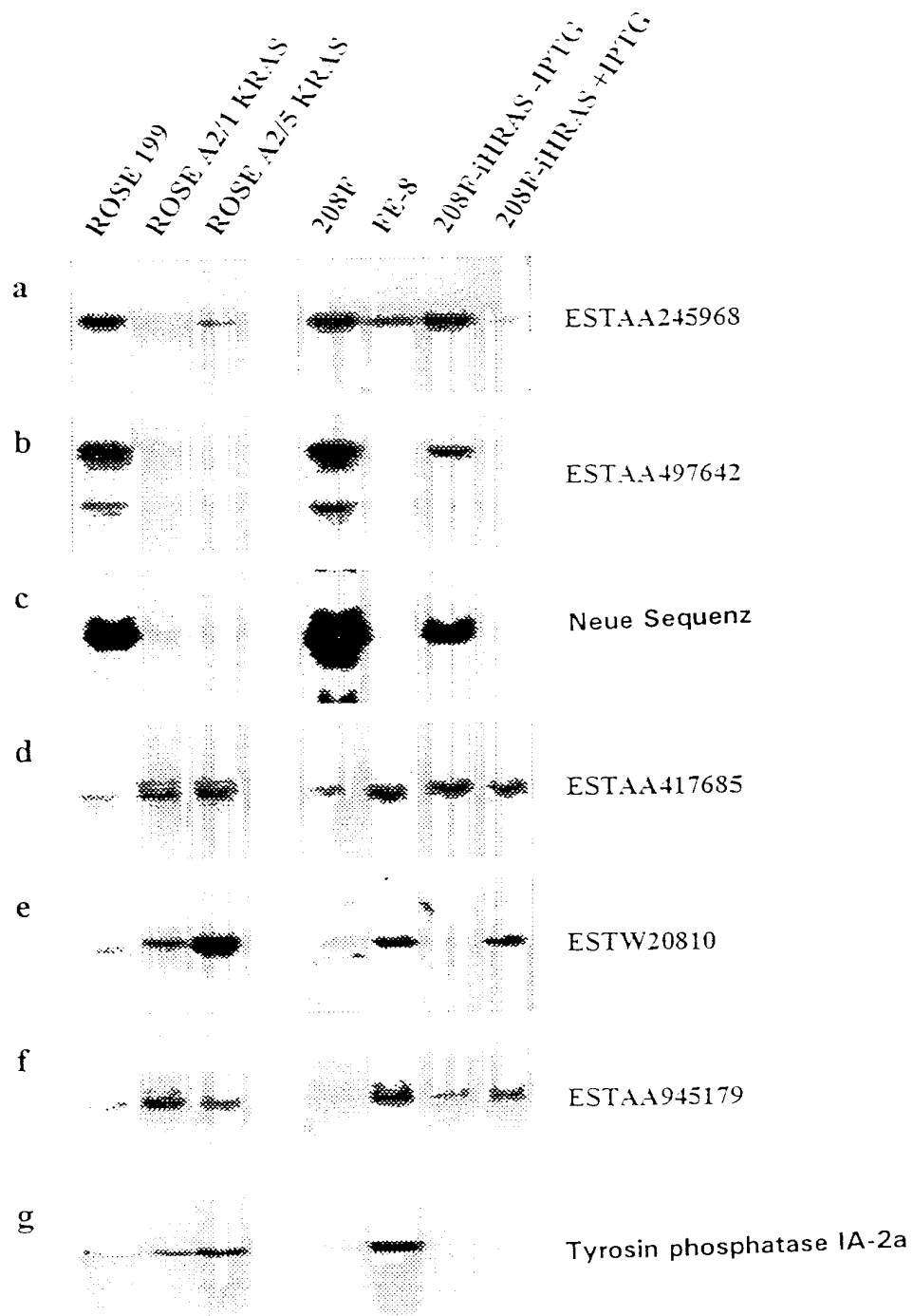
Figur 8



Figur 9



Figur 10



Figur 11

Name: N1	Len: 255	Check: 1753	
acagtggttca acgtgggttcc cctagcttcca cccgtgaagg actgaggacc ttgtttatac			60
tttaaaaaaa ccagatgcac caattttctga tgcctttttac tgttggtgat aatctactta			120
agtgtttttac ttctgcgcgaa agtattccagg ttctcctgtgg acatccaggag cctgaattct			180
gtctctactg attttgttcc atggttgaaat tttaaaaagt tttaacaatg aaggaacttt			240
attcttttagt caaaa			255
Name: N10	Len: 250	Check: 2392	
acctccctgt ctgttaagaa ggcacatag agattcttcg catgtttaga aatttctgta			60
ctctcaagaa aacacagtga atttttatga tccataattt tgcctgaggc cctacaagt			120
gaattctcat aaaatggagt atccctact aactctcaa aaaggaaaa acctacagac			180
caccaatcac attctgtccc atagtaacca tcaactcttt gtgatttcag aacctcaggt			240
gatatgtagt			250
Name: N100	Len: 255	Check: 1509	
acagactctt gtatacagac ggaaagttag caaggactca actcgaccac atcaagtttt			60
cttgaaaagt gtttacttta aacacttaaa gaaaaatata acttatctac atgtttgaat			120
agtctagaag gaaaaacaaa gctaccgtca agacccgtgt gajttgaaga ggacacggaa			180
aagctctaat gaggtaatcc tccactgtc tctaaaagtc cgacagaaac tgagtggagt			240
caagagacaa gattt			255
Name: N101	Len: 255	Check: 2081	
acaagaaaac ctcaaaagaaa gggcgctggt ggagctgtga attctagaca aaaccagaag			60
cgaaactcgg aaacaaacttc aacccctgag atttccctgg aagcagaacc catagaactt			120
gtggaaaacg ttggagatga aatcgtggac ctcaactgtg aatctttaga gctgtgggt			180
gtggacctga ctcaaatga ctctgttgtg attgttgaag aaaggagaag gccaaaggaga			240
aatgggagga ggtta			255
Name: N102	Len: 255	Check: 1AAB	
acaggtgct ctgttatgat gggttcatgt cgtctgaaaa catgaaaaat tctgttgatg			60
tcnatcaatg tgactgaat cccaacatct gctcagtgga gacttgagaa aacactanag			120
gctcctcat ctgcactgt gatatgggt actcttgga aaaaaggaana acgggctgca			180
caaatatcaa tgaatgtgan attggagcac acaactgtgg caaacatgct gtgtgcacaa			240
atacagcagg gaact			255
Name: N103	Len: 255	Check: 1266	
actaaagcaa ctgtctgact gctgctttct ttctcttata cagaattggc agagggggct			60
gatttgggag gaaaggtgtg gctataaaat ttgttactga acaagacaag aggattcttc			120
gtgacattga gactttctac aatactacag tggaggaaat gccatgaat gtggctgacc			180
taatttaatt cctgggatga gatagtttg aatgcagtgc tctgtgttgc tgaataggcg			240
atcacaaagt gcatt			255
Name: N104	Len: 255	Check: 378	
acatgatgac tccacaatag ttgaagctaa gctatctgaa gctatagacc ctgaagttgg			60
gccttcgggt gttctgtctc atgttganc ctgtgatgat tccactcaca ttctgtgca			120
agaggaaaaa aagtcgtctg tcagtcatg cctccttgat ggctctacag ttcttgagga			180
aggcttattt agccaaaaga gtttcctgtt ttggggtttt agtgttgaaa atgaatgtaa			240
tattgtaaaac atcat			255
Name: N105	Len: 255	Check: 135F	
accgcaacta ccactgtcgg ccctttttctg tgggttttc caggctgcag ataaaaacgg			60
ccgatctata ctgcgggtc caatctgcag aattcaggac accctgcaca aagcaatgaa			120
ggcctggctg gactctgtt agagtgtga accgtgggg tctttacagt tccagtggac			180
tagggaagg gatgttgaa gatttaggt ttcaaaaggg ccggaacttt tgtttgtctg			240
tttgtctgtt ttgtt			255
Name: N106	Len: 255	Check: 355	
acagtcacaa gaacaaactgt ccaatctgtc atcctaattt ggtatgtgt ghtaataagag			60
gtttgttact ttccaggag ggttttttta agtacaatt tctataaaag tgtttccatt			120
atattacac accctaccog ataaatcaca tgatttttgt ttcaaatctc aaccttaaaa			180
ctaccttcaa cctgtgttat ctatatcaaa tattataact taagacatt tgaacatcaa			240
aactgtcat tgtat			255
Name: N107	Len: 255	Check: D7F	
acagtttaata cactctacac aaaaacattg caatatttgc cactattgcn ggaataaatt			60
acatcaaaaca gtttaacagt ttatgggttg gtcacagtgc acatattact agcaactagg			120
gctaaagaag aatcatttag ttttaaaatt ttattggagt ttggccagge agtonatgt			180
atagttagta aacncatttg gagacaaata tcaagtagc tcaagccatt tgaatatgta			240
aatgattcct atatg			255
Name: N108	Len: 255	Check: 68E	
gacgtagtac aagtccaagt ttgctgact ctctgaggct gcaaacogga acaacgatgc			60
cctgcgccag gcaaaagcagg agtcaaaaga ataccggaga caggtgcagt cactcactg			120

ggaagggat gacattbaag ggaattatba atccctggag ggcagatgc ggaattgga 140
 agaaatttt ggccttgaag ctgttaacta ccaagadact attggcgcgc tgcaggatga 141
 gatcbagaac atgaa 151

Name: N109 Len: 255 Check: 1103
 gttgtatgat gtaaatattt ttctccaaat tgagagtgat ttttaaaaaa tttttatott 60
 tatatggatt cagaagtatg aaccagottt ttttttatta ttgtgggaaa cattttggtt 120
 tataacatag ttgttgactc tgttaataat ggacatgcta ggatctggat caotttcaat 180
 tgaagtragg gtatttgca tagtgagtaa aaagtgttgg gactcaaaaat tgattacac 240
 agaaggttaa tgcct 255

Name: N11 Len: 255 Check: 620
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt atttcatact ttttattggc 60
 aagagttcaa aatgggtcaa ataaaaaaa agacatott gataataaat actgctottg 120
 gggtgttaat aaataaaaaa tttattaaca aggaatgac ttttcagcc acaagtgtat 180
 tcaaaaataa ccaaaaaaaa aatatgtatg gccatagttc acagttaago agccaaacaa 240
 aagctgtttt gattg 255

Name: N110 Len: 255 Check: 2682
 acattgtttt aacctgtatt cattaagaca ttctctgaaa agtagcctaa cctatgcocaa 60
 tattagttac ttgaacacat gtgaaactia ctgttttttc ttctgtgta tgtgtgggga 120
 gagagaggag gggggacaga cagacagaca gggtgacttt gggtgtgaga tatggatgct 180
 atgtatgcca caotggccta gaactaaaaa atctgctgt ctctgtgttc cagttgctag 240
 gattagttat ccgt 255

Name: N111 Len: 255 Check: 2697
 acacagottt aattccagca ctctacagaa taagtccag aatagccagg gctatgtaga 60
 gaggtctgt ctcaaatcaa aacaaaagtg gggttgagg gagagtggt gaatatgtg 120
 ctacagatga ttccatctct agaaacagtc agtctcaggt cagtctgtgt gggtaggagg 180
 tgaaggtga attgagtcag gatgcaccc agagocaaaca gacagtcttc tgactataat 240
 gaaagccagt taatt 255

Name: N112 Len: 255 Check: 10AF
 acaaatttac attcaggagg aatgttaaaa aaaaaaatc aactaaaaaa accacttott 60
 cctgtgaccc ataattccaa cattttacag tgcaggggag agggaggctt gggggagcat 120
 ccaaaaacag ttcttcaaaa gaaataactt taaaatgtca cattccctct ccacacagga 180
 ttcattgtga gggtataatt acaattcctc ctctctgtga gggtcctttt ctgtttcctg 240
 ttctttctct tcttc 255

Name: N113 Len: 255 Check: 12A
 accaacacaa acccttcagg ggagactctg ttcttagaac agggaatccc tttctcttg 60
 cctgactgg agtggaagg aggtgttttg agctgagcg ctgttccgg accagcagcc 120
 actctgacag ggcagacaga gcaggagtgc attggtgtct ctagggaactg ctggcctttg 180
 agctgtgac ctctccctcc tcccatagag gcttgggaag gaaaatgagc gggcagcatt 240
 aagagctgtt agtga 255

Name: N114 Len: 255 Check: 100
 acaagaaaca tggggagtga atactgaaga gctgcaagtt tctcaaaaac caaaggaatg 60
 aacbaaaaaa aaaaataaaaa ataaaaataa ataaaaaaat gtgttttcg atgttcaaat 120
 ttctttctta agcgcaggta agaaaaaaa gagcaaatat attagtcaa ccaattttta 180
 aaagtgaat ttacotttat aacaatgaaa attaacaaca aacccaaaat accgacottt 240
 aacottaaaag aaaaa 255

Name: N115 Len: 255 Check: 1A84
 acagctggac cttagttaaag ctcaagttca cagtggccta tacactgaan catgctttgt 60
 gctggccgaa ggttgctttg aaaatcaagt gtttcattgc aatgctttg gatttctctc 120
 cagggagccc tctagacca caagggcata ctatggaaat atttattttt ttggagggac 180
 ttctatgtcg tcaagtgaagg ttcttgcaaa actgagacag ctggaagagg agaacaagga 240
 ggcattggtt gtgat 255

Name: N116 Len: 255 Check: 1100
 acaactgtga ctttttagac acgacagttag ttttaagttt attgacactt aaactctttc 60
 ttcttgatcc aaaattcttt actcagtcac acaacaaatg aggtaatatt tgtatataag 120
 ttctacottt gtctcttttg ggaaaatgaa ataaaaaang ttgattgtgt tttctctctc 180
 ctggaaatag gcagaagggg tgggggtgggt gagccttgga gggtctcaggc ttcttttgca 240
 ggaaaggcaa atgca 255

Name: N117 Len: 255 Check: 135
 acccaaatac ttccottcaa gttgtajaaa atggtaaaaga aagggcgtgt ccaggtctgt 60
 tattgttca ggyaaaaata gaaatctccc taaaaggcag ggaactgaag gaatgggtgg 120
 caaagtata ttggaatgc tcaattgttt gtgaattttt ttattgaacc caactactca 180
 aagctagggc acccggacc tttggcccat ccacaccgtt ctccattctgg gggactaac 240
 ctgtttcaaaa accag 255

Name: N117 Len: 255 Check: 2626
tttttttttt tttttttttt tttttttttt ttatanaaaa gtttttttaat tagtgaaaaa 60
gttccattgta ttatgggtta aaataaaaaa aggtcaggaa gcacagaaaa cgaacaaaag 120
ctgtaaaggtt cacaataaaa attctgttca gcttttttaa agccaggcac aagaaattca 180
caccatnaa aatgaacgtt cagagggtct ttgaaaaaat tcacacggga aacaacaagt 240
taaaaaattt tcccc 255

Name: N118 Len: 255 Check: D5A
tttgacaaaa ttcaacaccc ottentgata aaagtccgtg anagaatagg aattcaaggg 60
ccatacctaa acatagttaa agccatatac agcaaacccg ttgataacat taaaactaaat 120
ggagagaaaa ttgaagcaat cccactaaaa tcagggacta gacaaggctg cccactctct 180
ccctaactta tcaatatagt ttttgaagtt gttagccagag caatcagaca aciaaaggag 240
gtcaaggggg tacag 255

Name: N119 Len: 255 Check: 1201
accatcacag tgaccagaag ggtcacagcc tacactgttg atgtgaccgg tcgggaaggga 60
gtgaaggaca ttgacatcag cagccctgaa ttcatgatca agataccgag gcacgaagtg 120
actgaatttc ccaacacaga tytggaaccc cagcctggga aaacagtgat ccgactgccc 180
tcgggatccg ggccagccct tcacaaccag ggtctgtctg tggatatccg ggcagggtgc 240
attctgtgct cagga 255

Name: N120 Len: 163 Check: 184E
acaagctttt tttttttttt tttttttttt tttttttttt ttttqttttt tttttttttt 60
ttttttttt ttacacaaag acagaacttt attaatggaa ggctttttg tgaggagtgt 120
ctgggccccg ggccagggtt tgttagccac atgatggggg atggcctg 163

Name: N121 Len: 255 Check: 1F1D
aagtgtctct gcttaatcac cacagaagtc ctgatgaagc caaaggaaaac cagaggctga 60
cagaattgaa aaaggaaaaa agcagacaca ggggaacctac cctgtgtcct tgccaccago 120
tacttactta caggtgaagc agaaattcta tttaaacagc aagttttctg tttttaaagt 180
tactttcata ttaccaacat cagggaattg aagagagggg gtgttttctt ttgggttatg 240
gtcacgaact aacta 255

Name: N122 Len: 255 Check: 150C
acaagcctgt gagagaggat gaagaaaagta gtaaagattg tgttggtggc aaacggggga 60
gagacaaaaa agcttcaacc aaaacttccc ccagaaaagg aaagaaaacac gatgagttat 120
tgcattgatg agtttgccca tcagtacaa atccttttaga agtttaacct attcccacac 180
caccagaaaa tatcaccttc gaagacccat ccttagatgt aataactact ttaagagttt 240
tacatgcat cagtc 255

Name: N123 Len: 250 Check: 1127
acattcacca ttggccagcc cacagcagga agtgtgttag gagctcagcg gagactttct 60
caaaaaacaca acagtttttt gggctctgtg tcagttacat tacattttta agcaaacagt 120
aatctgtaaa attgtcccaa gacatccatt cctctaaacg ttcccatacc ccattcccagc 180
cccagacccc tgtgaaggcc acgggctctc agtgtctccc gttactgatg acagccgact 240
caggttcgcc 250

Name: N124 Len: 255 Check: 25B9
acttcttttt caagagggtc actccagga gataactat agaaaaaaca acgacagtaa 60
aaactcaagg ccccatttgt gtcagtgaac ccaacatcct cctcctgaga gccacatcaa 120
gactgaagga gaaacatttg agaaagaagc cttccagaag gggagggtgg aggggtgtca 180
cgctggcccc tagataaaga tgattgagca acagggtctg agtaytagct aggtggaana 240
aagagaggac aaaag 255

Name: N125 Len: 162 Check: 260D
oggottacog tgggtccggc ogatgtacac attctctgat aaattcatta gcacaataaa 60
aatctcatct tgagaaaaaa gccacaacaa aagtaattta taccatataa aacaatgaca 120
ggtctacagg tgcagttact catgagttta cacatgcatt ca 162

Name: N126 Len: 255 Check: 61F
actgcaatga ctgctatctc cgattcaaat ctggccggcc aacggccatg tgacgtgaagc 60
ctccactcaa aagcaactgt gcagatanaa nangagagg tagtcaactga ggcagaacta 120
taaaaaatgg tgtatgtttt cccctctttt taaaaaaaaa aaaaaagaa taatctttgc 180
ctcgttayat gacataggaa cactgtgttg ttggtaggac ctgtatthtt gttgtttatt 240
tataagaagg taatt 255

Name: N127 Len: 255 Check: 13A6
acagtcttcc cccctaaaga ttaaaaaaca aaccaaaact agtttagggg taagacaaaa 60
cacaatgaaa agctcactaa ctagattagg aacagatgat gctgggtgta atagcttqtt 120
gttttactct agagccctta aagaaaaatc ccgttagtgt tttgtgttac cagccagagg 180
gtcagggttt agtgaacatg tggtaaaatg aggaacttat caaggtttta tacgcatagc 240
attctctcac ttgtg 255

Name: N128 Len: 236 Check: 3C9

agcctatgtht gactgataac gggtaagggg ctgctcatga gagagccat agccttggth 60
agcgttgggt ggaaggggtt ggaactggagg ggttggcgtt tgcacgcaga gggagactat 120
ctgaagaaaa taatttttta ttatttttat taccacatgc ttctttctga ttctaaaaa 180
tggaaaaataa aatattttca gaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaataa agcttg 240
Name: N129 Len: 177 Check: D29
acgttggtag ttgggaatct ttctttttat acaacagaag aacagattta tgagctcttc 60
agcaaaagtg gggactttaa gaagatcact atpggtcttg acaagangaa gaaaaacggg 120
tgggggttct gtttcjtgga atactattca agagcagatg cagajacgc aatgggu 180
Name: N13 Len: 250 Check: 2101
acatggacat ggtcaaggag cggatcgacc gotttgggtg atataatct ccgaggtggg 60
aggaacatgg taatggatga catgctgaac tttaggaata tccajacccc gagctgccc 120
gtctgttggc aagagaaac agtcttccag ccgagcaaac tgcctcaggt ttctgaacct 180
ttgottctgg tgcattgcagg catgcagggt cagtggcatg atatacaaga ccttgaggag 240
ccagagggtg 300
Name: N130 Len: 255 Check: F01
acaatagcaa aagtaggcta ggtcgctttt ccttgggtcta cgttattccc tgtctaggct 60
ctgggatttg aaattcttga caccaccaqa ggggaaaccc caccgcttgt gtttccctgc 120
aattggctgt aactgcccc ttggcatgct taaggttctt taaaaacagg gtcattctgt 180
gttcaattct ctgccccaac cctactatga aacaagataa ccccttgtgt ttctaaatgt 240
atcaagggtt accac 300
Name: N131 Len: 265 Check: 1430
acaaaagatt cttcatcttt ggcactgttg gacagaagtc attcaactcc aottttgtaa 60
ttgaattatt atgaaggaa attatcttga ggtatttcaa ctctgtaat cctgaaggga 120
ttttttttag ttatttgggt tccaagtggg tctctctcac aogtggata ttagcaaaag 180
ttcaattttt aatattgtgt attttgttgt ttccaagacc cagctctctg agttccttgt 240
atogtttaaa atctt 300
Name: N132 Len: 260 Check: 235D
actattgttt gaggttaggg ggtggaatcg gattattagg aagatccctg ccacaaactat 60
tgtgcttgag tgtagtaggg cagagacggg agttgggctt tctatagctg atgggagtca 120
tggatgaagt ccgaattggg cggatttttc tgtggctgca attagtagtc ctgtgagagg 180
gactagattg ttggtgttgg ttaagaaaa ttgttgaggt tctcaggagt ttatgtttag 240
gcagaatcag 300
Name: N133 Len: 255 Check: 10A8
acagtittga gcccaggctt cgagggggga aaggagggtt cgggtctatg cttcgagcac 60
ttgggtgcac gattgagaag acaaccaatc gagaagcttg ccgggatctc agtgggagga 120
gattacgaga tctcaatcat ganaaagcga tggccgagtg ggtaaaaacag caagctgagc 180
gagaggctga aaaggagcaa aggcgccttg agagactgca gcgaaaagctt gcagagacctg 240
cacactgctt tgcca 300
Name: N134 Len: 223 Check: 4FC
actagagatg agtcccagag aatgataggt cgaggccggc catcttggtt gaactotaat 60
ttctgtctca cagatggcag ggnccctgtt agaccacagga tctgttccag gtggaaggca 120
aacacttca tcatgtccag aggttgtgtt anaagcccac aggygctagg gccgcagcca 180
ggcacagagc ctgaggtgct ttcttccaac atcagcaagc ggg 240
Name: N135 Len: 255 Check: 1845
acacttggca agaggggttg atcaactggc tgggttaggt ggtccctgtc ctctgggyja 60
gacagattgc acaggggggt tctctgcctg tcttggctt ctctgtagt tctcacagt 120
ttttctctaa ctgcctgct cattactggg tgcctcagca cgaagtctgt atcatgttgt 180
tctcaggtta cctgacagc atacaggagc gggagttagg cacattcaca gtgttcacag 240
tcagagagca tgggtg 300
Name: N126 Len: 250 Check: C54
acctggggtt ggggttgag aagtcacct actgcacct tttagacaac agccactggg 60
cagagctctg tgagactttt actcgggggt catgtccct cctgggggtt tcaagtgggt 120
ccccactag tcttagtttt gotttgggt ggttggcact gccagtgtg atgaacatta 180
aagctgtgtt cgaacajagg cagtgcactg gagtgtggag tcacaaggat gagtgttga 240
ttgagattga 300
Name: N137 Len: 255 Check: 10EC
actagtctct gctagagcgc cacactacgg catgtttctt tgggttcagat tgcttagctt 60
gatgctagtt caggaaggat taagtcttca ttgtgttag tatgtgtgct tcagctccat 120
ggatagggac caggtggcag ccactctggat tjtcaatagc tggggataaa aatcccaagg 180
aggacataag cagaaaaaag agcaataact cctgggttga accaaactca aacagagat 240
cttaatggac cagac 300
Name: N138 Len: 250 Check: CDF
actcaactga acatttacc tgtgcttggt ggtgtattct taaagccaat cctggggaaa 60

taggtggtat	aattagtagt	atcatctta	tacttgcca	agcttgaca	tactactaat	10
aagttaaatg	aattoagcc	taattctgt	tggtttttt	actggattg	totttctaat	130
tacatgaac	tacaataaac	agtttatagt	tatactagcc	ttttataatg	aattcagagt	240
ttgatacgtt						255
Name: N139	Len: 255	Check: 151B				
acaaaagccc	agtgggatag	agatgggtca	ggagacgttg	gocctgaagg	tcacactttt	60
cagaactant	aagtgtgccc	aaagggcaca	aaactcaxa	gggagggcat	tctgagctgt	120
gtgagtttt	aaactcaca	gataaaaagc	aaactcaxa	gaagcatgtg	attcaaaaag	180
ttaccacatt	cttttggttt	ctgaacccgt	ctttaggttg	aggttccacg	accaggtgtg	240
ttgaactctg	agata					255
Name: N14	Len: 255	Check: 7BF				
acttcacagc	gatotttgcc	aggatatgt	tgtttttgat	gatatactcg	taggtggtca	60
ataagacatt	gaatttgccg	ctggaagct	gggggacaaa	agctcgtctg	gcagctggag	120
agcccttgta	ggaaaccttc	accacagag	gggcccactt	gtcaaatcca	tatgcccagt	180
ttgacagcgt	cttgaaggga	aagggaaggga	tagtcajgtt	ctacactagg	caatagtga	240
gccaacaggg	ctggt					255
Name: N140	Len: 255	Check: 25B2				
acacttggtg	attatgatat	tgaatgtag	capatccaac	attatctcca	aatcaagatg	60
ttaaattatg	ttttgttttg	totttccatt	aattgcagtg	aattgttcca	gatgtaaaat	120
atgttttgtt	gaatgtggac	agtttataca	cataacacat	attctctctg	aaatgaactc	180
gtatataagg	caggtgtggt	tgtgcatgcc	tgttaattcca	gcajttggga	gatagaggtc	240
aggatcattc	aaggc					255
Name: N141	Len: 255	Check: 23FF				
accttttcta	agaactttga	cttaaggctc	ctaattgggtg	agaagaacca	acacagaacc	60
aaaactgactc	gcactgccc	agcaggggtt	ccgtttcttg	tcgatgtgg	gtgggaaaca	120
ctactaaactc	tgaactttca	tacctcatg	ggagcagagg	gtccctgtctg	gggtctcccca	180
ctggacacag	tgcacaaggac	agccccacac	atgggttatt	gggtccctcg	tgtttttccc	240
gtctttccaa	agtct					255
Name: N142	Len: 255	Check: 100C				
acaggttact	gotttagatac	tacagggag	agtgcagaga	ctgttcacagc	ccgtggaccag	60
acacbaagct	ctatccattc	atataccatg	ctgcagagtc	cagtgcagag	acctccgacc	120
agccagga	gaggacgggc	acctgaggac	ccaagatgag	acttcctcgc	agagagacat	180
cccgtttgag	atgtgggatg	aactgactta	atcgatcta	aatctgtata	taatccacat	240
ctgtaatcaa	gcatg					255
Name: N143	Len: 255	Check: 500				
acaaattgtt	tctgagggcat	tatttgccct	aaaatatagn	gggtttttgt	tttgagactg	60
ggttttcactc	tatagcccag	gctggccctg	aacttgccgc	tngtcccttg	ctcagtttc	120
tcagcttcag	gattatggac	agaaatccac	atgcctggca	tgttaactatt	tttgaggctg	180
aaatagctaa	tgaaggccc	tatctagatc	cgatttttat	atgacatcaa	attagggaag	240
tggagggaat	tattt					255
Name: N144	Len: 255	Check: 16CF				
acactttctc	attgacaact	cccacgggtg	gaagacagtt	tattacttag	tottactttt	60
tttggaacagc	tattctctgc	acaagtga	gacatttgaa	gagtaagctc	gtttgcgac	120
tgtcatatct	gaacccctct	acaaaggaga	gtctccataa	ttgaacttcc	cgaaatctaa	180
ctttctctca	tttctctct	aagaacttaa	aacatcagta	attgaggga	tctctgtatt	240
aaaagtcccc	tagaa					255
Name: N145	Len: 251	Check: 1A2				
ggaaaagctt	gctctaccag	gctgcctccg	gaagccgact	tgtctctgac	ttggttgagg	60
tcgggtttct	gactctctgc	acccctcgtt	taggtjattt	gtgttaactg	atgaaaacgc	120
agagcagctt	gggacacctg	tggcatccag	actgcaactt	gacaatccag	gtttgtgtat	180
ctcaaacggg	cgttgaaaac	tcagtctggg	tgtgtjaatt	aacgattgag	cccgcccttc	240
tgtttgtcag	t					251
Name: N146	Len: 255	Check: 25B				
acaaagtctt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttagc	aaatatcttc	aatattttat	60
tttataggaa	ctaaatgggg	atcaaatata	aaagcattca	tcacacttat	tttccaaactt	120
gaaaagaatc	aaggactjat	atatattctt	caggccata	agaaatgaat	tattaaaaag	180
tgaaaaaccag	gtgcttgctc	acagtctatc	actgcbagga	ggatagacac	acaactgtaa	240
ccctagctct	gggga					255
Name: N147	Len: 255	Check: 2319				
acacatcttt	aatccacga	cttaacagat	aratggatct	ctaagtctctg	aggctagcct	60
ggtctacaga	ctgcgtttct	gaatagccag	ggtctacag	ggaaagaaac	ccgtctctcaa	120
aacacccctc	ccacttccct	agttttttct	gtttttgtgt	gtcttaacaa	aggggtgtaa	180
atgctactaa	tcattccaac	caggccagac	ccaaagacaa	gacaggccag	cagtggtagt	240

1000-agggtt 11100
 Name: N148 Len: 255 Check: AB
 gtccgggcgc ttctgttgcg tcccatcttc gaggggttca ttccgaaccc ttccttggtt 60
 ggacggaggc ctgctgaagg ccgattccct tgcaggcagaa gaaactctta aattctggaa 120
 atagcgactc agtatcatgg ccagccgcct taatgaagat ccagaaggaa gtccaatcac 180
 tctatcgaaa agagatcttt tccgatgcgc caaaacagac tccctagccc attgtatcag 240
 tgaattcttt cgaat
 Name: N149 Len: 255 Check: 1919
 acatgargct accgtttttg gctgtgtgct ctgcacagcc ttctctttagc ccttcacaca 60
 cagcactgaa gactatgatg tccaaggata tggaaagcac agatgatgag gacaaagatg 120
 atgatgtga taattctctc ttcccaacca aagagccagt gaaccccttt ttccctttcg 180
 atttgcttcc gacatgcoca ttgggtgtgc aatgttactc tccagtctgc cactgtttctg 240
 atctaggttt gacat
 Name: N15 Len: 255 Check: 2170
 aaggtttttt tctctctttt tttttttttt ttcttgggga agtgaggatt tattaagaat 60
 attaaaagcc aggaacttta ttttaacctt aaacccctaag ttctctttta gtgcttcaaa 120
 aattccattat cactttaagac cagataaatt acatgggtta ccagctgtcc agtgcctgagc 180
 ctaaaaataa accccaatg gaacaagacc gactccagcc actgaacca ggggtgcagg 240
 gtgggcacgc ctctc
 Name: N150 Len: 255 Check: 1680
 cagattatct tcatggagac cagacatgca ttctcttgag ttaagtgcgc aaccttctga 60
 tccctatctg tcttcacaag atatctgtca gacattctat tcatatcacc atgtgtctgat 120
 gtaacaatcc tctgtttttc agcatgggtg acttccaagt ccaaggccta gatccagttt 180
 taactaccta cagtaacctt ccactgcagg cagaagggat ttcatgtact tagcagaacc 240
 ctaactgttt actgt
 Name: N151 Len: 255 Check: 711
 actcgccggc cactggaaac tgcacacagt gaacctcagc gtctcaagaa aacactgaag 60
 aattctatga attgtagcag tgaattggat tgaattctct ggcataattt gaagaaaatt 120
 gggctattga aacatttttc cctcctgact gctgcttgaa tgttcttgga agctgtttcg 180
 tatgtatagg gtttttaaaa tgtgattcct ttgtttgaat attaatggct tttccatta 240
 aagaataaaa tgata
 Name: N152 Len: 250 Check: 1917
 actgaggcgg gccagggaga tgtccagcatt ggtatcaagt gtacccctgg agtagtgggc 60
 cccactgagg ctgatattga ccttgatata atccgtaatg acaatgacac cctcactgtg 120
 aaatacacac cctgtggggc tggcagctat accatcatgg ttctttttgc tgaccaggcc 180
 acacccacca gccccatcag agtcaaatg gactcttctc atgatgcag taaagtgaag 240
 gctgaaggtc
 Name: N153 Len: 255 Check: 2040
 accctgaaga accaagttcta ctcttgccaa agaaatgcct ggcctggaga gttctctga 60
 aagccaggat gccgtcgtga gccatggacc gctgtgcacg cctctgcctg agaaaaagcc 120
 atattggaag gtggccatat gccccgtgga ttctgtgtag gtcattgtgat tgggtttctg 180
 tctccagctc catctgattt cgtctgtctc tgtctctctg ttggcccttc ccaagttgta 240
 atttgtattg aaacc
 Name: N154 Len: 255 Check: 1238
 caaaaaacca tgcataaat atattcaaac tctgagctcc caatgcgatg ctgacttctt 60
 taccacatta caagtcattt gtgattttta aaagttagct gccataaatt ttggaaaatg 120
 ccagtgttta aaaagttaac tgtgttaaaa ataaaagttc agcagaacag aaattgaggg 180
 ttccaaaacta ttcaatgtta caaaacaaa gttgaaatac cattctttgg tctagataag 240
 cgtctctctt tacat
 Name: N155 Len: 255 Check: 1F07
 tgacgacctc ttctaagggg tgaggggatt tcaggaatgg ttttactgag ccacgttact 60
 tttaaagttc ttctttaacc accctgaatt taattggagg aagacttttt tttaaataag 120
 aatatgcaag tgagcagggc cccctgtggc ttccaccttg ttcccaacat actgtcanta 180
 gtggcgtctc cgtgggcatt gncgtctnct ctgattgtct gtttatgttc tgttttcttt 240
 ggtctctgaa acctg
 Name: N156 Len: 255 Check: 13F3
 accagctaca acccaggatg gaggttgggc cagtcttctc gtccagattt ggtcactatt 60
 atgatgtatc aagaaggatt cctcaggagc tactagagag ttcaattgg catggattct 120
 tcttccaga acacacccct ccaggtctta aaggagaacc ctgttttttg tccgtgtggt 180
 acatgaagct gcttcagttc ttccagaaac taatttatcc tgaaggattt gatggagcta 240
 atccccagaa aaaac
 Name: N157 Len: 255 Check: 2290
 actgcacacg tttctctatgc tggcattttct tgttcagtaa cttaggact atcttctctc 60

tcagttccaa	gaataattat	ccaggttaga	ttgaacgatt	tcactgcttc	ttagcaacct	140
catagaag	ttggggaaag	aaatgtaaaa	gagtgcacct	gotgtgtgac	taacottgag	140
gagttccg	taagtgtac	ccagagctgg	aaggagcttg	ccactgaatc	acagaagccn	240
ctttagttat	ccaggt					240

Name: N158 Len: 155 Check: 1430

acatgttgac	agcaacttga	ttggatactc	taacgaagag	atcaacaaaa	aatccacott	140
ttctttctga	aatttctct	agtaactcca	taagtttagc	agcaagcca	agaaggcgga	140
ttccaggggc	gacagacaga	gotgtgacat	gtccatgcca	ctcttcccca	gttaactgagc	140
cttccgcttc	gcccataata	taaccaccca	gtctctgggc	aggtgctctg	gaaacgatga	240
ataactccg	ccagt					240

Name: N159 Len: 255 Check: 1397

acttcattgc	tctattcaat	taagctctct	attctttaatt	taactactaaa	tcctcctctg	60
tcctttaagt	tcataaagg	tttcgtaatg	ttctctggga	aaagaaaaatg	tagccattt	120
cttctcgctt	cattggctac	acottgacct	aaagtcttta	tgttngttct	tgngcttact	140
ttagtgcctt	tttagggttt	gttgaagatg	gctgttatata	ggctgaacta	gagagaaggg	240
gtaaggtaga	acggg					240

Name: N16 Len: 255 Check: 148A

acttaactgg	tggtccctct	gtggttcttc	tggttgcaag	agtgtccggg	tcacagaaaag	60
ctatttcctc	tggtggccaa	aaaagagtga	cttcaaggcg	ttcagcagat	atgcagtctt	120
caaatcacaga	catttctttt	aaaaccagga	aaaggctaaa	cttcgaagat	aaagtatttt	140
cgaaacacagc	agaaatagag	agragtgcct	cacaagttaga	ggatagcata	tcagaggaac	240
aagaaggggac	atcat					240

Name: N160 Len: 255 Check: CA9

acatctctct	gttttaataa	gtccacgtat	gatctaaggg	tggtcttctt	catacagtat	60
gtatgaaaat	caaactggtc	atgggtgatt	tctataaaat	gtctctcaat	ttcgtggcat	120
ttctttaagt	cttcacccaa	tttgttctat	gctttgtatg	cctgggcaca	ttctgtctgg	140
aaccacatac	actgcctctc	attcaggttc	tcctaccgctg	atgttctctc	ccttgtaaac	240
ttggaacaca	tttct					240

Name: N161 Len: 250 Check: 40C

actcattctt	tcactcaata	taggaaagct	ggctacacaa	agcatcgaga	gattaaaaatc	60
ttgttgaaac	atgcgaactg	gaagagctca	gttacttcaa	ctttgatttc	caaacctaac	120
acctgactga	agtaggtcac	atcctttcaa	cacattactt	tatagacaaa	tggtatttat	140
ttggaggcca	cccaagatag	gtaaaaactgc	taactgtctg	gaggctcatt	tatttctctg	240
acccagcagg						240

Name: N162 Len: 255 Check: B3

acacccagat	tcctatcagt	gccttcttca	gcctctatta	cttcacgggt	tagggacatc	60
agttatcaat	tcctgcacaa	ggacccaaat	caaactgtca	tcactgaatg	gccgtataaa	120
ggaagttaaa	acttttcagt	ctgtgtgtat	agcagttgtg	ctattttttaa	agcactcctt	140
gacccatcat	gpcactgttc	ccgtgtgagg	agcgcaagac	tcctgttctt	taggggttgt	240
acttttagagg	atgtg					240

Name: N163 Len: 255 Check: 1C43

acaaactcatt	ttgcgcgaat	ttccacaaat	gtttgttcta	gtctaaatga	gaagtgcaaa	60
ggtttttata	ctctgggatg	caacccgacat	gttccaaatgc	ttgaaatccc	acaaatgtta	120
gaccaattct	aagtcttcta	agttatttcc	tttaaaagtat	atattaaact	gaaacctaac	140
ttagactgcat	tgactaaaca	gttactctgg	atgggtgggtg	aaactgaagca	tgcttttact	240
totaagaactg	tcata					240

Name: N164 Len: 250 Check: 18AF

acaaaagttag	tggtgatgct	attttttatg	taaggcggtg	atcaacccaa	cggaagaagt	60
cttctctccc	tcagattctg	ttgccttatg	tataaaaactg	caacccagctt	gotttagagaa	120
gttgctctca	tcagagaaga	ctccattaat	tcagtgtccc	aatggcgctc	tagggaggca	140
gtaggcatct	tgcttctccc	agtaagagct	gaatctctta	aaaacttaag	aaactaactt	240
tggttctctg						240

Name: N165 Len: 255 Check: E6D

acttaactga	ccatgagcag	actttccagg	ttctgtgttt	gctaagctgc	cattactggc	60
cggtctttag	gccaggtctc	attacagtgt	gatgtgtgtg	gcagacaaac	taaatggaca	120
tggaatttag	cagcagaaaa	gccgcattgt	gtctttgaa	ttgtgtgatt	caaacactgc	140
actttgttaa	caaatgacca	gttttttact	ttgtgggtgtg	tttttttaagt	aggtatatat	240
gttaatttgg	tttga					240

Name: N166 Len: 255 Check: 995

acatattcac	agacattgtg	taaaactgttc	ggttgaccta	acaaacatca	gttgatgaaa	60
acgaactggc	atctaagtga	tgcttttata	aaaaatagtgt	ttgggtttgt	gttttgccgt	120
aagaactcca	ggccctgtct	cctgttatga	aaggctcccc	agtttaaaaa	gagttctgag	140
tgcaacacgc	taattgggatg	ggtctgttag	gcatttccat	ctgatactgg	atatggcttc	240

attcttggtaa gagac
Name: N167 Len: 149 Check: A6F
accattagtgt tttagtagtgt ccttgctttt tgatcctaca tctcagatto tggaacagga 60
aatcttcaact aagcctgtgt tggcctgawg gaagcacttc aaggiagagg catccactct 120
gaagttttag tgagtccaca tgggggtttt 149
Name: N168 Len: 155 Check: 23FF
accctatatt ttgcocatag tgcattagt agattagaga tttaaagtca ttttaacttt 60
acaaagttaa cctgtatatg tctgtttctt ggtcgttagt tctctcaaaa tcaaatgaat 120
tcagagggaa cctgtctggc tgccttttgt tcaactgcag gcagtcgagc agaaggacgc 180
cggttgcac taaagtgaac tgttgctgt taaagctttt atacagagac tgagccattt 240
tggatgactt aaat 255
Name: N169 Len: 155 Check: 905
actctcagga tgatcatgtt ttcaaacctt gccccagctg tgratgggtt agtgagggtt 60
aggagtcact tgaaaaaatgc cctgggctca ttccaggcca gacactatag gcttctttac 120
aatctggagt tttctaaaagc atgggcaaat ggggtctttg tcaaaacaa acctcctttga 180
aggaaagtac atcagacaag agctcactat ctgggtgcag tctgagggca ccatccccaa 240
acaagagtgc ttttg 255
Name: N17 Len: 109 Check: 83E
ggcttcacca ccactcggta gttgtaattt cgccttttat cagaagctga tacattttca 60
tcagcattgg atcgaatttc tatgtattca atatcttgcc cagatagg 109
Name: N170 Len: 150 Check: 40D
actaggactg gtaagggagt tctgtgcata caaaattatt acttctgttg agagcagggtt 60
tgcaccagga ctctcctagta tggcctctgt ctctctgggca acgattattt tctctgggga 120
aaggaaacctg cggctccctc acagtgtatg aggaaagcta aatgctgcac cctcctctca 180
aatccatata acaagccaca gactcagcc ctctctacag cccacacagg gtggtgtcag 240
cagcaagctg 250
Name: N171 Len: 155 Check: 83D
actgtaacct agttaaatto tctcactaag aaggtcacac acccagggg aaaccatatt 60
gggtgtgttt tgttgggttg ttgtgttgtt aaactgcctt cttaatatgt ctgataatat 120
catagattgt gctgcttcca atcttgtcca ggaaacctag ggcactcata cggtagtgtg 180
tgtcaccaca tgcagtcctg ttactgctca aagtgcctgag aatgagtaac cgtgagtgtt 240
caatggtggc tggga 255
Name: N172 Len: 155 Check: 1B43
accagtcatg tatatgttat tatatgatta gccacagggtt ttgaaaaata tataattacc 60
ttatatcctt aagtccttaa aagattctgc acacattcta attctactgt tctagaccag 120
cattctagga tgtgtgtaac aaccccttat agcccttagg agccttttag gctataatag 180
ttttaaatat tcacacccct gactagcagt ggttgtgtgt gtatttgtt tttcttttta 240
aggnntttt agatt 255
Name: N173 Len: 155 Check: 120D
acaaaaataaa gctggctact aaagccatac catggttaac gcagaaggaa caaggctgtc 60
atggagtctg tgaaggggaag ccagatcaaa tgacacagtc caggggcaga gagcacaaac 120
ccttctctct cagacacact tttgaatgtg ttagagaaaag tctgggtgga ctttataagg 180
ccttcataac tgttaacggg caggctgctt gggaaaactg atgcgggtt tgagtccac 240
cgtgaaggga tgggg 255
Name: N174 Len: 150 Check: 400
acctcgggtg cggctggctg aatgtcacat cagtcacatg cgtgctatgg ctctcattca 60
ctgaaaacct gacaaggatc tcagagtgc cttaataaa gggaccgcac gaagaagcag 120
aggcaacagg agggctgatg tggatctaga ctgatggcaa gaaatcttta tttccatta 180
aggaaaatag tgggaaatca tttttaagaa ggaaggtcaa cagaaataga agtgtgctat 240
ttagaacatg 250
Name: N175 Len: 150 Check: 1900
acaggtgtat tttacaattt ttgtttaatt aaaaatgtta atatattaat aatcaacctg 60
gtcaaaacct ttacggtttt ttgttttgag tcagtgcctt tgattcagaa tgtcacgagc 120
cttatpatat catgctgagg cgccttgcaa atcgacaat taacgatcct cctagacott 180
gaggtgatca gcataagagg ccagatcccc tcagtcato tacaactago ttacacttat 240
tctttaaagg 250
Name: N176 Len: 150 Check: 110
acagccttgc cgaagctgct tttaaaaaaa aaggcaagga agtctcctt ttttagtttt 60
tttaaaacaaa caaaaagtaa tgaactcttc tcaatgttta caagatttca aatcttttat 120
cagcattctc cctcataaag ggttttattt cttctgaaaa catctataaa aaccaggtoa 180
acgagaccaa atgtatgaca ggtgaactta gajcgaactt tcttgcttgg taactgcgaa 240
gaacgggctt 250
Name: N177 Len: 150 Check: 27F

agatgatttc ccatggaggt tcaataaggt acagaaggt atggtgaata aagacggat 60
agpaaaaaa tgaactatct ttctgagagc aaacactata tcagcaaaagt caagaactgt 120
cctaaaaata ggggcatcac gtttgtaaat gttttacagt ctgaactcca tgtcacgtaa 180
ataagcaagc taagtgaaca cggggtccac tgagggaaggt cctttattcc caagcatgtc 240
cattgagcgt 255
Name: N178 Len: 255 Check: 1800
acctctcttc gaactaagatg actaagatgg cctttggtct agtgggggaa agtgggcctc 60
tgccctcaca gatgacacct cactacacaa cttcagattc cctgtttcca aaggcagcaa 120
caattttgtt attttctgtta actttcacaa agccaccccc aaataccccc aacagaagtc 180
accccggttt tgtctacagt gactgctgtt gggccacgac atctaaaact agagggggaa 240
agattctatg ttcac 255
Name: N179 Len: 255 Check: 2453
acctctcagt agccatagca gttgtatacc caaatacaa caacatccca cccaaataaa 60
ttaaaaatac tattaacact aaaaacgaac ccccaaaccc taaaactatt aagcacccaa 120
taccctcact aacaatcaat ccaaacccac cataaatagg tgaaggcttc aacgccaacc 180
ctagacaaac agtcaaaaaa agtaaaacta aaataaacat ataatttgtc attatttcta 240
cacagcattt aactg 255
Name: N18 Len: 251 Check: 1730
accagagggt aggatcgctt cagctctggc agttttgtgt agctcttctg gatgacacct 60
caaatctcca tttttattgc ttgactgggc gaggcatgga atttaaacctg attgagcctg 120
agaggggtgc ccgacgttgg ggcattcaga agaacaggcc agctatgaac tatgacaaac 180
ctagcgttgc tctccgtatc tattatgaga agggaaatcat gcaaaagggtg gctggagata 240
gatattgtcta c 251
Name: N180 Len: 255 Check: 1A2E
actatgagca gatcatcaat gcttttgaag aagacacctg agcccaaaaag atgcagttgg 60
ccttccgctt gcaacagatt gcgctctgcg tcgaaaaata ggttcacagc ctctgacct 120
cagtgcttgc tcaggattca gttagggatg caccacaaggc ttctggagag cgtgtgttga 180
acccacctct tgtagctatc agcgtcttcc tcttgagcaa taactcccggt ggcgcaggt 240
cagcaccagc tccgt 255
Name: N181 Len: 250 Check: 74F
acagtgagca atggttttcc ttgctaacaa tatttgaaact gctgtatttc tctttgagca 60
gtgcaagaat tttcttcaga gcagacaaag ctgcgggtga agagaaacca gaaaagaaag 120
agaagggaag agaaactaaa atgagcaatg gagaaggatc cgagagcact gtgtctgcgg 180
atctgttgtt gaagtgtatg gatgcgggtg tcagacatgt cgtgttttcc agagactgac 240
atggatgcta 250
Name: N182 Len: 255 Check: 2389
gtgagctctg ctgggttaaag gactangcgg ctgggggagc tccgttagtt ggtgtttgac 60
gctctgtatc ataactctca cttctgcctt ctgtgtattc taggttgggg cttgtcccg 120
acctaaaggc agaggatgtt ggtgcacaaag aaaaagaaaa agtctcttga gtcaatcaac 180
tctcggtctc aacttgttat gaaaagtggc aagtactatg tcatctattc attttttaaa 240
acattcatta agatt 255
Name: N183 Len: 255 Check: 45C
acaataacca attgataaca gcttgaaaag agtgcaatat tgaagtcca atatttttaa 60
aagtgtgac tattttgact ayaatggaa atyagtcga ctcatttga aaaataatgt 120
aggcgtgtgt tttagctagt ctgtaagaac aaccaatcaa cgttgaagaa aagagcataa 180
cacattagaa atacccaat tatgcttctc tgaatttaa aaaaaatgga ttaaagaact 240
gagtattgtt ttaac 255
Name: N184 Len: 250 Check: 2400
accagtttga caccgattgc aggtttcttc gaccacgtta ggcgggcact ggcactggcc 60
tccattgggg tcacacacag aactcagaga tccctgaggg tcacattcac aagcgaggcc 120
tgccgtgttg atcaaggcag aaatgttgaa gatgatgttc ctgcagacat ctgtcatagg 180
tgtttccacc acaactccggc tgttctccag aaactgttag cgttgggaagg ttctccaggc 240
actgttggtg 250
Name: N185 Len: 251 Check: 2F1
acacaagaag ttgtgaaggg gggaggggta agtggaggt gggggttctc ctgacagaag 60
tggaagcaac cagcgtgacc tgaagagat ccatggttcc cccaaatgc ccaggtctcc 120
ccaaaataaa tatattcact ctaaaatttg ccatctaaag caattcttct cagtacactt 180
gactttctaa ctcatcttgc caccatctc ttccagagtga tcaaccacca naaaggtggc 240
cctagattgg g 251
Name: N186 Len: 250 Check: 450
acatacttaa ctgttagggc aggactccca ggtttactgt ttttacagag atcttagtat 60
ttcatcatgt aaataattta cctctccctg aactctatg ctttaccatt gcatgataat 120
atcatttcag gttattttaag agttaaatcc ctcaatgca gtaattataa gtatacactg 180

aacatgaggt ttagcatatg ctacaaanta gaactgggnc ccttgctaaa aggotthcaag 241
 aataatwca 251
 Name: N187 Len: 125 Check: 2AB
 acaataacac tggggatctc actttgatga totactaggt ttgttatcag ccccttgaag 60
 gcaatwcaag ctgcatgag totacatata gcacacacac catactctct tacacagtca 120
 ctccaggagt aggagtctgc ttcctgctg aagagcccta gatttgaag atgaacctgg 180
 cctctctctt accacgggag ccagacattc attcaacact gtctattctt acactgcttc 240
 acayggaggt ctggg 255
 Name: N188 Len: 251 Check: 37
 attctctctt cctctctctt tttctctctt tttctctctt cctcttgact ttcaatgata 60
 aactctctt ctgaatatat tgtttttgac caagatttaa cacaacattt tctgggatta 120
 taactctctt ctataacagt attatacaca tttctacaaa atggttctat ccgactagtt 180
 aatttccaca aaagtgtcta gagaacataa taagggggag aaaaaaaatc tgtgtttcac 240
 aaagccact c 251
 Name: N189 Len: 250 Check: 1DB0
 acaygcact agcactagcc aaagattata ccttgattac attcccaaaa ggcagatatg 60
 ctgcaaacct gcagagattt cacttcagntt ggcacatgga actcaatttc gatcttagta 120
 tatgtggagt ncaanttgct gtgcatttt ttgtccaaat ctactagggt gagggcatat 180
 acatttcttg gctgttatct atccaattct gctgtgaca aacacccaaa catcttaaaa 240
 tatctattata 250
 Name: N19 Len: 255 Check: 3DB
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt ttttggtaaa aatagtttta ttctctttca 60
 aacataaacc atcactcttg gggaaggga gggtggcagg tggccacagg ctcaactgaa 120
 tgggtgggg ggagattaag aagtccaccc cactgctta gctgagataa gattacatcc 180
 ctacacactgt gtataaatat ctctttatat taaaacaatt ttccaggctc caattcactc 240
 tacttcaagc tggga 255
 Name: N190 Len: 250 Check: 252
 accatccaca atctcttttag ttcttccata cattattagg aaaagctcac ctgtttccat 60
 ctactctgt ctctgtatct tgtctccata taagcttttt aggaactgct agctaaccag 120
 gctgaggagt gggttaagaga ggagacaagg cagagttctg tgaactcttt tacagagcat 180
 cctctccagga aatgctgagt ataaatgaac tacaactcct gatcttacag gtgtttttga 240
 actacttttc 250
 Name: N191 Len: 250 Check: 122
 acbagccct gtgcagttta tcagacattc gacatgctg ttttttaagt cttgtggact 60
 gctgtccacc ctattctaaa tttttgaaca tctaaaggaa aatacactcc ccccacttt 120
 ttgatacttt tottactcta gtggtttttt ttaactttt ttaacttttt ttcaattgoc 180
 agcaagggtga taaaactagc caaattgtct tctttttcaa agcnaatca tatacgtgtg 240
 tgcctgtctg 250
 Name: N192 Len: 255 Check: 1DD1
 acgcaaacac cagttaggtat tgttggtaaa actcgtgcat gcacagaaaag atcccaagtt 60
 ccagaaagggt ggggtctgac agtgggttgt ctgtgtgggt aaacaagtga agctaggcag 120
 gtgcaactct tctcttttc totgacgttt ctctctcttc ctctctctct tctctcagac 180
 atgctcttg aacagtgca gtttgcgtc cactctctgg gccgagcct ccttgaagggt 240
 gtgaaagtgg ccttt 255
 Name: N193 Len: 255 Check: 11FE
 acagcacacag gctgtgtgga ttgggtccaca gtccagctgg acacagtggt cacacctcgg 60
 atttctggac ctagtctagg acagacactg tgttttagct gtcaatttgt ttaaggttg 120
 gttttgtgt aacagtgctt atcataccac atgtcagcag ctcttagcat tactgagggc 180
 aaggaggga ggactaacag cacaccagct tggtaapac ataaatatag aagcthaaat 240
 tatcactctt gccag 255
 Name: N194 Len: 250 Check: 1AF
 actcaaaaag ccttggtgct aattcttagg gaggcagggt aattcccaaa ggaattcaat 60
 tcaatattaa aaactaaaag actctacaga cattaggata ctccagaaaa tggacatttt 120
 aaaggtgct acgacacccc gttatgtgac aactctctat aatctgctt tagtccaca 180
 ctcaaaactt agcatcagtc ttttatgacg acaactctac gtggtcccta aaacattgoc 240
 ttaagggttag 250
 Name: N195 Len: 255 Check: 1A04
 acgtttccag gctogagtc agggagaaag acactggtg ttcttaacgt gactgcagcc 60
 agcaactgca gcaggagcag gtccctttac ttccgggtgc ttayagagtc actcagcaag 120
 atagtccaga tcttatctct gtctttgrrt gtctttcaaa atctttaaat ctaaatagct 180
 cacttctgag caaaacctg ctctgtgac aattatcact gcaggaatcc tccattttctg 240
 tagtgtctg tgtga 255
 Name: N196 Len: 255 Check: 26A1

actgggagat gaagctgagc aagaagaaac aagagctata aagctgctg taaagagaa 60
 aqaacctctt gaaaaagctg ttgatattgc atagaaaaag atggggttaa aaattacatc 120
 ttgaatacct caaactgaga gaatgcagaa gagggctgaa cgtttcaatg tgcctgtaa 180
 cttggagagt aagaaggctg ctggggcagc gaggtttgga attctctcag ttccaaacaaa 240
 aggttttatca tctga 255
 Name: N197 Len: 250 Check: 300
 accagtttag gaattcaatt tccgagctaa ggttatctac acggcagtg tgggtgogaag 60
 ggtgatcttg gcccaggag atacaagggt cgtatgacag gattattacg gaaacaagcg 120
 actggagctg gcaggccagc tcttgtctct tctttttgaa gatttctta aaaagttaa 180
 ttcagaaatg aagaagattg cagaccaaagt gatttctaaa caagagcag ccaggtttga 240
 cgttgttaa 255
 Name: N198 Len: 255 Check: 304
 acacaattta atatttatta tatgcatttt atatacatta tttttcaaca gctgtgtgtt 60
 tctctctgtg tacaatttta aaaatttgcg gattcatagt ctgtaaaaa aaaaacctac 120
 aaaaactatc aaaactcgca aactgatcag aaaaggcttt tggaaacta gaaaaaatac 180
 tttattgtct taatcatgca ttacacaaaag aaaattctta gttacacctt aaaagtaagc 240
 acatctaaaa aaata 255
 Name: N199 Len: 250 Check: 183
 acagagtctc ctttaacaat gctgccccca aggaagatct gcccagtgag gcgaggcttc 60
 ttgggtttag agatgtcata ctgcgcgaatg tccccgtgca ggcagttgct gaagttaggg 120
 agcgggtcat ccagggcacag caagatgtcg gtgatcaaac caggcatttc tggcaacatc 180
 agcccttca ctttcttgga gggcaactgg atcaactctt ccactgaaca ggtgcctccc 240
 tcaattctgt 250
 Name: N2 Len: 255 Check: 325
 acaatgcccc aagagtggct ttggggaggc agtaacttag catagggggg gctggtgttg 60
 cogaactgtc ggggattcag tgtggcaaaa tggggagagc gtggctcctg ctggtctctg 120
 cgcagtgtaa atgaaccatc cgtcttctca ggaatttat tcaagtgtctg gccagtgggt 180
 ctcatagggt tcaactctgt caacgggggtg tctgttatat tegtgtgtg ttgatctct 240
 gtttaattcag ggaat 255
 Name: N20 Len: 255 Check: 1469
 acagactgtg acgagataca gtttaaggag gatggctctg gggctccgat gaggtcaaaa 60
 aaaggaaagt caagaagtca ctgcctccta caatgggggc gatggatgtc tgagctccac 120
 attggagcat caggtggctt ccacacaaac gtcttcaaat aaaaacaaga aagtggaggt 180
 gattgacctt accattgaca gttcatcaga tgaagaggag gaagaacccc ctgccaagag 240
 gacctgtctt tccct 255
 Name: N200 Len: 255 Check: 235A
 acttcttgaa actgacttca taacaggagt cattgttaagt tccacagaaa gcaagacgtt 60
 tghatttcag ttcttctctt gaccagcagc actccgagg ccagtgctcc ggtgcctcc 120
 ttgtatctga agcaggggta acagctctgc tgtgggtctg ttccctctta gttattacct 180
 caaggcttgg aaatgtattt tgaagacct tcagtcaaac gaagtaaac aaatgtcaag 240
 aggataaac castg 255
 Name: N201 Len: 255 Check: 607
 acptgcattt aggcacaaatg ttgtagccc agggctctgg tgcataaatc ttacatgctt 60
 cactagaagt atggagcaga aaagcaggcg ttctgtgct ttcccctctt ctttagatgt 120
 gctgtgctt gctgactgc ctttgcctgt gtgacatcac ttagccagag tccccactgc 180
 ttgcttctgt cacttctctt tagacaatat tccagtaagc ttgatctcat aattatgtag 240
 taattctctt agaga 255
 Name: N202 Len: 255 Check: 1E26
 acaatcttac ctttcgctga agagaatgac tgcctagggt gtaaacaaag agctagcctt 60
 ctgagcctct gttgattagc cccaagtaat ccaagctgaa gtaatgtggg cttctgttta 120
 atgataatcg ttaattatct atgatatatg tttcttttcc cgtctgact tctacttcag 180
 tcaattataaa cacagacttg aaatcatact ttaaaattcc aaatgctaa agatgtgcta 240
 aactggaggt aactc 255
 Name: N203 Len: 255 Check: 22A2
 actactgaca tcatgaacaa tctgaactca ttagaaaaa taactcaatg agtttagatct 60
 acaaaacaja aagaacatga agtttttctt gttcatgaga gaaaactgt cagttagcaa 120
 gaagtaaatg ggaactgctt gaatgttctt tcaataaact aggaataaaa gccaggtcca 180
 ttagtgagaa cttggagaat ttacccacac aactgagct gtaaaagaaa cattgtgact 240
 tcaattcagt cgcac 255
 Name: N204 Len: 255 Check: 1F5F
 acacagtttg ttggtcttga cgtattatg gatgaaggag ttgttaaga aagtgttaat 60
 gataccattg atgaagaaga attgatttca cctaaccagga gtttgaggga cagagtagag 120
 gacaattcag taagatcacc aagaaaaata ccttgtttta tggcacaaga acaagtaaga 180

aggtttttaa aaagcaatat tttcaagcgt ttttaattgcag aatttttaaa caaaaaaaag 140
 caatttgaga agaat 155
 Name: N215 Len: 255 Check: 1F8B
 aaccacagttt ttaactgaag gaaccagttt gaacaatctc aattttaacta aaacttgaag 140
 aactaaaaata acaatgcataa gottttajcat tgttttjgoc aaacttggtta aaactgtaat 150
 gaaagaaaca aatgcactgt gatgtggcac caactaatta gcaagcatga ctttttcacc 160
 tgagagt jaa aaaagggaac totaccatgg ottggaagtta aagagacagaa ctcttgacta 240
 caattct jct caaga 255
 Name: N216 Len: 255 Check: 18F3
 acattactga aggaactatga attctttacag tgaagcttca caacagtgc atgggcacac 140
 aggttgattc agaaggacag atggaacggg gacaatgtgc agaaaagcaa tcaagggtta 150
 tgggctgtgg ggtctttctg agatggtttc atgtcagctc ctaaggctc attctacaca 160
 gtaagctaat gctggagcgc aactcccaag atagagcaag ctgtctcata aataatgaag 240
 tctttttctc agga 255
 Name: N217 Len: 255 Check: A5D
 acaacttggg aactacatat gaaaatttta agtcagaaga aatttttgaga gctgtgcttc 140
 ctgagggcca agatgtgacc tctggattca gcagagttgg acatattgca cactggaac 150
 tccagatcca tcaagctggc tccaagcatt taattggcca agttatgggt gacaaaaaac 160
 caggaatcac ctgacagta aataaaacca gcaacattga caataactat cgaaatttcc 240
 aaatggaagt gctgt 255
 Name: N218 Len: 250 Check: B6F
 acaaaagagc aaaatttttac ttcctctgga aatgattgcc tacatgtggc tcccttttc 140
 ttagggttaag tgagaaatac agtgaagtag ctgcttgac agaaagtaag tttctgcttt 150
 acagagaaca ccggtgagtc atagagtcag gggaaggtca ctgggagcac ttggtgtgc 160
 acaggtctgt gagcatctgt cttaaagtc tttgagacac agtaaatgtt aaggaagaca 240
 aagttgagag 250
 Name: N219 Len: 238 Check: 93C
 acaaaatttg aatcattgca aatacattta gottctgaaa ctccctggcc aaatgctgcc 140
 ttgctagaa catcgtaaaag ttccttcagc catcatcaga ttccaattcc tgggaagcct 150
 ctccagatga gctgctccgg tggatccgc catcactctt catactgtgg aaagtctct 160
 tgaatgctc catcatggcg tgcgccagct tcttgccctc cagcttgctc tcacattg 238
 Name: N21 Len: 199 Check: 19CE
 cttatcccca aggggtgctga gaattccaaa gggtatgact ttgaaattaa gtttaactct 140
 gaggtgggtg ccaactgcct tgtcaaatc gggactcaag tgtatgcacc tctcaagaa 150
 ctcttgaatg aaatctaaga agaaattagc tnanctctga ataaaaagat gggctcggag 160
 gatactttac aacgactga 199
 Name: N210 Len: 255 Check: 3AD
 acataagtgt gtattttccat atgcatacag taccacagta aggttaaagg tataaaccag 140
 goatggtaag aaatcagtaa gagtgttaatt acaacatacg gcatactgca agtcatttaa 150
 aaaaacaaatt acttctagaa tttttccta gtatttttag atcacagttg attgtgggca 160
 gcaagatta caaaaagcaa agccacaggt aaggggaatc cactatgttc aaatcccat 240
 tcaagtgaca ttctt 255
 Name: N211 Len: 250 Check: 20F
 acatagtcag pagatgaaac cctctctctc pagctctac ccgagagctg gctctaggcc 140
 tctgttatat gttctattta gctttttata tatgaacctt gatctgtgta tttgaacacc 150
 gtgtgtgtcc aottaccttt gtgcagagct gcacattggc tatgtgtata tgctgtctc 160
 atctagotta tcaagagttc ggcagagag ggaagcctgc ggcagagaat gactctttgt 240
 ggatagtgta 250
 Name: N212 Len: 255 Check: 26F6
 acttcttata ggtaactaat ctccaatgag taccacaca ggaataacca aaatcaaata 140
 atggaaagca agactgacaa agtgtttcac atctgggaat tagataccaa gtcagaagtg 150
 pgggttgaa ggttgcaaaa ggagactgta ggactaagta tattcttgta ataaaaacag 160
 aatatcaac agagtatca totcactct aattctctcc cctcaagaac aatttgaatc 240
 ttttggcat ccaaa 255
 Name: N213 Len: 255 Check: 21F
 actcgagcca cagaaaggtg tatgcaaaa agcaacagag tcaagcttc ctcaaggtg 140
 aaacttggga gcaagacaac ggtgggaaa gcatgttcca ggaacacta aacggaaacg 150
 tctcttcca actggaaaag gtgttctacc aacttcgggc ggcgggaag gagatcgcg 160
 aagcggagt ggggatgata gactttgtct acgtgttccc tagcaacaca gtagatgagg 240
 ggtatctta cggtc 255
 Name: N214 Len: 149 Check: 157
 aactggtcta gtgcacttag ctttttttgt tcttttgttt tgttttgta aacagggttc 140
 cctgtctgg aactcgtct atagatcagg ctggtttcaa actaagagag atctgcctcc 150

aaaatggtttt	gggttaaagga	gtgtgctag			140
Name: N215	Len: 255	Check: ED3			
acccttggggg	tgtgggtgcag	gttgagaaag	aaaaccactg	tgatttttgtg	aagctgaggg 60
agatgctgat	oogagtgaac	atggaggaac	tgogagagca	gaogcacact	cgccactacg 120
agctgtatcg	qogotgtaag	ctogaggaja	tgggttcaa	ggacactgac	cctgacagca 180
agcctttag	tctocaggag	acatatgaag	caaagaggaa	tgagtctctg	ggagagctgc 240
agaagaagg	ggagg				255
Name: N216	Len: 255	Check: 43A			
actgagatga	aaagtgtott	aacttttagt	attccaaagc	cagctttaac	ctggaacagc 60
aacacacac	ataaaatcca	gaacaagttc	tcttgttagg	aactttccat	atgttatgat 120
ctggtaaaa	gttgatagtt	gttacatata	agtttccatt	tctccattag	aaaattaggt 180
aattgatgga	tcttttgaac	agaagcatca	ctacttatta	aaaagttaga	tatatataga 240
atgcttttaa	ggcaa				255
Name: N217	Len: 255	Check: DF7			
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttogg	gttggggacc	gaagtgtctt 60
accactgagc	taaatccccc	acccctcacc	gttacatttt	gttgggagca	tcagtgcgtt 120
gcttgaggg	cttgctata	gagtctgttg	tcattctgtt	ggccaaacag	tattcctttt 180
gttggaacaa	ctgcattttc	catctctctg	tgggtgtgat	gaggtgtgag	tcctggatgt 240
aagtggagag	agtoo				255
Name: N218	Len: 250	Check: AEE			
acaaacagtg	ctgcagacac	actgtatagt	tggactctct	ggcaatccca	attgcctcct 60
gcagggcgag	ctctgcctgt	tgatagtggc	cgaagcggca	gtgcagggga	gccaggttga 120
gagcggcgt	tccttaggct	cgccacatac	cttcttcccc	attacttttg	ccctctgtct 180
cagtgaat	caggcggta	aaataatgua	ggaggtctgt	cgttgagctg	aaaacatctt 240
gaacacggag					250
Name: N219	Len: 255	Check: 224A			
actgcccacc	cccaggagct	gcccacatgt	caggctactg	tgttctaacc	aaatagaaa 60
agagctctac	acttcagttc	cacaaaccct	cttggccctc	actgagccct	gccaaagtct 120
cactctgccc	tacatgtatt	cccttttcc	acgagccctc	cactctgcag	acttacagaa 180
ggccgggata	tggtttgtgc	tccttccctg	cgggcctttac	ataaagtgt	cagaatcaga 240
gatccttgca	ctgag				255
Name: N220	Len: 255	Check: 33B			
actggcacat	gagacotaga	gcaggaccaa	cttctccacac	atagtacagt	ggaaaagaaa 60
gtgccttgaa	agttcctccc	tcacctacac	agtagctgtc	atgtogagac	ctgccagagc 120
gagacacatt	ctcaagtga	tcctggcttc	ttggaaagcc	ttgcctagac	gagacacagt 180
gcattaaaa	aacttttggg	ggacagggtat	gtttttcttg	cagctgcagt	tgttaaggtct 240
tggcaagag	agcag				255
Name: N220	Len: 255	Check: 25AD			
acagtccag	ctctgctcca	gtctatgtga	cttttgaaa	acctttgtcc	tgtgagctgt 60
gatcatgtgc	agtggaccc	acctgtctcc	acctgcagg	gagctgggta	tcacatttag 120
ccgcacccc	ccatccagca	ctgcacccc	ctgaggacat	taactgggat	ttgatggcca 180
gcaacttgta	tgagatccat	taagtggccc	tggcagagca	gccacaccca	gttgcaaatc 240
tgggcacatg	aggg				255
Name: N221	Len: 255	Check: 4CE			
actgtctgtg	gcagaagctc	tcacaaagct	agaactacac	cttggggcag	ttcccagggt 60
gggatgttcc	ccctggcttc	accacacact	acttacccct	ttctccactt	tcagagacag 120
cagtctccca	cagggaactg	tagaacagct	agaaagggct	gtagtccagc	ccctggctgt 180
gtctccagca	gagatgacag	ttctgtgaac	cttgcacagt	cttcccccac	tgacatggaa 240
aagtgttgga	cttgg				255
Name: N222	Len: 255	Check: 102D			
actcttaagg	agaacccaag	cttggttcct	agcatcctca	aggtagctca	caactctttg 60
taactgagct	cactgggaat	ctaacccctt	cttctgtctt	ctgtccggcc	caggtgaggt 120
tgatgcagac	aaaaacttta	aaaaaaatgc	tacacatcat	cttcagaaat	agtagaaagta 180
ctctcttatt	tgcaggctgt	tgagctgagt	ctccctgttg	gttgaacttg	taactgactt 240
gggaagttaa	gaagg				255
Name: N223	Len: 255	Check: EDE			
ctgaggttct	gggcgcgcga	caagcagttg	gttgtctctg	tcctcttagg	gttgttggtt 60
agagatctca	gtcatgctct	cagatctctc	acaaagggca	gggaggaata	gatctaaaa 120
ccatgcttcc	cttggagcac	attctaaagt	aatatctgt	gatactggta	acagagggca 180
gactctagct	cttggccatg	gaaacaaat	ggccgggtgc	tcctctgtct	gtttctggac 240
tgcactagc	cagtg				255
Name: N224	Len: 255	Check: 129F			
actgggtggt	tttaattttt	agcccacaaa	tcacaaactc	gtgtctctca	ctttgtctag 60

ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	121
ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	122
ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	123
ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	124
ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	ttgcccaga	125
Name: N125 Len: 251 Check: 1B39						
acaaagtag	ggttcagttt	ctgactaata	ggttcagaa	ttctgttgca	cacaggcagg	60
aggtatgca	aggttcgaca	ccagaaacac	atpactttga	ccatcagtcg	aggttcgccc	120
aggtatgca	aggttcgaca	ccagaaacac	atpactttga	ccatcagtcg	aggttcgccc	121
aggtatgca	aggttcgaca	ccagaaacac	atpactttga	ccatcagtcg	aggttcgccc	122
aggtatgca	aggttcgaca	ccagaaacac	atpactttga	ccatcagtcg	aggttcgccc	123
aggtatgca	aggttcgaca	ccagaaacac	atpactttga	ccatcagtcg	aggttcgccc	124
aggtatgca	aggttcgaca	ccagaaacac	atpactttga	ccatcagtcg	aggttcgccc	125
Name: N126 Len: 255 Check: 1C01						
actgggaaa	aacattccac	atacaactga	gacatattct	tgcttactga	aactcaaaac	60
taattcttaa	tgcttctaaa	ataaatgttc	ttaaaaatct	tggtttacgg	gggtggggat	120
ttagctcagt	ggttagaggg	ttgcttagca	agcacagggc	ccgtgggttc	gtccccagct	121
ccgaaaaata	gaaaagaaaa	aaaaattgtg	ttactcaact	ttaaatgtta	aacagtaatt	122
ttgacgaata	atttgt					123
Name: N127 Len: 255 Check: 1413						
acagagctaa	ttctatttaag	aagataaaac	aattttattat	aaatttataa	atattcttcc	60
taaccccgag	aggaacacac	ttgaatttga	acatattatg	tagtttccag	catattaaag	120
acatcagcaa	gacacgggat	tgatatttta	actttttaaa	actattaaaa	ccaatttaac	121
acagagctaa	tttgcctctc	ttgcaagact	acctggaagg	aatacatgtc	tccttgcttg	122
tcattgacac	agatg					123
Name: N128 Len: 251 Check: 14C5						
actcatctac	cttcaacagc	actttccgta	actcctcgaa	gtagacaggg	aaatctgctt	60
ctacctgaag	gtcttccata	gcacaaaaag	atgccatcga	ctggatgata	tcaccagcaa	120
gatcaatata	atcagatttc	acgtgcatct	caccacttgg	tttcaatttt	atgttagagct	121
ggccacagct	ggttaaggac	gtgaaacaga	cgtgaaacgg	gggtttctga	atgttactgt	122
ttcttggaac	c					123
Name: N129 Len: 255 Check: 1C10						
acggattcac	ctccttccgg	ctgtggtgtg	cacaggatcc	acgttgggaa	ttcattccac	60
gtgggaacta	aggcgtaagg	cgacggggtc	ttctgtttct	gctgcgttca	ccataaacac	120
cggtttattg	ctcagcccac	actgaagtat	ttgtttgcct	tcatttaaag	aacatcccac	121
ttcacagctc	ttcacagatg	ggcagctccc	aggcgctctc	cgttttgtct	cagctctgac	122
aggagcagat	tcac					123
Name: N130 Len: 255 Check: 18B9						
acacgcacaaa	cacatcaaaa	agtgatcaag	gagttgcaaa	acagaaaagt	aacacagtgg	60
tagatgcaac	cagagtgaag	cgctgggtcaa	agacccctgt	caaaatgaca	tacctcttag	120
aaggttcagc	tgatttcacg	gagcaatttg	aaacaccaga	tttcaaagat	gaacccatag	121
gtgatgatga	aactaaagtc	ctttgcaaat	ccccacaacc	caaaacagag	aacctcaagg	122
caagcgcaaa	gccac					123
Name: N131 Len: 255 Check: 1C2E						
acgaggacct	gggttagatt	tttgtgtctt	gtctttctct	actttttttt	ctttttgttt	60
ttttcttttt	gaaccagcca	ctttataaga	agatgattta	ccatattgaa	atgctcattc	120
cttcaggaaa	actaatatct	ctatcttctc	ctatttttgt	ggaaatacaa	aatgggttgt	121
ttaacataga	gggtatattt	ttgaagatgt	aattgttttt	tgttttgttt	tgttttgttt	122
taactaatct	tgtag					123
Name: N132 Len: 255 Check: 18C1						
aogcaattac	totagacac	actaaacat	ttcagtgacc	ttgaggggca	agcaatgtcc	60
ccctggtaag	aggtcttggg	ctgggtgcgt	tttcagagca	gagccactgc	aggtaaaactg	120
tgcccgaggc	ccaggccttg	gcagagccct	ccctgtggaa	gcaataacta	gtttctgtga	121
gagaaactga	gggggagag	ccgggcacgt	agccagactg	ggccacagcc	tgcatctcta	122
tcctgtgtgc	ccctc					123
Name: N133 Len: 251 Check: 1877						
acaaaaatatt	tagtaaatag	ctttgcockt	cacagtgggc	actttctgaa	aaataaatct	60
tgtaaatgtg	cttagaagca	agaatctatt	taagacccca	gtcaataaac	caagttcttg	120
gtgaatgaag	ttacctgggg	acaaacagat	ttaaaagtta	gggtttgtga	agccaccttc	121
atattctctc	tggttgctgt	tgctttgctt	ttagagaggt	cactggactt	actatgttgc	122
tgagactgac	c					123
Name: N134 Len: 255 Check: 72F						
acatgataag	gaattctgaa	ttcttagaat	tgactatctc	agatcatatt	tgctgagaaa	60
attctctagt	gtctctttta	cagtgaat	aactcctaag	ccctggatat	ttttagaagt	120
cttttaactt	tacacaaaata	atgaaatcat	ttttttttta	aattcaaaagt	gtctcaccct	121
acttgtaaat	ttgcccccaa	ggaaaagtgt	ttttaaaaaa	aaaaaaaaag	gatacttgta	122

1441
Name: N234 Len: 255 Check: 1441
CNATONCANO NANGACATCO TTNCNNAGAG GGNCCNGAAN GNGNCCANON NNCTCCATAN 60
NCCNTTNCNTN CNNCNTNTNC NCHTACCTNA NNCCNGCHCN TTTTNGGAAN CCCCCTTTCN 120
CGNNAAAAT TTNGGAAAN CCHNTTCTCA CNATACGGCG AGNNSAGGCG CTCTAGCATG 140
CATGCTGAG CGGCCGCCAG TGTGATGGAT ATCTGAGAA TTCGCTTTC NAGCGGCCCGC 240
CCGGCAAT ACCT
Name: N235 Len: 255 Check: 161
gtgagjara totgagaat togttttago gtggtagggg cggaggtact totaacwrwg 60
gggtgajro aaagoraaga acawgggnnn mtinnnnnnn nnnnnnnnn ccaatcccat 120
ataataraa ygcagggott tgottataaa cagacttett tccaccacgg ttgttgaaqt 140
tttgaaaro tggaaagggg aaawcwhhn wattgggtgc tgaccaatgt cktctgctgg 240
ctgtgctra agacm 255
Name: N236 Len: 255 Check: 3E1
caatgtttac agatgggtga cgtttgcaat gccataggga atggtgagac tatgtttacca 60
gacotttaya tttatgagta ggtgggttga gtttaagcta tgagaggato tgttgagcct 120
tttaaggata agotggttaag agttccgaga caggtgggtg gtttagagtga tttcctagac 140
ctcaatggg tctttctgtt gacagttett catgggttca agcagatado atatgcttto 240
tttagaggag ctgco 255
Name: N237 Len: 254 Check: 1E46
ttttttttt tttttttta aaatattctg ctgttktca cagaaaaaat accattnaon 60
canagnnccn ancaangncc taagttttty aatggcanca cnattataaa ggntacaaat 120
gacotaaag gaacaanaaa aaahhgtgtt attnnnggoc cnnnnnnnnn cttagagtttc 140
taaatgtca gtaagcagtg aaaggtgtg gattaaactac ttggtaatgg ccaggaaaaat 240
acgatgaaga tggg 254
Name: N238 Len: 241 Check: 188
aaaagggaatg cttctccctg tatgacaagc agcaaaaggg gaagattaag gccacagatc 60
tctgtgtgc catgaggtgc ctggggggcca gccccacacc tggggaagtg cagcggcacc 120
tgcagactca tgggaatagac aagaacggag aactggattt ctccaccttc ctgaacatta 140
tgcacatgoc aatcaagcaa gaggacccaa gaaagaatcc ttctggcatg ctgattacag 240
a 241
Name: N239 Len: 255 Check: 1552
cttccctgaa ctactttcag aggccttgta actcaggagt gccaccaacc gtgottgaac 60
ccccaggtat aaatgtgttt tcaggcatac tgcagaaagt aactatcata aattcctaatt 120
agctggaaac caacatttcc taaagactaa aatttgtttc aaataaataa atgagcaaaag 140
tcaggttaata accttttcaa aggtggagtt tggtagtett gagtataact acctattcct 240
gagttctctg gatac 255
Name: N240 Len: 255 Check: 2422
cgtcaagtgc gcaaaagaca acgaanggy cccgggnccc nnnnggataa aaatgcygt 60
gtttctyctc gtggccgggt tttttgttt ttgtctann nnnnnannga aannannnaa 120
ngaaaacccn tcaataattt ttctwwanac actaaaatat ccaacygmag aaatcatttc 140
ggcacatccc gactccgat ctccctgttt ttaataactg tagaaaagca tctgtgtcca 240
ctgttgaggcc gaaga 255
Name: N241 Len: 255 Check: 1D91
acacggtggc acacatacta gcatagattt gottcaacta agccccacgg ggagatgcac 60
ttcatatcaa atttctttt tggttccttt gagggagaag gattctgttg gacttacaaa 120
gggtctatgt atatgcagaa agccttccca tcatgttga ttgtgacccg tggcaagcca 140
tcatcagtag gaaaacaaaa caaaacaaaa caacccaaaa aatgaacaaa aaaccgaggt 240
tagtttaaaa totaa 255
Name: N242 Len: 255 Check: 1CBA
cttatgata agtggatatt agcccataag ctgggaatc ccaagatata attacagacc 60
atataaggt caagaagaag aagacaaaa gtgtgaattt ttcagtttt cttagaaggg 120
ggaaacaaat actcacagga ggaaaaatgg agataatgt tgaacacagag actgaaggaa 140
aggcatcca gagattgcca cacatggggg tcatcccaa atgtagtcac ctaacccagt 240
cactattggg gaggc 255
Name: N242 Len: 255 Check: 2173
acttttaag gaaggagaaa gajaatgcac cctgatccaa aaaatattgc ctattttatat 60
attagaaag atttatgaaa cacattccaa atcaaatgtt gctatggaaa caacagactt 120
aagttagaa gcacaaaagtc ctgaagcacc cgtatttatt ttaatcagga aaatgatat 140
atttatatat gcatatgcac atatatatt tgajaa jaaa taaaggcaaa attctaaact 240
caatcaaggt ttgta 255
Name: N243 Len: 255 Check: 1BF
acaaaacact tctttcatgg actactttga taagcaggac ttcaagaaca agagtcatga 60

aattgagatgt	ataagagtgt	atagagctgt	tcttatgtta	aaacaggtaa	tttctgaaaa		181
cttgagagatgt	cctcaagatgt	gagaacttga	ttttttaaaa	aattotaagt	tapaagaact		182
acagatgggt	ctaaaaagoc	tggaccoccat	gatggaaoca	gaaatagaag	aactgatatc		240
aagatabagt	gcgaa						185
Name: N244		Len: 255	Check: 1DE7				
aotttaagga	aatttatgta	gcatttactc	atccatcggt	tatccggccc	ctttctatta		60
cccaggcata	agtgaacato	agcaaaaaaa	aaagtatatc	ttgtgaagtc	tactttctca		120
gatacttttt	tnaaaactatg	ccatttataa	atagtatatc	tctagggttg	agttagttag		180
atttatctag	huaggctaca	gtccccaaag	agctaccata	aattattttg	aagctatttc		240
ttttcacctt	aagat						255
Name: N245		Len: 255	Check: 162E				
aotgcarccc	ccccctaac	ctcagagtgt	ctcactttcta	cacogagctc	ctcactcaca		60
cttggaacccc	aygggaatagg	atgggttttt	caattagaaa	agactatat	atccacacac		120
ccatatatat	aaotTTTTTg	tttttaacct	ttaaatataa	aaataactact	ctgcttttgag		180
ttataaatgg	aggaccaaga	aaotTTTTTc	ttcttttaca	gtaggggocat	ttgtcagggtg		240
aaotgttgtt	catga						255
Name: N246		Len: 255	Check: 1B3C				
acaattttag	aataaatttat	gaattatttc	taaaaaatata	caaattgaaa	gtgaaaaactg		60
aagttctttt	gtattgcata	gtagttcaga	ttctctgttg	aaaccataag	gotattttgt		120
ctacttttga	tgaataacttc	agacttgta	ttcagagcca	agcagtaact	aaaatgttga		180
cottgctttt	cagagataag	agttcttaat	tatatgcctt	taagtgttto	ctttctaggtc		240
ttccacccaag	tgttt						255
Name: N247		Len: 255	Check: 1E17				
gotttagcgtg	gtcgcggcgcg	aggtacctgt	ggtgtttgat	atatagatga	cagtttagacg		60
cttactagtt	ctagccttca	aagyaggttag	acottgggtt	tcactctata	aattttctggt		120
ggtgggtata	actcctaaat	gtatgtttgt	atggtattta	tcaactaaat	agcagtagaa		180
atagagatgc	aattccttta	gtacctgcc	ggcgcgccgcg	tcgaaagccg	aattccagca		240
caotgggtgc	cgtta						255
Name: N248		Len: 255	Check: 1F64				
nntagnaagt	nannctcggg	cctctctnng	agcaogcttn	agcggccgcgc	agtgtgatgg		60
atatctgcag	aattcggctt	agcgtgggtg	cgcccgaggt	actaatcagc	cttgaacatg		120
gtttacagct	ttctccttcc	gagcagttct	tttcagagaa	gaaatcagtt	ttgatctttt		180
atagtccgtg	cttggtgaaa	acaagctttt	cttttcccc	aatgatgaag	cttcactttt		240
gaagtgttga	agctg						255
Name: N249		Len: 255	Check: 1747				
acnctactan	ntagnaogtn	antctctctc	gagnccactn	ntactatagg	gcgaattggg		60
cctctatagat	gcattgtcga	ggcgccgcga	gtgtgatgga	tatctgcaga	attcggctta		120
gggtgggtgc	ggccgaggtc	caagcttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttagga		180
tcacagatac	netgtttatt	caaataaagc	aagggaacaa	aaggggcgnct	ttottaaaact		240
ctntntattt	aaag						255
Name: N25		Len: 255	Check: 1C07				
accagaytan	ataagaagtg	agtttttatto	aaattttaatg	caggaatcac	aacatantra		60
cggcttcacat	ttcttcacac	tgatgaattc	ttttgtgtgt	aacacacaaa	ttcacctgtt		120
gggtcttggt	gtataaacat	tctacogaat	gacggttaca	ttctctccat	ctactttgca		180
aaacacgpaac	acctgcgcgc	gcacccattt	tcgctgttaa	tttatgctgt	gatgaactga		240
tgctggcttc	ccac						255
Name: N250		Len: 255	Check: 514				
acncctnnnt	agnaogtnan	gnjctctttt	gaataccact	tctatanggc	naattjgggc		60
ctctngango	angcttgago	ggcgccaggt	gtjatggata	tctgcagaat	toggctttcg		120
agcggtcgcc	cgggcaggtc	ctaaattggt	agttcttgaa	gtctaaactct	gtgctaaacag		180
atctctattt	taaatagaat	acjgtcttca	tttttgataa	gctgtgtgaat	tttaaagaga		240
gtttcttggg	gcac						255
Name: N251		Len: 255	Check: 627				
acaaaigtcc	tttcagajat	caaatggcca	tcctccggag	atgcttcacg	ggtatjgctt		60
tcagtccatc	tcaggttcta	gcctatgggac	caacgttagt	gtctctgtgt	acgtagccac		120
aggtccaggt	tacatgtcat	ggcttaggaa	aataactggca	ttctgttttc	tgtgaaataa		180
gccttacott	gtgcattcaa	gcacaaaggga	aaaaacaggca	aaagaaaaaa	gggggatjgg		240
gagaaaagoc	tgtct						255
Name: N252		Len: 255	Check: 13				
acncctnnnt	agnaogtnan	gtngtctcag	neganannnn	cnnnacnnt	cncnctncc		60
cnctnctccc	nncnctncc	anattcttcc					

Name: N253 Len: 155 Check: 2130
 aaccccttnt agnacgtnt tntctogaan pcccttntnt aannccctng aagncacnt 60
 ntccctntan ggogaattgg gccctctag tgcattgctg agcgcccgcc agtgatgag 120
 atntctgag aattcggtt tngagcgcc gccngggcag gtgcttcaga antcaccagg 180
 acttcacttt taggaaaaac cttgtggca ccaaggaccg gcacacacag atccaggagg 240
 aactgcagac aaatg 255

Name: N254 Len: 155 Check: 2337
 nntagnrnt nannctcttt gaanccttt ngnaannccn tngnccctt tgaacncttt 60
 agngnggnc gtgtgatgga tatctgcaga attcggttt cgagcgcccg ccngggcagg 120
 tcttcagaa ctccaccagg cttcacttt aggaaaaac ttgtggcag cagggaccgg 180
 cccacataga tccaggagga actgcagaca aatggagata caaacagtcc cagggacagc 240
 aacagtccac ccato 255

Name: N255 Len: 155 Check: 1683
 tttntaaggc cnattgggccc ctctttanno annctntago gngcgccagt gtgatggata 60
 tctgcagaa tggcttttgg agcgcccgcc cgggcaggta caagtgtgtg ctaaaaagtga 120
 gtcttagaac ccagataact tgctactcat attacaaagt tgacatattt ggctaaaaatc 180
 agtctgaaga tctttattca ctgagaacta tgggtattaa aaccaagctg ttgacgaaaa 240
 tataagttaa aaata 255

Name: N256 Len: 155 Check: DA7
 accttgggga gtgccttct toggtgtgtg agccctggaa gaactctgaa gggcgctcctg 60
 tccgatttgc togtccatgc acacagatgg aagtagtcgc cattggaggg gaggaatgtg 120
 tcttgggtct gaocgacagg tgtoctttt tcatcaacga cactgaggtt gcaccaaata 180
 tcaagtcart tgcagtgtgt gatgaacttc taactggtgac aacccattcc cacacctgcc 240
 aggttctctc totaa 255

Name: N257 Len: 155 Check: C4F
 onccctnta gnacgtntnt ntctcttgn gacnacgtnt cactataggg cgaattgggc 60
 cctctagatg catgctcgag cggcccgccg tggatggat atctgcagaa ttgggcttag 120
 cgtggtcgcg gccaggtac agcccatota gccctcagnt gccagaggga cctctcctac 180
 aaccttataa tgttaagtatg ccttgccctc cgcctccccc accttagtga aaactattgc 240
 cttacaccta gtcac 255

Name: N258 Len: 155 Check: 1A3A
 acaagatccc cactgttatg caattctctg ggtcatorgt atctccacat cttcaagaga 60
 aacccacccc atgaacacgg caccattaag cccctttctg taatggattt caatcacatt 120
 tactgtctag attactcagg caggtgagct gatgctggac acgaacccct cagtaaaagt 180
 cagtttttag caacccctta gttttccttt agacaggtat ccacagtcca taaggacttt 240
 tttcttato tattt 255

Name: N259 Len: 151 Check: 201F
 actctgcttg ttgagaagca gccagtggct gaacctgagt aggtgggtta aagtatctgt 60
 gccctatgac acagacgggt gtaaaaaatc gaagtgtatt ttatcagcta cctggatgtc 120
 agtgcacaca gacgtgcact cttctcatga ctgcaacagt gatcgggag aggaaaaacc 180
 tcaactctgc ctttggctct gtgaactaat tttagttcag attctaagct gtgctcactc 240
 ccattttgaa a 251

Name: N260 Len: 155 Check: 46C
 actcaggaaa acacaaagggt atttgcattt acctttctcg aatcatggga aatatttggg 60
 atgctagctt agttgttgaa agagtattca agagtccaa cagggagatc actgcaattg 120
 aaagcagtgt gccatccag ctgctggagt cagtgctaca ggaactgaag ggtttgcagg 180
 aattcttaga cagaaattct cagttttcag gaggaccact aggaatcca aataccactg 240
 ccaaaagtga gcaga 255

Name: N261 Len: 155 Check: 7AB
 ccgtctcaca agcacatgca gogagacttg atcagtgact agtccctgtc gtgcacatcag 60
 cagctctaac tcttttgggt tccagctctt accggcgga tgagcagcaa atacctccag 120
 atcatgcaa agcgctggga aatactctgc taggcacttc totaccatct caagagccac 180
 tttctaacg ggratcttag tatggaaact gaagagcttc acatagtggc tcagtccggc 240
 cttgtaggcg tcttg 255

Name: N261 Len: 155 Check: CB2
 caggacacac tatagccagc tgcgggggcy ggttgagggc tccagtctct gcacagctcc 60
 agaggcttc caagttaatt ctgaacatgg cttaaaggag agaggccaac attttctaaa 120
 ttgcacaaa tggcttgaaa gtgtaaaaaa cactagattt tcttttaaaa gctaatttgg 180
 ggtgtgtaga gtaagggaa atgtctatat gtattttact caagcaataa aattagaata 240
 aggatcagc tcttg 255

Name: N262 Len: 155 Check: E2D
 accttttagt gaggccctt aaatttgga aagttccatg gacagctaag tttattcttg 60

atcattatc	aggagagaa	aatgaactta	tgagaacaca	attgaaatc	agggaaaga	120
aggcttaagt	tcagtttgc	ctagatttga	ggaaaacatga	ataaaatttg	attagatttc	130
gtaattacat	gggtatttat	tttgaacgca	catgttaatt	tatgcttgct	tactgattga	140
gcatttatga	gcgga					150
Name: N163	Len: 255	Check: 213C				
acacactccc	aaacagttta	acccagttct	gattccaaact	ctgcaagagc	ttttaaacaa	60
gtgcagtaac	tgtctgcagc	agagaaaact	actccaagag	caaaaagcca	aagaaaggaa	120
aaagaaagat	gatgaagggg	caacccctgt	taagaagcgg	cgatagagca	gtgatgagga	180
gcacacgga	gacagctgca	ttggagacat	aaaacacagat	gcagggagcg	tcctgaacccc	240
caatagrac	tcaga					255
Name: N164	Len: 255	Check: 273F				
acagttagga	gcaacgacaa	gaaaaacaaa	ggcgggacag	gctggacaca	gcacgtcttg	60
gccttgagc	tcagcagtg	aogaaagagga	gagctagtga	gcggggggcc	aaggcgccag	120
atgttgaccc	aggaactccc	gaaagccctt	ggctctctgt	ctgaggacct	cttgcaagtg	180
gacacacgg	tttatcttatg	tgaattttcc	ttttccctct	ttctgcccc	cccaaacctt	240
tgaggcatct	gctcc					255
Name: N165	Len: 251	Check: 274				
acatatttca	gtagcatgag	gcctgcagg	gtgtgcatga	gcaagaccat	gatgccaagga	60
ctattctattg	ctaacagaaa	tggtacactt	tgtaaataga	cctcattgag	ccaatcactg	120
aactctttgt	aagcacattt	cccccaaat	ccagtgttta	gacgacagt	gcaataatgt	180
attcatttca	gtagtcagt	gtaaccaggg	agcttgata	ggacattgat	atttaccctg	240
gttgcttgga	a					251
Name: N166	Len: 255	Check: 1443				
accacagaag	aggagattca	agaaatctgc	atagagacac	ttagacttta	taccaggaaa	60
aagcttaact	atgaattgct	ggaaaaggaa	gtagaaaaaa	gaaaagttagc	cttacaggag	120
gccaaagtaa	aggcaaagg	attgaatctt	gatggaactc	cagccctttc	cacttttaggt	180
ggtttttctc	cagcctccaa	accatcatca	ccaagagaa	taaaagctga	agagaaatca	240
ccagtttcca	ttaat					255
Name: N167	Len: 147	Check: 189E				
acacacaaat	actctttctg	ttctgataaa	ccctggatgc	ttgcagtga	cttttctagt	60
gtattttcca	ttttctgttc	gtctgtcttt	aacttaacta	tggtttcttc	atgttgtaac	120
tgccccggcg	gcctctcgag	ccctata				147
Name: N168	Len: 255	Check: 172C				
acaaagaact	cagtgtcttc	cggagcaaga	cacaatggtt	gccacgggga	gaggccaggg	60
cagccaagtc	acccctcttc	agaggggaca	ggctccacca	tcaggttcat	cagtttttga	120
aaataaaaa	aggaccagaa	acagtgtctg	tttggttgct	ggtgctccc	ccaccccaca	180
gcaatctga	agtctgtcca	tcagttcca	agcaaatata	gagcaattcc	aaccaacacc	240
catctttgaa	aaagg					255
Name: N169	Len: 255	Check: 1A47				
acacatatat	ttatatattg	cttgctctcc	cgtctaggtc	atcagttttc	acctttaagc	60
caattattta	aaaagctatt	gcactgtctt	ggtgaacagt	gtgtggggct	tcaataaaaa	120
agggtcttgt	ggtgtcttac	atggttccac	ctcttaactt	ccaactgttt	aaaaaaaaaca	180
aaaaagtcgc	atatcccaag	gcaataaaac	ccacagaatt	cccgaaccaa	tgggcggttg	240
aaaaaggaag	ggagg					255
Name: N17	Len: 255	Check: 20AF				
ATAAAACCA	TCCCTCTGTG	CATCCTCTSC	TTCCCTCAGG	TTGGAAGCCA	GGACTCCTAG	60
TCAGCTAGTC	CTGCGCGCTC	TATCACAAGC	TCCAAGGGAA	GAGCTGCTTG	CGAGAGGCTT	120
TCTAGACCA	CAACCCATGT	TGCAACAAGG	CAGGGCCTGT	TCCGGTCTCT	AOCTCCAGC	180
AGAGTGGACC	AGTTTGAGCC	TCCCTCCATC	ACATACACAC	TGTGTTGCTT	GCAGTAACTG	240
GCAGCTCTGT	TCTTT					255
Name: N170	Len: 255	Check: 20C5				
atttttggtc	acatgacaga	acagaacgaa	ataactaaac	tggtatgaca	ttaacggita	60
ccatgcatct	agagtttcac	atgtaactac	aaacttatit	aaatttcaca	aagtttgcta	120
aacatgacga	ccatctatgt	gtgcactgac	aagcttatgt	taaaaacttt	taagaatact	180
ctccctttta	gattttttca	aagcttttgt	tttgattaca	aaatttcaaa	ggcattaagc	240
aattaagaga	atata					255
Name: N171	Len: 255	Check: 20B				
acctgaaag	gctgaagctg	gggtgttttc	cgacaaatgg	gaatttcacg	gtccctttccc	60
ccccagataa	caatgcctty	tttgtagctg	ccgacaaacc	ctctgggggtg	ccatccagta	120
taagatagag	agctggggcc	ctcccccac	ctgtctatgg	cacatgtcag	agggagagag	180
gcttttttac	ttctaacaca	ttgactgtct	gtctgcagac	tcagattttg	ccatgcaggg	240
gtttcaata	atttg					255
Name: N172	Len: 255	Check: F3E				

taagagatag taggttagga taagagaaaga agggggtttt gttgggggtt tgttagtttt 60
taagaggtttt taaattggaa aggacaattt atttgggtat taaaccttgg tagggcccaag 120
caggagatag gataatattt aattaggtta tttagaatgc catagtcccc tgaattggaaa 180
tgggtacattt gggcatgcta aggttagatat gccaagagcc tggccgggtt tggccatgcca 240
ccaagagagc gctat
Name: N273 Len: 255 Check: 3B1
acacattttg aagtcacccg gaagattaac tcagccgagc aggaaataaa attgctcacc 60
gagtggttga aagatttggg agacagcaca ctacgaaaaca tcagaacagt gagcaggcaa 120
gaagagggag atcttttggg agtagaggcg caggttagct cggatacaaaa agcagttgag 180
aagcttagaag aagagccagc cagcttctta gccagagatg aagatttggc cgataagctt 240
tcacgttacc agccc
Name: N274 Len: 255 Check: 15ED
aaagaatcat ttaattgtgg ggcagaactg gcacagacag aataaataat agtgcttttg 60
ggagagttag gatgaactgg gttaggcaaga aagagcccca gtgtggagct gatcacacag 120
ataacatgga gatgtgcaaa gttgcggagt ccattgacaga aatggcccaa cccaccaga 180
tagctctctt atttggttgt caactacagg gaacagacta ggcccggtga gcacagggtt 240
gggagactgg agaaa
Name: N275 Len: 200 Check: 17A9
acattataca tcacacccaa caatatcaac ttatatatag tatttttcaa aaaaaattag 60
ggcattttct ccacatttca caagcttaac atgtttgctt atttttttcc ttgagtcctt 120
gataaaataa aataattatt aaaccataaa ataacctttt ccacttctaa tcttttgaaa 180
gcacacagga ctttgatgtg
Name: N276 Len: 251 Check: FB7
acatgaaata atactgtgct tccattggat tttcttttcc agtgtgggaa ttgtgaggag 60
tgctgtggat ttgctctctt catagcagtg ttcctgatgg aagtttaacc tctacaaatt 120
tgctgttgac gtagtgtgat tgaaaattgg cctccttaag tgggcctcct attagtcaag 180
attagctggc ttgattgtgt aatctgcaac aaaaaggaca atgtttcctt agtctctgat 240
ggtaggtaga g
Name: N277 Len: 255 Check: 1874
acataaaaaa atatttacag acataaaaaa attaaaaatag acttcagaaa taaacaggac 60
tcacaaaagg atacttaaca ctgaaaagct catactgaca aacatttaaa ttgacagact 120
caagttgata ggcacataat acaaaatttg taaaacgtgt ctacagagct aacactgaag 180
cacatctgtt ttcaagactc cataaaaaat ccagacttca cttgccccaa agtccaatca 240
attttgtctt agcat
Name: N278 Len: 255 Check: 1830
taagtgttgg ctataattgc atagaataca gacgttgctt taactggaag aggttggtat 60
agataacctt gattatcacc cagatggcat ttagaaccac tatggaaaca cccctgggtg 120
ggtctttgag ggtgcctcca gaagaggttt aacagagaag aggggaaggc caccctagac 180
accagttaga ccattccacg gactggggtt ataggctgaa tataaaggta aaagcaacgg 240
agcaccggca ctcac
Name: N279 Len: 255 Check: 126C
accttttatt gaaatgaaaa tttagatgta atatataaa tgctagcgtt tagttcattg 60
cctttgttga gatagtcatt ttaacattta gaattcaaca atattaataa atataatttc 120
gtagcttgct ttcaaaaaaa tgaccattta ctaaggataa aaagattaaa aagggggtgc 180
tgcagagatg gttcaattgt taagtggctc tgagttcaat tccagcactc tacatgggtg 240
ttcaaatca totaa
Name: N280 Len: 255 Check: 1E02
tgcctgtcaa gctgcgggtg attgataccc tgcgtatggt tacagaagga aagatttatg 60
ttgaaattga ggttgccagg ctgactaaaa ccttagcaac tataaaagag caaaatggcg 120
acgtgaagga ggcgcctccc atcctgcagg agttacaggt ggaaacctat ggggtctatg 180
agaaagaagga ggcagtgagg tttattttgg agcagatgag gctctgccta gcctggaagg 240
attacattcg cacac
Name: N281 Len: 255 Check: 2299
acatttggaa ggcagtatgg tcatgggaga tcaacaagca cadcttggtg gggttaacccg 60
ccatgaaata tcactggctt taataattta ctacaactgt tctttttatt cacactgata 120
ggacttgctt ccactgttgc catggaatat gaatatatac aacaaagtgt gcttatata 180
aaaaaaaag aaacctccat atggacaacg ggggggcccc accaatgaca catgcagttt 240
gctaattaca accac
Name: N281 Len: 251 Check: EAD
acacacagta gccactccct accacctctt tcttgaaaag tgaatctttt taagcaggga 60
agctgagcat cagtttactg cagctgtgat tttaacataa cctttctata ttgagccat 120
gggttatgaa gatatgcaaa atcctgttct tttagagcca ataaaaagtt aactgatggt 180
caactactgt ttagaatttt taggtctctt aaacctagc tttttcaggt ctgaaatcat 240

Name: N281 Len: 255 Check: 723
 atttaagcca cattatagaa ataaggcatt tttatctagt aaaaagctta cattccattt 60
 tgagatctat gataaattta gaaatgatt attcatggaa aaatgttagg ttacotgtat 120
 aggtgootat cctaggotta gagagagat agtagacaga gaagttcagg ctgagattgg 180
 gcagaggaag cataggcagc agaaaatgct aagtagttta gatattaagt taatagatcc 240
 tgatataing gctcc 255

Name: N283 Len: 255 Check: 727
 acagcttctt tttttttttt tttttttttt tttttttttt tttttttttt 60
 aataacccgg ttacatttaa cagtcactt atgagctttt ttgtttgtt gttcttttat 120
 tctagcttaa cccaatacac agttttttt acggttcaaa ccaaacagct ttcccatatc 180
 tgagctgctt cacagcttagc acaggtcaca aggagactca ctggctgtcc atagccacca 240
 gacacagcac tgaac 255

Name: N284 Len: 100 Check: 10D4
 acccccaat acaagcaaac cacatggat gctgtaaaat ccattttctgg ggcaaaaagt 60
 ttttttcttt gttctgttt tttgggtgtt tttttttttt 100

Name: N285 Len: 255 Check: 1BA4
 acatgagga cttaaaacgt caatataaaa tgtanaattaa ttcatttaaga aactgaaatt 60
 tatggactct gcacaggtga acaggtagct gtttttaaatg ttttttttt ctatagttaa 120
 tatatactt atttaattgga atcacaggaa aatacaacta tagtttcaaa ggcagctctg 180
 taaactaaca cattatatat gaaaaaacct ttacottttt cccactccaa gagttagctt 240
 taagggtgct aagag 255

Name: N286 Len: 112 Check: 248D
 tttktctgt ttaattctcc atatktttam agtgcaacaa dgttcaamaa actactgaca 60
 gtaataactt aggcagtcac agtaatggga ctctcagaat taaactgctc ag 112

Name: N287 Len: 253 Check: C6F
 actcttccgg agaaccaga tttggttctt agcatctca agyttagctca caactctttg 60
 taaactgagt cactgggaat ctaacctct ctctctgctt ctgctggcac caggtgagtg 120
 tgatggagac aaaaacttta aaaaaaaagc tactctyyct tcagaataaa tagaagtata 180
 taaataaawa maggtctgtt arotgagctt cctgctctgt gactttttaa ctramttggg 240
 aagtaactaa gga 253

Name: N288 Len: 255 Check: 16D
 agcttttttt tttttttttt tttttttttt tttgtttgtt tgttttgctt tgtttttaat 60
 aggcagtcac agattaaagt agtgaaataa aaaataaatg accctagatt gggcaaaaga 120
 aacctcttt atgaagaaga aatttaaatg ctggattnnw aaatttaaaa gacctggcct 180
 tatgggtggg tgtttatcgg taatttaaaa ccaggcgaaq ttggtagtag gcaaattttt 240
 aaaaagtgat agagt 255

Name: N289 Len: 255 Check: 22C4
 acaggaactg agaaccctgg atatagcctt cctccatctc ctccacactt totgcagcgg 60
 tttgatgctt actgatgggt gaggcaaaqa tagcggctcc actctccacc agctgcttgc 120
 agaggtggac actggttgaa gakgoggcac agtgccagyog tctccatcca tcaactgtctg 180
 cagcattcac attgacacca aagtcacgca gaaacttcac gatattggtg tggccagcac 240
 agacagctt gctta 255

Name: N290 Len: 255 Check: DA3
 accagctca acgttagatga ggtgtgtgct agaggtgtgct cactgcagtg tgcaattctt 60
 tctctggcat ttaaagtttag agagttctcc gtcacagatg cagttctttt cccaatatct 120
 ctggtctgga accatgactc agaagaaact gaaggtgttc acgaggtgtt cagtcgggaa 180
 catgctgttc ctctctccaa agtgcctcac ttcttgagaa ggggacctt tgaactataa 240
 gctttctatt ctgac 255

Name: N290 Len: 255 Check: 45A
 accatctat aagacaaata aataattaaa aaatgaaaag acccaagtc accctgtgt 60
 aacagaaqca ctggggagaa gcagcaagt atgaagaaaag tgcagcagcc atcgcttaac 120
 aatatctcac tgcataagga ctgctagact gaaccaatctc tyaactgcata aggcacgcca 180
 gactgaacaa tatctcactg cataaggaact gcagactga acagtatctc actgcataag 240
 gactctaga ctgaa 255

Name: N291 Len: 255 Check: 1E15
 accagaaag acagctctgc ctacaaagtc ctctcatggg cagggttctg tctctgtgtc 60
 agactaggaa tgttaactcc ctgtgttcta ggcacagcat atcttaactt tgcacagaag 120
 cagatgttat ggaagtctc tggagactga agccactgtt cttagtctct tgcacaaatg 180
 aacagact gttatctatt gacaaggaat tcagactcag aacagagaca acaagctatt 240
 tuuwaataa attat 255

Name: N292 Len: 255 Check: 1CB5
 acctgactc aagcgggcta caocttgagt cccattcca cagcctcak aygtgaagca 60

Name	Len	Check	Value			
Name: N273	255	2D9	60			
actgaagawa	agagtttttt	tgacttaaa	gatacgttgt	tttttacaca	gtggatagot	10
tgacagtttg	ttottgatac	tgccatcagg	gaacacotttg	ttttgaatgg	gottcotttg	10
tatgttjya	aacactaaag	aacattggga	tcotatgddc	tggtgggttg	aatgatggtg	10
gattctggga	agtcctetga	tggtggagat	tggtggtaga	catacaaaag	atcactccag	215
tgagccatag	tgact					215
Name: N194	215	2447	60			
acaattcaatg	tatacttaga	gaaaccagg	aaacattttc	tactatattt	taactgaact	100
tgccatagcca	acattttcac	tgagaaatct	atcaaatatg	ctgtaagatt	ctacaaaatt	100
gtgagacata	cctagcttca	ggattatttt	ttatgtthh	tottattttg	gttacacata	215
attctgtccag	attctacagt	aatgctttct	gatgt			215
Name: N295	255	2606	60			
acaagctttt	ttattttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	100
tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	100
agaaaaaaag	gktataatgc	cmaaaaaa	aaaataaaa	ccaaaaaa	traaaaaa	240
ggggaggggg	aaaaacmac	cacgcacac	caggggggg	gctggggg	ggggatttgg	255
attnaggaaa	acmgg					255
Name: N296	255	173	60			
acattcaact	ttacactatt	acatgtcgaa	ccaaagttt	ccacatgggt	ctgtttgcaa	100
agrttatgg	cagtggtatt	cattttctac	aaacaaaa	atggcaactg	tttttggcaa	100
agarattaga	aaaatatgag	cttagagtta	gagacagaa	tcgtgtgggt	aaagcatgga	240
tgcatgyjga	gottccatc	cagaggctcc	cacagttctg	cctttcatgc	agctaaotta	255
agrggtrtt	tsrgc					255
Name: N297	254	1950	60			
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	ggaaagttaa	ctattccott	100
aattttgtaa	gaacactgag	agaaaaagg	agggtatgta	gaatatggat	aaattccott	100
ataaaaacttt	ctttacacaa	cttttagcga	ttaaaygtaa	ahttgatggg	aataargttc	240
acacattttc	ttgttttagta	agggtatcca	tgggggtaac	tttmattttg	acggggagcac	254
ctggtttwgcy	atcc					254
Name: N3	232	814	60			
acttcactccg	ggatgagttt	ctgagaatca	gcactgctag	tgagagatgga	cgtcactact	100
gctacactcca	ctttactcgc	gcctgggaca	ctgaaaacat	cggcgtgtgc	ttcaacgact	100
gcgtgacat	catacagcgc	atgcattctc	gccaatacga	gtgtctctaa	gaagggaacg	232
cccaaattta	attcagcctt	aagcacaatt	aattaagagt	gaaaacgaat	cg	232
Name: N30	255	158E	60			
acattgatca	agaagaactc	aaacaaaaca	agccgatctg	gaacagaaat	cctgatgaca	100
ttacgaatga	agaatacggg	gagttctaca	agagottaac	caacgaactg	gaagaacatt	100
tggaagttaa	gcattttttc	gttgaaggac	aattagaatt	cgggtctctt	ctttttgtcc	240
caagabgggc	tcotttttgat	ctatttgaaa	acagaaaqaa	aaagaacaac	atcaagttgt	255
atggttcgag	agttt					255
Name: N31	251	1B5F	60			
acctgtgtgta	tgacatgtgc	aaagattctg	cctgtttttc	gactatgaag	gagacagacc	100
tgagaggtgt	tgaaacagca	gtccaaaagg	tggttggtat	gcttcagcgc	ccagaccagc	100
tggaataagt	ggagcagtat	cgcagaaggg	aggtctggaa	gaaggcatct	gtggaggcca	240
gggtaaaagg	cgaatccag	ttccaactag	atggcgtccg	cacaggccta	agccaactgc	251
acaatgact g						251
Name: N32	255	F29	60			
acagaggcct	gaagjagta	atgaagccca	cgtcagcagt	caggtttggc	aggaacccaa	100
agtggtgctt	tcctccagtt	atcagccaga	tgatgaggaa	caggatgcag	cgagcaatag	100
caagggagag	aatgctggct	acaaaacagc	ctggcccgcc	actgaggtaa	tacacaccta	240
ctctcatctc	tgctggccag	agagggaaag	gggtggcagc	tattactgca	atcacaagaa	255
ttaatcccat	gacaa					255
Name: N33	255	1BFF	60			
ctctctcttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	aggttttttt	tgatttttgt	100
gcttcacaaa	cagtgggaatt	tgagggagtg	aggygagagc	cttgggggag	ttaaagcacag	100
gacataggtg	gggaataaag	caggatjagg	ctccatnhnc	aactccccaa	ggacaagaca	240
gccaajaaaa	cagtgtgctag	gtgcagcagc	actctcagtg	cgggggcata	ttggotgggc	255
tggtgggata	cctgg					

agatggttga aggtggttga attggttga aggttgaat ggttgaat aa, ggttga
 agatggttga aggttgaat ttattgggaa ggttgaatg ggttgaatg agatggttga
 ggttgaatg ggttgaatg ggttgaatg ggttgaatg ggttgaatg ggttgaatg
 ttatggttga ggttgaatg ggttgaatg ggttgaatg ggttgaatg ggttgaatg
 totataaata ctgaa

Name: N35 Len: 255 Check: 181F
 accgttggg aatataatgt attgtaaggt attttacag tgttctgatt ttggtacgac
 ctggtatattg aaggtatata aggttttgaa ataaaaatta aaaaaaata caaggttggg
 tgaattgggg atgttctgna agatcttgcc agtatttgga gatttgaatg ggttgggac
 taaggttggc tggagtagag gtcttttagc tgttttccc atcttattt ttggttctc
 attttatggc cattg

Name: N36 Len: 255 Check: 5A7
 accgttcttc tagcgggtcag tgttctctat tcttccagtg atgattgcat cgagttaacg
 ccatcaaat tcaacagaga agttattcag agtgatagtc tgttgggtgt agaattttat
 gcacattggt gtgggtcattg ccaaggtta acacacagag ggaagaaag agcaagtcca
 ctgaaagatg ttgttaaagt cgggtcagtc aatgcagata aacatcagtc cctggggaggt
 cagtattggt tccag

Name: N37 Len: 255 Check: 1013
 actagctgtg ttctgcctcc ttggcactt cccctgcata agaagctgcc cgggtgagca
 atgattcag gccgggatca ctttagcagg gtcttccagc cagaatggat accctctctaa
 acagcaggag ggtgtgagtg caggcaatgt agtatgagga agatcagatg ttctgagca
 gggttaaac ctaagcaag gaactcgtt cagtcactg ccgacatta gaaatgaagc
 aatcagagct caaca

Name: N38 Len: 255 Check: 626
 acccattgct cgtattgggt aagatgctta ccgaacaagg caagaaagtc aggtttggaa
 tccacattg tgggggcca atgcttggtc agtttaattg gcttctggcc gaggcaggag
 tgccttatga tattgtgcta gaaatggatg agatcaacag tgatttcca gataccgac
 tgttcttct cattggagct aatgacacc tgaattcagc gggtcaggaa gaccccaatt
 ctattattg aggca

Name: N39 Len: 232 Check: 1015
 actgcattgt gtttgcgca ctttatcttc aagccaggat gaatggagat tgggcaagac
 tottaagacc catgtacag ttggggttg ttgctttatc catatattgt ggctgtctc
 gaggttcttg attacaaaca ccaactggagc gacgtgttaa ntggctcact tcaaggagct
 gttgtggcaa tattagtgt ttgttatgta gctgatttct tcaagaccac ag

Name: N40 Len: 255 Check: 601
 ccaggtctaa agatgatata aatagaggta tgtctgctg catctctgtc acaccaagag
 gactgggag ggatgaggaa gatacctct ttgaatcgtc ttctaaattc aatgtcaagt
 ttccgctgt ggacagtac tctacttctc tacatagcac tccagagacc ccgagcatcc
 ttgctcctc cacacctgag gcagtgtgac aggaacaagt taatgtggaa gttagagaca
 ggcaggaaa cttgg

Name: N41 Len: 255 Check: 226F
 accgtggggc aagtgaagag tgaattgctc cattgggttaa taigtcttcc ttttctttc
 tccagtgttc tagttacatt gatgagaaca gaaacataaa ctatgacctc ggggtttctg
 ttggatagct cgtaatgaag aacggagaaa gaacaacaaa gacatatttt ccagtttttt
 ttctttact taaaacttcc aaaacaatag aaactttgtc tttctaatct tatactttaa
 accgattaaa tottt

Name: N42 Len: 255 Check: 1549
 accagaggg actgctgctc ttttgcctac ttttaactgc ctacttctac atgaggcgaa
 gttgctcttc ctttagggct ctacatgaat tctaaattat gcattagtca tcaaaatggt
 tggctctaac tggtagagaa aggagacacc ttaggatcca tgtaggctca cttttttgt
 gtgtggagga gttgaacttc aaggccacaa ataaacaggg ttgggcttct gtcagatgg
 taacttcat aaaa

Name: N43 Len: 251 Check: 365
 acaagggga ggggtgaa aagacagcca ttggggacta cctaggggaa agggaagago
 tgaactgtc tgtgtccat gctttgttg atctacatga gttacccgac ctcaatctgg
 tcaaggccct cgggaattc ctgtggagct ttgctctccc tggagaggtc bagaaaattg
 atgaatgat ggaggcttt gcccaagat attgcttatg taatcccggt gttctccagt
 ctatgacac c

Name: N43 Len: 255 Check: 2157
 accgtggcca aaggagtctg taacaacttc taaaatactg ttgactctt tgggtttgct
 gaggctgtc agtgatgta aatcctcca gaaaagatct gcttagataa ctaggactaa
 cagtttctga gtaataatcc aattttataa ttgctcttg caaatctgac tgaagctaca
 gggaatggaa attaaagcaa gtgtaaaatg ggtagtctga catttaaaaa aattacataa

agggagggg gagg
 Name: N44 Len: 150 Check: D86
 aacagggagt tggcaagtgc tccggccatt ccagcttcac caccacattg gactgggccc 60
 tgaactcaca attccctgtg tcaaatcccg gggactacga gatccctac tgggtcccat 120
 ctgcccataa gcaagtctgt agtjtggaac ccacacggga catcgagtg gacactata 180
 cctgcacctt gggattccat gtctttggag tgtggcctga gggctcagat ggaacagaca 240
 tcaatgtgt
 Name: N45 Len: 221 Check: 6E
 acatggaggg tatgatgaac gaggccccg gacatataaa ctccaccatg ttctcacta 60
 tjtgtggga gaagctgaac ggcaaggacc ccgaggacgt gatccgcaat gcttttgctt 120
 gttttgatga agaagcccca gggtccatcc acgaagacca cctgggggag ctgtccacca 180
 ccattgggga ccgattccag gatgaggagj tggacagat g 241
 Name: N46 Len: 255 Check: 10AA
 GGCTGGTGGC GGCCSAGGTA CATGGGGGTG GGGATGAAGG TTGGTGGCAC GTGCTTGGCG 60
 AGAACCACTT TAGGCTTGGC CTCTASTCCD CGGTGGASTT GAGTGATGTG ATATCTCTGG 120
 TCTCTTGGC CAGCACTCTC TTCTCCATAA TAGAAGACAT TGTCACGAGT GTCATCTCTT 180
 GGGAGCAGAA GGGCTCTTT GACCTTCTCT TTCTTTCTCA CCAACAGAGG GAGCGCCAGA 240
 AGAAGGGTCA GTAGA 255
 Name: N47 Len: 255 Check: 1FFA
 acactgttag aagatttgta aaatgtaagg tttttttttt ttttttttaa tggctccattc 60
 ctccatggga gctgtgtgct ctgggttag agcgtgggga tgcacagatg ttctttctag 120
 aacatattcg ttgcaacagc taactttgtg ttttcatggt tttttatggt ttgttttggt 180
 ttttgaaaa tgagagaaga gctggagaga tgatttttat gatttttttt tgttttggtt 240
 tttactatth atagc 255
 Name: N48 Len: 255 Check: 2358
 acctggcttc gctagcagtc ttgatccaga caggactgat gtgaaaaggg ttggactctg 60
 ccataattcc tgcjtagcgt atggttagac caccagagag aagtcctgga ataagacact 120
 tgcctccag aggacagttc tggagtgaag ggagtgtgta cccagtataa aaagaaggaa 180
 gaaatgttga aaaagttag aaacgcacat ttaaagagca totgtgaggt tottgatcta 240
 gagaggtcag gtgtg 255
 Name: N49 Len: 255 Check: 10E3
 GCGGCGCGG CAGGTACAGA ACCCAGAGGA AGGAGAGGCT GCTGGGCTTG AGGCCTAGGC 60
 GCTGGAGACA TGTTGGAGTT TCTAGGGGTC TGCAGCAACC TGCGAAAGCT GGGAGATTCC 120
 TTCTTTGAGA CTCCTACATA TAGAAAATG ATGTTTCTGT CTCATTCCAT GCCTCTTTTC 180
 CTGGGCTATT CCTGTAGCGC TTTCTCTGCC ACTGTGTCCA TAAACTTAGG GTTATCCTTG 240
 GAGACTTCTT CTGCT 255
 Name: N50 Len: 255 Check: D4F
 acgtccatat atttgacaaa gaaagttaac atttttttaa taaagatgca aagtatgcaa 60
 aaaaacattaa tactgatgca aaaaaaaa gagttaaaagt aaagaaaaaa aaaaacaaaa 120
 caaaaacaaa agaaggcaga ggaagctgtc taaacgctcc tgggctgtc ggaatgggtg 180
 taacaatgat atgaaatggg atctgtgggg aagggggctt taaaagaaaa caaaatttgc 240
 tgccttaaaa aaaaa 255
 Name: N51 Len: 255 Check: 2F0
 acagcagctt aaaaaagggc aagaaatgca gcaagaccaa gaaatcccca gaaccagtc 60
 gtttcactta tgcaggatgc tccagtgtga agaaataccg gcccaaatat tgggctctct 120
 gctggagagg ccggtgtctg aacactctgc agaccaggac cgtgaagatg cgtttccggt 180
 gcaagatgg ccagatgttc taaagaacg tcatgatgat tcatctctgc aagtgttaact 240
 acaactgccc gcac 255
 Name: N52 Len: 255 Check: 1E91
 accatccctg aaagtgtcgg gtattccctg ctccctctgg caccatttgg aggcacatc 60
 ggatggatgt tggagtggga gcaagatggg ttcaagaatg ggttttagcat caccaggggt 120
 gagttacca gacagctga ggtgaccttc tggggcacc caggcaagct gatccctgaag 180
 cagcagttta ggtgtattga tjaicattga caactgacca tcaacacgga gctagaaggc 240
 caggtgccc agatt 255
 Name: N53 Len: 250 Check: 214
 actgaatacc ctgaagcaga acagggcacc caactgtcac catttaagag ggaagtctca 60
 aaacatctcg cggggcgatg cttggagaag ctgtaaagt agctgaagct gagaacttga 120
 ctccagagca gaaggctaa ggtjaatg accactaga aatggagggt ctgctaact 180
 caatgggtg tggattgacc ttggtagaga gacactgtt ggcttgggct ggaaggaaag 240
 attractct 250
 Name: N54 Len: 255 Check: 56
 acctgtcttt ctccctggcat ctccactctt ccaggagctt cactcttagtg tgcgttctgt 60
 caatgtgctg tagtgaacaa ctgtcaagtc taaactgtct cgaaaacagt gtctgagatt 120

jgagggatg tttatgaca atgacacacag gttctcaatt aggtggggtg tttctccaa 141
 gagaggttat gaaacacagat ttaaattaat gngctattgt aattctttta gttctctaac 142
 agaagaaaaat gagat 143
 Name: N54 Len: 255 Check: 54F
 acggcagcaa atctttattct gtttggttttg caataaagga agtgaggggtg gctggcttagc 60
 cagggcagga aggcacacac tttcactttct aggaatgctt taagagacac taaagggcac 120
 ctgggggag gaggcagta tccgggttggc agaggajcag aggcaggtct gaatgaaacc 180
 tttctgggtt cagctgtgag gatacacac gaaaagcatg tgaatttagg gggaacactg 240
 agctggccct gctgg 255
 Name: N55 Len: 255 Check: 414
 aacagacccg ctatctggag gaggggccc tggccttgcg gcagngngcc atggaggaaa 60
 actgctctctc agcctccgct gtgcacaccc atcccaccag aggcacccgt cgcctttctac 120
 gctctctctc ccagatccac aacaatggcc aattctgact ccgcaccaag aatggccgcc 180
 atgcattgat ttggcatgac tggcacaggc actaccacag catggaagta ttcacttact 240
 atgacctctc gaggc 255
 Name: N56 Len: 255 Check: F5A
 accctgctgg cgggcacagat ggaccttctg aatgaaatto cctttaccta cgagcagctc 60
 agcatcttca agcacaaact ggacaagac taccacaaag gctatccga gtccttgatc 120
 aagcagctgg gccacttctt cagatacgtt agccttgagg acatccggca gtggaatgtg 180
 acttccaccg acacagtcaa tactctgctt aaagtcagca aaggacaaaa gatggatgct 240
 caggtgattg ccttg 255
 Name: N57 Len: 255 Check: A92
 acttggaaga gotttgagca ttttagctac aacttttcat gcagctccaa gacagaatag 60
 aagctagcag ttaggtttcc atgcacttct gtgtcattac attgaaaatg gtttgtctta 120
 aggttttagc actgggcaaa taaaactact agcaagaatg aagttatagt gtgaaaagct 180
 ttaaacttgg taggtctagg gttagtgaaa agagtcttca ccassaatat aggcagaaga 240
 aaagtcatag tttga 255
 Name: N58 Len: 250 Check: 12F3
 acggcccgctc agaacagggc cagctcagca gccagccag tccgatttga tgcctccaaa 60
 cttcacactc ttcagacttt ggtttcccaa cttcaggtaa taagcaccct tgaagaaata 120
 gctgtgacca ccaccccgca ggtccacgac tgcctccagg ttatccaggga tggcattcca 180
 ggagtctggc atgagcttgc ggaaaccggg gtccatttcc tttcttactt cattgtatct 240
 ccagaacttg 250
 Name: N59 Len: 255 Check: 1D9
 accaaggatc aaagactgag acacacagtg ctccaggccgg cagaggggag gggtatggca 60
 gggacccctg ccgcctctgc cctctagacc cactaccatg tttagggaat atgggggtgg 120
 gggggcagaa tccactagc cgtgaaccca cttggatgat tgatgttcta ttcattctgt 180
 ttcagggaag ggtatgtcaa gctggaccag totgaaccct cagaggcttt tcaattggcc 240
 acagggggtc ctgtc 255
 Name: N6 Len: 255 Check: 114E
 acatggaaia cgtctgtgga aatttctctc taggttgggg gctccaaaaca gaacctacaa 60
 cacacagcag tatactnaact gcagaaatgc caactagaag caatggcctc tggcagggtg 120
 gctctatgaa atggcacaac aatatgaat gtaaaaggac agtgaggaaa ctttacttcc 180
 aaaaaggga gccacagtag aatggttata ttattctgac acattagaag caggaattgc 240
 agtttcaagc actca 255
 Name: N60 Len: 255 Check: 216B
 acactgtgag aagctgggtg ttaatttcta tgaccttgg caggaatgtt acaacactgc 60
 ctgacaggtt cattagaaaa caatggaagc aaaaggttaa gactgattac tactcttctc 120
 catgtattgg gcaagaaact gtaacagaat ggggaggaaa ataagtaacg cttcaaaaag 180
 tgatcatctt taccagatca caagctagac tgaatttccc attagagtea gttctcaata 240
 acaatttato aagat 255
 Name: N61 Len: 255 Check: 162E
 accactgtga gggaactgtt ttgcacgaa agcatccatg atgaagtgtt agacagactg 60
 aaaaatgctt actacagat cgtgttgggg aacccctggg accccaatat cctctatgga 120
 ccgtctccca ccaaacaggc ggtgagcatg tttgtgcaag cgttgggaag agbaaagaaa 180
 gaaggaggca cgggtgtcta tgggggcaag gtcattggac accctggcaa ttatgtggaa 240
 ccacacattg tgaat 255
 Name: N62 Len: 255 Check: 2534
 acagpatggc tgatatcaga gcagttttta acggtctcta tgcctataag gaaagtgcag 60
 accatctgtg ggtgtaatat gatggaagga taccttatcc ccgacccgga acgtgtccca 120
 gcaaaaacta tgatccactg atraagtcca ccgagactt ccagatgat gttatcagtt 180
 tcaataaggc gcacccgggtg atgtataagt cgtgttatcc agtggccgga gcacccacct 240
 tcaagagaat taagc 255

Name: N63 Len: 255 Check: 1615
 accatatacct accagggggcc cagaccccat tggggcagga ggaactagtt tgaagagato 60
 cataaagtcc gactgagggg ctgcagngg nccgngggg gacatonggg cnggaggncc 120
 tgaggcaag atacttgaag caagcaggtc gttngctgaa gaactgacaaa aggaaggagg 180
 gagaagagtt attcagcaag agggaaaaa cagattctgt ctcaactcta ctaacaaccc 240
 aaagctaaac gocat 255

Name: N64 Len: 255 Check: 2138
 aggtactcaa atcagtcacg gacacaggac tggcacaagc taaaaaacag ctggaaaaact 60
 ggtacttcaa gacttagggc ggtggttaaa atccacatac cggagtcagg aagattccaa 120
 ttcaaaagaa aaggaatatg cagaggcccc ttggcagtg gtcctgcctt ccacagcagg 180
 ggaggaaac caagaaaaa gctgccacat cctccaccca gtcccacccg tcccccttga 240
 cagcagact cagtg 255

Name: N65 Len: 250 Check: 885
 acccaggcta tacatgaact tggccctagc caggactgac ataactttcc tggctcctat 60
 cagtgcaact gcccagatgg ttacgaaaa attgggcccg aatgtgtaga catagatgag 120
 tctgctaac gctactgaca gcaacgatgc gtgaactgac caggctcttt ccgatgccag 180
 tctgagcccg gcttcagtt gggacctaac aacgctctt gtgtggatgt gaacgagtgt 240
 gacatggag 250

Name: N66 Len: 255 Check: 1420
 accaagcttt tttttttttt ttttttttt ttggatggct atcaagtgcg ttttattgaa 60
 tccatttggg atagatgagt gttacacctg cgtgtgggga ggggcagagg ggcaaggagg 120
 gatacagctg cagatggtgg agcagctcag gatcagaaac cagaatcttc tatcaagtct 180
 ggagacaggg agcattaaag gcaatgatga cagacagtaac aatagtgata atgaccatga 240
 ggatgctgag gacca 255

Name: N67 Len: 254 Check: 1950
 actgggcttc accacatcca gttactccga tccaaactat ggctacgaga acaaagcgct 60
 gatcccttgt ggaggctaca gtgtggtaga tctcaccact tttataggct ctaaggcccc 120
 tattccaggt acccaggaga ccaatagttc caagaccccc tccctctttc cctgtgcttc 180
 aggggcttc agcagcttcc ggtgggtcat ccgccccctc taactacca actccactga 240
 caccgagtag atgg 254

Name: N68 Len: 255 Check: 1075
 acacgaaaa acgcccagga gagtattaag acattgcttt gctttaaata ccacaaatca 60
 tacatgtgac ccagtgcaca tgaagagttt aagagataaa gggaggggaa ggggaaaatt 120
 taaaacatag tgggggaatg ggggagactg ttgtaacggg agncacccctg tgaggtggtc 180
 gaaggytgaa gaaagcactt gaatttttcc caaataaggg aggatggagg gaaacaacct 240
 gtnttaaaaa atggt 255

Name: N69 Len: 255 Check: 1149
 accactgaag cactactaga cttcacccaa ggaatgaact agccactcag acacagtggc 60
 cctccatgtc caaatggact tgaagagtat tgcgtacaga agcaccagg attctagcta 120
 ctccaaagc aatagcaggc aaaggaattc ccaaacagga atctggaaact ggaaatctcc 180
 atatcttttt ggaagtggga atgaagagcc atatataaat aaagatgtta tttctgaaca 240
 atttcaattg tcccc 255

Name: N70 Len: 255 Check: 1F93
 accccactgg caaattctgc cagtgtagga gottggttat tggggccagc agtcgtttta 60
 cccggaatgc ccttcctgtc ctgtctatct acaaggcggg tgaattgatt ggaatttttg 120
 ttgtgtcac tgaacagctg ggcyagatt tcttgctgt agacttgaa gttttctgc 180
 aggaatttgg atgttccca gaaaaggct tgggtgtgac atctgtgcga aactctgcca 240
 cctgtcacag tgaag 255

Name: N71 Len: 255 Check: FFF
 acacagttg aggttctaag accgggaagc cacaagcgg cagaatgcca ctctgaattg 60
 gccagagaat gacgttcacg tccccttga caccctgcag agagtacatg gagcgtctgc 120
 cccggtgtgt gatggaaaag aaggtctctt tattctggaa aggaaccttg tcatacatgg 180
 tggctaacgt gtaggcgaat cctgtacaaa gcaactcttc aaaccagcct ttcagaattg 240
 cgggtacccc aaacc 255

Name: N72 Len: 255 Check: 539
 acaaaagatt ttgcttttta tttatttata atgttaattt atagaataat tctgggattt 60
 gagatgatct aaaactattt tttgttataa atattatttg ccaaaagttt gtttatattc 120
 agaaatctga ctatgatgga taatcttaa atgcttttgt taattacaaa aacaaaatca 180
 ccaatattca agacaggaag atatcagttc aacagcttac tgaagttagg aaactaactc 240
 cactgttatg ggaac 255

Name: N73 Len: 255 Check: 24A
 ccaaaaggaaa gatacgggac aagccactgg cccctcgaa catctgcctt tggaaatcaa 60
 attttttaatt ataaatgtta tgattgagga ccacatgcac agaaaaatgg tgcaaaaaac 120

agatggtat	atcaggttt	atcaactgta	acatgggtt	ggttcttctg	ggttcttctg	180
agttgtttaa	gaggaacaaag	aatttggaaa	tggtacctca	gagaggaag	ggttcttctg	190
gagttgcaaa	cttgc					200
Name: N73						
				Len: 255	Check: B61	
acaggaagct	gccaagggaa	gctggatca	ggttatacta	atcctatcag	tttgcattgc	60
ctcaaacctg	ctccaccatg	gocgtgggtt	cttcaccttt	gaggcttaag	gtcccaccac	120
ttttcccttt	gcatattccc	tttggagaa	agcaaggtga	gcttctttag	catatccacc	180
gagggaaaga	ggcagagttc	gcaatagag	caaatagaat	ttcccaggaa	atcattttct	240
agacccacaa	aggtt					255
Name: N74						
				Len: 255	Check: 1E1A	
acatcacattg	tatgggtttta	agctggcttg	atattatata	tttcaagttt	aaaaatgcac	60
tacagataga	gtgtccatag	tttaaggcga	aattacagct	cagaactctt	gtcctttcta	120
attttgtgga	agcttctttg	acaaattaaa	aaataaaata	agagagactc	agatgttcat	180
aacacataga	cgatttccct	tcattgttaag	ttcactgttg	acttttcttc	catttaaaata	240
tttctgtgtgc	caagt					255
Name: N75						
				Len: 255	Check: 994	
acgggggctt	gggcctagng	acttaacagt	agcaacagca	gaggcggttg	cggcagccga	60
cttcccgact	cgagccacag	cgcgccgaaa	tcggcagag	cgagtagaga	aaatggcaga	120
cgatattgat	attgaagcaa	tgcttgaggc	cccttacaag	aaggtgagaa	aacatgctag	180
cgagctgcaa	tatatttctt	aatttagcat	tattcacgaa	actactgttg	aaatgttaac	240
taaccttccc	ggagc					255
Name: N76						
				Len: 237	Check: B22	
actatttttg	gccaacagaa	tttgcaaaaa	aattgtaaaat	ttatataat	cattttgatg	60
ggatgagttt	tactgtcatt	aaaaatattg	gaaagcacaa	gtattagtat	ctgttgtgaa	120
aaacccattt	tagtcagagg	cggtgttttg	cccaattagg	tatcatgtat	gtagttgtaa	180
ggatgtagaa	ctcaaatcac	acagggctct	gcccagagac	acaggttca	acagtgg	240
Name: N77						
				Len: 255	Check: 218	
acgttatcaa	atgtcagcct	ggatactgtc	tacaaggaga	tggtgacgaa	agcccaacag	60
gaataaacca	tcagccagct	aatggctcat	ttggattcca	tcagaaaaga	catgggtcat	120
ctagagaaaa	gtgaatttgc	aaatctgaga	gcagagaatg	agaaaatgaa	aattgaaacta	180
gatcaagtta	agcagcagct	gattaatgaa	accagtcgaa	tcagagcaga	caataggctg	240
gacatcaacc	tgagc					255
Name: N78						
				Len: 255	Check: 1EDE	
ttttcttggt	gcactccaaag	tgctatatgc	ctggtttatt	cttcaggaaa	ttatattttg	60
ttttctttta	caagagccaca	acaggaacca	aagttagaaga	gtaacagata	cagcactcag	120
gataaatcat	atctttaaaa	taataaaaaa	aaattttacac	cttgtcttat	atcctgttag	180
tattttcata	tgggcatgat	tgaaaaaaaa	aaaaacaaca	acaaaaaagc	aagcattttac	240
aatttttttt	tcgat					255
Name: N79						
				Len: 255	Check: EF7	
acagggggaa	tggtgtttgc	ttatgaatat	aaacttgagt	tgagcctcag	tttctgtgtc	60
ttttctatcc	cttaagaggc	ttgaggatat	ggcctagcat	tcagtgggag	ctggcaccctc	120
ttcccactct	acctgtatgg	actggcggtt	gctcctctga	acgtattatt	agtgttaactc	180
tttatcttgt	gtattttgta	catcatgtgt	gtgattgoot	ttgttaaggg	tgtctgagga	240
gtatgggttg	acagg					255
Name: N8						
				Len: 255	Check: 1CE5	
acctgatatt	acggcggtcat	gggaatctct	tcattacoot	ggttggtgtg	atgttgactg	60
caggggtccc	cgagctcaca	tcagtcacag	atatacagta	tccttaaggac	ctctttgoot	120
taggaaaag	tgaagaagaa	gcactcaaac	agttaaagca	gaagtttgat	gagggactca	180
gggaaagctg	gaccactaag	gtgaacttga	tggtccatac	agttcgjaa	gactacaggt	240
cttaggttcc	gctct					255
Name: N80						
				Len: 250	Check: 1034	
acctggagg	cccaaggccc	ccgttgagaa	tacttaatca	ggcacttgga	ggtgtcccag	60
gaagttagcc	attactcccc	agtggaaatg	abccaaacag	acaacaagga	catccaaata	120
tgggcgjac	gatgcagaga	atgaactccc	ciagaggaat	ggtgctctta	ggacccacaga	180
acctggagg	tgcattgaga	cccccaactga	atgcttttagg	tgcccccggga	atgcttgga	240
tgaacatggg						250
Name: N81						
				Len: 255	Check: 1615	
acctacccag	agaaaagaaa	aacttgctct	tttggccaaa	cagctgtgtt	gtcagagcatg	60
gootcatggg	gacaaagaga	agaaccccac	tttaattgac	cacctccatg	acttggtttg	120
catctacttg	gagccacacag	acaatgtttct	gaaggccata	gagagatca	ctggtgtttg	180
tgcccagaa	ctgggtcaatg	ctccgaaaga	tgctctctct	tcctacattcc	ccacgttgac	240
caggccacc	cttgt					255
Name: N82						
				Len: 255	Check: A8E	

atgagtggtt ggttt
 Name: N83 Len: 250 Check: 212
 acagaaaccc cagggcagcc ccacacttgg cagggtccat aaagacgagg cagctccgto 60
 cactccggag gaagatggg gctgggaccc tgcgggtgt goactccggc tgcctccagac 120
 cctgcctcc cctagtcac ttgcacagac caggaagaag gctccatgt goactccggc 180
 gatccacaaa atgcctgttg ccaggggatt ggggggagca gtgggttggc tggggtagag 240
 ggtagaagcc

Name: N84 Len: 255 Check: CD1
 acaaatccca caggtgaggg agactactgn gtgggaagaa aagctctaga tacgccttgn 60
 ggacattccg ggtttctgca gtgggttaaag aaagacacac tcaaatatg cctggatgat 120
 ggaagctgct cactcaggcg ataggngatc aatccacttt ttctttgggt nggaactagaa 180
 gatgagggtg gatgaagcag gaaggggata gatccctggaa gaattgtctg gaattttcca 240
 gagatatcag taata

Name: N85 Len: 255 Check: 149A
 gggaaaagtc taaacatagc aacagtgaac ataaagattc tgaaaagaaa cacaaagaga 60
 aagagaaaaa caaacacaaa gatggaaagt ccagacaaaa taaagacaaa cataaagaca 120
 gagacaagga aaaaacgaaag gaggaagaaa ttagagctgc tggggatgca aaaataaaga 180
 aggagaagga aaatggcttc tctagtccac caccgaattaa agacgagcct gaagatgatg 240
 gctattttgc tctc

Name: N86 Len: 255 Check: 67
 actgggcact cccacggcac agagcacccac caagtgcctt agaacccttc ctgacagaga 60
 tggggctctg cccctgagga gcttacaatc cggggatcta caactcaaaag cccgagttgg 120
 acagcgagct aatttaaggg aaaaaccttc gtcccttaga gctatttatag atggaattat 180
 tttagcattt ggaattaagc caatgaagag agaatttggg tggggattta atttggttgc 240
 ggattttttt caggt

Name: N87 Len: 255 Check: 1F0B
 accctcacag aatagcaaat acccttctgc tctggacgtt ggttcagatt tgaatttggg 60
 agtaatttcc ttggaaagtc ctgtggcagg ccagagaaat ggaaataaaa gttactataa 120
 ttccagattca tgccttattt tttagcattt tttaaatggt ggtcttttca agctgttttt 180
 tgctttttat tagatctata taaataagtt aactagcaat ttagttttgt atttaagcta 240
 caattaatct tttc

Name: N88 Len: 255 Check: 219F
 actataagca gtatgttaac tatactgtgt gtccctgtct ggcctctatt cctttgcctt 60
 gcttaggaca aagngtgcaa ctctgataag cctgtttaaa agaaaaaac taacactaac 120
 aaccaaagcag acacagtatc caaactcaaa gtccaaaaac actgaaccaa agngatgat 180
 gttgaagaat tacagnggtt agaaacaaat tccaaactcc ttaggcangc ggagaagatg 240
 tgcctacaga ctcat

Name: N89 Len: 255 Check: 13A9
 actggtcacc actggattcc cgcacacatt cagtccagag cccccagaa agacggatgg 60
 cccacgggga gctatcgctt tagctgcctt cctacaggct ctgggggaagg aggcggccat 120
 ggtgtagac cggagagcct tgaacttgc taccgaagatt gttgaagatg cctggaagca 180
 aggagttctc aagacaccaa tccccatatt aacttaacga ggaggtatcc tgggaagatgc 240
 ccgggcattt ctgtg

Name: N90 Len: 255 Check: CD9
 acttgatcca aatagaaaaa ccttataaag aagtcatgac aagacacccct gttgaagaac 60
 tcttagatcc ctatcaactac caagttagac tggctctaca aactgaaaaa cagcacccag 120
 ctattatcca agtgattaaa gcagtaagaa aaactctgtg tgccttagat ggggtttgag 180
 ccccccctgt cacagaagca gtgaagaagc taaagcgagc agttaacctt ccaaggaaca 240
 aaagtgtgca tgtga

Name: N91 Len: 255 Check: 2248
 actgtaggct ctgggaacaa gaacactggg ttogattcat gacttgagag acttaagtta 60
 cccaaaaaat taagatttta aaagactaaa agtagtgagg gaaaaaaaaa caataaaaaa 120
 tgaagcaga gaacttaact agagtcttac aatttaaaaa aataccaaat ttaaagtatg 180
 tcaatttat agaacttcta atttgactg caaaaaggaat gcttaaggaa tccacttctt 240
 tgcctcagta ttttt

Name: N92 Len: 255 Check: 168C
 actgtgtttg tgtaaatgtg ctattaatat agtattttac gtgttccctaa atattcacag 60
 actctagctg caaggtccaa ggcagcttat gatccctgca gttaaaaaat aaatgtgac 120
 ctgtcatcta tgaccttaaa ctggcagcaa gaaaactagc agaggtgtgc aactgtctgg 180

Name: N92 Len: 255 Check: 1F8E
 accagcaaga agaccaccca gatgttgta cctgcoctga acattacagg caaccattaa 60
 atgtttatag totactagat aaaaaattat tttgtggcca ttgtcttaact ataggtoaac 120
 atcatggcca toctatagat gacottcaaa gtgcotatct gaaaapaaaag gatacaacct 180
 agaagtgtgt taaacagtta accgacacac actggacaga tatoactogo cttatttgaaa 240
 agottgaaga acaga 255
 Name: N93 Len: 155 Check: 238
 aactggaaaa ccaacattct gaattgtatg acactggaca tgggggttacc catgaggott 60
 toaaaagaat ccaagaattt gctctctatc ctacccagta gtgtgatggc atcaactagt 120
 tcaaggtatag gactaaagtg agtattaggt tgaatattga tgtagactct ttgtgtgttc 180
 catabctctt aatgcataaa ttcttaaatt tgtctttaga gtccagtggg cctgttaact 240
 gtgaattctc ttga 255
 Name: N94 Len: 250 Check: 3EE
 acgagaactct tgggtgtgtt tgcgcacaag gactacttct caaggttgat toctagaacc 60
 aacagaatgg aacaagagaa tgcctcctgc caaggttctt ggcttgacaga gatatgcgcg 120
 agtgacactt cccacagaaa gagacacaca cacacacaca cacacacaca 180
 cacacacaca caccaggaag agctccaaa aagagattct cactgtaagg aaggatgtaa 240
 agaaaataga 250
 Name: N95 Len: 249 Check: 92F
 acttttactg taaacggggc aaaatccaga ctgttcaatt gttattatcc caaactgagc 60
 aagttttaa gttgttttta tnttaaaaaag ccatacagtaa taatctggaa ttttttactt 120
 ttaaagctgc tttagctcaa ttttaacaga ttctgaaatg tottaattga tgaattagt 180
 gaacttaatt actotattac tgtttttctt aaagcattta ataaatacct gttgaactgc 240
 taggaagag 249
 Name: N96 Len: 155 Check: 24CA
 caagctttct tttttttttt tttttgccta ttgatattat tttattttac tttataagta 60
 actggcagaa acacaggaat aaatatttct ataaagtggc tatcttaaaa atacttgtga 120
 cgattatctg aatcatttgg toctaaaaaa tgttgcttta aaaatcaagt tcagcctaact 180
 tggaggtaaa ttaatacata tccagcactg gaatatatta ttctgttttt ggctgtaggt 240
 tatacttttg tggct 255
 Name: N97 Len: 255 Check: 180C
 acattggctg cttgctgttt cacacttttg ttaagtgtct acatattttg atgtaatgag 60
 taggcagcca gaagcagcca gaaataattg atctgtctc tggtaatgca aggttttcca 120
 acatttgaca tccggttag gaggggaaag gctgaagatg gcactggggg acactgtgtg 180
 catctagacc ccatgtatac cggcgtatga ctttagggca catgtgtctg ggcggagacg 240
 tggtaggcca cagga 255
 Name: N98 Len: 255 Check: 214D
 gtcacacaga cgtatgtaa agaggcatcc accacaaggg gagcagtga gtgtttctgtt 60
 tgtagggggc caggaagaat caatgcctcc aacagtggac aaatactaaa agtccttaca 120
 gcaaacacata tgttgtagc ctgtggtta ctgcttaact gcaaacctgt tgagtaatca 180
 accttataaa caatagctag acagtcatag gcttttaaaa caaatgatct aataacagca 240
 aaggagagat aaatt 255
 Name: N99 Len: 255 Check: 3F9
 acacatagat acaaatatca atggtcagtt cctgcttccac totcaaaaga gtgggttgctc 60
 acgtctgaac attttggcta gaaaacaggc cagtgttcaa tgotaaactt cagtatgtct 120
 gactacacag agaagccagg gcatgtgctg cactaacata gcccactagt cccactggcg 180
 ccacactgct gtgctgtctg aggtagtcca ggttactgat tcaactgagta aacacacacc 240
 tagaaactat agcaa 255
 Name: T1 Len: 255 Check: 1CEB
 acatctgtgt tgaactacaga tgttctctat ccagctgntc ctcaaatagg ntctctgtgg 60
 gaggattcca ccaattggnc gcgatgccag gattcttntt cacagcctga ctocnaatga 120
 gtctctctcg cctctctccc agctctatca totctcaga ggcctcact ttccggatgc 180
 agaactgntc cttctgtgtg tgaactctct caaajagctt ggagggtctt ttgcctctgt 240
 gaaggacgc agctn 255
 Name: T10 Len: 255 Check: 3AB
 actaacgagg agcaacaagc gacatagtag tttatgatat tacaatgag gagtctcttt 60
 cgagagcaaaa aaactgggtt aaagaacttc aaaggcaagc aagtctaat attgtgatag 120
 ctttgtcagg aaacaaggct gacttagcaa ataaaagagc tgttcaactc caggaaagcac 180
 agtctatgc agatgacaac agcttattat ttatggagac atcagctaag acatcaatga 240
 atgtaaatga aatat 255
 Name: T100 Len: 255 Check: 1997

aaatattt	atgggttgg	gagaggtac	tttataaaa	gaaggttgg	ttttttttaa	60
aaatattt	atgtaattt	aatcacgtt	atattttaag	attgaacat	aaatatttat	120
ggttaccag	catattgca	atcacagag	gagagagaaa	catttgtgca	tttcagtaag	180
tttggcaga	gtgtccaa	ctagacttt	tattttgtag	aaacacattt	actttttgtg	240
gtgttaata	ataaaa					255

Name: T101 Len: 255 Check: F08

acaagcaagg	aggtccacga	gtatccagcc	tottaacagg	actotttccc	agcccacagt	60
ggcagaacag	atctgaacag	gaaactttat	ccaggtgttc	caagttctca	ggtagaagga	120
agaaggaagt	tatctggact	ggactgagac	acaagtggaa	gagcccccag	tatctcccag	180
agactatgaa	cttggadaac	gtgaagctgt	tgtggcccat	gggacacctg	taggagcaga	240
aatgtgaact	tggtat					255

Name: T102 Len: 255 Check: 157D

gagttctttt	atgottgggt	aaaacttgg	tataaattta	acaatacaaa	aatggotta	60
aaacagagag	aggaatgata	aagtataaac	tgncagctt	gcacacagac	tggcaagcaa	120
atgacacaat	gaggacaatc	agcgagggg	acatgaacct	caggaagaat	cgtggaccaa	180
aggactttot	ccatgggttt	actotggntc	ataggnaatc	agaagacctc	gcttgatac	240
atctcatggg	tctgg					255

Name: T103 Len: 255 Check: 94

ttacaagaac	agcaaacctg	actctttact	gagaatggag	gaggagcaga	ggttggagaa	60
gtcacccctg	gcttgggaac	aggacaagtt	ttccttttct	ttctctaaca	gaaaactcct	120
gggtctccag	cccttcaggc	cgccgagcag	ccctggcgtg	ttcgggacct	tgcagagctt	180
caaggaggac	aaggccaagc	cogttcgaga	tgagtatgaa	taagtatcga	acgacgggga	240
agctgaaaat	tgacg					255

Name: T104 Len: 255 Check: 13AE

atogaagtgc	ccagttaggg	gatgaggcca	ctccctgtg	ctggggccac	ggcgggcttt	60
aaaccacagc	atctactgat	cctgctcttc	agcaaggctc	tggcttcttt	cctgagtatt	120
tgggtctaa	tagtagtggc	cggttgggta	aacatacagg	cttttaattt	ctgtggacag	180
aagtttggga	atcgttgggc	ttgaagccca	aggcccctta	aacgtggccg	ggttaacaat	240
acctttaact	aactg					255

Name: T105 Len: 255 Check: 1EF6

atccggcctaa	ccggggccccc	gccaagggaa	caagcaacct	ccaagcaaaa	aacgcaacaa	60
agggcccacg	aaaaagtccg	gaaaagaagg	ccgaacctca	aaaaacccca	agaaaaggcc	120
ccgcccacac	atagaacggc	caacaaaatg	acaaacgccc	aggttgcata	gatacctcca	180
tattgtctgt	caggtctcca	tgcgccaaaa	gcaaggccag	tggcagtgc	tgccaagagt	240
aaaccaagta	agaag					255

Name: T106 Len: 255 Check: 1B8E

cagggctgct	cctatgggtc	ttcaaggggg	agcagcacaa	cccagtgtga	gtcgaatgag	60
cttaaacacg	agaacttctg	ctgccaaact	tgcctgtctg	gcactacact	cattaatcca	120
tgcacacaga	accggtngtg	agagtgaatg	tgcacctgt	caagctcaac	acttcataga	180
tgtgaacac	agggaacctg	gctgctctcg	cttgccttaa	gagcccggga	ttgaccaaga	240
aagaaagtgt	tcgaa					255

Name: T107 Len: 227 Check: 789

acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttcgg	agctgaggac	cgaacccagg	60
gcttggcgt	tgttaggcac	ggcttttacc	actgagctaa	atccccaaag	agatctacgg	120
ttttaaaaat	cctcttgggt	agctgcccag	taggggataa	ttggcacagc	ttttccaaag	180
aacctaattc	aaaccaggca	tgggccagca	cccttggtta	tcttagt		217

Name: T108 Len: 255 Check: 751

actgaacctg	tgtcccagcg	ttacacttca	tgggtctgcac	tcagaactca	ctcagctagt	60
gctgaagtca	ccgtccatgg	ttgaagggtg	acaagctaca	catagaggca	gagtcacttt	120
cttagctgag	ccacaattgc	acagctgttg	agaccattgg	tgtctgaggt	tgtctgagtc	180
atggcttccc	acaactgcagt	atttccaata	cctagtggag	gpcgtcttgt	cagccaagtt	240
ttaaaacaaa	tactct					255

Name: T109 Len: 255 Check: 355

acctgacagg	cacatacgtg	caggaggagt	ctccggaagg	tggcaggttc	aagaaggaga	60
ttgttcttga	tggacagagt	tatctgtctc	tgattaggga	tgaagggggg	ccccggagg	120
acagctttgc	catgtgggtg	gacgggttca	ttttgtcttt	cagcttggag	gatgagatca	180
gtttccagac	cgtctacat	tactacagcc	gaatggccaa	ctacaggaac	accajtgaga	240
ttccattagt	gctgg					255

Name: T11 Len: 255 Check: 90A

acgtgtttag	gtggagctgc	accgactttg	acaacattct	tatgactgtc	agctgcttgc	60
aaaagtccga	ggatttgggt	aatcagaagc	agttcaagaa	cttttagatt	gaggtgcaga	120
agggctgcta	cagcttgcac	ggctctgttg	accactttcc	cagcttgaga	gacctcatga	180
accacttcaa	gaagcagatc	ctgcgcacgg	acaatataag	ctttgtgctg	aaaagctgct	240

Name: T110

Len: 186 Check: 1655

ggtgggggt caaaagggtg aaaaaatata aaaaaggtat taaaaggtat tattaataag 60
ttggcagac tccgtgtcat gaataacttt gttgttccga ttgaatccgt aactgaacat 120
tgttactac ctactacact ccaagtaaac tgagaactac ctagcaaac ctgaacttca 180
gtccggtggg ccgagctggg tcttcctttt gtagttttg cagtataggg tgggtatata 240
tccgttttgc aaaaac

Name: T111

Len: 213 Check: 2103

ttgggtttat cgtgggtcgg gcagaggtac tccgtgttgc gctcttcggg aagcttcttc 60
tgtctttggt taagccgtct ctctatctct tcaatgggtg cctcttggg ctccacttcc 120
cgtctgttga agctgtcag gtattccggc cgtctctctt catcaaaagt gaggatgagc 180
cggggaagcc ggctcatctc atctcttttt ttctcttt

Name: T112

Len: 175 Check: 840

tggaaacttc tacatcctgg ctgaagataa aatatcactt gttgcttttg ccttggaaac 60
aacatttgat gttactgcaa cgttttcagg tgtggatctg gaaggtggca ctgtagtca 120
cccttaatt ccgataaaag tgtctctctt ttactcttgc actcaagtga ctatg 175

Name: T113

Len: 255 Check: 1704

cagatgggbc aaccttgggg cctctcagct ggaagggtgt tggatggaca ccaggcagtc 60
cctggggcca gaagtttggc tggcttcttg cccagctcc taggctggc cagcaatcat 120
ggaaacagcc cttgttccca accagtgcag tgggcatctt caggcagaac tcaagaagct 180
agcagagggc ccataccacc totacaaggc ccaagggggc ttgtgggtaa gacagcaaga 240
aaaaaaaaacta tagtc 255

Name: T114

Len: 255 Check: 1635

atcgaagtgc ccagtagggg gatgagggca ctccctgttg ctggggccac gccgggcttt 60
agaccacagc atctcactga tccctgctcc ctacgcaagg ctctggcttc tttctgagt 120
atttggttct agtagtagtg gccgttgnct agacatacag tctttatttc tgtgacagag 180
cttggatctg tgggtctgagc ccaggccctc acgtgcctct cacatactct actactgggc 240
tccactccag ccttc 255

Name: T115

Len: 255 Check: A62

acaagctttt tttttttttt tttttttt ttctttaatc aaaagacaan tttatttgga 60
cagaaacttt cagacagaac atagaggaat taggcattat taaaatacac tcttgccaag 120
ggattnaaca ttagaatatg gggggggggt gggaaacaca ggacaactca nccactgcag 180
gggaagcgag cagaccctgg agacagccac acgtaggcaa agcgtacott tccccacaa 240
actctactct ccacc 255

Name: T116

Len: 255 Check: 9A1

ccctgggtgt ggtatctttac tttcttatta ccggaggaat aatctatgat gttatcgttg 60
aacctccaag tgttggctca atgacggatg aacatgggca tcagagacca gtagctttct 120
tggcttaacg agtaaacgga cagtatatta tgggaagact tgcgtctagc tttctcttca 180
caatggggag cttaggtttc ataactctgg accgatccaa cgcaccaaat atacccaaac 240
tcaatagggt tottc 255

Name: T117

Len: 255 Check: CE2

cgaaaagcga tctttgcatt gttccgggt cgtgtctcgc gctcactgca gccacottcg 60
ccgcccacgg tctcctccaa ccgggactcc ggcagtttcc tcttcagagt cctcgaaaact 120
cgactaatcc cttaacggta gcaccagacc accggcgtgc ccacactatg cagacgcggc 180
agtggacanc agtcccgaga tcaccaccaa ggaattjaag gagaagaagg aagttgtgga 240
ggaggcagag aatgg 255

Name: T118

Len: 255 Check: 5D2

agcaaacctt agccatggat gtgagtcacg gaggtctatt cctgaactga atatcacctt 60
ctgcaatcaa accagaacgg catgttttaa tgagaaagaa cccgttctc attctctcat 120
tcttttaacg ttacacagaa tttagagatt ctctgaattt ttttttaatt tgaaatccgg 180
artaaagtga aagcagtggt agtgaagctt tacaatatatt acattactat gtcattgaca 240
tggcttttac actga 255

Name: T119

Len: 255 Check: 113D

actccgttca cctctctctc aagactgcca aggaaggagg gtctttatta tacgaacagt 60
tgggacataa ggcatacggc ctggctggga agctggcagc ctccggatcg attacaatgc 120
agaacatcgg agctatgtca agctacctct tcatagtcaa atatgagtaa cctttgggtga 180
tcaaggcctt aatgaacatt gaagatacga atgggtgtgt gtatctgaac ggcgaactatc 240
tggctctctt ggtgt 255

Name: T12

Len: 58 Check: 1902

tcagtcacca ccactgaccc agaacgcagg cagttctctg tccctctcca aagggggtg 58

Name: T120

Len: 255 Check: 1CF6

atgcagctct caggagaaga ggcgcccta agattgtcag aggagccacg actgcaccca 60
tcacacccaga atgcagcacc caggccagat gctttgggca tgggtctctg tcatacagata 120

ttgactggag	gagatattaa	gctataatca	ttgttgogaa	gggtgacaa	ttgttatca	141
aagagcctgt	catcatgaag	ttcatgagga	caggtgatat	ggataatgca	agggcagaca	142
aggtgttt	aaaca					143
Name: T121	Len: 213	Check: 9D1				
acaagattgg	catcaattac	tgctgaac	tgctgttgat	ttcctgggt	gatgttggag	60
aggaaccara	ctgttccctt	attaattttt	tctttgggat	gagtggagg	tgctgggaag	120
ttgtgagag	catcacagtt	taaaactact	ttgttttggc	cateagttcc	agtgacaatg	180
ttggccacaa	ctcgcagttg	agcagtttga	actttaactt	cctgggtggc	gagtagccgg	240
aaacaaat	ggaa					255
Name: T122	Len: 211	Check: DDE				
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	ttttgttgca	acatttgacc	tttattccatg	60
ttcgtccctn	ccacacnagta	aagtcacaa	caaggctact	acccaaagca	gaaaccccag	120
ttccttatct	anactccctc	ttgtgagcna	aaatatataa	agtgctgggt	tgtaatatgg	180
ggagggcna	acggactnag	aaacccaccc	ctgacaccca	tcaggaggag	gagcccttgc	240
anaaaaaang	gcagg					255
Name: T123	Len: 255	Check: 7CE				
tcacttttgg	atgggtttag	gggcctacc	agagtcacca	ccaagaagtc	atatctctag	60
tgctgaagac	atcacctcag	ttgggagtc	gaggaactgg	ggcttccctg	gcttgagctt	120
tgctgttgaa	gaaaagggaag	ttctctgatc	aaaagccaa	ttttccctcc	cactgtctcc	180
caagacaccc	ctgtcttctg	cttgctacc	ctgagagttg	catggggcac	ttgtctaaaa	240
attcagccct	ccaga					255
Name: T124	Len: 213	Check: 1AE3				
tgagacagtt	cagtgttctg	gggtgggtgg	tttcccttagc	gtttagaata	gccatcattg	60
ttctgcaata	ggcagagcta	tcacgtccag	gaaaaatgag	gggaaccaga	ggcagcgtga	120
gatccaaata	cagcattcaa	aggtaatggg	tcagtggtg	cctggggagg	aggaagggga	180
tgatactcca	gggttagcca	tttcccttcg	gaggtgtg			240
Name: T125	Len: 255	Check: 171D				
tgacacacgt	cgggtgggtt	ccattcagac	agaggccagt	tcagaacttc	ccagatgaac	60
gtcccccctca	ggaagctgca	aaccaggacc	ccaacaataa	cctccaggga	ggtttggacc	120
ctgaaatgga	agaccccaac	cgcctccccc	taggcctgga	agtgctggac	cctgagcata	180
ccagccccc	gttcctgagc	acagcatggc	tagcttccaa	gaatttcttt	gcctctcttc	240
ttccgggaagg	ccac					255
Name: T126	Len: 255	Check: 272				
ctcttttttt	tttttttttt	tttttttttt	ttttaaaaag	aaatttttgc	ctttattaaa	60
atggcttttag	gcottaaata	tgccaatttt	ggaatcaca	ttattgnntt	aataanaaac	120
gactntacag	aanggcanaa	ntggaccaac	ancttggtn	ttcttttann	gnnnaacca	180
taonggntgt	aacnanacaa	gcanggonag	gnatnannta	nccagnatn	ctatcttttt	240
taaaacccaag	nnttn					255
Name: T127	Len: 255	Check: 574				
acccctgagt	ctgagcttga	cacagcaggn	aaacgggctt	cctgtgttga	agcacacaga	60
anctgcaaat	ggtggacagt	gttgccaagt	cgttgggtgg	tgctgatctg	ctgcgggcta	120
ctgcgtctct	tgaaccagac	aggggtgcag	ggagcccatc	gcctgactt	tagtcaactg	180
cttaccagct	ctgaccacaa	agtccatctc	tcaggccctg	ctgcctcttc	cctgggttgg	240
atcttcaatt	tagtt					255
Name: T128	Len: 255	Check: 2C8				
cctgagctctg	agtctgacac	agcaggtaaa	cgggctccc	tgttggaagc	acacagaagc	60
tgcaaatgtt	ggacagtgtc	ggcaagttag	tggttgggtg	tgatctgctg	cgggctactg	120
cgtctcttga	accagacagg	ggtgcaggga	ggccatcgcc	ctgaatttag	tcactggctt	180
accagctctg	accacaaagt	ccatctctca	ggcctgggtg	ccctctccct	ggttgtgac	240
ttcatcttag	ttcag					255
Name: T129	Len: 255	Check: 1B27				
ctctgatctat	tcacaggagtc	tttcccaatt	gtccagtttg	actggagtag	cagtggcctt	60
actaaccttt	tagatgggtg	gaatccagag	ttgtatgaat	taacaactgc	taagctggag	120
acctccctct	caagcctcag	agtgaactgc	gcatttgoga	agctcatgto	tacagtggaa	180
aagaacagga	cgtcgaccag	gaaaccacaa	agggaggagc	acctaaagoga	ggaggccgta	240
aaggtgatog	tcagc					255
Name: T13	Len: 255	Check: A17				
agcttttttt	tttttttttt	tttttttttt	ttttgttagc	taatacaatt	tattaaactgc	60
tgctcttgca	agacatttgt	cctgagaaaag	ttcaagacac	actgccatag	tagggagaaa	120
gatccatggg	aaaaatgaga	ttggatttag	gttttgaaag	actgtagcaa	aatgtcaagg	180
ttctctcaga	aagggtggtt	gttttctaag	tttaataaaa	gtttgctgct	ctgtaattgc	240
agaagtctga	cctgc					255
Name: T130	Len: 255	Check: 209				

atttgattca	aaatgtcaa	aaatgtcaa	actgctaattg	aaatgtcaa	aaatgtcaa	120
ggggaactct	gtaggacott	taagtctctc	tgccaatgtg	gcaaaaaaaa	aaaaaaa	130
aaaaggtgga	gaggggtggg	gggtgggtag	aaaaagacaa	acaactgaca	tcaggtttgc	240
tttgcccttg	caatgggggtg	gocctacott	ctgttacagg	tgcaataactg	jaggacaggt	255
actotaggca	tggtt					
Name: T131	Len: 255	Check: 24DB				
acccacacot	cagocaaaag	ctgtctcaag	aagtagncaa	cacacanott	gcctgggnac	120
gccccaaaa	ngonyanaaa	gagcnantat	ttcnanttta	tgnaatcon	ttgggtggaa	130
gaacttttgc	aaantttcan	cctttnaana	annanggtt	gnocnagaat	tttncnncn	240
aatnggggaat	nggggttcan	tnacnnnngn	ttgntnncn	atyntaaacc	cncttttnaa	255
ccnncnccga	ntctg					
Name: T132	Len: 255	Check: 6CC				
acatctacaa	aaggaaaaagt	gacggatatct	acatcatnaa	cctgaagagg	acttggggaga	120
agctgtttgt	agocgtctga	gtattgttg	ccattgagaa	ccctgtctgat	gtcagcgtca	130
tctctctcag	gaacaactggc	cagcagcctg	tgctgaagtt	tgccgtctgnc	acaggagoca	240
ctocaaattgc	tgcccgnttc	acacctggga	ccttcactan	ccagatccaa	gcagccttca	255
gggagccctcg	gcttt					
Name: T133	Len: 255	Check: 155E				
acgtgagacot	tactgaggac	cagctacott	cctgtgagag	cctgaaggat	actattggca	120
gggcaactgoc	cttctggcaat	gaagaaattg	tcocccagat	caaggagggg	aaaagggtct	130
tgattgtctgc	ccatggcaac	agcctaaggg	gcattgtcaa	gcactctggag	ggtctgtcag	240
aagaggccat	catggagctg	aacctgocaa	ctggcatccc	catgtcttat	gaactggaca	255
agaacttgaa	gcccc					
Name: T134	Len: 255	Check: 85				
acnnggaccc	caaactgagg	actgagatnn	cnagaacccag	cttctctcagg	gngtnggtnc	120
acccgaatc	ctgaattctg	gatnctnnct	ccctnttccc	cactgaggaa	anttacgaga	130
cttaggacat	ctcaaacgtg	gcattntcag	gggcccanga	gctnacatcc	ctngnacccg	240
gggatnttgg	acootgaact	tgtctaaaag	cccaacccag	acttcaagac	ggttctngac	255
actgnaaaca	ctcan					
Name: T135	Len: 255	Check: BE8				
tgtaaaggaa	tcctggggag	gctccccagg	aaaatcacag	gctcctccac	acttgcttga	120
aacattggag	agtggagctg	tagcttccct	ctctggacac	tgttcagggtg	gcttccctaa	130
gocctacagaa	gtccttactc	tgtcctctc	gggtctgaag	gcccggggcc	agtgtctcag	240
tttctctcag	gactttgato	tcagaggtgc	tcttcatttc	ccaggacaca	gaagtattaa	255
gcaacttata	actaa					
Name: T136	Len: 255	Check: B2A				
acaagctctt	tttttttttt	tttttttttt	tttttgattc	tgataggggag	aanatggcca	120
aaaggtcncc	antgocaggo	atctgggcat	aaaaatgggt	atggacaaca	aggontagga	130
aacaaatgat	anaaagttag	aaatttaaa	ngtatgtttt	ggggagggag	gtgtgtggga	240
aagggtctac	agatagcatg	anacnnnagn	ggttttgatt	ggtgtttctg	gctggcaatt	255
acagctctgg	gacat					
Name: T137	Len: 255	Check: 1E71				
acttatgaaa	gotocaaagag	ccaacagaggt	gactctcaaa	gtattgtcac	cttcgacctg	120
gctctagatc	ctggccgctt	gagtcctctg	gocattctca	aggagacaaa	gacacaggcg	130
ctgaactaa	ttagaacccot	gggtctgagc	agtcactgtg	aacctgtgac	gctgtctctc	240
ccggcctgtg	tgagggaactc	agtgaactct	atcaactttg	gtctcaactt	ctctcttgtt	255
ggagtgcoca	tcctt					
Name: T138	Len: 255	Check: AA0				
acagatgagg	agagctcaca	tctagccttc	tcagcagctt	ccgaacccot	ctgaagtggc	120
atgttgtctt	tggtcaaatc	aaocccctgc	tcctctctga	actccttgac	aatgtgocgt	130
aaacaaagctt	ggtcaaaaggc	ttcaactcct	aaajaaagtgt	ccccatttgt	ggatttcacc	240
tcacacactc	cttcttgaa	ttccaggata	galatgtcaa	aggtctctcc	acctaaatca	255
tatacagcaa	tgaact					
Name: T139	Len: 255	Check: 17B5				
acatctctct	tgtgtggcca	caaagagica	ccaaaaatgaa	acttcgctaa	ctccagcagt	120
tgtttatggc	aaacacctcc	agcagcaycc	agcagcttcc	ttggctccct	ataatgtgtg	130
gttatctagt	ccactaagtc	cttacggctt	atagatttga	tgtctctgggt	tggtcccaga	240
attgtccctc	cgagcggcgt	gttttgatag	gctgtggcgt	gcagataatc	aaagacaact	255
tcttgcaagt	tggtc					
Name: T14	Len: 255	Check: CD6				
actgtttgaw	ttcatggact	ctgtttctga	cttgaagagc	aaagaaatta	aaagagcaac	120
gctcaatgag	ctggktgagt	atggntcagc	tagccgtggk	gctaattgtt	gaatcagcgt	130
attctgatat	tgtaaaaatg	atcagtgtca	acatcttccg	gacacttctt	ccaagtgtata	255

Name: T140 Len: 255 Check: 15A1
 tcnogagagg cggncoggnn tnggcacctg aacgtgagag aagctgtgct tgggggctac 60
 gacactaagg aagtcacott ttatootcaa gacacccctg accaaccctt cacagcactg 120
 gcoctatgtgg ccacccacaa gaacccctggc tacctggggc ctgctcccca agaggtcatt 180
 gccacccaga tccctgtctg ccgaggctta ctctggccac aaccttgaat acctgggnago 240
 gnttggccagg acctc
 Name: T141 Len: 255 Check: 126
 acaaaaaagot gagggtgttc tcaggcaggg atootccggg accaggtgag gaagaatttg 60
 aatcttggat gtttcatact tcccaagtaa tgaaaaatg gcaggtgtca gatgtagaga 120
 aaagaaggog gttgatggag agccttagag gccacgatt cgaaattatt cgagtccca 180
 agataaaaaa cccgttccatt acgtttgcag aatgctgaa gaogcttgag acaatatttg 240
 ggattattga taatc
 Name: T142 Len: 255 Check: 1FCF
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt tttttgtt ggcaaaaatgt tttattccga 60
 ataattttat tgggagtcac ataaatctca ctctaggttt tacacaaaaa cggaggttac 120
 atagctgcaa atcccagctc tcccttgaaa atacattcaa gttcataaca aatgttaatt 180
 gcacttaaaa attaaatagg atgtgaagaa aggatgcaat ataaagacac tcaagacott 240
 tccatttaatt ctgoc
 Name: T143 Len: 255 Check: 1F70
 caccacccca agatggaggc tgggggctgg cgggtgttagt tggagccttc atttctattg 60
 tttctoota tgcatttccc aaatccatca ctgncttctt taaagacatt gaaattatat 120
 ccagtgcac gaccagtcaa gtgtcatgga tatgttccat catgctggct gtcattgtatg 180
 ccggagggtcc tatcagcagt atcttggtea ataaatatgg cagccgtcca gtaatgattg 240
 ctgggtggctg cctgt
 Name: T144 Len: 255 Check: 1F33
 acctggagca cgtgttccgg cagccagccc aagagctgtt tggaatccat gtggctgacg 60
 tccctacca acccatggag aacaaggact tccaggaagt gacactggag agggaaggcc 120
 aggtgctgtt gcgcttggct gtggcctatg gcttccgcaa catccagaac ctctgacaga 180
 agttaaaaag aggcgcgtgt cctaccatt acgtgggaagt aatggcctgc ccttcaggct 240
 gcttgaatgg agggg
 Name: T145 Len: 255 Check: 277
 accttaatac caaatataat tttattgaaa acacacaaag caaagataat tgttataaaa 60
 agttgatctt taggatgatt ttaaggctcaa ttaattcagt gaaagacott taaatcaact 120
 ttagcagcta tccatggtaa tctttgttg tttcttgatt aaaataattt gcttccgtat 180
 aacagtggat cgtcattggg agtgggttgt atcccagtg agactctgtc caaaagaact 240
 gatctattta caaat
 Name: T146 Len: 255 Check: EB3
 ttctggcttc gagcggccgc ccgggcaggt accttcaatg aaatgcaagt tactaagcgt 60
 gaacggcttt gctttttcac gtgattaaga ccttaactta aactgtagaa gcttttcaag 120
 agccatatta ctctccgtat acttcattaa tctccatcat gtatgcbaag cctgacacat 180
 gtgacagaga agacaatgtg gcttgcctct ttttgaatct aaagataatg catgttttac 240
 agtacctcgg ccggg
 Name: T147 Len: 255 Check: 11FF
 actgcaaaaga gccagagggg ccttagaaga anctngggnt gtgocaggta agaaccctac 60
 agaatatcat gcccaagagn tttatttga aaataagcta aactgttatt ggaasagctt 120
 tgaagggaatg agacagatgt tgcctacaga acagctttct aagcaacaaa gtaatgatgt 180
 cagtaaaacc agaaaacgtc ccagaaataa aaatggcag gtgctggaaa aacgatggcc 240
 agacactctc agaac
 Name: T148 Len: 255 Check: E2C
 tacatccagg acctctgagt ccagaaacac ngccaatggg tgtcagggtc atctgtggac 60
 attgcaagaa taogttttctg tggacagaat tccagacgg aaccttggca cgatgocctc 120
 actgcagaaa agtgcacatc attgggggca gatattctag gaagagatgc atttgcctgt 180
 tcttacttgg gttactcttg gcagtcactg ccactggcct tgtttttggc gcattggaac 240
 ctgncacga atattg
 Name: T149 Len: 255 Check: 19A2
 acaagctttt tttttttttt tttttttttt tttgttctt ataaatgaag cttttatggaa 60
 aaaggctgtg tgaactagat ttcataagga ccaggtttgt aacaatgta acagttccat 120
 agagaacac aaatgcctaa catagcatct gaggctgtat ttgagaagtt tattccaggt 180
 tccacgaact ccagaggaaa cattaacaca atatgaaaag acgaaagaaa gaaagaaaaga 240
 agaaaagaaa gaaag
 Name: T15 Len: 137 Check: 1BA

atgtatgaa taaatgaga aacatottgt taaatpaga catgacata agatgacat 60
 atgttgaat agccaaagaa ttatcccccag acagaaacaa agctagagcc aattcatttg 120
 aaggaacago gaagtat 131
 Name: T150 Len: 255 Check: 314
 aacaaactat gagctggcta ccaaggtgac catgacattt tgccttatga caacgcccac 60
 atgggtatcc gccatccaa catcatctgt gactgttgca agaaacatgg gcttctgtgac 120
 atgggttggg agtgccgtgt ctgctttgac tatgatctct gcagggagtg ctacatgcac 180
 aacaaacatg acottaccca tgccttgag agtatgaga catctcactc tgcgcoggtt 240
 acctttagtc cccga 255
 Name: T151 Len: 121 Check: 1774
 acattaaagac aacaggtgat catttgtctt gtaactgccc catgtcactt tggcagtcac 60
 cctaaaggaag gaaggaaagg aagatagaag aaaggagga agggagggaa gtcagtcttg 120
 131
 Name: T152 Len: 255 Check: 28F
 aacagtgact gctgtcttag tgggtgatgc acctgcactc ggggtttcctt gntttgcagg 60
 ggtttcttag aaccagtata atgaattcaa gcacaggcag aattgttttt gacaatgagt 120
 cgtgtttccc cagatctagt gtgtttctgaa aatggagaa ctgctgtnt tggctctca 180
 acagaagctg cccacaggag gcaggacagt gcttaggtca ttcagtatga ctgattctgt 240
 gatcagacta cngt 255
 Name: T153 Len: 255 Check: 1359
 aactctctca gtaacaggat gaaggaggca aagtagaaca catagaccat tcccactaac 60
 agtgcaagaa acattgtggn cctggggct gactgaaagc tcatctcttg atctttcaga 120
 agcatcaa acattttcag agaacaaata tccagccacc agccacagat gagagggaac 180
 actccaattt ctaccacaa taacagagag acottaacca caatatagca gacgcccagc 240
 aagggagag accta 255
 Name: T154 Len: 255 Check: A9F
 tacaattttt tttttttttt ccccatagtt tctcatctga ttttgttagt cctgacttgt 60
 tagtctcttt cagggggtaa tctgggaggc agtgctatcc ctccctctgc taggtatgta 120
 atgaaccttt gcaatcacca tgactccctt tgaaggctgg ttcttcacgc tatgcttgat 180
 gttgctctgc acaggtcctg ggaactatgg gatggggatg acatcactact cagtaggcca 240
 agttcttata gtagt 255
 Name: T155 Len: 255 Check: 271
 cctacagngc cctgcacgaa gtagggaccc cacactagat atccctcttt gtaaagcacg 60
 agcccaactc actggtatc tgattctcac cctccttttt agtcogagga acagtgtgac 120
 ccttggaac gagatttaga aagagggcct tcatgcacag aattctgggg cctggcacag 180
 ctccctgccc agggagtcag cttgctgctg agggctgggt gtagcctagt ctgcttcggg 240
 ctgctgggag aagct 255
 Name: T156 Len: 157 Check: 303
 gatcataaag cctggagatg aggggtcat tcaacttgct aaactccaga cagagaaacc 60
 gtccctcagg cttaggact cgtgggtctt cctggagagc cgggtcaatg tgcgtgacat 120
 tccggatccc aaaggcaatg gtgtaaacgt caaatct 157
 Name: T157 Len: 255 Check: 182
 ccoggyacag taataagaat ggactgggg cctcaggcct gctaggcaag cactctgtta 60
 ttgagctgta tcttcagctt gtaaatgcag tcagtaagg tgggtgcatg tgggagcctc 120
 taatccaata cggctgatgc tctgacaaag gactaaatgt gtatctatct cctgagata 180
 cccacacagg gaagatgcog tgtggacttg aaggacagaga tcagaacaat gtatctacaa 240
 gccaaagaaat gccc 255
 Name: T158 Len: 127 Check: 1AF7
 gngcttcacg tggccttgga gtgcttgoga gtgtttggag ctctgcttca gctgtttaca 60
 ccaaaacttag ctgataagtt gctgtcaaga ctgggagctt ctaccabaga gagaagcctt 120
 ggagagc 127
 Name: T159 Len: 255 Check: B0A
 aaccttcag atcaccagcc tcaagaagca gcacagtttg agaggaaaga tgaacccaaa 60
 gctgaacaaa tggaaaagga tgaagaagag agtcggtcag aaaacagctt cccagccaaag 120
 atcccccagca gaggggagca aacgggtcct gctcccccagc aacctctgac acagcttctt 180
 ccagacacag cctctctctt cctcactctg tcaactctct tttctactct taagttcttg 240
 ctccagggca gntga 255
 Name: T160 Len: 255 Check: 23B5
 actgctttaa gatgcaacag aagcagggct gatgggagca tttttcttga ggaagcgtgt 60
 ctgttcacag ctattctccc tgggggaatg tgcgtggctt cctcgagggg aagatggatc 120
 ctcaattggac acatcaacta ccaagttgtc atcaactctt tcaacatcac tgtcatagcg 180
 agctgcaatt tctttctctt ctgtttttctg cttcttgctc totgaggaaat agtctgtaga 240
 gttcctgtgt tctc 255

Name: T160	Len: 255	Check: 1470	
attatggttg	ggtatgctac	tgttatcgtt	tttccgggtta
gtatcatatc	atagatcat	cgagggtttt	atcaagagac
ctctgtttaa	ttgggtttaa	cttcttcata	gaggataagg
tgtctgttca	acataaacg	ggagcaagtc	acgtatttta
gtgtccacag	taatt		
Name: T161	Len: 255	Check: 2600	
cacaagtggg	tcacacaggaa	ttccaaagggt	agttatgato
ctctataaag	gggtgggoga	gaaggatttc	aaactctggg
acatttgccc	ctggacacatg	ttctagaatt	aaagctggag
atgctggatt	ggtactctct	caccacagac	attagcagat
aggaagcaaa	ggaga		
Name: T162	Len: 255	Check: 1242	
goggtggagg	tacttgggcca	ggogctcaga	tgggcagggg
agtgcagagc	ccacacacca	ggtcgggcat	gaaagtgttc
ggacaccttg	acacccacagc	cattggactg	ggccapctta
cacagagcca	atctgggttca	ctttgagcag	gaggtcagttg
cttggcgacc	cgctt		
Name: T163	Len: 255	Check: 252A	
acttgoggtt	gngcagagca	notaaggcca	cggtgtttga
aaattgctng	nottgaggaa	aaattcctta	aaagcaaggga
agaagctnct	ccagatccat	gctctaaactg	aaaggggaacc
acagctccag	tttgcccttg	gcttatgggtg	ncaccagctc
ccggggccag	naactg		
Name: T164	Len: 255	Check: 1351	
ataaaaatgt	aagatatgca	aactaaagtt	cccttaasta
atacttgctt	cttgcatatc	gcagctgact	gcatgtttct
ccatttgagag	ctgatcttac	ctaggagaag	gggtggatctc
ttttcttagc	atcccaaattg	cagggcatag	agccaggagag
gtggctgtag	gcacc		
Name: T165	Len: 255	Check: 22BA	
ctgggttgcc	acctcagct	gcttctgccc	apcaaggttg
tggtagaagac	atgagctggg	gaagagcaaa	ccctacatgc
caaagagtgg	ngtgtgtaga	tgcttgcccc	agctagactc
ctagctcttg	aggtctcaat	ccagcttttc	ggttgccacc
gggcaaccaga	gccag		
Name: T166	Len: 255	Check: 13D	
accagggcac	caggttgggc	aggatgaagc	acatgagcag
ttctctggaa	catcaccagc	ttctcagctt	tcaggtcaga
ttctctttgac	agccgggtgt	ttgcgtacaa	ggagccaacc
cacggcgagg	gttgtgaggg	tcggcagttg	gtctctgaga
tcctggggccc	atttg		
Name: T167	Len: 255	Check: 16A	
ctgattccag	gattcccaag	aggtattttt	tggtcatctc
tggtgtctca	gggtatcaat	ttctcttgag	tggtgactcg
ccaagaccaa	gggtgcaagg	actgtctctc	catccatcta
gttggaacac	tggtgtcaag	ggcagggaca	gaggttgact
agcttgtaag	aaaaa		
Name: T168	Len: 255	Check: 1731	
acatccctct	ttctgtttaa	gtaaggtttg	ttaagtgttc
aaagccctttt	cattgcaacc	tgaatgaatg	aaagcaacaag
taatatgtca	gtgaagttaa	tggtcagaca	tggttttaaa
ttttacaaat	ttctgaaaaa	tgtaaatcat	ctaatttcaa
tggtatttgc	aattg		
Name: T169	Len: 255	Check: 1752	
acttttcggc	taggtcttgn	caaatcaaca	agnccctcac
acccctccac	aggattagac	cagtgcacgn	ttctgnaacca
gccccanagg	gtttctctct	ttaccagagg	ctaaagataac
aggnnccctn	atgaanccnc	nccanccnccn	anaaccgtct
ccnggcctna	angga		
Name: T17	Len: 255	Check: 2634	
actgtggatg	tgaatgtggg	aagtaatttt	aatcatgtgt
tgcagtaact	cttgctgttc	tatttaacaa	tgcttggttg

[illegible]

[illegible]

accaggtgag	tggtggtaga	gggacaaggg	aaacagaagj	cajgctgtic	tgjactgtg	121
gaatctgtct	tctcatctct	accagctg	gttactatga	ccaccaggtg	gacacagaat	122
gcaaggggtg	cattgacctg	gcagaggtgg	aagctgtggc	acctggcaca	ccacacatag	123
gtgcccctaa	gaactg					124
Name: T190	Len: 255	Check: 1B2F				
nnnnnnnnct	ogggottanc	ogttggctcc	ccggcccgag	gtacacccgg	accgctggaa	125
gcctctggag	gtgttaottg	gtgtggccac	aagctcataa	gctggagaaa	ccacotctg	126
gagatgtcag	gtaggaagct	gaactgtctt	ggcttcagct	ggatccgaaa	gtaagttctt	127
atagattgnt	tcgttgagag	actttctctt	gcagtaggic	gaccccggtt	ggggctccag	128
gaccagaang	ccccc					129
Name: T191	Len: 255	Check: 2395				
acacctctta	cangggogaot	tctagatcta	cnatgatgtc	actttntctt	ggaatattnc	130
tgctctgctg	actagngct	tctccannca	tgaacccnna	atntncnang	aagtngnna	131
nnatgnncoc	gtnggagctc	tgatgcctnt	ntttcaagnc	ttcttcacca	tangnatnat	132
actgtntctn	gnnttcacta	tctgacagaa	ctctcataagc	agcaccana	tcctgttaatt	133
gtctctgggg	ctagg					134
Name: T192	Len: 255	Check: 66B				
accaancctt	gntctggggc	ttctcttgag	tcaagattcc	atttatgggc	ctctgtcaga	135
ctggctctct	ggctggccaga	ctcccccagg	ctcagctctg	tttcccaatac	ctcttttctc	136
ttgggaactgn	gatctccaga	acctgctaatt	ctcagattct	ccctgggagc	ttctccaggg	137
ctcagctctc	attcttgagc	ctcagctggc	ctgggaatcca	ngtctctggc	ctctgtctggg	138
ctctgctctc	agctt					139
Name: T193	Len: 255	Check: 423				
aggtacacca	ttgagaaccc	aaggcacttt	gtggactcac	accaacagaa	gcctgtcaat	140
gctatctattg	agcatgttcg	agacggcagt	gtggctccggg	ccctgtctct	tcgggatcac	141
tacctgttta	ccgtcatgct	gtcagggatt	aagtgcacca	cccttctctg	agaaacagat	142
ggtagtgaag	caccagagcc	cttctgtgca	gaagcccaagt	ttttccaggc	gtctcgactg	143
cttcagagag	atgtt					144
Name: T194	Len: 255	Check: 47F				
accaagctct	gntttctgggc	ttctcttgag	tcaagattcc	atttatgggc	ctctgtcaga	145
ctggctctct	ggctggccaga	ctcccccagg	ctcactctgc	tttcccaatac	ctcttttctc	146
ttgggaactgn	gatctccaga	acctgctaatt	ctcagattct	ccctgggagn	ttcttcaggg	147
ctnanctctc	attttctgagc	ctcactctgn	ctgggaatcaa	ggctctctggg	ctctgntngg	148
ctttggctctc	cagtc					149
Name: T195	Len: 255	Check: 142B				
acatgtaaat	gactgtttct	taacccgaac	ttaactaccg	agcaaaaaat	ttataaagct	150
gcaaaaaacc	aaaaagcaaa	caaacaaaaa	ccagctttca	gcattacatt	ctgggaaact	151
gaagtgcctg	atcttattca	aagttttagt	tctctttttt	agttactaca	atactgataa	152
acaggatata	ctttatatgg	atcagatagc	caggatataa	ttctgttatg	tgaatacttt	153
cattaaagca	aaaga					154
Name: T196	Len: 255	Check: 1424				
accagcgcaa	agcaggcttc	ctgggtgttg	ccgtatttato	tgaaggtgct	ggtgaccaca	155
tcagacaaaag	actgctatac	ccactgtctg	agatcgtgtg	caagggcctg	gatgaccctt	156
cacagggtagt	tggaaatgct	gctctgtttg	ccctggggcca	gttttcagag	aacttacagc	157
cccatatcag	cagctattcc	gaggaggtaa	tgccctgtct	cccttactac	ctgaagtcaa	158
gtgcttatgg	gaaac					159
Name: T197	Len: 255	Check: 1DCB				
caagcttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tggtctactt	160
naannnncc	tttnnnctc	ncacnnnnc	caannctgat	entctncact	nongatnato	161
ncgtgcttg	nnontgaggt	cnctcanna	gtnttaagta	atnctctctt	nttgcccn	162
gaacacactn	ttcagantac	tttnnnccnc	atatntctan	ctattccctt	gtnggttaant	163
gnccctgttt	ccnta					164
Name: T198	Len: 255	Check: 23E3				
accatgtctc	agagagcctc	ttgggtttgt	tcatttttta	tgaatttaat	cagattttct	165
taatcaggaa	ggctccctgg	gaccttcata	gtaagctgaa	gctgtctctc	tcctcactgt	166
agtgttgatt	tcaggtcaat	ggccggccac	ctccctctcc	tccttctgtt	gaagtctctg	167
aacctgttgt	tctcaagtgg	agcggccaca	agccaaaggca	ccaggtcatt	tcagttagcag	168
gatatatcca	tcctta					169
Name: T199	Len: 255	Check: 1622				
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttt	ggacaacatg	170
tcacatttatt	aaaaaaaagng	taanatttca	atctgttaan	atttgacttg	taagcttttt	171
acacattctg	atttttttca	anattttaaaa	aaoncaaggca	aaatgaaana	atttttttct	172
canaccantt	tatctgaatc	actgaaatta	aatgaagcct	gnngcctana	ctcagggggc	173

Name: T12 Len: 255 Check: 428
 aacatggcgg aacaccanga gtatngnaca tgcgagcccc agtccaaagga ccaggntcgc
 tggaaagngca nccagcccag tgcgaagca ggnccgggga agcngnctna nanatnccag
 ccgottanac gcctttccac ttgggcaagn agacaaagga aggacacago naactactaca
 tntccaaaac tacctaccat cnggaaaacc agtgcccgaa tgatgaaggc gaacnggcaat
 ggnnaatna ctcc
 Name: T13 Len: 255 Check: 17CF
 aaggatagt caggatggg tgcaggttc ctctttctgc ctgtttatg gtgttacctt
 ccagccagga gtgtccttaa attgtgccag gggtgttatg aocgagtga caggcccgga
 tgtgtgtta aaaaactcaaa tacagtttgc tccaaagtto ccaactgtccc cccaaggaa
 ttgaaahgc cgaatagag ttattaatca ggaatactgc agtaatgagg attgttgcgc
 cccccccccc cccct
 Name: T100 Len: 255 Check: 5E4
 acaacatgct gaacggggac actaccgcgc aactatgggt ctgctttctg tggatcatga
 aaaaacggga ccagagccct atcaggaagt ggatcgccga cctgccttcc atgcagctca
 acaggatctt agacctgctg ttcatctgtg tctctgtctt tgaatacaag ggaaagcaga
 gttctgaaa agtcagtaac caggtccctgc agaatgaag agatgtcaag gccaaagtgg
 aagaagctct gctcc
 Name: T101 Len: 255 Check: 1966
 acaaaagntc tatatatacc ttgtctaaag acacttaagc gtgactttcc ggggagaagc
 ccacactgat gcttgggtct atctcaccgc tgtccgggac aactctctat cgaactgccat
 gctctagatc taagtgaaaa atggcctttt agtaaatctc caattctgnt tcaactgtct
 tgtccatgaa attcttttct ctgtcaagc cgaaggtctt agtgccctcc totgogttgc
 ccacaaacgg gtgag
 Name: T102 Len: 255 Check: 680
 accaagctct gttctggggc ttctcttgag tcaagattcc atttatgggc ctctgtcaga
 ctggctctct ggctgccaga ctccccaggg ctccagtctgc tttccaatcc ctcttttctc
 ttgggactgt gatctccaga aactgctaact cccagattct cctctggagt ttctccaggg
 ctccagctct attcttgagc ctccagtgtt ctggaatcca ggtctctggc ctctgtctgg
 ctctgcttca gtctc
 Name: T103 Len: 255 Check: 500
 aactcgagga aaagtctctc tttagctggc annctctctt gaacnggtgt cttttgatct
 cactcttctc tntaatnca cgtctaatga ccactctctat tgatagagac ctgccccttc
 agtctgtctc ttaggactgn ntaancatcc aggtatgct tgcagagac tacatgntca
 ggtgntctgg gaatgagcac ccagctctgg ccaggtctct gaatcatgtg gctgaggga
 aagcactggc ctcca
 Name: T104 Len: 255 Check: 1ABB
 cccaaaagag cccngagnnn tngctcnat ctgcttgatc tntgnttgn tncannngt
 ggacccagat gaacactcta attctgacag tgtccacct ggctatgagc ccactctnct
 gctcgagga ctnaatggac tacyggctgt ctcccagct atcccatogg ctccctctca
 ttaggaatc accactcag gcactctcag ccgctctttn ccagccaggn tgtcccttgc
 tggactgat cgaat
 Name: T105 Len: 255 Check: 47F
 acatgctctt gnnacagacg accaccatt atcatagac tttctacaa ctaccgctg
 ccattgggga agaaggtgag gagntctat agccaaagaa cagaaatgga agpanaagag
 gaaactgggt ctgttcaagc taactctacn ccaggtccaa cngatgccag cctgagtcac
 gagacccten attctcagcc tgactgtctc aatcagacgg aggtgctctc cagtcacaca
 gaagatctct ctgct
 Name: T106 Len: 255 Check: 501
 aaatacagag ctttntcaca ggtcgggnat cggagggcaat ccanggtggg aagtccggta
 agtcttctat ctgggntctg ntaaaactga aggaactagc aggcagttac cnaanttncg
 gcttgagcac tgnagactgt cacatttnc cgaatcactc anaaaagnat aacattccct
 tttctctggt ttacttacag aatctgggca aaagctaagc tcaacttttc tgatgcttca
 ggctctctac aggtt
 Name: T107 Len: 255 Check: 61E
 actannctna gagacattag gagttncatc cataactga ctanagccat ttggggcatt
 atgggtggat gcaactgcgc aactctgntt tactccatat ttattctgca ngaatgctt
 gnttg mca ctgtcantga ntctgctgt ggnccgaga tntggggct tannacant
 ctctca gttg ttgttaagta atagcaaatn ttccagatca ttgctctga actttttgc
 tggaattctt gagac
 Name: T108 Len: 255 Check: 511
 acatcaaaac cgattctctc aacaggagcg acagcagga gccagcagcag cagcagcagc

agagagacac	agagctgaaa	agaggtgctt	ggatagagga	aggttggggt	tctggagggt	120
ctagaaacgga	gatcaagttc	tggttaattta	agagatcaga	gocctaagggt	aaagagaatca	121
ngagaagaga	ggctaagttc	cagggagggt	agagatagga	angctggngt	ataggaggaa	122
cccaagaggt	caagt					123
Name: T209	Len: 112	Check: 2607				
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	ttttttatna	atnnnnnttt	aatttatcta	60
aaagcctaaa	ggtaaaaggaa	gaagagacac	aagaggggan	aqacotgann	gt	110
Name: T211	Len: 169	Check: 371				
tatacttgc	cttgcgtctc	acgcagctca	cagcttctcat	attggaaaaa	tgcaattctc	60
ccagcttgc	tggtgggtca	aggtctgtga	gggggggggt	actagggttg	gaagggttgg	120
ctgtctcgg	ccgggggtgt	tgctgtgtgt	gttctgtgtg	ctgatgtg		120
Name: T216	Len: 255	Check: 7AA				
acactctagg	actaocggaac	caactggcaa	ggcctctgca	gaaactcagt	ccagtggctt	60
ccactctaat	acattctcaa	agcaggagat	aaggcgggtg	tgcaagggtg	gaagctgaac	120
ctgtctcagg	acacagcccc	agacacccct	gcacacaagg	cagaggctct	agtagcagcc	120
cggtctcagt	tggtgggtgg	tgctttggna	gcagctagac	agtgaaggct	aggaaaaggcc	120
tcggnaaccac	gtnac					120
Name: T211	Len: 255	Check: 5EA				
acattttaac	taaatgttcc	agacotctcat	tggtgcttga	ggaaaacatgc	ctggatattc	60
gagacacagaa	actgcacagg	gaattttctc	aaattctaaa	cgacttttgg	aattcaaacca	120
agggaaagtgg	ctttttgtct	ctgcacagat	tggaacatcc	tttagaaatg	agatctctgc	120
ccgtctctga	ctgatccagg	ccagggaatt	cacaattggca	gagatcagac	actttgtaga	120
cccaactgag	aaaga					120
Name: T212	Len: 255	Check: 101F				
acattgaaga	gttggcaggg	anctgtcccc	tgctnccct	cacatgaac	tgccaggacga	60
ctattgagga	gacatggag	gtgttgggg	tggaaggagca	ggggcagaat	tttgnccggc	120
atacccaana	aggcagggaa	gcacacagata	gggatgaggt	atacacaatc	cccaactctc	120
tggaagcgaag	tgagtcacca	cagctgactc	agatgctttg	tcattgcctg	aacagctcca	120
gcagattggc	atcaa					120
Name: T213	Len: 255	Check: 25AB				
acacactctc	cccccgttga	gttgaccttg	ctattgttgg	cacagacggt	agctctctgag	60
gtctcttggca	gcacccgttc	cggtcccttg	ctttgtttt	cactgtcttc	agctaggccc	120
ctctcttgaag	ctgtggggagc	agcctctgag	gcactagctc	ctgatgaagt	tcacaggata	120
ggggccaccca	tatgggttgc	ctctgtctca	gcctctattg	cgagttagcca	actctgagtg	120
ctgtctttcc	catat					120
Name: T214	Len: 255	Check: C3D				
cnactttctn	tttttttttt	tgcacttaca	cagggncanc	tttattgttc	antagnatca	60
acncacacac	tanagntgaa	atctcaccgt	tattctccatg	ctgtcnngaa	cagngacaaa	120
gntaacnngn	ngctncatcc	ngncancaga	cccaannntt	tcagctaac	ttactttnac	120
agnnntgag	naaatagntn	cnnnntacaa	tgncacaagg	ttttagtctc	taagggaatt	120
aaatgggnatc	ttgaa					120
Name: T215	Len: 255	Check: 116				
acacacagag	agactgtctg	ctgtttctgt	ttttggattt	gttggtaaaac	tagtaggaat	60
attgtttctc	aactcaggg	gtcacggaca	ttctcagggc	cttgcccatg	gacacagtca	120
ttctctctct	aattgtgtct	tagatcacgg	ccatggccat	gaagaccatt	gccatagtca	120
cgagacacaaa	catggaggtg	cacacagcca	tgaccatgac	catgctcatg	gacatgggga	120
cttgccatcc	caaga					120
Name: T216	Len: 255	Check: 1A3F				
actnttttnaa	cacggngccc	atctctatcc	ngngncagaca	gacaaaagagg	catngcttct	60
ggggccacagg	ctgggtgntg	actctcangg	gttgcaatggg	ctgacaaatg	atagnagggg	120
gntagctctc	cccaagttct	tgatctctcat	actgnccct	ncctaacgcc	ccatctgcaa	120
angcgaatgc	gttggatgat	acgttattca	agatagaaca	ggaaacatgg	aagatccagg	120
tgctacacctc	atcag					120
Name: T217	Len: 255	Check: 13D1				
acagcttgc	tctcttagct	tctctctgaa	cccggtttta	cgcttgcggg	ggggaaaaca	60
gcttgacag	tagactgag	ctctctggag	atggcggggc	tgctctctac	ggtgaaagcc	120
ggaaacccct	cactggaag	tctgtctgca	gtggagcatg	tgaaagggtg	tgctcagcat	120
tctgtggaag	aagggaagg	gaatcttctt	cggtttctct	agagtgtggt	gttcaactgac	120
acaaattctaa	tctgt					120
Name: T218	Len: 255	Check: 7E1				
acaagctttt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttttc	cccanatatt	taatgaattt	60
ganaatcatg	tanccatatt	ccatgaaatg	ngattacctg	nggtgnaggg	tgaagcccta	120
ctgaggcaaaa	caaatgcctc	acaagataag	taaaagcctt	atgcanaatgn	atttctgttc	120

ttacatccca caatgtayac tgnjatypca taandagata aataajagag ttrindggat 64
tttttcaatt tabag 255
Name: T219 Len: 255 Check: 49D
tttcgatogg ccccccgggc aggaocctgc dct jngcna gcanntaang ccpggggtgtt 60
tgagaatrtt gctgtttgtg atgaaattg tctgtcttgag gaaaaattcc ttaaaagcaaa 120
ggaggaajga agtactttgc tgaagaagct cctccagatc catgototaa ctgaagggga 180
accacagctt ggcgtctcctt cncacagctc cagttttgccc ctgggtttatg gtgtcaaccag 240
ctctgtgna acac 255
Name: T220 Len: 212 Check: 2307
actcttcanc anagccctnt ccaaggccat tttjgggact cactctggac actccttttg 60
tgaccttana gctctctcac ctgctcagct ttccacaggat ccagggtgtg totacatggc 120
ccaagacttg ccagtgcctg gtagagcccg gggtccatagg ttgccagagg aagggggcag 180
cagccgggca gaggaactct cagagggcca tgaggaggaa gt 240
Name: T221 Len: 255 Check: 1157
acctttccca tgcctaccag tggaggcatt cagacccagaa aagcaaggcca gcaagtaaca 60
ttcttaagyt tagagaaagc cagttgtgtt gctgcatacc ctgagacaaa gacatcctt 120
tgccagatag agagcctgag acaccaggcc actctccaca aactagatcc atttaaaagt 180
tacttgrrca accaggtgtg gtagtgcctg cttaggtctt agtgccttga ctggcagctc 240
gagaccagca tgcac 255
Name: T221 Len: 255 Check: 1CF5
acccatgtag aaagggctaa acttcccttt gctgaagaga agaaggttat acagagacat 60
caatgcccba gtctccacct tcacaatcac atcctagaga acgataagtc agaacagaat 120
tgctctggcc aggggtatttt tatgttgaca aaatatgttt gcaatatttg aatctccaga 180
ctgggaattc ccaggctgaa attgtttgtg tcagaatttt tatittaatg ttccaagaat 240
gaggtatctt acatt 255
Name: T222 Len: 255 Check: A3A
acctttccag agctccocta cagaaaggag atjgtgagag ctgatctgat taataagaaa 60
gttggaatca aagagactcc tgcaaatctt gcaaaactcc tgaccaggat gtgtctgaag 120
tcagaagcca taggtgatgg caatcagatt gaggttgaia tccctccgac cagagccgat 180
gtcatccatg cgtgtgacat tgtggaggac gcagctattg cttatggtta taacaacatt 240
cagatgactc tcccg 255
Name: T223 Len: 255 Check: 1A34
acagaccta ggcgaagtaa aaggattgoc agcaaaaaag tttacagggt agaatcagga 60
aaagcaggct gcttctctcc caaagtccact cgtaaagaaa aggtccgaag atctctccgt 120
ctgaaattta gtctgaggaa gaacggagat tcaaatggat gttctgtcat caatagacat 180
gaaaatgtg gtgcagcact agcgaatcag cagaatctaa aaaataggat tgagtctgta 240
aaaaagggtc tgctt 255
Name: T224 Len: 255 Check: 57B
actagatcaa gaagactgat atttactata aagaaaaatcc caacottctg tgcctctgggc 60
cccaacagca aacacccgcca aggtccacatc aataggggagg ctcatgtttc cattgggatgc 120
cttccactct ctgaaatagc gctctgcctt ctgcacgcag agctgatacc tgtgcacaca 180
tgctagagat aagagctggc cctctgagcat cctctctgag acagagccctt catctgtcca 240
ggctgtgta ttaac 255
Name: T225 Len: 222 Check: EE6
actngntaca gttcagtggt gtggngnggt ggttttccct agcgtttana atagccatca 60
ttgtctctga ataggccagag ctatccacgtc caggaaaaat gaggggaacc agagggcagc 120
ngagatccaa atacagntatt caaaggtaat tggncagtg gtgcctggng aggaaggagg 180
ggatgactct ccagggntag ccactctcct tgggggtgtg gt 240
Name: T226 Len: 255 Check: 16F2
atggccaggc tgggtccag gtaggatgga ttccacttga agcgggagct tgcctccctt 60
gggactctga atgggtctat agtcaagacc tttaatctag ctaagagcca gctccagttt 120
gtggttccac aaaaactgtg gagtctgttc ctacagatag tagtccact ttacaagttc 180
tttogaactt ctctccgttt ctctctcttt ctgttggga ggactagcct ggacactagc 240
attcagagat tccac 255
Name: T227 Len: 255 Check: 25E3
acctttatng gatattctcc agaaggata ccgtctctat acttcattgg tgatgctttt 60
cagcacagct ctcajctcgt ccttaggttt attaaaggat caatgaacaa gattcttgag 120
gagagtact ctaggccagat cttttacttc ttgtgttga atctgtcttt cactctgtg 180
gagttgtctt atggagtgtt caccacactt ctgggtctga totcagacgg attccacatg 240
ctctttact gctcc 255
Name: T228 Len: 255 Check: 1D3C
actccatatt ggtgtgtgac cagagtgaag gcagcagtg gtgtgtaaa gagaacactc 60
ccaagcggg aggttgttgt gctacgac acagttgcca cgaaccaaga gagagggaag 120

agaaagagat	taaaagtgtg	gaacaggtgt	atgctcattt	ggaaaagcat	tajcttaaat	120
tgatataag	aaaaagctgt	tcgaacattt	aaqtaqaata	ttctagggtg	catttctaaa	240
atattgttag	gtgag					255
Name: T129		Len: 215	Check: 18DA			
ngnabonban	aaactggggag	aagacacatt	tatggfnaag	onggtactcn	gagctggcta	60
ctonacaata	ganctgaagc	acagggcatt	catatgggtg	cccttatccg	nggaacttna	120
ttajgarcta	gngcotnana	anctgtctnc	acagatttca	nanagggtct	agctgaggnc	180
agnjaabac	aaggcanggg	ccctgaagcg	gnjctgndaa	aagctctnga	agctaacgtn	240
tgncncaon	atagc					255
Name: T13		Len: 255	Check: 46D			
acaaacag	cctcaaaagg	caaaggatga	caaagcccag	gaaacctcag	tgtttgaatt	60
tgcttccga	actcccccgt	tagttgtttc	taagagggtt	aaaaacagctt	caagaacatc	120
tgcaaaaag	catcccaaga	aattgttagc	taagatcaac	cgggagggaa	atttcaggcc	180
agaaacaagg	gatagtagat	ttjattccaa	agaaaagctg	aagggaagaga	aggtttgtctc	240
ctttagcaca	acaact					255
Name: T130		Len: 153	Check: 101			
acctaacagg	tgaaaccttt	gtccctgggca	atagcctgac	gaggtccctg	gagacacact	60
cagaccttac	ggactctgct	ttgaagcctg	ccaaacctgt	caggaagctc	cagaccctcc	120
ggactcttgg	ctatcggtcc	ttgttccct	cct			153
Name: T131		Len: 134	Check: 16B1			
acaggctctg	cccagtgctt	gtccctgaac	ccccacctc	catagctgnt	aatggctgaa	60
tgaggaaagt	tttggaatat	gatgcttaaa	taatgcatta	tatcccagtg	tqatgtgtgc	120
tttggtctgt	tagt					134
Name: T132		Len: 255	Check: 250F			
ttggcttcca	tgttttgga	aatttgagag	aggaatggag	ttcttactgg	aatgtggctt	60
atogctggct	gacagatctg	aaatggaatg	tctccaatgg	cagtgtctcc	ctctcgccct	120
cccttggaag	aagccagtg	gcagctgccc	tgcggctgtg	gggggtggcg	acctcaggca	180
gccatcttgg	ccagctgctg	ttctagcttt	gaaatgcgct	cgtcttgatt	gcagatttgtg	240
tcctttctgg	atttg					255
Name: T133		Len: 209	Check: 2440			
actcacajaa	ctggggagata	agcaggctgt	ggncatcctc	tgggtgtgagc	aggcctccta	60
ccactgctct	aaagagtgtg	cggggggaag	ggtagtggct	ttcccactgg	ggctttctca	120
ggggtttcgc	tccttncagc	tgcacgaact	tcatgagcgt	cttgagggcc	agttccttga	180
cctgggaagg	gggatgggtc	aggagttcc				209
Name: T134		Len: 46	Check: 1CEE			
gcagggtggg	gggggtgcgg	ctgagcgcgg	gaaaccgaga	gagcgg		46
Name: T135		Len: 255	Check: 206E			
accccatgg	gattgatgag	agcatacaac	tcacagctgcg	ggagaatat	ggcgacaaja	60
tgctgcgcac	gcagaagggc	gacccccagg	tctatgagga	acttttcagc	tatgctctgc	120
ccaaagtctc	gtgcgtctgt	gtgcctaaat	acgacaacgt	gcctcctaac	taccacaaaag	180
agcctctctc	gcagcagctg	aaggtgtttt	ctgatgaagt	gcagcagcag	gcacagctct	240
ccaccatccg	cagct					255
Name: T136		Len: 255	Check: 24F			
acyactgtgt	ggtaggggca	aaatgcacac	aaattccagc	cccttgcagt	gtaattttctg	60
gggtttgaat	tcaccttaga	agggacactg	tattccaaact	caagtcaagg	caatgtgttg	120
acgagctgta	gcagaaactg	tcaatactat	cttctaaact	acccctggcc	agaaggtttc	180
tacagacagt	gattctaggg	tgagaactgt	cttagtgtgt	gcagtatcct	gcataaaaaga	240
acaaagctgt	catca					255
Name: T137		Len: 255	Check: 2080			
acagaggccag	tggaaaatg	tgttggaag	ggcgtgcaca	gcagggtctg	aagaagtgtg	60
tgtgcagatc	tccaaagatt	atgaagccaa	acttgtctatg	ttatctttag	ctttggaaaa	120
tgcaaaagct	gagattccaa	gaatgcataa	ajaaaaagac	cttttgaag	actccatgaa	180
gaaagcttcc	atgaggggag	tgtgtgcatt	aaatctggaa	gccttgacca	tatttcagaa	240
caaaaattgac	gcagg					255
Name: T138		Len: 255	Check: 16DE			
acagaaagtg	cgtgtggtta	tgtgcataga	caaaagaagtc	atgtgtact	tgtttgtcca	60
gcacgttatg	gctgtctctg	aagtaattta	acacactcat	aatgtgtcag	ttcttgttgt	120
atggagvgag	gggggcacaa	cagatgtctc	gaagtgtcac	ggtttcattg	ttataggacg	180
cagtgtact	ttcaatggcg	atctgtaaat	ccagaacctg	gtgcagaatc	tctttgttca	240
atggagcccc	gaagg					255
Name: T139		Len: 255	Check: 253E			
acaaggctctg	cttctttcgga	gtgtcatcgt	cctgaggtaa	ggaggagcca	agcttttcca	60
tgtattccaat	ttcataggag	ttctgttagt	ccagctctgg	ctgggaagaa	tcttttctgg	120

gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg 181
 gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg 240
 gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg gtttttgggg 255
 Name: T24 Len: 255 Check: 21ED
 actatggggg tnnngagcat ttaagggnth canntottga nttttcaatt gnncagggttn 60
 ncaatatttta tncagattat tanennntgn taocgnnacn ngattncctn cnangtttat 120
 natcgacgnt gtccnngtgg tnnntnncan gongnatttn ngtnnctnt ntggnnogac 180
 taotacagga coogaaactnt gntacncta ootagagtga acannncat anctotaacc 240
 tgggttgaaa tgggg 255
 Name: T240 Len: 255 Check: 11A5
 accgtgnttt gatcattttc acagcacatt tctctccag aaaogggaaa aacacaagcg 60
 tgtgggtttc gcatntttta ggataagaga gagnaagagg ttgggtatag taggaacgggt 120
 tgtcagaaga gatgtgtgta tggtcacgag ggggoggttt caootgttat tgtogaogco 180
 tootcagtt ocaatgcott tatgtccct cctttctctt gttttaactg ttacacatac 240
 agtaatacct gaata 255
 Name: T241 Len: 255 Check: C48
 acataaaagg aocccatata tcatgttgtt aaaataggac attcagaatg cacacacttc 60
 tgtttttctt cttatgtgat aggtagattt ttaatgttaa gcatttttat ttttgtattt 120
 actccatttg taacttaata gtottggatt taaatttaca atttgccctg ttttgtattt 180
 tgttttaatt tggaaaggat aattggaaqt taactgaaat aatgggaagt gaattttatac 240
 tctgcatttt tatat 255
 Name: T242 Len: 238 Check: 1CD3
 actactaaga aatgggacaa gtcaactgag acttcagcgg ctggggctcc catccagat 60
 aagtccaccc cccacaccca ccacacacca cacacacagg gatgtcttgg gaagccctgc 120
 tccacaccca ggaactaccc tagacccata agaaggccag ttggccactg agctgcctga 180
 ggtaggacaa ggaaccccca cttagtgtnc ctggccgggc ggccgctcga aagccgaa 238
 Name: T243 Len: 255 Check: 1640
 taotcggtta gtmatgtgtc ttctctttt acacactggg agtcagtctt ggagctgcag 60
 aagaagtggg tacaggagca gaggtggyac atccggyggc ggccatgtgt agagcagctt 120
 tggagtcccc tagaaaatag catcatcnnn gagccttnat cctnctngt tgggtgaccc 180
 caottgatcc caagactctg gcctttaacc ctaagaagaa gaattatgag cggcttcaga 240
 aagctctgga tagtg 255
 Name: T244 Len: 255 Check: 44F
 aacactaggg cagctcgagg caagcgtat ttaaccaagat ctcctccagc catccgtagc 60
 ggtctgcctc tggtagtagt tctgatctgt caogttctgc cactctcca gcaacaagga 120
 atcattctgg atctcgaca cctcctgtag caactagtag ccttagaatg agctgtttta 180
 gtcctctag catgtcaca actcctcttg accgatgtag attacotgga atgttagaac 240
 coottgggaag tgcta 255
 Name: T245 Len: 254 Check: 1622
 accacatcc ttctgggctc tctctgcttt gtccctttca attttctctc gaaccccttg 60
 tctggcagca gctcttcagc cttctccctc ctggcctcct cagcagcccg gcgtatctca 120
 tctctctgta gttctgtctg tgcagctgac agctcttgcc cttgtctctt ccgtctgttc 180
 tctctctcta aagctctctg cctctctctt tcttcacgtt ccgtctgtct ctgcgcacaa 240
 agtcccaama ttct 254
 Name: T246 Len: 254 Check: 874
 taccaggatg taacacattat tggtttttga ttcacagtct tggaaaggat goctgtcttt 60
 aggttcagaa ctcagcmat gggcnnaac tcttcagyc cttctaagcc aggagtctca 120
 gggctgtctg gaggcagctc tgtcaatgga ggtcgctctt gctgtttaca caatgtctca 180
 cgaatttagt aggtcttctc taacacctca gctctctctc cagccagcac tgtccacacg 240
 aggaacccaa aact 254
 Name: T247 Len: 255 Check: D04
 acatattctt atattattat atatcaactt acatatatac atatattttt mggggggtgtg 60
 ggaaatnggt gtggctacct ccactgtctt tomgtgtma camgtctgaa ggggtgctta 120
 gggcttgata caggytcatt gtgagaagtg tgcacacatga ctcaggactc aactggcat 180
 ggaacaccc aggcacatcc cacacatgta tgtgacatgt agacagacac ctggcatttg 240
 ctacacgcta cctg 255
 Name: T248 Len: 255 Check: 1F32
 taogcagggc ccgtctatct ggcagctgtt taagcagctg ctgctctcac cttacttgnc 60
 aacaggggcm cmcaccmcycc mycgcnncan nncocannng ccacargygc tccaggccaca 120
 gctgcaagtc cctctctgag ccgttaagaa agggacccac agtaaaactga ccatgtctgca 180
 tgggtggccc aggcactctg gggctgatgg tctagtata agataaggct goctcagacg 240
 cctttggcaa cccaa 255
 Name: T249 Len: 254 Check: FA1

caatrasagc	catgagcabc	ccagggetcc	ccctgggaatt	ccctcatctt	ccctctgtcg	60
taaaaaamrb	agawgarawt	gcaannnnngc	ncnccacccn	nnnnnnnnaa	aagaggttgc	120
cccatgggng	ctctctcttc	ccaataggcc	agaatggctc	taagggaatt	tctcaggtgc	180
ctctcattga	agctctgtgc	tttgccctac	aaggatgcca	gtgcccaggt	taactgcate	240
tttactcttg	caaa					300

Name: T25 Len: 255 Check: 040

acccctcagct	agagcacang	gctctctgct	ctgggtcttg	aggacaagtt	cattgcttcc	60
cagcgcttgc	cttcagagct	ttccctcgtt	tgaacctgtg	tcagggaagcc	cgtagctctg	120
ctctctctca	tttttagctc	aggaaagatt	tcaggctcaa	acccctctcc	aggttaattg	180
acccctgttg	ctgctctgtg	caactgctag	cagtatttta	agggagaaga	taaggcaggg	240
agagagtagg	aggtc					300

Name: T250 Len: 255 Check: 1930

acccaggacc	tgctgcagtt	tcctttgtca	cgaattttac	tataatttat	gttaagatgg	60
gotatctctg	ccggccagkg	gnnaaacaat	gnjagcgcg	cccttaagct	tcttactgcc	120
atggaaggga	aaactcagcc	acagcaggac	agcttaattg	atcttttaac	accaactctt	180
tttccatga	aatacccgcc	tgaatcctcc	aaatcagctt	ctccatttaa	tcttgctgag	240
aaacccaaaga	ctgtg					300

Name: T251 Len: 255 Check: 400

taacccctagg	gcagctcagag	gcaagckatc	tttaacaaga	tctctctccag	ccatccgtag	60
cggtctgcat	ctggaagtag	ttctgatcgc	tcacgttctg	ccactctctcc	agcaacaagg	120
aatcattctg	gatctcggac	acctctctga	gcacttagta	gctctagaat	gagctgtttt	180
agctgtctca	gcctgtcacc	aactctctct	gaccgatgta	gatccacttg	aatgctagaa	240
ccctctggaa	gtgct					300

Name: T252 Len: 255 Check: 845

acctctctgcc	ttatcagcct	gccatggcca	atcccacagg	gaacssgagg	gaaggaggat	60
gttggtctgas	aaasmcgaga	gatasamaca	gaagaggggg	agtgaatgga	cccagtgggc	120
tgtcttattt	caaagtgggt	gtgtatgatt	cttatactac	atctatatag	agatattaag	180
gcctctctgag	ttaaagaaac	tsyccctcat	ccgtgctggt	cactcatggt	tgtaaaaatt	240
gttccatgct	aacat					300

Name: T253 Len: 220 Check: 990

actgtctaca	caactggawg	acgtgcggcg	ccagaacatc	gamaagaaaa	ctgagaagat	60
ccgtgagagag	ttcccttmst	hcmatnanga	ccagtatggt	gtctccctct	tcaacagcat	120
gggcacatgag	attgagggga	ccngccctcc	ggagcchnh	tgctctggcg	caaggtgccc	180
ctggatgaac	gcctcatctt	ctccgggaac	ctttctccag			220

Name: T254 Len: 255 Check: 249E

acttgaaccc	gaagcactgc	ataccocccac	gtctcatgac	acacccctctc	tgactccctt	60
taactccagct	ctggcttttca	ctwtctctag	cacaccagag	ccctgttctct	cagcccatcc	120
aaagagtagc	agcagcagtg	gtgacccctc	ctccgacccc	ctaggttctc	ccacactctt	180
ggcttttctga	ggcaccacgc	cacaccctct	gcaggtgcta	cccggttgta	tctctcttcc	240
ctgttctctcc	agcag					300

Name: T27 Len: 255 Check: 2554

acaaatttag	ccacctggcc	ccccgggagc	ggcagacaaat	gtctgagctc	tcaaaagatgt	60
tctgtctctg	cccttaactac	tggaagcttg	agacccctgc	tcaattccgg	cagcgatccc	120
ggctctgagga	tggtgctacc	tataaggtca	actataccag	atgtctctgt	tactgcccag	180
tgctctcagag	ctgogacagc	ctcccccagat	atgagaccac	ccatgtgttt	ggccgaagcc	240
ctctgctgctc	cattt					300

Name: T26 Len: 255 Check: 1010

ancccccccc	ngnccgaogn	accccttttac	agannngncc	annantatna	nnccacantgn	60
taactactgg	ngnccgctn	annnnatcag	gaaccncang	gagcnnaang	anaanaaggt	120
ntaganpcta	caaaaanntta	cagngantgg	anccnaaggt	aangncaccc	tggaagctcc	180
nanncccttc	atgnnctgg	acatctctcc	tannagcttg	ataaacatcc	agagctctctt	240
cagctcagay	gtctc					300

Name: T29 Len: 85 Check: 250

tctgaatggt	gttatatgct	attctagctc	tcattctccac	agcttggtta	acccactctt	60
gaggtgtttt	ttgacatctt	gtggg				85

Name: T3 Len: 255 Check: 177E

ctatctcttt	ctatgatttc	ccgagatttc	tgggaggatt	tacttgctga	cttgatcttc	60
ttttctcttg	ctgtaggtgc	aggggaaggt	ttgactctct	ttttgatggt	aggtttcttt	120
gagcccttgg	tgctctcttc	atgctctctg	gagggcatgc	tggtagccat	gtccacaggg	180
gtctcatttt	ctatctctag	gctccctggg	ggctctctcc	cagctgaatt	ctcagttttt	240
ctgggttggt	ttctg					300

Name: T30 Len: 255 Check: 6E7

acttgccac	aaggccaggt	gattcggaga	tgaaatagtc	ccggaagcgc	ctaatcactg	60
-----------	------------	------------	------------	------------	------------	----

gggttggggg gggccagaaa gctgctaggg cctgctacag tctggcgctc gacacgctgt 120
 tgcagtcctt tgaagacatc cagttgtgtg acatcctggg abagatacca gaaaaatacc 130
 atctacaagg aatgaacaag ggcatggat : aaacctatit tttctgcaaa cctgtttgaa 140
 ggcttggccc tttt 150
 Name: T31 Len: 235 Check: CA5
 acttgcgctt ccgcnnttgc aggttgaac: anggttaggc gaaggcaagc acatggggca 60
 gtagagcttc gatgaatggg tggaaactcat cctgcggaga ggtggggaaa ctgangctca 120
 ggtgtctcca catagatggg gaaaccaaag cctggataga cctccactg atggagagga 130
 ggtcagga atgaagccc tggatagctt actaggattt ccaaggagat gaocggggcc 140
 aagctgagga cctta 150
 Name: T32 Len: 255 Check: 22F3
 acttccagac tagcttggtta tacagctttt cttcttagat aagggttctt ggtttttgtt 60
 cgtttctctt atactatctt gtgtttttg: attctgaccc attttacaaa ttaaaatgtg 120
 tttctctgtt tttttctttt tttacaagct aagaacctag aatagagctg tctgcgcgag 130
 cttcttaaaa caaaagttaa caattgttaa agccacagta tctttttaat tgctaataat 140
 caacctttct tttccc 150
 Name: T33 Len: 253 Check: 24A0
 acttaagat tcagggatct gaaagattaa nagannaaac anacotggag tattatcaat 60
 agtcttcant ntaagtatg anttggatga atnaaanaat tggctcttaa anggtntggn 120
 gnatgaatc tctgnctgta gtaanacant ntctnatggn tatactttt ttgnttnatt 130
 tctgaggtta gaatgttnna gacaaacntn tggggcatta gattctagta ttaaaacaag 140
 tccaatgtgn acc 150
 Name: T34 Len: 255 Check: 1A63
 acttanagag aacagccgoc ccattggaga gcagattcag gagcctgagt ctgagcatgg 60
 ttctgaacca gactttttac acaatcccca gatgcagatc tcttggtttag gccacgccga 120
 agttagaaga cttgaatctg gaaggacacg aacagggaatg aactacatga aagtgagagc 130
 tggagttaagg catgctgttc ggggtctaat ggaggaaat gctgagccca tctttgaaga 140
 tctgatgatg tcctc 150
 Name: T35 Len: 255 Check: 23D0
 ttctggcttag cgtggctcgc gctgaggtac ttctgcaggg cttttagtgc ctccacagat 60
 ctgacatcca acttctgctt tctctttgtt ttaggtgtgt caaatggaca cgtgagaatt 120
 gcaatcttag catccaacac ttctttcggc atctgtgggt gactgaagtc cttatcaacg 130
 atcacacctt ttataagttt ggtgtctctc agccgcctac ctactttgoc ttccactttg 140
 atgagttcaa agtca 150
 Name: T36 Len: 243 Check: 1CC4
 acacacgaac tgcttcttta taaattatga actggagctc ctgatcaagg cggggccggg 60
 gaggacacat cctagggtct tgctctctgg aagaacacct ttaggtaatt tttaaaaact 120
 ttagcatcag gctgctgaag tgcttgacag aactcctgaa ttattctctg agcgacttgc 130
 aaggagggca ggtattcttg ctgaagatac tgaacacatt cggggccocg tttgagatga 140
 att 150
 Name: T37 Len: 255 Check: 103E
 ttctggcttag cggggctcgc gctgaggtac ttcttggga tcttgaaga tgaatgggct 60
 tctagtgat gtggaggtta aacataccgg catcttttg acttgcatat ttagctgggt 120
 ggaacagagt tgttctcttc ctgaatttca aagataagac tctgcaagtc gcatcacaat 130
 attcagtggt gaaatcttga ttgttactgt catctccatt ctctctgctt agaatcagaa 140
 taaagttgta tttca 150
 Name: T38 Len: 255 Check: 2311
 acttgcagat cttctgcaaa gacagagagc aggtgggagc catgggagcc cttctctttt 60
 gagctctctg tgcctgtgga ccagggtgag ggtacaggct ccagaactgc ccgggaaggg 120
 tctctctact gctggagcat gctactgtgg catagggaat ttaattttt ttttttaatt 130
 tcaatctttt tcaattccat gtgtaaaagt ctaggaaatt tcaatttga agttttgctt 140
 tttctgacat tggca 150
 Name: T39 Len: 127 Check: CE4
 actctatgoc ttctgangton ntactnaca gaggncacac ccttgantgc naggaacagt 60
 tctngnggnc cngatggac attcancttg tnnctganc aagatcatat ncncaaaaa 120
 ngtacct 127
 Name: T4 Len: 255 Check: 1E0E
 acttgcgca gactcgaggc ctgaggagct gaggaaaacc aaaactccac tccctaccc 60
 cgcctccgga ttggwtctcc acacatttgt tctctgaat gctgttgct ttgctaagtt 120
 tggcatgta agacottaag ggtgtgtgtg tgcawgmmt gcbatgttt ctaggcagtt 130
 tttagcttg tcttcacata gatgagagoc tactgttgt cagtgaaaar agtgggtgct 140
 cagggatutg gtgct 150
 Name: T40 Len: 255 Check: 23B

acttgggttga caagggttcat caagaagogg cctactgtgt tgtcagcaga caacttccca 40
gacagacat atongcata ctgcaatata gtgotttagag catcctggat ccgggttgag 120
gcccctccca ctggttgtaa gtcaactgag agtccaatca ccgggttggg gctaaaaacat 180
gtcttcata ttaggttaac tccaatggcg tcaagtgtcat aatacgcata cttaactgtg 240
agaggggtga acatc
Name: T41 Len: 255 Check: 19F3
tgagcaccot gaaggtgaag ggtctagttt tgggcccacat tcacaagaac cagaaggatg 40
aagtcaatga aacogacttg aaacagattg atcccgattt angctccag gaagatttta 120
aagacottot acaaagngcc aagaaaaaga gcattccat ctttttggac ctccctccc 180
actataaggg ccagaatgca tggttccctc ctccctcaggc tgacattgta gccacaaaa 240
tgaaggaggc totga
Name: T42 Len: 255 Check: 1B8C
actgggataa agaagttctg cgagccaaga aggacagctc ggaagccttc cttaacgaag 40
gcaatcgtga agtggttaact gaaatcttaac ctgatttttg gaatttttac gtttaattga 120
gagacaccc gagtagtca gccatattt ttagggaata ttattgatta ttttgagaa 180
tatgactctg aaguctcggc cgttttgca acagcttaac gctacggggc ggtgctgtcg 240
ctgtgcacgc tcatc
Name: T43 Len: 124 Check: 20A1
tcattggcat atacagaagc acagtcacat tggcggttagc ctacgctaag ggcataattta 40
atagctactt tcaactgaac aggtcactc ttccatgtcc ccagaccaat cagaggcatc 120
ttct 124
Name: T44 Len: 255 Check: 2014
acttgcacag aatgtcggga ccacccaaga totgctggac atttgtctga agagggccac 40
agtccaggtt gctcagcatg tgttcacaga cgttgtgctt cagggaaggca agccagtcac 120
caaccagaag agctctggac gatgctggat cttttcttgt ctgaatgta tgagacttcc 180
attcatgaaa aaatttaaca ttgaagaatt tgagtttagt cagtcttacc tgttttttg 240
ggacaaggto gaacg
Name: T45 Len: 255 Check: 16FC
acatggctgg aattgatggg gagaaggaa acgctaattgc cctgaagatc ctgctggaga 40
tgggctgagtt ctccagatc caggacgact accttgatct ctttgagac ccagtggtga 120
ccggaaaagt cggcactgac atccaggaca acaaatgcag ctggctgggt gttcaagtgt 180
ctgctacgag ccactcctca gcaaggcca gatcttagag gagaattatg ggcagaaagg 240
accacaaaa agtgn
Name: T46 Len: 255 Check: 11CC
acttcatata tttaaaacttg gaatgaggcc aaagcaagaa aaacacaaag aacacaggt 40
gttaattaaa aaaaaaatca agaattctaa ctagtgnaaa tattatcaca tgaaaaacca 120
cccggatta acaaaacaac cttatgatta gacacttaag acctcgattt tttgcttaac 180
tagaaattta caccaccana agttctgat taaaatacag aaatctataa agctggcgca 240
ggacgttaac ttgat
Name: T47 Len: 127 Check: 6E7
acaatcagag ttcttagaag taatgaacga aatctggggc aacgacaaaa tcaggagcgc 40
cttccatttt tcttcaagc ctggctgctt tgttcaggt gctgacatca acatgctggc 120
ctcttgt 127
Name: T48 Len: 205 Check: 95C
acaaagtggg ggaacttttc ttctatctca cgatgggatt ttctccagcc ttgggtggta 40
catcaatgaa taacactgac gcaattcaag agcttgctg tgggggctg atctactgac 120
tgggagtctg gttctcaag agcgatggca tcattccatt cgcctatgcc atctggcacc 180
tgttctgggc cacagccgnc gcctg
Name: T49 Len: 255 Check: 4E4
tttttttttt tttttttttt tttttttttt taaaaagaaa tttttgctt tattajaatg 40
gcattaggcc ttaaatatgc caatttttgt aatcacatta ttgttttaac aagaaacgac 120
tctacagaat tgcaatactg gtccaacagt cttgtcttct ttttaagca agaaaacagaa 180
tjtaagtaac caaaaagcag ggcaggcacc agctaaccac ggagactagc ttcttagarc 240
ciagcgtttg cagag
Name: T5 Len: 255 Check: 2E80
acaagctttt tttttttttt tttttttttt ttttttttg ggaaganaat ttatttagct 40
tcacagajaa gagctgcccac gagcaaaagc ctgcttgggg ataggactgt ggtggcttcc 120
aaccaaaatc gtagatganc ccacctgntc cctnccatc tgtggaaaaga gctaaagct 180
gacacccaaag aacaccttaac tgggttgccc tctgggnatag acacagactt gggcaaaagca 240
accttgctg gacat
Name: T50 Len: 166 Check: 12C3
acctctttcc agatggngtg ctcttgatgg tggatgagat ctggagcct nctttctgt 40
cccacagaat tttcttgctc atgtctccag ctactatata ctggcangag ggnncttgg 120

Name: T51 Len: 255 Check: FE7
 actggttaca caactotottt atagaactoc ttntgctgga aaattttccac atgctttttga 60
 gagattccccc aaaggggcgac gotattttat tttagtaagc tatttatott tgtttttgaa 120
 atatcaaaac ccggagggtcc ttttttcagt atgacttttt ttattttgtt ttttttttat 180
 tttgtttttt aggttacctt gtcagaagca taacagggta taagttgatt cataataaat 240
 acctgtccat ctcca 255

Name: T52 Len: 255 Check: 6B
 acatcttttag ttttacaatg cagatcaaca gaatacagga attccagcat caaccaagtt 60
 tttttttaca tttttcttgc agttacagat actattttaac aagattccaa tttctaagaa 120
 aaacttagtc acaatgctat ttgatcttcc tttaggtctc aaggctgaaa atgttttcaa 180
 ttctgtttta acaataacaa ggtctttatt ctgaaatata gcaataccag cctataccca 240
 acagtgatcc taaaa 255

Name: T53 Len: 255 Check: 23D4
 acgaatttgg tcccagatgg tgaccatcca tgcatacata gcagccactg tgagggtgtgc 60
 tgtggcctga ggcctgggtt ttctgaattt ggggaactgoc acatctgggc tttctctctt 120
 atgatttttt ggggttgnnt ttgtagcngn ttattctgggt caagtttaca ctaccagatg 180
 gattattttt tgacaaaaca gggtagcaan agagccaggag atgggttgnng ccggacagtc 240
 cggctctgag nggga 255

Name: T54 Len: 255 Check: 13A6
 acaagctttt nttntttttt tttttttttt tttccaggtt ttaaaaacttt atttcgatat 60
 taaaaaaatt gggcattcca ataattaaaa tcnnttgaac aaaaaaaaat ggnactntga 120
 ttaaacngca ttttatatcc tgcagaacat ntttatttta ctctnaattc caccatntcc 180
 caccagntt tttctttnac caacatgcaa gttctttttcc ctntctgcca nccaggccag 240
 naggtgggog gcaaa 255

Name: T55 Len: 255 Check: F10
 acaattttga ttttccacat tgtggccttt taaacaccta aaatatttaa taaaaagaga 60
 atttctccat ctctgtgtcc totatccagt tgcacagttc cgagttaatga cccaacataa 120
 aaattcaagc aaatgtaaag ccagccacac tgtctctaga acagtggtta tcccttctct 180
 ttagtgcctg acatcttctt agtgtttgtg agaaaaatagg tttaaatctg aatattcaca 240
 gtgaaaaagct gaaat 255

Name: T56 Len: 255 Check: 113D
 acgtctctct ttggctcttt aaagaaatgg ctgcacogac ctctctggag gtttcaggga 60
 ggcccagagt gtgaatgctt ttaggataaac ctgctagctc ttcattgaact cggatagccc 120
 agatctgatt tcttttaaga atgaaaaacag tgtctctgtt agtaacttca tatgcagcat 180
 ccattgttga tggaagagac ggccaaaatg aagagatcaa ataaaagcca ggctcagggg 240
 ccttgagaga ttttc 255

Name: T57 Len: 241 Check: 9CF
 actaatctct ttagcatgtg ccattccccca gctgtctcca cacacccctc tctctcttag 60
 ctctaagctc atcagttctg agttcaactg agctccttta tttcaaatgc agtccagggt 120
 agatgggcaa tcaagtttgt cagaacaaat ttaaccaaac ctctcccaagg gaatttcata 180
 actcagaata ctacaggaa cctagacatg catgnttaaa tattatttaa tgaacagact 240
 t 241

Name: T58 Len: 255 Check: 529
 cggactaagt agctggcgaa gcanctacat gcaontgacc agnacncttc taagtgcacn 60
 ganctgtctc ccaaataggt gaaggagatg naacagttctg tgaanaanta tgcatanogna 120
 gctntgngcg tntgonaogn gaaacttgon ttogagatga atgtttaagg tgaacaggag 180
 cncaaccccg ccggagacan aaaoncccca gonaongtgg gttncaagga caantctgna 240
 naagccaaga anacc 255

Name: T59 Len: 252 Check: 1323
 acaagtttaa ggcattcaaaa tgactaatta tagaogataa taacagtctg gatccctagga 60
 ggcacttga ggggttttaa ttggaaataa goattttgaga taatgttaat agcagtgcaag 120
 aaaaatgaag ttaaaaacaa atcagttgtt aagaagcctt ccgtctctga ccttgctttt 180
 aatcatctcc tccacagaga atgagcagaa ccttctctgta gtctccagaa gtgtcgccct 240
 tgataaaaaga gt 252

Name: T6 Len: 255 Check: 1773
 actgttaagc agagtccgct gctgtctctg ccaggccagcg ctctgtgaag gctctcagag 60
 accctcgctc tccacacagt ctgactccgt gtcagggtca ggtcttggga gagtgaagg 120
 gtcgacactc ggggttgggg ggcttgcaaa gaacacaggt atttccagat agtgcagct 180
 tttttgaaaa ttaattttt ttgttaaaaa taactatttt aacctttgag tggctctttt 240
 ttaaacctaa aaact 255

Name: T60 Len: 242 Check: 1F3C
 accagcgctt agggggtaga ctatgaggag cgagtgtctg cgtccattgn taatgaggtg 60

atcaagaggt	tytgggocaa	gttcaagcga	ccccagctta	ttacccaggt	gacccaggtg	120
notctgttga	tcgaagaga	gctgacagag	cggtgccaagg	acttcagcct	catactggac	180
gatrtagcta	tcacagagct	aagcttcanc	cgagagtacc	tgcccggnon	ggccgctoga	240
aa						240
Name: T61	Len: 255	Check: 1C6F				
cgccgatatg	tgcccaagtt	tgtgttgatg	cgggccaata	tcagggctgt	gtccctcaag	60
atacaaacctc	taaaatccaa	caactcaatg	gcacaagcca	tgaaggggtg	tactaaggcc	120
atgyccacca	tgaacagaca	gctgaaatta	ccccagatcc	agaagatcat	gatggagtgt	180
gaacggcagg	cajagatcat	ggacatgaag	gaagaaatga	tgiatgatgc	cattgatgat	240
gcattgggtg	atgag					240
Name: T62	Len: 255	Check: 705				
accttacaga	tgaagagact	tctgtccagg	ttctcttgac	tgaagggcat	aagtttgacc	60
gggatgttga	actcctgatt	tactacogtg	aagtgcacag	ccccagtgtg	gctgtggaga	120
agggaaatgca	ggacaagaag	cgagatagtt	tgatgggagc	tccttctgca	atgggtgagct	180
tctacccaga	catcccagaa	gtgaacgctc	caaaggtctg	tggagaattt	gtgtttctaa	240
tggacccgtc	aggaa					255
Name: T63	Len: 183	Check: 61A				
ttcggcttcc	gagcggccgc	ccgggcaggt	acacctcgtt	ggtgtgaagg	aaaagagaga	60
tcctgtccgg	cggtgtaaac	aggagcagta	ggcgctgcag	gaacccaggt	aggaaggag	120
tgggtcgtcc	cacaaacacg	ggcagaagca	ccccgggggg	aggctgaccc	ccggggagag	180
goc						183
Name: T64	Len: 183	Check: 20D3				
accatgttgc	atgtggcttc	ctctggatar	atctaagccc	ttctgcacat	ctacacttan	60
atggagntgg	tcaaagggaa	catctgggtt	atgccttttt	tacagttagt	ttaggaaccc	120
tgggatgttt	gtgtttgaag	tgtggagttg	tgagccgttg	actgtggaca	gtcnacagcg	180
ngt						183
Name: T65	Len: 255	Check: 1711				
acaaacccgta	gaacttcaat	cagcagagag	ataaaggcgt	aacacaaccc	cccacccaag	60
gtaatgggtgg	acagcaaggc	tggaaatctc	atcctgcaag	caaagaagag	gggactgcaa	120
agtggagtgt	gtgggtaaac	ttantctctc	cttgctactg	aattcataaa	gnaagaggcc	180
tttacaataa	acccacaccc	tttaattttc	tactacataa	taggattata	aggccacaga	240
attccttttg	ggaaa					255
Name: T66	Len: 245	Check: 2607				
tacttncaga	caaaccacata	cttcacaaac	atgggtgatc	tcaggaggtt	ccagcgcaac	60
cgctcaggtc	ggtttgtgtc	tcattctacc	ccaatacgtt	ggcatcgggg	acaggaaacc	120
caggtctgca	atcgacaggag	ccacgacacc	agagaaagct	tcttcaactg	gttttccaac	180
cacagccctnc	cagaagctga	cagaattgct	gagattatca	agaatgacct	gtgggttaac	240
ccagt						245
Name: T67	Len: 166	Check: 1820				
acagcgcccg	gcaga-gaagg	cgctgaacc	gaggcctgcg	gaggaagcag	cactcaactgc	60
tcaggcgctt	gaggaaggcc	aagaaggagg	cgccacccat	ggagaagccg	gagggtcgtga	120
agaaccacct	tagggacatg	atcattctgc	ccgagatggt	cggcag		166
Name: T68	Len: 194	Check: 2479				
aaaaaaaaaa	aaaaaaaaaa	aaaaaaaaag	tgtacacggc	caggtgtctc	tcctcgatct	60
tgtggatgga	ggccntaaag	gaggatccgc	caccaacccc	accactgnan	ccacccaaaag	120
ccgggttga	gtcatattca	tccttgnctc	tcgggtcagt	gacgcctcgc	cccgccccgc	180
acgtgcaagn	ccgc					194
Name: T69	Len: 239	Check: 1C69				
acggcgccaa	atacatccag	acagacagcg	gcacctactg	tgttccctgc	tacgacaaca	60
ccctcgccaa	ccactgtgcc	gagtgcacgc	agctcatcgg	ccgctgattca	agggaaactgt	120
tttatgagga	tcgccaactc	caagagggct	gcttcctcgc	ctgcctctgc	cagcgctccc	180
tcggcgatga	gcacctccac	tgtcaggaca	gtgagcttcc	ctgtaatgag	tgtactgt	239
Name: T7	Len: 219	Check: 348				
gtacaagctt	tttttttttt	tttttttttt	tttttttagga	aagcagagat	ccactgagtt	60
tattttctca	acgntttctg	cagtgcacct	agngaagaa	ccacagcagc	tgggcccag	120
ggnacaaagg	gatgctgcgc	tggacatcaa	aaggngacag	actgaaatga	gcaggactga	180
gctgtgtggt	tggntcttnc	acaccagcgg	nottnaact			219
Name: T70	Len: 255	Check: 118A				
ttcggcttcc	gagcggccgc	ccgggcaggt	acgttcccat	tatgcacatc	ttgggtttttt	60
gaaaatgagt	gacacccatg	ccgttttatc	ctttgaagaa	aaaccagctg	ttcaagagaa	120
gatctgggtc	gtgtctgagt	ccccaaaggg	tgtttggatg	caagcagaag	tcagcttttaa	180
gaagcccatg	cccaaggaag	tggcttttat	gagcctatgc	aaaagctttt	gggactgtgg	240
actggtagcc	ctgga					255

Name: T71	Len: 255	Check: 1207	
aggatagag	agaggagag	atgtgagat	agaggatag
tgaabaggaa	gagagagag	aggggagaa	gaggatag
aggggagat	gagagagat	aggggagat	gagagagat
gagatagag	gagagagat	gagagagat	gagagagat
Name: T72	Len: 255	Check: 1027	
aggggagat	aggggagat	aggggagat	aggggagat
gagatagag	gagatagag	gagatagag	gagatagag
gagatagag	gagatagag	gagatagag	gagatagag
gagatagag	gagatagag	gagatagag	gagatagag
Name: T73	Len: 255	Check: 1816	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T74	Len: 255	Check: 191	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T75	Len: 255	Check: 02A	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T76	Len: 107	Check: 197E	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T77	Len: 163	Check: 1460	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T78	Len: 255	Check: 2638	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T79	Len: 255	Check: 39	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T80	Len: 255	Check: 12E4	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
Name: T81	Len: 255	Check: 963	
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag
aggatagag	aggatagag	aggatagag	aggatagag

ccctctctggtt c acccaaaa agagctcaag gcaaaaactgt caaggggaaa gaagctgatt 121
 tgggaaagaa gctttgtgtc tgggttatctc ttttaaacac caattgggaa aaatgggggc 130
 ctgtgggcctg ggtcttaaac ctggcttaca aacctttgaa gtccacgtca ccattgagct 240
 tgaactgtgac aatat 255

Name: T12 Len: 255 Check: 153
 ttgggttag cgtgggtgcg gccaggtac gagaccccca gacctctata ctgcagacca 60
 aatccctgtc aaggggtgtg acctgcaaaa gtgcgycaga gaaggaggcc gaggaacttg 120
 agaaactgca acatataaaa ttcaaaagca gggaacttga tccagaaatt tttgaaagt 130
 gcccatctt gcccaagaga ccacctgtta agctctctac ccagctgtt ggttttgatt 240
 tggaaactga gaaac 255

Name: T13 Len: 255 Check: 1670
 acaagctctc tttttttttt tttttttttt tttttttttt tttttttttt 60
 ttttttttaa ggttcaaaaa aatattttat tataaaaaaa acaatggaaa aaattttatgc 120
 tgaaaaaatgc agcaataaat acagttaaag ggaacaggga ctttacagta aaacattggc 130
 acaaatgaaa tttgaaggca cncacccan acctacatgt ctggggccat tttgttaaac 240
 ccccttttaa agnc 255

Name: T14 Len: 255 Check: 1218
 actgcattgt gatgnccacc gggggncacc ggacactcct tgnaggagct aggtctctca 60
 gatcagtgc agaggtgtct cagagaggtc agagcagggc agcaagcttc ctacggcctc 120
 ccagtgtct tccaggtgtc catcttgtgc ctgagggcca cagagctgca tgaagtctgg 130
 caaacgcaac aaggattcaa ggtgtgtggc agagaagcct cggcaagcaa ggatctgtgt 240
 ggcaatgacc tcttc 255

Name: T15 Len: 255 Check: 203E
 accagagact tgnctctgtat ctgtgggttc taacctgnt tccctactc ctgagccctc 60
 tgaagcaaaa cttatggttt caactcactc tgaacaggtg tcatctcatg agatgccact 120
 tccagttaga cttcccccct ctacattgca gtctatgtct cctgttgggc ccaccccttc 130
 tacagtgcac accccattgc cttcccccct gagcttacct cctctctctc ctctctctgc 240
 aagtgtctct ggtgt 255

Name: T16 Len: 255 Check: 1097
 ggcttgctg gctagtctat gtgggagagt ccttgtatgc cttggtattg tgcaggcgta 60
 caggaatcac agacagccag gccagctcc tctggttct acagactttt ctgtttggtg 120
 tagcctctct ctccatctct tttgcttaca gaccaaagca ccaaaaacat aattaaagga 130
 gaaagcgggg tttcttttcc acttcttcaa gccctcttc agtgggtctt ggtttccagg 240
 atgctctctc tgtct 255

Name: T17 Len: 197 Check: 58E
 acatggcaaa acctcaactg gggaaacacc tcatacgtc agtctgtaga caaggctgtg 60
 gggaaattgt ttaatgactg agagaagaac tcagtctgat gtgggtggca ctacctctag 120
 ataggctgaa aacaggctga gtgagacagt cagcaacact ggtttgtctt cagttccttc 130
 tctggttctt gcttaa 197

Name: T18 Len: 255 Check: 1602
 cagctaccc tgcagacacc tctgggctg cggcggagca aggttcacca agaccgacct 60
 tctctagaa gtttacagt cctcacgtct gtgcaggtt tggctctggt gggcagctcc 120
 tcaaaagcat acccaacctg ccttcagaag gacagccgc attgggtgga gatccacagc 130
 cttagagacc ttgtgcaag cacacacctg agcaggaaga aatgcgtcc ttccaggac 240
 ctctggcaca agatg 255

Name: T19 Len: 255 Check: 1500
 acaagctctt tttttttttt tttttttttt tttctacgtt agggctgctg gctcggttac 60
 atgctctatgt gttccgggag aacatagcaa atgtcgtccc aggggtgagc atacagccct 120
 tgccttagcc tctctgtgtc aagatagtgc ccgatgaagc ccatactctt tcccagcaca 130
 aagacgtcat tgagggtctc aatgtcaaca taccggccag cttctctccg ggtgaaggag 240
 ccacagtctc taagc 255

Name: T20 Len: 255 Check: 394
 acttgagctt caatccccc cagctcagtc gaggccatga ccgcttgat ttgctgtga 60
 ctgttctgtc cctccaccca ccttttgat accgagagc acaagaactt ggtagcccg 120
 aggatcact gcaggacagc agtgacctg atactgagc tgaggaggaa gtcagtatgc 130
 ggtctctccc accccagat ccagagact tcacccgaat gcaggacatt ccgaagaga 240
 cagaaaagcg agatg 255

Name: T21 Len: 255 Check: 2E2
 ttgggttag cgtgggtgcg gccaggtac cctgtattta tatattagaa aagtagaate 60
 caccaaatga caagatggaa cagaaacaga gtaaaaatat atcagctggt ttatttttag 120
 aggtatattg taactaaaca cttttcaaac taaagctcat tctttaagga cctctggag 130
 accatatgaa tgtttgtgta tgggtgtgta tatatttact tatatctga attctacta 240
 attttgctc tctta 255

Name: T91 Len: 41 Check: 1D
 cgcataaaaa cgcagaacttg aacccacatt tgcocaaato cacattttatt cgaacottaac 60
 agccgaattta cagcttgagg t 81

Name: T92 Len: 149 Check: 231F
 nncaaatnan acccacagca gactacotag gttacotgga aagaactaag tttotatagt 67
 aataaccaat aagaaatgaa gaccaacca ccatotataa aacotcaoct tatcctttga 100
 atccaaattct gacagcatgg aagatcaga 114

Name: T93 Len: 255 Check: 14F3
 acgctgatgg agattccatg caccataaaag cagttcagcg cggagaaaaa gtctcccagg 117
 gacogaatcg acaaaagaaga aatgggaaac ggaaagaaaa ctggggcatt tctttttcct 120
 cgttgthtta atctggacaa aagcctaact cctggcatca ggatgctact gtgactcaag 140
 agagaagcta gaactgcact agtcacgaag gtcaagttca acctotagga ggatggagaa 241
 caotcttctt gtggc 255

Name: T94 Len: 255 Check: 138B
 ggataacago ttctttctact tgaggacacp tgcaaccaag aggatctctg gcatacaaaa 60
 cttotaacac aatgtctgag gcttcaatca cctttttaag ttcttgacaa tgtaacttct 120
 ttggattctg tttgcctgat ttagctttct ttattttggg ctcatcagat tctctctgag 130
 tttccatatt agattgctca tcatcagggp taatttcaag ntctcttttt cgttcttggt 240
 ctttttggct gtcaa 255

Name: T95 Len: 255 Check: 15A9
 atccagtgcc catggatgcg ggttttttgt ttgtttcagg ctgtgagaag ttacacgctg 60
 gtcagctgac tttctttttc tgagagaato acctctcaaa tgctttctctg tgctccctga 120
 gggctctctg gctgggttgca ggtttctgtt ttactgggtg tctgggctgg ctgggtgctt 130
 gttatcactt gatagaaaaga atagaaaatg ttctactctt taccctgcta gcgttgagta 240
 gtgttaaaatc ctata 255

Name: T96 Len: 255 Check: 1353
 atccgcttaa cggggggccc gcccaaggaa aagaacggga aaccgggaaa atcctgcaac 60
 aaagcctaaca acaaaaaagg aaggaagggg cggggcagtg ccaagactga tggctgtcag 120
 ggcaagtga attctagact gagcatggtt ttctggaaaca gatgatcttg gatgatcagg 130
 aatccgagga cctggaccgt ccatcattga gccaccagtt tgctggagca cagacatggg 240
 tgttttagca ctcc 255

Name: T97 Len: 255 Check: 1E90
 acctcajaga abccaggcca gggcagatca ctgagtgcaac cttctgcct aggcagggct 60
 gctctcggac ctagtcaact tatctgatgt caggttggtg ccatagcctt tgtgaacttc 120
 ttgacccag agctatttgc tgaggtttgt atgagaagtg tgtggacaac aacctcaggt 130
 ttatcagatg tatttagtag tagggcaaga ggatctcctc tcgattttctg ntcccccttt 240
 cttagttcca tacat 255

Name: T98 Len: 255 Check: 1ECE
 ttgggttttc gagcggccgc cggggcaggt actccttaga gccagttgct gcagaactca 60
 aatctctgct gggcaaggat gttctgttct tgaaggattg tgtgggctca gaagtagaga 120
 atgctctgtc caaccacgg gctgggactg tcatctctct ggagaacccc ccccttcaag 130
 gaaaagaaaa aaggaaggga aaagatgctt ctgggaacaa ggttaaagct gagccagcta 240
 aaattgatgc ttcc 255

Name: T99 Len: 255 Check: 134E
 accttgjoda tonaentoca ggaanongtg ggggaagaac gagagggncc acaccaaccc 60
 nggancttin cggaaagcaca ctcaacagnc aggnctcncc ganacnggag nggcnnnag 120
 abccaacaan aagangngc annngnggn caaacngcct ngggnnnnng gaggaanga 130
 agcnngncca annngagngc acaaggngc ggaaagnncc ngncnnngang naaaannagn 240
 gncctgnca aannn 255

Figur 12

Name: 1	Len: 489	Check: 2459				
NAAAGGCGTTC	ATCGATTAT	AGAAGCTTTTC	AGAGTGATGG	TTTCTCGAGC	AGAAATTGAC	61
ATGTTGGGATA	TCGGGGCACA	CTTAAAGAGA	CTCTATGGAA	AGTCTCTGTA	CTCGTTTCATC	121
AAGGGTGACA	CATCTGGAGA	CTACAGGAAA	GTACTGCTTG	TTCTCTGTGG	AGGAGATGAT	181
TAAATAAAAA	ATCCGAGAAG	GACAGGAGGA	TTCTCAACAC	TTTGAATTTT	TTTAACTTCA	241
TTTTTCTACA	CTGCTATTAT	CATTATCTCA	GAATGCTTAT	TTCCAATTAA	AACGCCCTACA	301
GCTGGCTCCT	AGGAATATAG	ACTGCTCTGA	TTATTATTCA	CCTATUATTA	GGTCCATTAT	361
GAATGCTTTA	AAGCTGTACT	TGGCATTTCC	AAAGCNTATA	AGGTTATAAT	GGGAGGTTTT	421
NAAAGTAGGA	NTTAAATAG	TATTCCTCTT	TTTTTAAAA			489
Name: 10	Len: 227	Check: 1473				
TTTAACTGTG	TTGCTCTGTA	GTGTGACCTC	GGAGGCTCTT	CCTTAGGAGC	TGAAGTCAGG	61
ATKAGAAATC	ACCAACTGTA	CTGCAAGGAC	TGCTATCTCA	GATTCAAAATC	TGGAAGGGCCA	121
ACCGGCTATG	GATGTAAGGC	TCCATACGAA	AGCACTGTTG	CAGATAGAGG	AAGAGGTGGT	181
TGCTGCTCAT	GTAGATCNAT	AAATATGTGT	NGTATGTCTT	TTTNGCT		227
Name: 100	Len: 452	Check: 178A				
TGTATCTTTG	ATGAGGTTAG	TTTTGGTATT	ACAGCAAATT	TTTTTTCTTC	TGACAAATCT	61
GTGCTCTGTT	TATATTAACT	AAATCTTTAA	AAATACGAAT	CCTGAGCTAG	AGTAAAAACA	121
ACATTTTGA	CTAAAGAAAT	AATGCTTTCA	TTGTTAAATC	TAAACAGCTT	TAAATTTAG	181
CCATGGAACA	TAAAGATAAG	CTGGAATTCA	AACTTCTGAT	GTCCATGGCA	AACTCTGAATA	241
CTCTCAGCAG	AAATAAAACA	CACATAGTAG	ATAATACACA	ATAGTAAAAA	GCATCAGAAA	301
TTGATGCAAC	TGGATTTTGT	TAAATACAA	AAAGSTCACT	CAGTCTTTCA	TGGATAAAAC	361
TAGCTGGGAG	AATAGCACTG	AACAGTGTAT	TGCATTGAGC	AGAAATGCTT	CAGAAAAGGCA	421
ACACTGGATT	CATTTTTTGA	CAGGCATAGA	CT			452
Name: 101	Len: 447	Check: E33				
TTTTTCAATC	CTGATAGTTC	TTTATTTTTT	CAAAATATAT	TTGCCATGGG	ATGCTAATTT	61
GCAATAGGTT	TCATAATGAG	AATAACCCAA	ACTGGATAAA	TGTGACAAAT	GATTGACAAA	121
GCATTTTACA	CCCTTTAATT	ACACCATATG	AAGAATGAGG	GGAAAGGCTT	GTAAAGTAG	181
ACTACTGCAA	TGCTACTTAT	ATTCTTGCAA	TAAACCAGC	AAGCATCCAT	ATCAAGAGAG	241
TTATCATCTC	ACTTCCAACT	TTTTCCCTTC	AAGAACAATT	TGAATCTCTT	TGGCATCCAA	301
AGTCTCATAG	GTCAATAAAG	CTTCTGCGAG	ATTCTTATGC	TCCTTTGCAAT	GAGTTTTCAA	361
GATATGTTTT	GCTCGTTTAT	ATGAGTCACT	TAGAAGGATT	CTTATTTTCAAT	GTTCGATGGC	421
AGATTGGGTT	TCTGGACTTA	GGTTTCC				447
Name: 102	Len: 368	Check: 1FEC				
TTTTTTTCAA	AAAAAGAAAT	CTTTTAATAA	AAATTACTCA	TAAAAATCCT	AATAAATTTT	61
AAAGAGCAAG	ATATTCTCTA	TTACATTTAT	AAAAGAACAT	TTGGTCCCTT	TACAAAAAGA	121
TCCCTTTTAA	TTTAAATACA	TTTCTTATTT	ACAGATTAAA	CATAAAATAT	CATCTACAGT	181
TGCAAAAGCAT	ATTGCAACAT	ACAGAGAAGC	ATTTGTGTAT	TTCCGTAAGT	TTTCCAGAG	241
TTTCAAACTC	TATACTTTTT	TTTGTAAAAA	GATTTTACCTT	TCTTATGCAA	AATAAATAAA	301
AATGCAAGCTT	GTGTTTTTGT	ATTTAAAACT	AAAACAAAAT	AACCTTTTAA	AATATTATTC	361
CTCTGCTT						368
Name: 103	Len: 635	Check: 1390				
TGGGATCTTT	TTTTATTTTT	ATACACATGA	CAAGATTTTA	CACCAATAAT	CAGTTAATA	61
GTACAAATTT	ACATTCAGGA	GGAAATGTTA	AAAAAATTC	ACTAAAAAAA	CCACTTCTTC	121
CTGTGACCCA	TAATCCCAAC	ATTTTACAGT	GCAGSGGAGA	AGGAGGCTTG	GGGAAGCATC	181
CAAAACAGAT	CTCTCAAAAG	AAATGACTTC	AAAACTTCAC	ATTCCTCTTC	CACAGGGGAT	241
TCATAGCGAG	AGTATAATTT	ACAATTCATC	CTTCTCTGTA	GATTCCTTTT	CTGTTTCTTC	301
CTCTCTCTCT	TCTGTCCTTG	CATCTCATTC	TTCTCCCTCA	TCCTGCTCTG	AGTCTTCTTC	361
GTCTTTGAG	GTGTTTCAA	GGCTCTTCTT	CTGGTTCTTC	CTCCAACTGT	GCTTCAGGGG	421
CAAGGTTTAA	ACTGAGGGTA	AGATTCTTTT	CAATCGAACT	CCATAGGCTT	TGGTCTCTGG	481
TAGAGATATA	CTTGAACCAA	GTGTTGACGG	TTTCAAAACA	AACTACAGCA	AGAACTATGA	541
CTGTCTTGGC	AACTTCAAGG	TCTTAAATTC	GGGGAAAAAT	GTCTCCGAAC	AGGGGGGGGT	601
CTGGAATGAG	TTCGAACGTT	TCTTTTAGAC	GGGCATAGTA	ATTTGTAGAG	AAAGTCTCTG	661
CCGGCTGGTA	AGGCTGTGGC	TTCAA				635
Name: 104	Len: 676	Check: 2F6				
GCTCATTTTT	AATTTTTATT	GATTTTTTAA	TGCTGCACAA	CACATATTTT	ATTTCATTTT	61
GAATTTTATT	TATTTCTTTA	TTTCTGTGTC	TGCTTTTATT	TTATTTACTG	AAAGTGAGAG	121
GGAACTTTTG	TGGCTTTTTT	TTTCTTTTTT	TTCTGTAGGC	CGCTTTAAGC	TTACTAAATT	181
TGGAACATCT	AGGCAAGCTG	AAAGGAAGAG	GGGTTTTTTT	GAATCACTGG	GGGAAAAAGG	241
AAAGGTTGCG	GTGTTTATCA	TGCTCTATGG	TGGGTGACCA	ACTGCTTCTA	CAATTAGCTT	301
TCACTCTTAA	TTAATTTTGC	TTAAGGCTGA	ATTAAATTTG	GGTCTTCTCT	TCTTAGAGCA	361
GCTCTGATTT	GCGGAGATGC	ATGCTCTGGA	TGAGTCTCAG	GCAGTCTGTT	AAGACATGGC	421
GGATGTTCTC	AGTGTCCAGG	GCTGAGGTAA	AGTGAGGGTA	GCAGTAGTGG	CGCCATCTTC	481
ACTAGCACTG	CTGATTCTCA	GAAATCTCATC	CGGAATGAAN	GTACTTGGCC	GGGTCAAGGG	541

TTTCTTCTTT TTTGGCTGGG GAGTCCCATC TATAAGAGST GTGTACCCAG CGAAGTCTGG 607
AAAGTAGTTC TGAATCTCGA TTTGGCTCCG GGAATTTCGA GCAGCAGGTC TTGCTTCTGT 660
AGAAATATAT ACAAGA 676

Name: 119 Len: 367 Check: 135E
GACGGGAAAT GAAGGOGGT CTGGGAGCAG CAAGGTCACG GGTAGCAGCC GAGGCCCCAG 60
AATGTCGAA TTTCTTTCCG AAGACCAAAT TAATGAGTAC AAGGAATGCT TCTCCTCTTA 120
TGACAGCAG CAGAGGGGGA AGATAAAAGT CAGCCAGCTC ATGGTGGGGA TGAGGTGCTT 130
GGTGTAGCT CAGGCTAGG GGAGGTCTAG CGGCATGGA GACCCAGGGA ATAGAGGGAA 240
ATGAGAGAT CAAATTTCTG ACTTTTCTGA CCAATATGCA CATGCAAAATA AAAAAGAAAG 300
ACTCAAGAA AAAAAATTT CTAGCCATGT TGATGCTGGA CAAGGAGGAG AAAGGTTAGG 360
TCATGAT 367

Name: 124 Len: 440 Check: 1B8A
GGTGTGCTG CATGAGTGGT AGGCTCGGAA ATGAGGAGCA GAGGCGCAAA TTTTGCCAG 60
CGCTCTGTAC CATGGAGAA TTTGCTTCTT ACTGCTCTAC TGAACGAGGA AGTGGGAGTG 120
ATGCTGCTCT TTTCTGACG TCGGCTAAGA AACAGGGAGA TCATTACATC CTCATGGCTT 130
CCAAAGGCTT CATCAGTGGT GCTGCTGAGT CAGACATCTA TGTGGTCATG TGCCGAACAG 240
GAGGAGCAGG CCCCCAAGGCA TGCTCATGCA TAGTTGTTGA GAAGGGGAGC CCGGCTCTCA 300
GCTTTGGCAA GAAGGAGAAA AAGGTGGGCT GGAAGTCCCA GCCAACAGCA GCTGTGATAT 360
TGAGAGACT TCTGTCTCTT GTGGCCAACT GAATTGGGAG CGAGGGGAGG GCTTCTCTCA 420
TTGCTCTGAG AGGACTGAAC 440

Name: 107 Len: 442 Check: 19D2
GCACACCTGT AGTCTAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGTATG AGAATCGCTT GAAGTTGGGA 60
CGGGAGTTA CAGTGAGCCA AGATTGCGCT ACTGCACTCC AGCCTGGGGG ACAGAGCGAG 120
AGCTCTCTTC AAAAAAAAAA AAAAAGATGA TGTAACCTTC ACAGGGCAAG GTCTTGTGT 130
TTGCTCAGCT CTGGGTTATG CTCATAAAAC AAGCTTTTGC CCATGTACCC TAAGTCAGAC 240
CCAGAAATGG TCTCTACCAA TGATTGTCTC TTGCTACTTA CCGTACGCT ACAGAAAGTG 300
CGTCTGTAA TCGGCATACA CAAAGAAGTC GTCTCTTTC TTGTGCTCCA GCACGGAATG 360
GCTCTCTCTG AAGTAATTTA ACACACTCAA AATGCTNGCG TTCGTGTTAT ACGGTGAAAG 420
AGGGGCAAG CAGATGTCTT GA 442

Name: 108 Len: 453 Check: 6FD
GAGACTGCAT AGGCTCGGC GTGGGGGTA TTCTACTATT TTGTAGTGC CCTGGGCATA 60
ACAGCAGGAG CTCATGCTCT GTGGAGCCAC CGCTCTTACA AAGCTCGGCT GCGGCTACGG 120
CTCTTTCTGA TCATTGCCAA CACAATGGGA TTCCAGAATG ATGTCTATGA ATGGGCTCGT 130
GACACCGTG CCGACCACAA GTTTTCAGAA ACACATGCTG ATCCTCATAA TTCCGACGT 240
GGCTTTTCT TCTCTCACGT GGGTTGGCTG CTTGTGCGCA AACACCCAGC TGTCAAAGAG 300
AAGGGAGTA CGCTAGACTT GTCTGACCTA GAAGCTGAGA AACTGCTGAT GTTCCAGAGG 360
AGGTACTACA AACCTGGCTT GCTGATGATG TGCTTCATCC TGCCACGCT TGTGCCCTGG 420
TATTTCTGG GTGAACTTT TCAAAACAGT GTG 453

Name: 109 Len: 421 Check: 1318
TTTTTTTTGT GCAGAAACAT TCTGAACCTAC AAAGGGGCTT ATTTTGTCTT CTGGATATGG 60
AACTCTTGG GCATCAGAA AGAAAGCTTC TAGCTCAAAA GGCCCCCTTC TCAGAAAGGT 120
GAGAACTTG GAGAAAGGAG CAGCATGCTT TGCACTAAAG ACTTCATGAA CAGCTTCAGT 130
ATCTCTGAA CTATGGTTC AGATCAGAGA TATTGGAAAA GGAAGTGCAT CTGTGACGGA 240
AAATTTCTA ACTTTAAATG CCGGGGAAAG TATTGCACAC TGTAATGCAC ATCCTCTGAC 300
TACTCTTCA TCTGCATTGA GTGTTGTGCT AATATCTTTT CCAAAAGATT TGCAATTTCT 360
TCTCTTCA CACTGGAATTC GTGTAGCGCC TCCATCAATC TCTACTGCAC TCACATCTTC 420
T 421

Name: 11 Len: 621 Check: 23BA
CAGGAAAAA ATATGTTTGA TNCCTGCTGT AACTGTCTCC TTATCTGCAA ATGACATCC 60
CAAGGATTT CATGCTCTG GCTACTGCA AAGAAATCAT CAAGCTGGG GCTGTGCTAC 120
CCGAACTTT GAGTCCAGAA CCGCAACGCA TGGGTGTCAG GCTTATCTGT GAGATTGCA 130
AGAACTCTT TTTGTGGACA GAGTTACAG AAGGCACTTT GGCAGCTTGT CTTCACTGCA 240
GGAAATGTC ACTATTTGG CGCAGATACC CAGCTAAGAG ATGTATCTGT TCTCTCTG 300
TTGCTTGT TTTGGCAGTC ACTGCTCTT GCTTGTGCTT TGNACATGGA AGCATGCAAG 360
GGGATATGGA GGCATCTAT GAGCTGAGG ACTTGTCTAT CTGTTGGTGT TGTGTGTTT 420
GGGCTGGCT CTTTAATTGG GCTGTATGGA AGGTTCAGCC AAGCTGCTCC AGAAATTTCT 480
CTGAAGCTG ATGACCTACA GAGCTGTGCT TTTGGCTCT CTTGTGTTGG AGCAGTTACA 540
CTATGAA GA AGCTGCTGTA GTTAAAGGT CTGGGCTTN TAAGAAAGAG CCAAGCAACT 600
TGCTTTCTTT TCTGTGGGAA A 621

Name: 110 Len: 309 Check: 1332
ATAAGAAATG CTGCTAGCAA GGCTTCTAGC AAGGTGTTG GTTGGTCTT AAGTCACTCT 60
TGATTAATTG AAACAGTTCT GTGTTTCTTT TTTTCTTA GGTCTTAGAA TGGCATCAT 120
TGTCTGCAA TAGGCAGAGC TATCATCTCC AGGAAAAATG AGGGAGGGAA CCACAGAGGC 180

ATGTTGAGAT TGAATACAG CAATTAAGG TRATTGCTC AGTGGTGGCT TGGAGGAA 140
GAAGGGTAT ACTCCAGGT TAGGCTCTT CTTTTGGGG TGTGTACAGC CGTTTTTTC 300
GIGGATCTG 320

Name: 111 Len: 488 Check: 902
CTACTACTAC TAAATTGCG GCGGCTCGA CGAAGAAGCA GGTATTTATT TTAATAAAGG 60
AATGGTTGGT ATTCTAGTTA ATCAAGTAAT TCTTTTATTA GCAAGGCAGA AACTAGTGT 120
TTTATATAAA CTTGAATCTT AATTGTACAG GTGTATTTTA CAATTTTGT TTAATTAATA 180
AAATGTACT ATATTAATAA TCAACCTGGT CAAAACCTTT CAGGTTTCTT CGTTTGTGTC 240
AGTGGCTTT ATTCAAGTG TACAGGCTT TATGATATCA TGCTGAGGG CTTTGCAAT 300
CCGATTAATTA AGATCTCTT AGACCTTGAG GTGATCAGCA TAAGAGGCA GATGCGCTCG 360
AGTATCTTA AGCTAGCTTC ACCTTATTCT TTAAGGGGCA GAAAATTTTA GACGGTGTAT 420
GCTTAAGAG TAAATTTGG TTACAATTGG GGCACGCTC CGGTTTAGAA AGAGGAACAT 480
CAGATTGAC 488

Name: 112 Len: 563 Check: 1430
GGACTCAGAA TTGATGAGAG ACATTTACAG CATGCACATT TTCCTTACTT AAAGGAAACT 60
CACTGTGGA GATGTGTATA AGCTGTGCT ACGATACTAC AATGAAGAAT GCAGAAACTT 120
TTGACGCGCT GGACTCAGCA TCAAGCTTTA TCCATTCATA TACCATGCTG TCGAGTCTG 180
TGTAAGAGC GTTGACCAT CAGGCAAAAG GACAGGGAAC TGAGGAAGCG AGCGAATAG 240
ATCTCTGCT ACCTGCGAC AGAGAGCTCC TGTTTGAGCT GTCAGGTSTA ATATATGAAT 300
TGACTTAAGT TAATATAAAT GTGTACATAA TCCACATTTG TAGTCAAGGA CGCAATCTCT 360
TCCACACATG TGCAGTTGTC AGTTGGTACA TCTAAACTCC CTCCATGCTG ACTCACGTGG 420
ACTTAGATAT GTTTTGTTC TATTTCTTC TATGTCAGTT TTTCAITCTT TGATGTTTAT 480
GTCTTTTGTG CATCAGATCT CTTGTGATAT CACATGGAAG GTTGTGCTCA GCGTGTGCGG 540
TCTCTTTCTT CTTGCACATA TAT 563

Name: 113 Len: 587 Check: 2109
TTTAGCGCTG TGGAAATATC CTCATTTGCA CATCAGCTGG ATGAGGAGGA GAGGATGAGA 60
ATGCGAGAA GAGGAGTTAC TAGTGAAGAT TATCGCACT TTTTACAGCA CCTTCTGGA 120
AATATGGATG ACAGTGGTTT TTTCTCTATT CAGGTTATAA GCAATGCGCT CAAAGTTTG 180
GTTTTAGAAC TAATCCTGTT CAACAGTCCA GAGTATCAGA GGCTCAGGAT CGATCCTATA 240
AATGAAGAT CATTTATATG CAATTATAAG GAACACTGGT TTACAGTTAG AAAATTAGGA 300
AAACAGTGGT TTAACCTGAA TTCTCTCTTG ACGGGTCCAG AATTAATATC AGATACATAT 360
CTTGCACCTT TCTTGGCTCA ATTACAACAG GAAGGTTATT CTATAITTTG CGTTAAGGGT 420
GATCTGCCAG ATTGCGACGT GACCAACTCC TGCAGATGAT TAGGGTCAAC AGATGCATCG 480
ACCAAACTT ATTGGAGAAG AATTAGCACA ACTAAAAGAG CAAAGAGTCC ATAAGACAGA 540
CCTGGAACGA GTGTTAGAAG CACATGATGG CTCAGGAATG TTAGAGG 587

Name: 114 Len: 222 Check: 12B6
TTTTGAATCA AAATTAACAT CAATATATAG ATTCTAGTAT ATTCTCTTTA AAGCCTTTAG 60
AARAGATAAA ATGACATTTT GCAACATATG CCAAACCTCA TGTTTAGTGT AACTTCTAA 120
TTATTGGCAT AGAGGGATAT AACTGTAA TAACCTGAAA TGACACCATG CAATGGTGAA 180
ACTACAGAAG TTGGTGAAAA GAAGTATTTA CATAATGTAA TA 202

Name: 115 Len: 512 Check: 1EAB
TTTTTCTTGA TATGCATAGC TTTTGGGGT TGGTATTAGA CATGGCTTTC GTAAATAATG 60
CACTGTCTTT TGTCTATGCT CACTGTGCTG TCTGTGGCTT CCAGGTAAAG TGGGGGAGT 120
ACCTATCTG GTAGCTCAAC AGGTGTGGG TCTTCAGATG TTAGCTCGGT GGAGCTGACA 180
TGGTAGAAG GTTGTGAGT TTGCGGGAA TGTTCGGCG ACAGTTCTGT CTCTCTACA 240
TCTTTGACTT CAAACTGTGC ACCGTCTTGG TCATCTGCAT GCTCTTTTTT GGACTGCGGG 300
TGAACGTGAC CTTTGTGAGC AATTTGCTGA GGTGTCTGCT GCAGCGATGA GGGCTCGAG 360
TCAGCGGGCAG GGGAGTGGCT CCGCTTCAGA GAGTTGGGGA TTGTGTAGAC CTCTCTCTG 420
TCTGGGGCT CTTGGGCTCT GGAATATGCT TCAAAAATTC TGGGGGGCT CTCCAGGCTA 480
AGCACTCAT AATCTCTCTC ATGATAGTCC CG 512

Name: 116 Len: 566 Check: A7C
TTTTTTTTT TTTTCTTAA CCGCTCGAG AAGCTCTCTC CCGAGCTTAT GCGATCTTG 60
GAAGAGCTT TGGGAGAGG AGCTCATAC AGCGCAAGC TGAGCTCTG GTGTGGGG 120
TCTGTCTGA TGGAGCTGGG GACACATCA GGCAGAGACT GCTGCTCTCA CTGTTCAGA 180
TTGTGTGCAA GGGCTGGAG GACCTCTGGC AAGTTGTAGC CAATGCTGCG CTGTTTGGCC 240
TGGGCGAGIT CTGAGAAAC CTAGAGGCG ATATCAGCAG CTATTCAAAG GAGGTAAATG 300
CACTGCTCTT CCGTACTTG AAGTGGSTGC CTCTTGACA CACATACAC CTAGGCAAG 360
CTTCTATCT CTTGAGGAT TTTTGGAGA ACCTAGGGCT CAAAGTCTAG CTTACTCTT 420
GGAGCTTAT GGAATGATG CTGAGCTTC TGAGGAAGCC CAGCACTCC CCGGCAAGG 480
AGCTGGCTGT GAGGGGCTG GAGCTATTG CTACGGCTGC CAGGCTCTG CTGCTGCTCT 540
ACTTCTCTGC CATCATGAG CAGCTG 566

Name: 117 Len: 349 Check: 1602
CCTGTGCAA TGTTTAGTTC TCAGGCACT CCGAAGTGCC ATAATTGAAA TAATACTGCT 60

TTTGGAAATT	ATTACAGATT	GAT ATAAAT	GGGGGATAAA	GTATTAAAT	TTAAGTAAAG	120
TTATTTTCAA	ATGGGCTAAT	AAT GAGCTGC	AGCTGGCTGTG	GGGACAAANA	GTGGGCAAT	180
GGGCTGGG	AAATGGAAATCA	TTC ATCACT	CTTGAAGAAAC	ACAACTCCNA	AGCAATAAAT	240
TAAAGCTTCA	CAGGGCAAGTT	OUT BAAGTCC	ATCGGTGTTC	TTCATTGATG	TCACCCACCA	300
GGCTGGGAG	AATCCCATTS	TGAATAGAA	AAAGAGTTCA	ACCACCTTAT	ATTTTTCATG	360
GTAGAGAAAT	ACATAAATGG	TTCCTCCAGC	TGCCATGAGC	CAGATAAACC	AACGCATATG	420
AGATGCGAGG	GGTCCAGTT	CAGGAAGATT	TAAGCATGGA	GCATAAGAAG	CAGCATGAA	480
GAATAGATA	ACCACTTAT	CACACAIGTG	AAAACATGG	TTCACCTGTG	TTAAGTGGCT	540
CTTTTGGGA						600

Name: 113 Len: 416 Check: 71A

CGGGGGCAJA	TAAATAGTAT	GGCTTAGAAG	AAGGCGTGGG	TACAGATGTC	CAGGAATGCT	60
AGGTGTGTGT	GGTTGATGCC	GATTGTAACT	ATTATGAGTC	CTAGTTGACT	TGAAGCGGAG	120
ARGGTAAGCA	TTTTTTTGA	TGTCATTTTG	TGTAAGGGGG	CAGACTGCTG	CGAACAGAGT	180
GGTGATAGCG	CCTAAGCATA	GTGTTAGAGT	TTGGATTAGT	GGGCTATTTT	CTGCTAGGGG	240
GTGGAAGTGG	ATGAATAAGA	AGATTCTCTG	TACAACATA	GTGCTTGAAT	GGAGTAGGGC	300
TGAGACTGGG	GTGGGGGCTT	CTATGGCTGA	GGGGAGTCAG	GGGTGGAGAG	CTAATTGGGC	360
TGATTTTACT	GTGCTGCTA	GGAGAAGGC	CAATAAGTGG	GTGAGGCTTG	GTTTAG	416

Name: 115 Len: 405 Check: 23A0

CGGGGGCTTA	CTGTGGAGCA	CCTGTTCCGC	TTCAACAACA	TTAACTTGGG	TCCACTTACA	60
TAAACTTATG	GGATTCCTTT	CTACCTACAA	TACCTGCCCC	ACTGGCCAGA	GTATTTTCAIT	120
GTGTGAGAGG	TACCTGGTGG	AGAATTAATG	GGTTATATTA	TGGGTAAAGC	AGAAGGCTCA	180
GTAGCTAGGG	AAGAATGGCA	CGGGCAGCTC	ACAGCTCTGT	CTGTTGCCCC	AGAATTTTGA	240
CGGGCTTGGT	TGGCTGCTAA	ACTTATGGAG	TTACTAGAGG	AGATTTTACA	AAGAAAGGGT	300
GGATTTTGTG	TGGATCTCTT	TGTAAGAGTA	TCTAACCAAG	TTGCAGTTAA	CATGTACAAG	360
CAGTTGGGCT	ACAGTGTATA	TAGGACGGTC	ATAGAGTACT	ATTGC		405

Name: 117 Len: 409 Check: 3A2

CAGACGCTTC	CGAAAGCTTT	GTGGGCTGGG	CACTCAGCTC	CACCATCCAG	CGCTTCTACA	60
AGAACGAGGG	AGGTACATGG	TCACTGGAGA	AGGTGATCCA	GGTGGCCCCC	AAGAAAGTGA	120
AGGGCTGGCT	GTGGGGGAAA	TGCCAGGGCT	GATCAGCGAC	ATCCTGCTCT	CCCTGGAGCA	180
CGGGCTTCTC	TACTTCAGCA	ACTGGCTGCA	TGGGGAGCTG	AGGCAGTATG	ACATCTCTGA	240
CGGACAGAGA	CGGGGGCTCA	CAGGACAGCT	CTTCTCGGGA	GGCAGCATTG	TTAAGGGAGG	300
CCTGTGTCAA	GTGCTGAGGA	CGAGGAAGTA	AAGTCCCAGC	CAGAGCCCCC	AGTGGTCAAG	360
CGAAAGCGGG	TGGNTGGAGG	CCTCAGATGA	TCCAGTCAGC	CTGGATGGG		409

Name: 120 Len: 318 Check: 266B

CGGACGCAAG	TACATCCAGA	CAGACAGCGG	CCCCACTGTG	GTGCCCTGCT	ATGACAATAC	60
CTTTGGTAAAC	ACCTGTGCTG	AGTGCCAGCA	GCTTATCGGG	CATGACTCGA	GGGAGCTGTT	120
CTATGAAGAC	CGCCATTTC	ACGAGGGCTG	CTTCCGCTGC	TGCCGCTGOC	AGCGCTCACT	180
AGGCGATGAA	CCCTTCACCT	CGCAGGACAG	TGAGCTGCTC	TGCAATGACT	GCTACTGCAG	240
TGGGTTTTTC	TGGCAGTGT	CGGCTTGTGG	GGAGACTGTC	ATGCTTGGGT	CGCGGAAAGC	300
TGGAAATATG	GAGGCGCA					318

Name: 121 Len: 460 Check: 2526

TTTAATCTAA	GAATTTCTTT	ATTTTATGCA	TAATAAAAGG	GACTACAAAG	AACAGCTGAA	60
TAAGCAGAA	ACAAAGGAAC	AAAAATAAAC	AATGACGTGT	ATTCCAAACC	AAACAATGAG	120
AAATCTATGC	AACTAGACTA	TGAGTTCAAT	CTATTTCCAG	GTCGCTATCC	TCAGCTGTGAC	180
AGGTGGCAGA	GTAAAGCACA	GATGTACAGC	CCAGAGCTTC	CTTTCTGGG	AGTAATCCAA	240
ATTCTCTGAG	AAAAGCTTCA	AGGTCCACAG	CAAGAGAAATC	ATCCCCCAGC	TGGTCAGTAA	300
CAGGAACAAA	ATTGGCGATC	AATTCACCCC	CCTTATAGAT	CAGCAGGGCA	GGAAAGGGAT	360
TGGTGGTGAA	CTGACTGCTG	GGGCAATAA	CTGAGCTCTT	CACCTTGCAG	AACTTGACAG	420
CTGGGTAATC	TGCGGCAAGG	CAGATCATGC	AACCATTCAT			460

Name: 122 Len: 672 Check: 132D

ATAGAGGCTC	ACAGCTGCA	GCTGTCTCTG	GGCCGGGAAG	GTGTGGGTCA	GTGAGGTGOC	60
ATGTGGAGGC	TGGAAGTGA	TGCGACACTG	GTGATACTOC	CGCTTGGTGG	GAGGCTCCTG	120
CGTGGAGAAA	GAGGGGAACAG	GAGCTGGGTC	TGGTGCTACT	GGGGGTGGCT	GAGAGGCCAC	180
AGTGGCAGCA	TACTTTTGGG	CTCTCTCTGC	TTGGTCTCTC	TGATCTTTT	CTCTAAGCTCT	240
TGGTGGGCT	GCTAACTCCT	CGGCTTTTTC	CCTCGGCTCT	TGGTGGGAG	CGCGGTGGAT	300
CTGATCTTCC	TGTAGCGGCT	GTGCTGCTGC	TGACAAGCTCT	TGCCCTTGTG	TGCTGGGCTG	360
CGGTTCCTCG	TTCAAATGCT	CGGCTTCTCT	TCTTTCTTCA	CGCTGGGGCT	GCTTCTGGGG	420
CGACAGGTC	AACATGCTCT	CTAGTTTCTT	CTCTCTTTTC	TCTTCACTCA	AAGNGGGGT	480
TGCTTTCTTC	CGCAGCCAGA	AACAGATTCT	TCAAGGGGCG	CTGCTCTTTC	AGGAATTGGG	540
GTTCCTCTTC	AAGATATGTC	CAAGGGGAGG	TTTAAAGGG	TCTTTCAAAA	TGGGTTGGT	600
CTTGTCTTTC	AAAAAAGCAT	TCATAGAAAG	CTTGAAGTCC	CTTTTCTTTT	GAAGGGCAAA	660
AACTTTCTTC	GG					672

Name: 123 Len: 310 Check: D0

TTATTAAGAA TACTTCTTA ACTAGAACT GTGAAAGGAA GAAATGCTTA TTTATGTTT 60
ACTGTATAT GGGCTATTC GCGAAAAAG GAAAAACTTG CTGTACAGAG ATCAATGAT 120
GTCAAAATTGG AGCACAATAC TGTGGGAAAG ATCTGTATAG TACCAATACA GCAGGAAGCT 180
TCAAAATGTA CTGCAATTC GGTGGATTG GAAATGGCAT TAAGTGCAT GATCTGGAG 240
AATGTTCCAA TGAACCTAT ATGTGCAGCC AGCATGCAAA CTGCAAGAT ACCATGGGAT 300
CTTACGCTG

Name: 124 Len: 392 Check: 144A
GCATATCTGA ACCCTTAAC CCGGATGAGT CTGCTATCCT TCTGGAGGCT ATCAGGAGT 60
GCATAGAAAT CGATTATTC GGCAGAGCGG CAAATAGCA GCAGCAACAA CAATGAGTG 120
AAAGATGCT AGCAGAGAGA AAGCTGGGT CTCTGGAGG GGGAAAGTGA GAGGAGGCT 180
TGTGGAGAT CGGATTAGA GCGGCAAGG AAGAGAGTCA AGAGAAAGAA GACTAAGTCT 240
GATGGAGAT AGAGAGAGCA GGTGGGGAT AGGGGGAGG CAGAGATTGA GCTGAGGCT 300

TC
Name: 125 Len: 911 Check: 1B68
TTTGAAGTTT GTAAGAATTT TTTAAACAAA ACAGAAATCA CAGTGACCAA GGGTAATGCT 60
AGTCTGTCT TCTCTGCCC ATGCTGCTCC CCACAGCTCT CGGTGGGTAC TAAATGAGCT 120
GCTACTGAT GATGCTTGTG TCTTTCCCGC CCGTGGAGAT GAGGTGGCTG TTTTCACAGA 180
GGAATGAT ATTGCTTACA TGCTGCTCT GCTGCTCTTA GATGCTGCTT GAGCTCTTA 240
ACTGCGAGCA GGGGTATGAG AAGAGGTGCA CTTTSCAAA GTCTGCTCT GTTGACAGGA 300
GTTTCTCTC ATGGGCGGCA CAGACGGCAT TTATGTTGGT TCCCTGCTG CTTCTCTGGC 360
ACACTGCAAA AAAATGGAAT CCAAAAGTGG AGGTATAGGT AGGCTATTCA ATGTCTCTT 420
TAGTTTTCAC ACTTACGACT TGCTTACAGG CAGAGGGAAC CCAAGTAGAG ATTCTCTAGT 480
CTGCGGAATT TGACACGAGG AACTGTGAGT TTACAGACCA GTCCAGGTGA GTAATGAGC 540
TGAATGAGC CGAGCACTTG CCACTCGCG TGTACTTCT CCGGTTTGA CTAAAGGCT 600
ATATATAGAT GCASTTGTCC TGTAGCCTA TGGTAAAGAA ATTTCCCATC TGGTGAGTAT 660
TGTATTAGG AGAAGCGGAC GGTTCATCC TGTGTGAAGG GGGGCAAGT CTTTGTCTT 720
TCTGTCTTAA AACAACCCAC CTCCAGTGA GTGCTTGCAG TCTAGCTTAC GACCTTCTG 780
GGATGAAAC AAGAGAAGT GCGGTTTCT C
GGATGAAAC AAGAGAAGT GCGGTTTCT C 811

Name: 126 Len: 496 Check: 11A
TTTTTTTTT TAAATACAA AAAACAGCTT TACTCAGACT TTTTACTGC CATGTCTCC 60
TTTAGAAGGA CTACASTTTG GCTACTTGGT CTCTCTGGG GCAGATGTGG CATCTGAGG 120
TGTGTAGCT TCTGCGGGTG CAGATACAGC TCCTACCACA GTAGGGGTGG TCTCAGATA 180
AGCAGGATG GCTTCTGGAG TGAAGTGGC TCCTGTCTCA CTGGGGGTGG TGTCACTTG 240
AAAGGCTGGA GTTCTTTGAC GGCAGCTGGT GTCTGTTGGA CTGGGTATGA TGTCACTTG 300
AACAGTATG GCTCTTCTT CTGTTTCCAA TCTGTCTTCT TGATTTTGA CTTCTCTACC 360
CTCTCTTACC ATAGCAGGTG GTAGTTGTAA TAAAGTCTGA TGATAATGAT GTGTAGTCTG 420
TATCAATGC ATGTACATGT TGTATACAAA GTTTGC 456

Name: 127 Len: 292 Check: 131
TTCCAGCTCT TTTCCATGT TTTTCGATAG CACTGCTATT TTGGCTGGAC TGGCAGCTTC 60
TGTATTTCA AAATGAGAG ATAATGATGC TTTCTCTAT GGGTATGTTA GAGCGGAAGT 120
TCTGGTTGGC TTTGTCAATG GCTATTTTT GATCTTCACT GCTTTTTTTA TTTCTCAGA 180
AGGAGTTGAG AGAGCATTAG CCGCTCCAGA TGTCCACCAT GAGAGACTGC TCTTGTCTC 240
CATCTTTGGG GTTGTGGTAA ACCTAATAGG AATATTTGTT TTTCAAAATG GA 292

Name: 128 Len: 433 Check: 51B
GTAATTTAT AGTTATTTTA ATAACAGGT TTACATTAAC AGTTAGTGA TGAATTTTT 60
TCTTTAATGT CAGCTAAACT CAAAACACAG TTTTGTTCAC GGTTCAAAC AAACAGCTCT 120
TCAGCTTCA GAGCTGCTC ACAGCTAGCA CAGTTCACAG GAGATTACTG TCTGTCCATA 180
TCCACAGAC ACAGAACTGA ACACCCACAC ACCAGTTTTT AAAGAGGGAA CTTAGCAATGA 240
ATGCTGCTG CCGAGGGCAC CCATGAGTGT ATCTGGGNOT CAATTTGAG TTTTCCAGGG 300
GAGAAAGCT GGGAGGCTTG GTGGCAAGGA AGTTGGGNOT TGCCCAAGCT ACTGGGAAG 360
TGTCTCTTA GGGGTTGAGT GAAATGCTG GGTAGGNGT CAGTCTTTTG TGGAAACAT 420
TGTAGTTTC AGT

Name: 129 Len: 372 Check: 31BF
GATCCAGAG CACACAGCT GGCATGCTTC ANAAGGCGCT GGAAAGGAG CCAGGAGATG 60
TGTGCTTCT CAGCTTTTGC GANTTGTGTA TTCTAATAT NAAGGCTATT GTAAGGTACC 120
TGAAGGCTG GGCAGAGTA TCTCTGCGG CTTTCTTAGC AGGTGCTGGA CCAGCATTTG 180
CACTGAGGAA CTAGCTTGT CTGAGGTTTG GGCACCCGAC TTAGGAGCA CAAAGGTATC 240
CTAGATGTA GAAGGATGG AGGAAGAGAC GCTGCTTCC TCTGTGGGA TCTTGGATG 300
TAAGCTTGA GGTAGCCCT CCACAACAGG AAGATGAGGA GACTGAGAGA AATGCAAGG 360
AATTTGGAAT GT

Name: 130 Len: 433 Check: 1B68
CTCGGCTAAA TTSTAATTTT TTTATTGGA AAATAATATA CAACTTGGAA TGGATTTTGA 60
GCAAAATGCT GCCATAAGCA GATTTTAAGT GGCTAAACAA AGTTTAAAAA GCAAGTAACA 120

ATAAAAGAAA ATGTTTCTGG TACAGGAGCA GCAATACAAA AAAATAGTGT ACCTATACCT 180
AGATAATACA CCGTCTTTTG AATAGTGCAA CTTTAAAGTA CATATTGTTT ACTATCCATA 240
CTCCAGGCAG AGTTATAACT CACACTTCA ACAACACAT GCTGACAGTT COTAAAGAAA 300
ACACTTTTAA AAAAGGDATA AACCAGATGT TCCCTCAITT GACCAACTCC ATCTAAGTTT 360
AGATGTCAG AAGGCTTTAG ATATATCCAG ASTAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTAT 420
CAATTTCTTA AAATAAGT

Name: 130 Len: 528 Check: 1041
GAGCGGAGAG GGAGCTGAAAG CCGTAGCCCG 3233-3333AG CGCGCGGAGG GGGGGAAGCA 60
GGCGGAGAGG GGCTCTATGG CCGTAGCCCG 3233-3333AG CGCGCGGAGG GGGGGAAGCA 120
GGCTCTATGG GGATCGGAGG GCGACACCTG CTGCGCATGG GGGACGTGCT GTCCAGGCAG 180
CTGCGCATGG CCGGCTGCGA GCACATGCGA GAAAAAAGCG GGAAATATCT GACGGAAGTT 240
CTGCGCATGG ATGAAGAGCA STATGGCTGG GTCTCTCTCA ACAGCATGCG CCATGAGATT 300
GAGGGGAGAG GGCTCTGCGA GCGCCAGCTG CTCTGGGCGA AGGTGCGACT GGAGGAGCGC 360
ATGCTCTCTG GGGGGAAGCT CTTCCAGGAC CAGGAGGACA GTAAAGAGTG NAGAAACCGC 420
TTGAGCTTNT TGCGCCAGCA CTACGGGCTG GTGCTCTACN AAAACAAAGC NGGTCTATGA 480
GGGAGGAGTNC CACCAAGAGC CGTCATCAAC AGTGCANGCT ACAAATC 528

Name: 131 Len: 521 Check: 253E
ACAGGAATTT GATTAGCTAT GGTGTAAATTT TTGGGAGAG TCACTGAAAT GTTGTATAT 60
CCATAAGCAA TAGCTGCATC TTCTACAATA TCACATGCAT GGATAATGTC AGCTCTGGTT 120
GGAGGAGTTT CAATCTCAAT CTGATTCCCA TCACCTATGA CTTCTGATTT TAAATACATC 180
CTGGTCAGAA GTTTGGCAAG ATTTTCTGGA GTTCTCTGA TTCCAACTTT TTTGTTAATT 240
AGGTCACTTC TCACCATCTC CTTTCGTAAG GCTAATCTG GAAAGGTATG TGATTTTCCA 300
TTAGGAAAAA CCACTTCAGC AGCTTCGACC GTAAATTGAT TCTACAATA TTCCTGAAC 360
ATGCTGACAA TAATATCAAG AACTATNTTT GCCTTAGTAA AGTCAGTTCC GGTGCATTCA 420
ATAAAATAT TTCTAGTATN TACTGTTAT CTGGAATGAT CCGCATGAT GATGGGAGGC 480
ATTGAARAGA CGACACCAT GCTATCATAG ATRACTGGAT A 521

Name: 132 Len: 429 Check: 19CF
GAGGGGAGAG CGGGGAGCAG ATGCTCTCAA GGGGGTCAAA GAGAGGGGAA GGAAATTGCA 60
CATAAATAAA CCGGATGATT CCAAATGCAA GGATCTCTCA GAGCGGAGCG CGGACGGCTT 120
TTCCGAGTCC CTGGGTCTGC ATCTGGCGCC TTGGCCCTG CTCACTCGCG CTCTCCTCCT 180
CTCCTCTCTC CTCCTCTCTA CTGCTTGAGC TCCAGGGCCC AGACGTGCTG CGGCCAGCCC 240
GTCCGGCCTT TGGTTTTCTT GTCGTTGCTG CTCACTGTGC TTTTCAAGAT TTGTTCTGG 300
ACAGAGGAAA GCGGAGGGCG AGAAAGTGG AAAGAGAAAT TCAGAGAGGA TACCTGGTTC 360
CACACCAACC CGGAGCTTCC TGCGCCGGAG GAGACAGTGA ACCAGAGAGG AAAGGATAGC 420
ATGGGGGAG

Name: 133 Len: 442 Check: 5E9
TCAACAATA ACTTGGTATT TTATACTCT CTATACTTTG TAGCAAATCT TTTTTTGCTG 60
AATTTAATTT ATAATAAACT TTTTAAATTA CATCTCTCTC TCTTTTTTTT TTAAATCAA 120
GGCTCTTTTA TGTCAAAATC TTTTTTTAGC TATATTTTAG ATTAACATTT AACATCCCCC 180
CTTGTGATC TATACCGTTG GATATTGAGG TATTACTGTG TGTGTAACAG CTAACAAG 240
AGGGAGGAGG GAAAATAAAG GCAGTGAAC TGGACGGATG CATCAACAAC AGCAGATAAA 300
CTTAACCTCT CAGTGAACAT AGCAGCATGT CTTCTGGAAG CTTTACTCT TACCCAGAG 360
ATTTCTCTAG CCGCTTCTCT CTCTCCTCTC TATCTCTCAA ACATAAGCC AACAGTCTGT 420
CTTTCTCTTT TTCTGAGGA GA 442

Name: 134 Len: 913 Check: F1E
TTTTTTTGA TCCCTCTCA TTTATTCTTT GTGAAAAAG AAAACACAA ATCTTAAAAA 60
TTAAAAGAG CAGGGAAGC CTGGAAGAT AACCAGATTT GATAACATGT TAGAAGGAAA 120
TCCAGGCTAA GGAATCTCAT TTTCTAGCTT TGATCTGGTT GTCAGTTGGG ATGACTTGC 180
TCAAGTATG GCGCAAGAA AGGCCAAAT TTTGTTTTTT CTCCTCATCC TGTACCTCTT 240
TTTTCAATA GAATCTGCGC TGGAAAGTTA GGTCAAAGAG GCTGCTTGGG GCAAAATACA 300
TTGCTCTCTC ATTCTGTTAA ATATTTTCTC TTCTCTCTCT CAGGCTTTTC TTTCTCTCTC 360
AGGATTTGAA TCGGGGCTG TCGTGGAGTG GCGCAATGCT ATATGTCATG TGAAGTTCTA 420
AGATTTGAA GCGCAAGAA TCGCAATGCT CACTCTGAAT TGGCCAGAGA ATGACATTCA 480
TTCTCTCTG CATCTCTGAG AGAGAGTACA TCGAGCCACT GCGACAGTG GTGATGGAAA 540
GJACTCTCTT TTACTCTCGG AAGGCTCTTT TGTCTACAT GGCAGCTGTA GTGTAAGCAA 600
ACTTTCTTAT GAATCTCTCG TCAAAACAGC CTTTCAAGAT GGCAGGAGT CCAAAACAC 660
TCCAGGGGGG ACTGAGATAT CACAAAGGTC TCGGCTTTTC CAGCTCTCTT TTGCTCAGCC 720
ACAAATATTT TCTCTAGAT GGGCTTTTCT TATTAAGCAG AACAGATTC GCAGGATAT 780
GCAAGTCTCT AGGCTCTCTT CAGTTTACTT GGAAGGGGCT TTTGGGAAAG AAGGGATGGA 840
AATTATGGA TAAAGGGGCT GATTCACAAA CTTCTTCTCT TTTTTTTAAA GCGGCTGAGC 900
AAGTTCTTA TGG

Name: 135 Len: 750 Check: 1F3D
TTTTTTTTTT TTGTCTTCA TATAAAAGT TTATTGAACA GAAAACCCAG CAAAGGTTTT 60

TACTTCCCA AAGTCCGNT TAGTTTAAA TAAAGCACTG CATTTTAAAA AGCAATATA 121
 CATAAGTCTT TCCTAGAAAA GTCTGTCTAA AACATGTCTA GCAATTTTCAT TGATTATATA 130
 AAGTAGTACA CTTAGTGTAA TTAAACATTT CCAACAGBAA TCAAATCGTA CCAGCAGAAC 240
 CATTCTCTCA TGTATGACTT CTATGTACAA ACACACATGC AGACACACAC ATTTGGAAAA 300
 GTTCCTCAGG CATAGACATG CAACACCTAA GGCCTTCTAC GTACAGTGT TATTAAACTA 360
 CATAAGTAT ATATTAAAGC TCTTCAGAA AAAGACATGA GAAGCCTTGG GCATTNTTTG 420
 TTCAATATTT TGTATCACGG CTTTACGTTT CTGCTTTTGG TTGCTTACAA AAGCATATCA 480
 TCATATACAG TGTTTTTTAA AAACCTCATCA TTGCTATGTT CAGGAGAGGG AATCTAGCTG 540
 GASTAGGTTG ATCTASTCCA TTCTGTCTAA AGCTTCCAA AGCTACACCA CAACACCAT 600
 CAGTNTGCGA TGGTTTGGGG GCCTTCTGGA AGAAGAGAGG TAAAGAAAGT CTTGAAGACA 660
 AGCATGCTG TGGTCATAAA GGAGGGGCTG GTCTGTCTGG CATCTAGTAC ATCCCTGTCT 720
 TGGAGGGAGG TGGTTTGGGG TTTCATTTT 750

Name: 135 Len: 348 Check: 263
 AAAATGAGGG CCAGTGAATT GTAATACGAC TCACTATAGG GCGAATTGGG CCTCTAGAT 60
 GCATGCTCGA GCGGCCGCCA GTGTGATGGA TATCTGCAGA ATTGGGCTTT TGACACCAGA 120
 CCAACTGGTA ATGCTAGCGA CTGGCGCTCA GCTGGAATTC CGGCTGGGAC TACCGGGTCT 180
 CACTCCAGAA GAGGCTTCTT CAGAGCATGG TAGTCTTGGG GTTCTAAGAG AATGAGAGTA 240
 CAGCTGCGAA AACCTTTTGA AACTGGGGCT TGGGAGTAC ACATGACTTT CTCCACATTC 300
 TGTTCGTCA AAGCGAATCA TAAGGACAGC ACAGACTCRA GGGATAAG 348

Name: 137 Len: 505 Check: 1021
 AAACGACGGC CAGTGAATTG TAATACGACT CACTATAGGG CGAATTGGGC CCTCTAGATG 60
 CATGCTCGAG GCGGCCGCCA TGTGATGGAT ATCTGCAGAA TTGGGCTTTT KACACCAGAC 120
 CAACTGGTAA TGGTAGCGAC CGGTTCTCAG CTGGAATTCG GGATTGGTCT AATTGGGTAT 180
 GAGGAGTTCA GTTATATGTT TGGGATTTTT TAGGTAGTGG GTGTTGAGCT TGAACGCTTT 240
 TTTAATTGGT GGCTGCTTTT AGGCCTACTA TGGGTGTTAA ATTTTTACT CTCTCTACAA 300
 GGTTTTTTTC TASTGTCCAA AGAGCTGTTT CTCTCTTGA CTAACAGTTA AATTTACAAG 360
 GGGATTTAGA GGGTTCTGTG GGGCAAATTT AAAGTTGAAC TAAGATTCTA TCTTGGACAA 420
 CCAGCTATCA CCAGGCTGGG TAGGTTTGTG GCCTCTWCCT ATAAATCTTC CCACTATTTT 480
 TBTACATAGA CGGGTGTCT CTTTT 505

Name: 138 Len: 513 Check: 1170
 AGGCTCGAST GGAGGTGCTG GTGGAGAGAA ACGGGTCCCT TGTGIGGGGG ATGGTGTGTG 60
 GCGAAACTG GGGCATCGTG GAGGCCATGG TGGTCTGCCG CCAGCTGGGC CTGGGATTCG 120
 CCAGCAACGC CTTCCAGGAG ACCTSGTATT GGCACGGAGA TGTCAACAGC AACAAAGTGG 180
 TCAAGAGTGG AGTGAAGTGC TCGGGAACGG AGCTGTCCCT GGCGCACTGC CGCCACGACG 240
 GGGAGGAGGT GGCTGCCCC CAGGGCGGGG TGCAGTACGG GGCCGGAGTT GCCTGCTCAG 300
 AAACGGCCCC TGACCTGCTC CTCAATGCCG AGATGCTGCA GCAGACCAAC TACCTGGAGG 360
 ACTGGCTCAT GTTCTGTCTG CAGTGTGCCA TGGAGGAGAA CTGCTCTCTG GCCTCAGCCG 420
 CGGAGACTGA CCGCAACAGG GGCTACCGGC GGCTCCTGCG CTTCTCTCTG CAGATCCACA 480
 ACAATGGGCA GTCCGACTTC CGGCCCAAGA ACG 513

Name: 139 Len: 340 Check: 220
 TTTTTTTTTT TTTTGAAT GASTAAATTT ATAGCTTTAT TTGCATACAG AAAAGTGCAT 60
 CAGAAATATA GTATGTACAA AACAGTTGTG TGGCTGATCA TGACTTTCAA AAATTCACAT 120
 ACCTAGAAAT AGTTACCTCC AGTTTAGCAC ATTTAGGTAT TTGGAATTT AAAGTACTAT 180
 TTTAGCTCTG TGTTTATAGT GACTGAGTAG GAAGCTGATA GAAATTTATG CCATATATGA 240
 TTAACATTA CATTAAACA TAAACCCACA GCACTTTCTA CTTGGGGCTA ATCAATAGAG 300
 GGTATGTCTG CCGCTGTCTT GTTAGCTTC TGAGCATCAT 340

Name: 14 Len: 486 Check: 1FA
 CCAAGGAAGA TAGTTGTTAC ATACTGAAGT AGGTTATTAA ATAAAGTAAT GAAATATCTT 60
 TGAATATATA TATAAATAGG ACAGGCTTAT ATTCTAATA GTTGGCGGTG TTTTCAGCTA 120
 ACTTATATAC ACTTATCAT CTGTGTAAAG CTTGATGCAT TTTATATCAT TTTTAGGCTG 180
 TTTAGGAAA CAGCAAAATC ACAGATATCG AAAATGGGAG TCTTGTAAAC ATACCAGCTG 240
 TGAAGAAAT ACATTTTAAA AACATAAAC TAAAAAAAT CTTTTCAGGA TTACAGAGT 300
 TGAATATCT CAGGTAAAA CATTCTACTT GTTTCAGTA GNTATTGGGT ATTTTCTCTT 360
 CAGCTTTTAA ATACACACT TTAGGCACAC CTCAGGCAAA GCACTAAGTA AGGCAGCAAG 420
 GGGTGGATTG AACATAATG ACTCTCCAGG TTGCATGAGG TGTTTTAAAG ATAGGAGAG 480
 CTTTAN

Name: 140 Len: 334 Check: 1ADF
 GGCCTTTTGG TCCAGAAAA ATAGAGGGGA TCTCTGTGGA GTTCTTTTGG TTTTTCATCA 60
 ATTCTGGGGC TATTAAAACT AGCCATTTCAT CTAACGAGGG CCAAGCAAT TCCAGAGGCT 120
 TGAACACTG GCTTTTTCGA GTTTTATTC CATTGTAGGC TATAACAATT CCATTACTGG 180
 GGBAAGATGG AACCAATTGA AAGAGTGAAC AAAACATTCT CCAACATCTT AAAAGGCTCT 240
 TCATTTGAGC ATCATAATTG CTAGAGAGGG TAAGCAGTTT ATGACCATTT GTTGTAGCAA 300
 CTTGAGCAAG GTTTTGTAGA ATCTTTAGGT ACTG 334

Name: 141 Len: 197 Check: 1A2F

TTTAAAGGTTA	CACGATTATT	TATTGAGAGC	CTTCTCTGCG	CGCCCTTGCA	ATCTCTAGGT	60
CACTTCTCT	GCTTSTAGAT	TTTGGCCGCA	AGCCCCAGAA	AGACGGCTGG	GGGCAGGGGT	120
GCTGCTATAT	GTTCAATGAG	AGCCATAATG	TGGCTGTAAAC	TGTCTTCTCT	ATATTGCAAG	180
AACACTGCTG	GCCAGATCCAG	CTCTCTCATAT	AGCGCTTCCA	CCCGGCTCCAC	TTTCTCAGCC	240
TCCTTCTGCG	CCTAATTTTC	CTTCAGGATC	TGGTACTGTT	CTGGAGTGGC	CCGTTSCAGA	300
CACTGAACTA	CCAGCCAGAT	GCATTTGTTG	TCCTGATATG	CAGTGCCTAT	TTTGGTGGTC	360
ACACTGGCTT	CCCAAAAGAG	GTCAAGGTAA	TCATCTCTGA	TCTGAAAGAA	CTCCCTCCATC	420
TCCAGCAGAA	TCTTCTTTGG	ATTGGCTGCG	TCCTTCTGCG	CATCAATTCG	TGCCATGTA	480
ATGCTGCGAG	CTATAAG					497

Name: 142 Len: 353 Check: 1831

TTTTTTTTTT	TTTTAGAGAT	TGTTSTGACT	TTTATTCAAT	TTGAATCCCG	GATTAAAATA	60
AAAGGAGTGA	GAGCAAAAGCT	TTACAAATAT	TACATTACTA	CGTCATTGAT	ATGGCTTTTA	120
CACTGATTTG	ATACAGGAAA	AAAAAAACCT	TAACATTAGA	ATTAAGGCAG	TAACACATG	180
TGCAPACCCA	GCACACCCCG	TGACAGTCTT	CAGTAGAAAA	CTACTCTGGT	CAGGTGGTAT	240
CTGACATGGC	TGCATGCGAG	TCTCATTGCA	TGGAAGGATA	GGTCTGAGG	AGCTTCATTC	300
CTTAAAGGGG	AAAAGGACCC	TTCTCACTGG	CCAACGATGG	CCAGGAGCAG	CTT	353

Name: 143 Len: 559 Check: 113B

ATGCTTCACA	CTTGGTTTGC	TTATATTGAT	CATTTAAAAA	GAGATATTAA	TCTTACCTAT	60
TGCCATGAAT	ATTTTCATTTA	CATTCAATTG	TGTTTTAGCG	GATGTCTCCA	TGAATAATAA	120
ACTATTGTGA	TCTGCATAGG	ACTGTGCTTC	CTGGAATCT	ACTGCTCTTT	TATTTGCTAG	180
GTGCGCTTGG	TTTCCCGATA	AAGCTATTAC	AATGTTAGGA	CTGCTTGGCC	TCTGAASTTC	240
TTTAAACCAA	TTTTTTGCTC	TTGCAAAGGA	CTCCTCATTT	GTGATATCAT	ATACAACATC	300
GGGTGCTTGT	GCTCCTCTGT	AGTACATTGG	TGCTAGGCTA	TGSTATCGTT	CTTGACCAGC	360
TGATATCCAT	ATTTCAAACCT	TTACTGTAGT	GTCAATCAAGA	CATACAGTTT	GGGTTAGAAA	420
AGCAGCCTCA	ATGGTACTTT	CTTGAAATCA	TGACATTGGC	TTTCAAAAAA	CAGGCACTAG	480
GCTTCAATTT	CAACAGCGGA	CTCTCCGAGA	GTACTAGTTT	GAATGCTATA	TNTATTTCCA	540
GTATTGGCCG	CGTGCGTCT					559

Name: 144 Len: 572 Check: D1C

TTTTTTTTCC	TTTTAAATGC	TTCTTTTATT	TCATTGGTTG	TACATTGGGT	GAGTGAAGTG	60
AAATATTACA	CCAAAAACATA	GTATTGATAC	AAATTAGACT	CCTGTTTACA	CTGTAAGGTA	120
ATGAATGAGG	GAATTCTTTA	AGTGTACAG	AAAGATTAG	TAGAAATGTT	ACCACTGGTA	180
TGCTGTGAAAG	AATATTTGCG	TGAAGTGCTG	TTATATCTCT	AAAACCAAGA	GTGAAATGTA	240
GTTCCCATAC	AAGTGGAGAG	TTAGTCTCTT	AACTACAGTA	TTGTGTGAAC	TGATATCTTC	300
ATGTCTTGGG	TATTGGGTGAT	TTTTGTTTTT	TAATTAACAA	AAGCATTTTA	GATTTATTCA	360
TCATAGTCAG	ACTTCTGAAT	ATAAACAAAC	TTTTGGCAAA	TATATTTTAT	ACAGAAAAAT	420
AGTTTTAGAT	CCTCTCAAAAT	CCCAGAAATTA	TTCTATAAAA	TTACATTATA	AATAAATAAA	480
AAGCAAAATC	TGTTGTATAT	ATATTTGTAC	ATCTATGCTAT	TTGCTTTGCC	TCCTCCTTAT	540
TGTAAATGGC	ATATTTATGA	CTCTTTGCAT	AT			572

Name: 145 Len: 402 Check: 1D03

TTTTTTTTTT	TTTTTTGTCT	TAAGGAAGTT	TTTTGGCATT	CTTTTTTTTT	TTAGATTACA	60
AACTACATAC	AATAAGTGA	TTTTATCAAA	ATACAGCACA	TTTCTTCTAC	TATATCCATA	120
AAATCAATTT	CCTATGTAAA	TAGTACTGAA	AATCAACTAA	AATGAGTTAA	AATTTACAAA	180
GATTTGTAAA	AGGCTTTCAA	TCAAAATTTA	TAAACCTATA	CAGTACAATA	ACCAATTGAT	240
AACATCTTGA	AAGAAGTCCA	ATATTTGAGT	TCACATATTT	TTAAAGTGGC	TGCTACTTTA	300
CTCTGACTAG	CAAGAAATGA	AAGTGAAGTC	AACTACTTTT	TSCAAAAATA	ATGTTGSGTG	360
GTSTTTTAA	CTAGCTTTAT	AAAAGTCTTA	ATTAAATCA	AG		402

Name: 146 Len: 482 Check: 2B

AGTAAACA	AAGTATGTTT	AATGGTTGCT	TTGGAAAGGG	GAAGTGGGCA	CCTCATGCCA	60
GGGAGATTTA	AAAATGAGAC	TTTCAAGCA	AGCACTGCCCT	ATAGCATAGT	CTCATATTTT	120
GAATATTTAA	AGTAAATTTT	ACTTATATAT	AAAAGATAT	TTTAAAAAAT	CACACCCACA	180
AGTAAAAAAC	TGTAATCTTG	TTTACAAAGT	GTAGCCTCAG	TACAGCAAAAC	TCATCTCAAC	240
AAAGGATTAT	GTGTGGTTTC	TGGGGTTTTA	AAATTCCTCT	GGTTTTCATT	TAAATGCTTT	300
AACTATTGAGT	CATCTCTCAT	ACATGAAAGG	CCTGTSTAAAT	GAAGCTTGGG	TCCTTTAACA	360
CCTCTATATTA	ATTAATTCCA	ACATAAGTGA	GTATGAGACC	TGNGAAGTAA	ATTGTCTATCA	420
TCTGATTGAT	GAGGTACAGA	TTATCTGAAT	AAAATTTCTG	ACCTGSTTAT	GAGTCASTAA	480
TT						492

Name: 147 Len: 449 Check: 149E

TTTTTTTTTAA	CATTCTTAAG	TTTCTTTTAT	CTTCTATAGT	TTCTAATGAA	CAAAATAGTTA	60
TTTTCTCTGA	GTAAGATTAT	AAAAAGTTA	AGCATTCTTC	CAAAAGTATA	AAGACAAATA	120
AAATCTCGAC	TCATAATACA	AATTTTTTAA	ATAGTATTA	AGGTGCAGAT	ATTGATGCC	180
CCTCTTCTATT	ATGATTGGCC	CACCCCTTAA	AAAGACTGCA	ACAGAGGATT	CAATTCTCTA	240
AAATCTCTGG	AAGTACAGAA	ATTAATGCT	TTAGCCCAT	AACATATCCC	TCATCTATTG	300

TTTCTTTTGG AAAAGATGA CAAAAATGTA TCAATGCGAC TTCTACTTGA GCAATCTCTT 460
GGCAACCGGT GGAAGATGAG TAGAAAACTT TMTCTAGTTG GGAAGTALA TTTCCATTTA 420
AATGTTCTG TGACATGCTT TTCCACCGAT TSTATTGCTC CAGATTTTGA ACTTTCAATG 480
AAGTCTGAC 480

Name: 148 Len: 372 Check: DA7
TTTCACTTTT TAATTTTATA TTATTTGCGT CATACTTTT CTGTAACGGA AGTGTTAATT 60
TTACTGTAAT TTTGGTACC TTTGGGAAT CTAATGTAAT GTAAGGTATT TTACAGGTGT 120
CCTTATTTTG CCACAACCTG GATATTGAAG CTATCCAAGG TTTTGAATA AAATTTAAAA 180
AGTTTCAAGT CTGCTGAGT CTGGGATAAG TGTGTGAGA CCTCTTCTC AGGCTTGAAG 240
GAGTGGGCT GGGGAGGNNC CNHNNNOCCT SHACTTTTTC CTCTCTCTCT NNCANCTCT 300
TCACTTTTGA GGGTCACTG GGGGTATCT TTTAAGGACT GCTTGTCTA GGTCTGGGCT 360
CCTTTTCAA GA 372

Name: 149 Len: 491 Check: CA
GTTTTTAAAA CAACCAAATT TTAITAAAGG AAAATTTTTC AGGTTTAAAG TTTGTAGGTG 60
AAATTTTCTA GGTGAAAAGG TTTACTTTTC ACCAGTCTGT TCTGGCATGC TTCTAATGAT 120
GTGAGAGTCA CTTGGATCAA TGATAGCCAG TGTGCACT CTGTAGTATT TTCCGCATGC 180
CTGTGCGAGT TCAATATTAT TGCCACTGTA GTGATGGACA CCASTTTTTC CCAACATAGC 240
ATAGTACTCT ATTTGAGATT TCTCAAAAG TGGGCTGTTT TTAGTGAGAA TGACCAATT 300
GCTTTTGCCT TCTCTGATCA TCTTCAGAGT CTGCTTGTAC CCCAGGACT ACTTCCCACT 360
TTTCATAAGG AGTTGGAGCC TAGAGTTGAT GCACTCCAGC GACTTTTTTC TCTTCTTTGC 420
GGCCACCATC TTCTGCTCT AGGAGCGGGA GGGGCCCCAA CCTAGAAGAG ACAGAGAACA 480
GGACAGGAAT T 491

Name: 15 Len: 601 Check: 1356
CGACAACCTGT GGTGACAAAC CATGTTCTTG CAGCCAGTCT CACTGTTGTA CACGATGGTC 60
AGCCATGGGT GTGATGTCC TCTTTTTCG TTGTTTATGG TGTACCTTC CAGCCAAGGG 120
TTGGCTTAAA TTGTGCTAGG GGTGTTATGA CCGGCTTAC AGGCTCTGTT GCGCTGTAA 180
AAATTCAAAC ACAGTTTTCCT GCAAGTTTC CACTGTCTTC CCTAGGAAT TTGAAAACC 240
AACATAGCAT CATTAATCAG GAATATTACA GTAATGAGGA TTTTCTCTCT CTTTTTTTAA 300
TACACATATG CAAACCACTA AACAGTTATA ATCTTGGCAC TGTTAATAAG AAGTTGGGAT 360
AGTCTTTGCT GTTTGCGGTG AAATGCTTTT TGTCCATGT CCGTTTTTAC TGGATATGCT 420
TGTTAGAAT CCACTAATG GAGCTCAAAG TATGAGATAC AGAAGTTGGG TGANCCATGT 480
ANTGCATAAG CTAAAGCAAC ACAGACATC CTANGCAAAG TTTTGTGTTG GTGAATAGTA 540
CCTTGCAAAA CTTTAAATT AGCAGATGAC TTTTTTCCAT GGGTTTCTCC AGAGAGAATG 600
T 601

Name: 150 Len: 455 Check: 2548
CATTTTTAAT TTATTATTAT TGCAAAAGAA CAGTTTTTCT CATGATTAT GAAATAGAAA 60
ACTCACAATA TACTTAAGAG TCTGCAACAA GTTACATAGA ATCAGAGGCA CTTCAAAGGC 120
TTAAAAAGAC GTTTACAAT TAAATGCATT TTTAAGAAAC AAAAGTGAAT TTTCTTTAAA 180
CCTCTACTCG TACCTTCAAA TTGCAAGAAA TTAACAATA CAGTGGGCAA AGGATCTGC 240
AGCAACTCTT TAAATACTG TTAACATCTT TGGGTTTCT GAGGCTTGT AGTAACTTAC 300
ATCAAACTCT CCAAAAGAA GATCTGATTA CAAATATATG ACTAAAGCT TTTGTAGTAA 360
CAATCAATT TTACACATTA ATTTGCTGTT GCAAAATCTG CCAAAGCTAC AGGTAATGAA 420
AAATAAGGA ATGTAAAAAT GATATCTG AACT 455

Name: 151 Len: 465 Check: 298
AGCTTGTGGA GGTGTGCGA GGGGTGATC CTGAGTGTCC GAAGCGGCG TCTGCTCTC 60
GCGGCTGGGC TTTCTAATT CCATTGTTTT TTTTAGATT TCTGGGCTT AGCGTCTCT 120
GGAACCTGAT ATTCTGGCTG GCGGCTTCT GGGCTGGGC CTAGGCTT AACAGTAGCA 180
ACAGAACTGG GGGGCGGGG AGCAGCAGCA GCACGAGC CAATCTCTTC CCGAACACGA 240
GCACGACAGG GGGGCGAAG GCGGACAGG CCGTTAGAGA AAATGCGAGA CGATATTGAT 300
ATTGAAGCAA TCGTTGAGGC TCTTACAAAG AAGGTGAGAA AATACATCT GGTGAGGTTT 360
ATATAATTTT TAATTTAGCA TTAITCAAG AACTACTCTT GAAATGTAAA CTAACTTCC 420
CGAGGCTCT TTBATTATC CTATTAGAGA TCTCTACTT GTAG 465

Name: 152 Len: 586 Check: 1873
TCTTCTTAG TTTCTTCC AAATGCTTC TTAGGCTTAG TGGTGGGCT TGAATAGGC 60
CCAGCTCTCT GTATACTTC CACAGAGCTG GGCACACAT AAGTCTGGGG CAAACTGGAA 120
CTGTGGGAAG GAGCTGAGC CTGACTTCT CTTTCAGTTA GAGCTGAGG CTGAGGAGC 180
TTCTTTAGCA AGTACTTCT TCTTCTTTT GCTTTAAGAA ATTTTCTCT ANGACAGCA 240
ATTCATAC AAATAGCAGC ATTTTCAAG AAGTGGCTT TGGTGGCTT GCGAGGCTC 300
AGGATTTCA GCGGCTACTT CTCATCTCT GCTTCTCTG GAGCTTTTTT CATCTGGCT 360
TCTCTGACT GTANTGAGC CTGCG 586

Name: 153 Len: 591 Check: 182
TTTTTTTATT GCTTGGTTT TATTTTCTAT GTTTATAAAA AAAATATGAA GCTTCTTTGT 60
GTGAGTGAAG GGGGTGTTAG CTTGTGATG TTGCTCTTCT GTGCTGTAC CCGAGTGGCT 120

TTCTAATCTT	TAG	CTG	CTAAATAAAG	CAGGCTCCAG	TTTAACTCT	CTGTACACTT	130
TTCTTTTGGG	AAA	ATCT	TGTCTTCACT	TTACTCCAGT	AGGCTTCTCT	GCTCTGTCTTAC	210
AGGCTCACTT	TTT	TTAAAG	AACATATGAA	ATATCATCTC	ATGGATGACG	ATACAGCCCC	300
TTCTTCAGCC	TCT	TTATC	AAGATAGTGT	CCAAATGAAC	CTATACTCTT	TCCATACACA	380
AAGATGCGAT	TGAG	GGCTCC	AATGTAAATA	TATTCATCAG	CTTCTCTCTG	AGTAAAGGAC	420
CCACATTTT	TAA	CTATCT	TACAAATGCG	ACTCGGATGA	GACCATCTAC	ATTGAGGATA	480
AGATTTGGCT	TCT	TTGAGT	GTAATTTCT	CTACTTCCAG	TTTATAAATC	GAGCAGAGAG	540
TTTTCAGGGA	GTG	TTTCT	GCTAATCTT	TTGAGATCTG	CATTCGCACT	TTCTGCTCTT	600
							620

Name: 154 Len: 240 Check: 11AF

GGTCTTTTCT	ACT	TTTATT	GGCAATGGTT	TAAATGCTC	AACTATAAAA	AAAAAGACAT	60
TTTGAATAA	AAT	ACTTCT	TTTGGCTGT	AATAAATAAA	AACTTTATTA	ACAAGGAATG	120
CACTTTTCTA	GCA	CAAAATA	TCTTCAAAAA	TTAATGAAAA	AAATTTATAT	ATGCCCCATG	180
TTCAATGTTA	CGC	AGCCAAA	AGCTGCTCCA	ATTACAGCCT	TTAAACAACA	TGGGAGCTTC	240
CTCTCTTTCT	CTT	CTCTCT	AGGAAGTATA	TTCAAGTTTC	CAAACTCTCT	TGCTGAAAT	300
GCTCTCAACA	GAG	AGAAAT	AAGAATCAAT	GACCTTTCT			340

Name: 155 Len: 759 Check: 21EB

CTCTGCTCTA	CTT	CTCTCT	CTCTCTCTCT	TTTCTCTCT	TTTCTGACTT	TTCTCTCTCT	60
TCGGACTTCT	GTG	CTCTCT	GGTTTCTAG	TTCTCATCTT	TTCTTAAGTC	TGCTTTTGGT	120
CCTTTCTATT	CAT	CTCTCT	CAGAGCTCTG	AAGGATCTAA	TGAAGCTCTC	ATCAGCAGTC	180
AGATTTGCTA	AGA	CTCTCT	GTGCTCTCT	CCTCCAGTTA	TGAGCTCTAA	GATGAGAAAT	240
AGAATGCTCT	GAG	CAACAGC	AAGGAGAAGA	ATACTGGCTA	CAAAACAGCT	TGCACCTACA	300
CTGAGGTAAT	AAAC	CTCTCT	TCTCATTTCT	GCTGGCTCAA	GGGGGAAGAG	GGTGGCCGCT	360
ATTACTGCTA	TCA	CTCTCT	TAATCTCTAT	ACAAATGTTT	TAAAGTGAAC	TGGGTCTATG	420
ATCCATATAT	ACAC	CTCTCT	TCCATCTAGA	AAAACCTGAT	CATCATGCTG	CTAAGTTTGA	480
ATTTTCTCTA	GTG	CTCTCT	TTTNTAGAGT	TCCCTGAGTT	TTCTCTCTTT	TGATTCTCTT	540
TTTCACTCTA	TTT	CTCTCT	CTTTTCTCTT	TTTGGCTCT	CTCTCTCTAT	ATTCTCTCT	600
TGCTCTCTTA	TCT	CTCTCT	TCACTCTCTG	CTTTCTCTTA	CTTTTCTCT	TCTATGCTT	660
ATCATATTTA	TTCT	CTCTCT	TAGGCTCTCT	TGAAAACTG	TTCTAAAAAC	TCTGTGAGTT	720
ACCACTAATNT	CTCT	CTCTCT	TAACTCTCT	CTTCTGCTT			759

Name: 156 Len: 703 Check: 24F3

TTTTTGAGAA	TAC	CTCTCT	GCTTTATTAT	ACAAAATGGC	GGGCTGGGGG	GGGGCAAGCA	60
GGGATGCTCA	TCA	CTCTCT	GAGGCTAGGT	CATGCTGGCA	ACAGGAAGCA	ACTTCTTAGC	120
CAGGGCCGGG	GGG	CTCTCT	CTGGCTGGAA	TCTCCCTCTG	GTACATGGAG	GGTGGCAGCC	180
GGCTGGACTT	GCA	CTCTCT	GAAGCGAGAT	GGGACGCTTA	GGGAGCCGCG	CGCTCTTCCA	240
CAAGCACCTT	CT	CTCTCT	CCATGCTCTG	TGGCCACAAA	CTTATACCTC	TTCTCAGATG	300
GGGTCTCTTT	AAT	CTCTCT	GAGTCTCTTG	AGCTCTCTTT	CTGCTCTCTG	AGGCTTTTCT	360
TGCTCATCTC	TCA	CTCTCT	ATATCTCTTG	AGGACGGAGT	CTTGGCTCTA	GACTGAGCTT	420
GTACCTCTCT	CGT	CTCTCT	CGACTCTCTG	TACTGGCTCT	AGCTCATGCT	GGCAGCTCTA	480
TGGAGGCTCT	GGG	CTCTCT	CTTGGCTCT	GGCTCAGCTG	CTGGAATGGC	CTGGTCTATT	540
GTCTCAGCTA	CT	CTCTCT	CTGGAGATGG	GCAAGTCTTG	CTTGGATTTT	TTCACTCTGG	600
TACTCTCTTT	TAT	CTCTCT	TTTAGGGGAC	TGCTCTCTG	NATGAAGTTG	GTGTGGCTCT	660
CAGGGAAGCT	AGT	CTCTCT	GATCTCTCTT	CAAAACCAAG	GGG		703

Name: 157 Len: 757 Check: 07F

CTTGGTCTGT	CTT	CTCTCT	AGGTCTAACT	TCTCTGTAAG	CTCTTTCTCT	GCTCTCTTAA	60
GTTCAGCTTC	TTT	CTCTCT	ACTCTCTATA	CAAACTTTG	TCTCATTTCT	TCTCTTTTCT	120
TCTGCACTTC	TCT	CTCTCT	TCTCTCTTTT	TTGCTCTATA	TCTCTCTCTA	AGACTGAAGG	180
GTCTGCTCTC	AGG	CTCTCT	TCTCTGAACT	CCATCTCTCT	AGCTTCTACG	CGTCTCTCTA	240
ATTCTAGCTG	GGG	CTCTCT	GTCTCTCTCT	GCAAGTCTCT	CATCTTCTAG	GGATCTAGCA	300
TCTCTCTGAG	TTT	CTCTCT	TCTCTATGAT	TTTCTCTCT	ACCTCTCTCT	ACCTCTCTCT	360
CTTCTCTCTT	CTT	CTCTCT	AGCTTTCTCT	CAATCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	420
CTGCAAACTG	GAT	CTCTCT	CTCTCTCTCT	CGTTAATCTC	TGCTCTCTCT	TCTCTCTCT	480
TGGGAATCTG	ATAT	CTCTCT	AGCTCTCTCT	TGACTCTCT	ACTCTCTCT	TTACTCTCT	540
ATCTCTCTCT	TCT	CTCTCT	CTCTCTCTCT	AGCTTTCTCT	AAATTTCTCT	ATCTCTCTCT	600
CTTCTCTCTC	AGT	CTCTCT	TCTCTCTCT	ATCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	660
GGGCAATCTG	TAG	CTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	720
TAAATCTCTAT	TTT	CTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT			757

Name: 158 Len: 455 Check: E31

GGAAAGTAAAA	AAAT	CTCTCT	CTCTCTCTCT	TTATTCTCT	ATAATGACTA	CTTCAAGGCT	60
CATCTGCTCT	CTT	CTCTCT	CTCTCTCTCT	GTGGTAAATA	CTCTCTCTCT	GTCTCTCTCT	120
AAAGGAGGAA	AAAA	CTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	180
AGATTTATATA	AACT	CTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	240
GCAAAAAAGTC	CTGA	CTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	CTCTCTCTCT	300

TATGTGGAGA	TATAATACAT	ACATACTTAA	TAATCTGAGA	ASAAAAAAS	CARATTTCTG	461
ATTATAATTC	AAAAAGAGTT	TATCTAAATA	TGGAGGTAGG	TCTTCACTCC	AATTATACAA	420
ATAAGTTATC	AGTTTATATC	AAAGAATTAT	AAGTC			455
Name: 159 Len: 486 Check: 517						
TGTTTTTTT	CAGGCGCAGT	CTTGTCTCT	CTGAAGAAAA	TTCTTGCAC	GCTCAGTGAG	421
AAATACAGCA	ATTCAAATTC	CTGTAGATAG	ACATCCAGTC	GCTTTTGA	GAGATTTCATG	121
GTITGTAGCA	GTTTTTTCATC	TGGACTGCT	GACTGTACAT	TCTGTGCTT	AGCAACTGCT	181
CTTATCTCT	TCAGGTATTT	CTCTTAACA	GACTGGAAC	AGTGAATGA	ATCAAACTTC	241
CAATACTTAT	CCRAAAGCTT	TAGAATGTA	GCCACACCA	TGGCAAAAG	ATCATCAGTA	301
AAAGCACTTC	CAATTTTATT	TTTTTTATTT	AATTTTTCT	TGCAACTAAT	GGAATGCTCT	361
ACAAATCTGA	GGGTACAGAG	GGGAACAAT	ATATAGAAAT	TTCCAGAGATG	TATATTCTTT	421
GGCTTCGAA	AITCTGAGC	AAAAACCTCT	ACAAGCATT	TGAAATATTC	TGTGCTTTC	481
GCAGAA						486

Name: 16 Len: 511 Check: A08						
AGAGGATGCG	CAAGGCGCTG	AAAGAGAAAT	CTTGCAACTG	CCTCTGCTC	AAAGTCAACC	61
AGATTGGCTC	CGTGACCGAG	TCTCTTCAGG	CGTGCAAGCT	GGCTTAGGCC	AATGGTTGGG	121
GGGTCACTGT	GTCTCATCGT	TGGGGGGAGA	CTGAAGATAC	CTTCATCGCT	GACCTGGTTG	181
TGGGCTCTG	CACTGGGCGAG	ATCAAGATTC	GTGCGCTTTG	CGCATCTGAG	CGCTTGGGCA	241
AGTACATCCA	GCTCTTCAGA	ATTGAAGAGG	AGCNGGGCAG	CAAGGCTAAG	TTTGGCGGCA	301
GAACTTCAGA	AAACCCCTTG	CCAAGTAAGC	TGTGGGCGAG	CAAGCCTTCG	GTCACTCTGT	361
GGGTACACAG	ACCCCTCCCG	TGCTGTCTAGT	CAGGCAGTCG	AGGCGCCGAC	CAACACTTNC	421
AGGGGTCTCT	CTAGTTAGCG	CCCAAGCGCG	TTGAGTTCGT	ACCCTTCTTA	GAATNTACAG	481
AAGCTAANTC	CTTGGAGCCT	GTTGCANTCT	A			511

Name: 160 Len: 638 Check: 251						
GGGCTCTCTC	TTTACTTTCT	TTATCTTCAT	CATCTGAAGA	CTCTTCTCTG	TTTTTCTTTT	61
CATCTTCTATC	ACTACTAGAT	TCATCTGACA	GAATTTTCAGG	ACATTTGGTT	CGCTTAGCCT	121
TACTTGGCAT	TCCAGAACTG	TTCCGCTCTC	TTTTACTGCC	TTTCTACAA	GACTTTTTTA	181
ATTTGCGCAA	TGGTTTGCCA	GAACGCTTTG	GATGCATTAA	GAAATTCAGG	ATCCTCTTCA	241
CTAGTTTACT	ATTTACACCT	GATCTCTCCA	AATCAAGAAC	CTCACAGATG	CTCTTTAACA	301
TGGCATTTCT	AAATTTTTTC	AACATTTCTT	CCTTCTTTTT	ATATTGGACA	CTTCTTTTTT	361
CAAAATGGA	GCGACTGAAC	TGACCCACAT	TCTTCTTTAA	TGAGGACACA	CAGCCTGGCC	421
TGTGTAAAG	CACTTTGTGT	ACATATCTAA	GATCATCCGT	TTTCTTCTTA	CTTAGAAAAA	481
CATGTATGCT	CTCAATTTCA	CAAAGCGTCT	GGCGCTTTCC	TTGCTGCATT	GTAAATTGCT	541
CTCTCTGCAG	GGAGAGACGT	GCATTGGGAC	CTCTCTACTT	TTTTTTTTCC	CTCTTGCCCT	601
CTCGAPAGAA	CCTTTTTTTT	TCTTCTCTCT	CTTCTCTC			638

Name: 161 Len: 845 Check: 445						
GAATTCGGCA	CGAGCCTGTC	TGGAGGAGTG	GTAGTGAGTG	CTATATTCTT	CATTTTGTCT	61
GCCATATCT	TATCATCTCC	CTCTAAGAGA	GGACAAAAAG	GTACCTTAT	TGGATATTCT	121
CTGAGGGA	CACCTCTTTA	TAACTTCATG	GGTGATGCTT	TTCCAGCATAG	CTCTCAATCG	181
ATCTCTAGGT	TTATTAAGGA	ATCACTAAAA	CAAATTCCTG	AGGAGAGTGA	CTCTAGGCA	241
ATCTTTTACT	TCTTGTGCTT	GAATCTGCTT	TTTACCTTTG	TGGAATTATT	CTATGGCGTG	301
CTGACCAATA	GTCTGGGCTT	GATCTGGGAT	GGATTCCACA	TGCTTTTTGA	CTGCTCTGCT	361
TNACTCATGG	GACTTTTTTG	TGCGCTGATG	AGTAGGTGGA	AAAGCACTCG	GATTTTTTCC	421
AAAGGTACGG	CGGAATAAAA	ATTCTGTCTG	GATTTATNAA	TGGGCTTTTT	TCCAAANAGN	481
AAAGAGGGGT	TTTTGGGGTT	ANGGGAGNCA	AGNGGCAAGA	TGGATTGGAN	GGGCGAGGAA	541
TTAAGGCTNC	CCACANNGNA	AACACCCAGN	NCCANTTGN	GGGNGNINAA	NNAAACCCCTN	601
ANTGGGACCN	GGGNCCTTNA	NCCAAAGGCC	AAGNCANGCC	CAGGGGGGCT	CCNCAAGGGG	661
AGNGGACCN	AAAGNGGGNC	AAAGGNCCTT	CAAACNCANN	GGNGGGGNC	AGGGACCCNG	721
GGGNGGGGG	AACCNCGGGG	TNNGGGGGG	GNNGNAAAACN	CAAAANNGGG	GGGNATCCCA	781
AAAGGTTGGG	AAAAACCTNG	GNAAAANGGG	GGNNGGNNCC	AAAGGCGNAA	AAANGNGTGG	841
TGGG						845

Name: 162 Len: 496 Check: 176A						
TGTAATACCT	CTTATCTTTT	TCTCTTACA	CAGTGCTGTA	GAATATTATC	ATTATAGATA	61
AGTAGTACAT	GGTGGATAAC	TTCTACTTTT	AGGAGGACTA	CTCTCTCTG	ACAGTCTAG	121
ACTGTCTTTC	TACATAAGA	CACCATGAG	GAGTATGTGC	TCTATTATT	CTTGGCTTTG	181
TCTCTGCGCA	AACTCTTCTT	TAGCCTTCA	CACATCGCAC	TGAAGAATAT	GATGCTGAAG	241
CATATGGAAG	ACAATATGTA	TGATGATGAT	GATGATGATG	ATGATGATGA	TGATGATGAT	301
GAGGATAACT	CTCTTTTTTC	AAACAAGAGG	CCAAGAAGCC	ATTTTTTTTC	CATTTGATCT	361
TTTTCTAAG	TGTCATTTG	GATGTCTAGT	CTATTACAGA	GTTGTACATT	GCTCAATTTT	421
AGTTTTCAGC	TGATCTCCAA	CCAACATCTC	ATTTGATACT	CGAATGCTTG	ATCTTCAAAA	481
CAATAAAATT AAGGAA						496

Name: 163 Len: 491 Check: 21BF						
TAGGATTAA	AAAGGATTTT	AATTATACAC	ATATGGTAC	AATTTTGCCT	TAAAAAGATT	61

TTTGGGAAAT GTACATRAAG CCGGTTGTAA ATGTAGATG DATTACTGT ATGTUTTATG 121
 TCCAGGAGAA AAAATGTTAT CACACAGATT TGCTCTTACT TGGGAGTAG CTATTCAAAA 130
 ATACAGTACT GTTCTGTACA AAGAAAAAAG TCACATCACA TTTAATAABA TGAaaaaaagc 240
 ATTGGTTCG ATGGAACCA AATATCTCAG TCCATATTT TATATTATG ACAATACCTT 300
 GACTTAAATT GAATGTGAT CAAATTCTAG CAGGTGCATA TTAACASTCA ACAATATAT 380
 TATAAAGAA AATGATGTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACIT CTGAAACCAT 400
 ATAAGATATA AAAATTTTTA AAAAATTACT CTCGATTGG AAAAAAAT TTACATTATA 480
 CAACATATA T

Name: 164 Len: 457 Check: 1480
 TTITTITGTT TATGACATIT TATTGATGCT GGGGGGTTGG GAGAGAGATC TGAGAAATA 60
 TGTGGGTGCA AGAGTCCCA GGTGGGACA GGGAAAGTGT TGAAGGCTTG CCACTACTGG 120
 GCAGGGAAGA CAGAGTTGCC ACTGTATGCA CAGGGAATGA GCACTGTCTG GTACTGCAGG 180
 GGCAGGTGCG GTCTCCACTAG CACGTGCAGT CAGACTTGGT CAGTGACAG GGCCTGCGCG 240
 CGCATCAGCA GTCTCCAGGT CTCTGGCTTC ACAGTCTTGG GGCAGCATG AGCAGCAAT 300
 ACGTCTAGAT CATCACAAAG ATGCTGGAAA TATTTATCTA GGCATTTCTC CACCATCTCA 360
 AGAGGCTTTC TCTCCATGGG CATCTTGGCA TAGAACTAA AGAGTTTTCAG ATAGTGGCTC 420
 AGTTCAGGCT TGTGGGATC TTGGCGGNGC CTGNGGC

Name: 165 Len: 477 Check: 1742
 TTTTITTTTT TTGIASTTT CTTCGCAAT GGTCTCTCAG GCGCACTGCT GGGGCTGAA 60
 ATAGGTCAG GTCTCTGTAT AGTTCCCAACA GAGGTGGCCA CACCATAGT CAGGGGGCAA 120
 CTGGAAGTGT GGGAGGAGC TGCAGCCTGT ACTTCCCTTT CAGTTAGAGC CTGAAGCTGG 180
 AGGAGCTTCT TTAGCAAGTA COTTCTTTCT TCTTTTGTG TAAGAAATTT TTCTCAAGA 240
 CGAGCAATTT CATCAAAAT AGCAGCATTT TCAACACCG TGGGCTTGGC CGCTTTGCGC 300
 AGCGGAGGT ACTTCAGCG GTACTTCTCA TTCTGGCTCT TCTTCGGGAG CTTTTTCATC 360
 CTGGGCTTGT TGGACTGCAG CGGAGCGCGC GCGAGGAAG CGAGGCGCTC CAGCAGGCTC 420
 ATGCTCCAGC CTGCTAGGG GGGCGCGAG ACGCTGCGG CATCGGATCT TAAGTGC 477

Name: 166 Len: 468 Check: 1844
 GAGAGATGA CAGAAGGGGC TACTGCGGCA GAACAGAGG GCGCTGAAGC GTGCAATGCG 60
 GGATTTGAGC CGGAGCGAC AGAACTAGA GACCTAGGAG AAGAAATCA TTGCAACAT 120
 TAAGAAGATG GCCAAGCAAG GCCAGATGGA TGCTTTTGGC ATCATGGCAA AAGACTTGGT 180
 GTGCAAGCGG CGCTATGTGC GCAAGTTTGT ATTATGCGG GCGCAACATCT AGGCTGTGTC 240
 CCTCAAGATC CAGACACTCA AGTCCAACAA CTGATGGCA CAAGGCAATGA AGGGTGTGAC 300
 CAAGGCGATG GGCATCATGA ACAGACAGCT GAAGTTGCCC CAGATCCAGA AGATCATGAT 360
 GGAGTTTGA CCGCAGGAG AGATCATGGA TATGAAGGAG GAGATGATGA ATGATGCCAT 420
 TGATGATGCG ATGGGTGAT AGGAAGATGA AGAGAGAGT GATGCTGT 468

Name: 167 Len: 399 Check: 208
 TTTTITTTTT TTAGGTTTAT AATCAGCATC ATCTCATCT CGAGGTCTCT TTAATGGCTT 60
 TATATCTCT TTAGGAGGAA CAAAATAGCC ATCATCTTCA GTTCTATCT TAATTTGTGG 120
 TGGACTAGAG AAGGCAATTT CTTTCTCCTT CTCTATTTTT GCATGCGAG AGGCTCGAAC 180
 CTTTTCTCT TTGGTTTTT CTTTGTCTCT GTCTTTATGT TTGTCTTTAT GCTTTTCTGA 240
 GTTCTATCT TTGTTTTTG TCTTCTCCTT CTCTTTGTGT TCTTTTCAG AATCTTTATG 300
 TTAATGTTG CTATGTTGG ACTTTTCCCG GNCCTTCTCC TTTCTGGGT CTTTTNGGCC 360
 GNGGTCTGCA TCTTTTGGTT ATTTTTTGT TATGAGAT

Name: 168 Len: 557 Check: F21
 GAGGCAAGC GCGTTCTGG CAGCAGGJAA GCGTCAACCA CCAGAGGCA AGATGTGAG 60
 CAAGCGGGCT AAAGGCAAGA CCACCAAGAA GCGGCCACAG CCGGCTACAT CTAATGTCTT 120
 TGCAATGTTT GAGCAGTCCC AGATCCAGGA GTTTAAGGAG GCTTTCAACA TGATTGACCA 180
 GAAGCTGAT GGTTCATTG ACAAGGAGGA CCGTCAACAG ATGCTGGCT CCGTGGGJAA 240
 GAAGCTTACA GAGCAATACC TGUAGGGCAT GATGAGGAG GCTTGGGGG CCAATCACTT 300
 CAACATGTT CTCAACATGT TTGGGGAGAA GCTTAACGCG ACGGACCGCG AGGATGTGAT 360
 TCGCAAGGCG TTTGCTGCT TCGACGAGGA AGCTTCAGGT TPCATCCATG AAGACCACT 420
 CCGGGAAGCT CTCACACCA TGGGTGAGUG CTTCACACAT GAGGAAGTGG ACGAGATGTA 480
 CCGGGAAGTA CCAATTGATA AGAAAGGCAA CTTCACTAC GTGGAATTCA CCGGATCCT 540
 TAAATATGCG GCGAAGG

Name: 169 Len: 564 Check: 163
 AGGACTTGG CATGCTGAAA CAGATGAACA ATTACAGAAT ATTATATCTA AATTCTTTC 60
 TCTGTTTTTG TTAAGCTCT CTAGCACCCA AGAAGGAGTA CCGTAAAAAG TAATGGAAT 120
 GGTGCTGAT CTGAATAAAC GTATAAAAA CCGGCGGCAA ATACAACTTC CAGTAGAGAC 180
 ACTGTTGCTT CATACCCAGG ACGGTGCTGC AGTTTCTTT CTCACAAAT TTACTATAAT 240
 TTAATGTAAT ATGGGTATC CTCGCTTACC AGTGTAAAAA TAATGTGAAC TGGGCTCTAC 300
 GCTTCTACT GCGATGGAAG GGAAGGCTTA GGCACAGAG GATAGCTTAA TGCATCTTTT 360
 AATACCAAC CTTTTTCACA TGAATACCC TGTGGAATCA TCAAAATCAG CTCTGCAAT 420
 TAATCTTCT GAGAAACCA AGACTGTGCA GGTGCTTTTT GACTTCATGC TAGATGTCT 480

TCTGATGCTT TATGGTTACG TGTAAATNA ATCTCAGAT CGGCAAAAT CATTTTGGG 541
ACAGGGTTCT TCTTTCAACA GTGG 564

Name: 17 Len: 438 Check: 14BF
CAATGTTTGA AATATAAAAA GCTBAGAGTG TTCTGGGGCA GGGATCTCTC AGAACCAGGA 60
GAGGAAGAAAT TTGGACCTTG GATGTTTCAT ACTACTCAGA TGATAAAGGC GTGGCAGGTC 120
CAGATGTAGA GAAGASAAAG CGATTGCTAG AGAGCTCTCG AGGCCACAGCA CTTGATGTTA 180
TTCTGTGTCT TCAAGATAAA CAATCTTTTA ATTACTGTCC GATGAATGTC TGCAGGCTCT 240
TGAGGAGGTA TTTGGGGTTA CAGATAATCC TAGGAGTTT CAGGTCAAAAT ATTTAAACAC 300
NTTACAGAA GGATGAGAA AASTTGTCTG TATATGTC 360

Name: 170 Len: 457 Check: A6C
GATTGTATG TGGGGTGGTG AACTATTITT ACAAATTATA CCTAATGAGT AAAATTAGTG 60
TAAATGTATA AATGCTTCT AACTGTATT CTAGTGACCT TTTAGCGGCA GGTATTATA 120
CCTGCTATTT ATGATGAGT ATATAAGTGG TGAATAATA CTGACAGTAT TGTGTTTCT 180
GTACATGTTT GGTCTTTTGA AACASATTTT AGTAAGCATT TTCCAGAGGT AAACTGTGT 240
CTTATTCTA ATTTTATTC TAGGGCAAAAG TAGAGAGGGA TTATTTCTTT GAATTTATT 300
CCAAATTAAT ATTTTTTCT TTGGTATTTT TACATTTTAA GGCCATTTG TGCATTTAG 360
AAAGTGTGG CCTCCCTTCC GCTAGCCACA TTCANAATTA ACTTCCAAA CCTCAGGAAC 420
AATACAAABA ATTTAAACCT TCATATGCT AGCAGG 480

Name: 171 Len: 527 Check: 703
TTTTTTTTTT GATGGATACT AAGGGAGTAT TTTATGAAA AAAATAGAAA ACTACATTTT 60
TACACGAAAT AAACTTATGT CTGCAATACT CAGCCTTAAA TTTACCCCTC ACTTCAGAAG 120
AGGTCCCAAG GGCAGGAATA ACACGCACAG ATTGTTTTTT CAGGACTTCC AGCCGGTCCA 180
CCAGACCTGT GGCCAGGTAA TACTGTACAA AGTCTTCCA CGTGATTTCT CTTCCAGGAT 240
CTCGAAAAA GAGGTAGAAA AATCCCATGG CAACGCTTGC CCCCAAAAAG GGCAGACTGC 300
GGAAATCTCT GTCATCCAG GGGAAAGTCC CCGTTTGTCA TCCGCTCTA CCAGGCAACG 360
TTATCTGTCT TCCCTCTCT CTGCTCTCC TCTCTCTCAG ACTCAGGAT CTCTAGTTCA 420
CCAGTCTCTT TGGGTGTTTT TGAACACAG CACCAAGAAA ATAACCTCC TCTTGGCTGC 480
AGAGTCAGGT TCTGAACCTG GATCCCTG AAGCACTGGA ACAGGAG 527

Name: 172 Len: 546 Check: 101E
CGGCACGAG GACAACGCG COTGATAAAT AAGTGGACGA CTTTTCTTAA GGCCAGACTG 60
ATTTGCTCAA TTCCTGGAAG TGATGGGGCA GATCTTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT 120
TATTTACTCC CCACAAGAGA TGAAGAAAAT CCTGTAGTAT ATGGAGTCTT TACTACAACC 180
AGCTCCATCT TCAAAGGCTC TGCTGTTTGT GTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT 240
TTTAATSGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGG 300
AGAATTCCTT ATCCACGCTC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CCTATGAGCT ACTGATTAAG 360
TCCACCCAG ATTTTCCAGA TGATGTCAT AGTTTCATA AGCGGCACTC TGTGATGAT 420
AAGTCCGTAT ACCCAGTTGC AGGAGGACCA AGCTTCAAGA GAATCAATGT GGATTACAGA 480
CTGACACAGA TAGTGGTGA TCATGTCATT GCAGAGCATG GCCAGTACCA TGTAAATGTT 540
CTTGGA 546

Name: 173 Len: 710 Check: 316
CTCTTCTCT ATCTGGGCTT TCTTTTGAGC TCTTCTTGT TTATTACGTA GCTTCTTTAG 60
CTCTTTGTC GACATGTTTG CTGTATCAGC TTCTTCTCT TTATTCTCAT CTGTAAGGGG 120
CTTCTCATGA AGCTTCAAT AGATCTCTAT AGCAATCTT GCTGCTTGA AGTAAATGG 180
ATGCTCTGGA AGTACATCTT CTAGTTTTTA TAAGTCCACA TATGATCTAA GGGTAATCTT 240
CTCTATACAG TATGTATGAA AGTCAACTG GTCATCAGTG ATTTCTATAA AATGTCTCTC 300
AATCTCATGA CATTTCTTAA GTGCTTCAAC AAATTTATTC ATGCTTTAT AAGCTTGGC 360
ACATCTCTTT TGGAAACACA TGCACTGCAT TTCATTCAAA TTCTCTACCG CTGATGTTCC 420
TTCTCTCTTA AACTTTGAGC ACATTTCTTC AGCTTCTTTA ATCAGGTTTG CTTTTAGCAT 480
GTATTTTGA CATTTGAGT TGATAAATCT GTCTCTCTG TCCAGGCTT GNGCTCATC 540
CATCTCATCT GAGCTCTCT TAATATTCT AGCATGCTTA TAGATTTTAG CTHTCAGGAG 600
AAGANCTCT ATTAATCTAG TGTACTNTCA ATAGCTAT TTATGTACTC CANAGCANTA 660
TATGGCTCAC CAATTTTCTC ATAATGCTGT GGCAGTAGT ACITGACCA 710

Name: 174 Len: 409 Check: 6EF
TGCACAGCA TTACTACATG TGCACAGGAA GTATAAAGC CATCTTCATT TGAACCTAAA 60
TACAATAATC CTGAAATCTT TAGCAGCAAG TATTACTTTT AAAAGTAAAG ACAACCTAGT 120
CTCTCTCTCA CATATTGTTG AATCTCTCT ACTCAGCTG CATGTCATTT GAGATTTTAA 180
AAAGTTACT GGCACAGTTT TGGAAATGCT GASTTTTAA AAATAATTGT GTTAAAGAA 240
CAAAAGTTTA GGTAAACAGA TTTTGAAGT TCAAAACAT TCAATGTTAC AAAGAAAAGT 300
BAAAATACCA TTCTTTCTC TAGATTAGCT CTCTCTTTA CATTAATTTA ACATTCAGAT 360
GCTTTTTTGA AAACCTTTAA AATGTTGAAA CTGATAGAC AAACAAAA 420

Name: 175 Len: 410 Check: 132D
GGCATGAGCT TTGCAGGGAA TGAATACTG ATTTACTCAG CCAGCACCTT GAGGCGAGGG 60
TACCCCAAGC CATGAGCCAG CTGAGGAGTG CCGCTGATG TCCAGCGAGT GATGCTCC 120

TTTAAATTTAA	CTAAAAACAA	GAAGACATAC	ATCTTTTGCTG	TAGACAAATT	CTGGAGATAC	180
AATGAAATGA	AGAAGAAAAAT	GGATCCTGGG	TTCTCCAAGC	TCATCGCAG	TGCTTGGAAAT	240
GGATCGCGG	ATAAGCTGGA	TGCCCTCCTG	GACCTGCAGG	GCGGTGGTCA	CAGCTACTTT	300
TTCAAGGGTG	CCTATTACCT	GAAGCTGGAG	AACCAAGGTC	TAAAGAGCGT	GAAGTTTGGA	360
AGCATCAAAAT	CGGATCGGCT	AGGCTGCTGA	GCTGGCCCTG	GCTCCACAG		420

Name: 176 Len: 473 Check: 2689

TTCTCTTTT	TTTTTTTAC	AAAGGAAAA	AAAGCTACTT	TTGGTTTTG	CAACATTA	60
AAAGAAAGAA	ATATAAAAA	CAATGTGGG	TTGCTCCCTA	TTAATTAAAA	AAAAAGGTA	120
CTTGGGCGAG	ACATATATG	AATTAGTTTG	TTTTCTAAAA	TTTAGAGTAT	CTGGGATTTT	180
AAAAGTAGGA	CTTTTAAAA	AGTTCAACAA	GTCATATAAC	ACTTAAACAA	TAAAAAAGC	240
TTCTCTATGA	AAAGCTCAGC	TTTTAAATCA	CGTTTTGTTT	CTGCAAAATT	GCGAGACAAA	300
TTGAGTTCTT	ACTGAAATGT	GGCTATCGG	TGGTTGACAA	ATCTGAATG	GAATGTCTCC	360
AAATGCGAGT	GCTTCCCTTT	CCGCCCTCCC	TAGGAGCACA	CCAATAACCA	GCTCCCAAGC	420
ACAAAGTTCTT	GTTCCCATTT	TTTCTGTAGG	GGTGGGGGGT	GGACCTTCAG	GCT	473

Name: 177 Len: 423 Check: F33

TTTTTTTTTT	TTTTTTTTTA	CAAAGCTTTC	TGTAAATATT	TTATTTTCCA	TATTTTAGAG	60
TCAGAAAGAA	GCGCTTGGTA	ATAAAAAATA	TAGAGAATTA	TTTTCTTCAA	GCCCGCTCTG	120
CGCTGCGGCG	GGTCCCGGCG	CGCCGGGCGC	AGCGCTGAGT	GGCGGGGCTC	AGAGGTCCTC	180
ASTCCTATCT	ACTATTATCA	GATATGTTAC	AGGCGGGGAT	GGTCACAGAG	GAAGGCTCAG	240
CTCTCAGCAT	GGCGCCAGCT	GGTGAGGAGC	CCCCAGGCTC	CTCCCGGCTG	TCTCGGACAG	300
AGACTGAGAA	GGCTGCGGCG	TCCCGTGGGG	GCTTAGGCTG	GGCGGGGCTC	CAGCGGGGGG	360
CAGGAGTGGG	GGTGATGTC	GCTGTGCTTG	TACGCCGCTT	GGTCCAGGTC	CAGCAGCCTC	420
CGG						423

Name: 178 Len: 304 Check: 1952

TCAGGTTCAA	GGCTGGGATT	GTGTCATGTG	ACCATCCCAA	AACTCAGAGC	ACCTTATGGC	60
GGTCTTTGCC	CTCTGTGACA	TAACCTGAAA	ACTGCCTGAT	GGCTTTTCTG	CAGTGGTTCC	120
CTCCAGGAAG	GGTTGATCTC	AGTTGAAGAA	GTCCTTTCCT	GGCATTCCAA	TGCGGCTGTC	180
AGCTCCATAC	TGCTCAGACA	CCCTTAACAA	AGGCTGTGAT	GCACACAATG	TGATTAATAC	240
ACAAATAAAA	TGATAATTAC	ACTAATAATG	ATATGTTTCA	AGGGGCATCT	GCCAGGTCCA	300
CACA						304

Name: 179 Len: 541 Check: 1295

GGGGCAAGAA	AAAATGTGAA	GGATTGGAAC	TGCACCTCTG	GAGAAATA	TGTCTAACT	60
GCAAGTGTGG	CCAAGAAGAG	CATGATGTCC	TCTTGAGCAA	TGAAGAGGAT	CGAAAGTGG	120
GAAGAACTTT	TGAAGACACC	AAGTATACCA	CTCTGATTGC	AAAATAAAG	TCAGATGGAA	180
TTCCCATGTA	TAAAGGCAAT	GTTATGATAT	TGACGAATCC	AGTTGCTGCC	AAGAAGAATG	240
TCTCCATCAA	TACAGTTACC	TATGAGTGGG	CTCCTCTGCT	CCAGAATCAA	GCAITGGCCA	300
GGCAATACAT	GGAGATGCTA	CCCAAGGAAA	AGCAGCCAGT	AGCAGGCTCA	GAGGGGGCAC	360
AGTACCGGAA	GAAGCAGCTG	GCGAAGCAGC	TCCCTGCACA	TGACAGGAGC	CTTTCAAAGT	420
GCCATGAGTT	CTCTCCGAGA	GAGGTGAAGG	AGATGGAGCA	GTCTGTGAAG	AAATATAAGA	480
GCGAAGCTCT	GGGAGTAGGA	GATGTCAAAC	TTCCCTGTGA	GATGGATGCC	CAAGGCCCCA	540
A						541

Name: 18 Len: 245 Check: E67

AGGAATTTAA	CATTTTGATA	CCCATGCTAT	GGTTCAGGAC	NTTGGAAAT	CATGNTTTTG	60
ACAAAACACA	AGCAGAAACA	ATTGTATCAG	CGTTAACTGC	TTTATCAAA	GTCAGCCTGG	120
ATACTATCTA	TAAAGAGATG	GTCACCTAAG	CTCAACAGGA	AATAACAGTA	CAACAGCTAA	180
TGGCTCATTT	GGATGCTATC	AGGAAAGACA	TGGTCATCCT	AGAGAAATAT	GNATTTGCAN	240
ATCTG						245

Name: 180 Len: 685 Check: 531

TCCTGGAACA	AAAGTTATCC	TACACCTGAA	AGAAGACCAA	ACTGAGTACT	TGGAGGAACG	60
AAGAAATAGG	GAGATTTGTA	AGAAACATTC	TCAGTTTATT	GGATATCCCA	TTATTTTTT	120
TCTGAGAGAG	GAGCTGTGTA	AAGAAAGTAAG	CTATGATGAG	GTTGAAGAAA	AGGAGACAAA	180
AGAAAGAGAA	AAAGAAAAAG	AAGAGAAAGA	GTGGGAAGAC	AAACCTCATA	TTGAGATGAT	240
TGGTTCTGAT	GAGAAAGAA	AAAAGAAGCA	TGGTGAACAAG	AGGAAAGAAA	AGAGATTAA	300
GGAAAGATAC	ATCATCAAG	AAGAGCTCAA	CAAPACAAA	CCCATCTGGA	CCATTAATCC	360
CGAGATATTT	ACTAATAGG	AGTACGGAGA	ATTCTATAAG	AGCTTGACTA	ATGACTGGGA	420
AGATCACTTG	GCAGTGAAGC	ATTTTTCTAGT	TGAAGGACAG	TTGGAATTCA	GAGGCTTTCT	480
ATTCTGTGCA	CGAGCTGCTC	CTTTTGATCT	GTCTTAAAA	AGAAAGAA	AGAACAAAT	540
CAAAATTTAT	GTAAGCAGAG	TTTTCTATCT	GGATAACTGT	GAGGAGCTAA	TCCCTGAATA	600
TCTGAATCTC	ATTAGAGGGG	TGGTAGACTC	AGAGGATCTC	CTCTAAATA	TATCCCTTGA	660
ATGTTTCAA	CAAGGCAAAA	TTTTG				685

Name: 181 Len: 207 Check: A1C

TTCTCAGAGG	AACGAGAAAT	AATATGACTC	AAGGCGGGGT	TCTGGTGGCT	GCAGTGGTGG	60
GCTTGGTGGC	TGTCTGCTGC	TACGCTCCCA	TCCAGCAAGAT	TGAGGAGGGC	CATCTGGCTG	120

TGTATTACAG GAGAGAGAGT TTAATAA TA GGGCCACTTG ACTAGGATAT CATATCATAT 180
TGCTTTTAT TACTAGTNT CAGAATC 207

Name: 112 Len: 540 Check: A17
AAATCATTTT GGTTTACGGA CACTTTCAGT AGCACTTAAAC AGTTTCAGAA TGAGCTTCTT 62
CACTCTTCTT AGCATTTTCC CAGCACTCTT TGATCTCTTC AGATTCCTT GAAATCTTGA 121
ACCTCTTCTT AGCTTTAGAA CACTCTTCTT TGCTCTCTTC CAGGCTCTTC GCTTCATGAT 180
GGATCTCTTC AGCTCTCTTC TACCTGAGCA CCAGAGAGAA TCTCTCTCTT AAAATCTATG 240
TCACTCTCTT ATCTCTCTTC CACTCTCTTC TATCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT 300
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCTT AATCTCTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT 360
CATCTCTCTT AGAATCTCTT CAGCACTCTT CTTCTCTCTT AGGATCTCTT CAGCTCTCTT 420
GCTCTCTCTT AATCTCTCTT GCTCTCTCTT AATCTCTCTT CAGCACTCTT CAGCACTCTT 480
TGATCTCTTC AGCTCTCTTC CAGCACTCTT CAGCACTCTT GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT 540

Name: 183 Len: 526 Check: 7E1
TGTATATCAA CTBAGGCTAT TACTTCTGAG TAATGTGGGA GGAGATGGAG AAGAGATTGA 60
AAGATCTCTT AAATTACATC AGCAAGAGCA GGCTTGTGCA ACTTCTCTTA TCTTCTCTTG 120
CTCTCTCTCT GCTCTCTGATA GAGAAGTATC TGCTCTGGCT ACTCTGGCTT TCTTTAGGTA 180
CTCTCTCTGA GCTCTCTGTA GATTTCTCAAC CACTCTCTCC CCTCTCACTA CTCTCTCTTC 240
CATCTCTCTT TCTCTCTCTT ATTTCTCTTC TCTCTCTCTT AGTCTCTCTT CTTCTCTCTT 300
TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT CCTCTCTCTT TATCTCTCTT CCTCTCTCTT CACTCTCTCT 360
CTCTCTCTCT GGAATCTCTT CACTCTCTCT TATCTCTCTT AGTCTCTCTT CTCTCTCTCT 420
GATCTCTCTT TCTCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT TCTCTCTCTT 480
CATCTCTCTT GGAATCTCTT TCTCTCTCTT AATCTCTCTT AGTCTCTT 526

Name: 184 Len: 612 Check: 1418
GAGAGAGAGG AAGAGAGAGG GAGAGAGAG CAGGCTCTAG CAGGCTCTAG TCTCTCTCTG 60
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 120
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 180
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 240
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 300
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 360
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 420
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 480
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 540
GCTCTCTCTT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 600
ATCTCTCTCT AAGAGAGAGG GATCTCTCTT CAGGCTCTAG ATCTCTCTCT TCTCTCTCTG 612

Name: 185 Len: 423 Check: 075
GTTTCTCTCA GACAGAGAGG TATCAAAACA CTCTCTCTCA AGTCAAAACA AGGCTCTCTG 60
AGATCTCTCT AATCTCTCTT ATCTCTCTCT ACAGCTCTCT ATCTCTCTCT GATCTCTCTG 120
AAGAGAGAGG TCTCTCTCTT TCTCTCTCT CAGTCAAAACA CTCTCTCTCT AATCTCTCTG 180
AAGAGAGAGG TCTCTCTCTT TCTCTCTCT CAGTCAAAACA CTCTCTCTCT AATCTCTCTG 240
GAAATCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT CAGTCAAAACA CTCTCTCTCT AATCTCTCTG 300
TCTCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT CAGTCAAAACA CTCTCTCTCT AATCTCTCTG 360
CTCTCTCTCT AATCTCTCTT TCTCTCTCT CAGTCAAAACA CTCTCTCTCT AATCTCTCTG 420
AAGAGAGAGG TCTCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT CAGTCAAAACA CTCTCTCTCT AATCTCTCTG 480

Name: 136 Len: 377 Check: 2316
ATAATCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 60
AATCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 120
AATCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 180
AATCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 240
AATCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 300
AATCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 360
AATCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 420
AATCTCTCTT AATCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 480

Name: 137 Len: 413 Check: 6F4
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 60
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 120
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 180
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 240
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 300
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 360
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 420
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 480

Name: 183 Len: 378 Check: 11F6
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 60
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 120
GCTCTCTCTT GCTCTCTCTT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT TCTCTCTCT 180

TCTTATATAGC CAGCTCTGAA ATCACCACAA AGGACTTAAA GGAGAGAGAG GAAGTTGTGG 240
 AAGAGGAGAG AAATGGAGAG GAGGCCC GTG CTAACGCGAA TCGTAATAG GAAAATGG 300
 AGCAGGAGGC TGACAATGAG GTAGAGAGAG AAGAGGAGAG AGGTGGGAG GAAGAGGAG 360
 AGCAAGAGAG AGGTGATG
 Name: 188 Len: 545 Check: 2140
 TTTGTGAGAA GTTGTAGCAG TGTGTATAC TGTTTGATTT CATGGATTCT GTTTCAGACT 60
 TGAAGAGCAA AGAAATTAAA AGAGCAACAC TGAATGAAC TGTGAGTAT GTTTCAACTA 120
 ATCGTGGTGT AATTGTTGAA TCAGCTTATT CTGATATAGT AAAATGATC AGTGCTAACA 180
 TTTTCGTAAG ACTTCCTCCA AGTGATAATC CAGATTTTGA TGCAGAGAG GATGAACCCA 240
 CAGTTGAGGC CTCTGGGCT CACATACAGT TGGTATATGA ATTCTCTTG AGATTTTTTG 300
 AAGGCTTGA TTTCCAGCCT AGGATTGCAA AAGGATACAT TGATGAGAAA TTTGTACAAC 360
 AGCTCTTGA GCTTTTTGAT AGTGAAGATC CAGAGAGAG TGAATCTCTG AAGACTGTTC 420
 TGCAGGCAAT TTATGGGAAA TTTCTTGAT TAAGAGCATT CATCAGAAAA CAAATTAACA 480
 AATTTTTCT CAGTTTTATA TATGAAACAG AACATTTCAA TGGGTGTCTG AACTTCTTGA 540
 ATATT
 Name: 19 Len: 304 Check: 1373
 GATCAACAA AGTGTGATAG TCTATGCAAG TAACCAGCCA TGTATTTGTA ACAACTTCTC 60
 CTAATGTCG TTTCACTTCA CACCCAGCA GAGGAACAC AGCATAATC GCAACAGTTC 120
 TGTGAGAG GGACATGATT TTTCCAGCAT TTTCTTTTAA TTTAGTTTTC GATGTTAGAT 180
 TCAATTTGAT TACTAAAAAC CAAACAGAG AACTCTTTT GGTAAATAA GCCTTCTTCA 240
 GTAATTTTNG AAACATCAGG GGACACAATG ACTTGACAGA AGACTGGGT TTCCTCTTT 300
 GCA
 Name: 190 Len: 648 Check: 1530
 GGTGTGCGA TTGTGTGGGA CGGTCTGGG CAGCCAGCA GCGGTGACC CTCTGCCTGC 60
 GGGGAGGGA GTCGCCAGGC GGCGTCTAG GCGGTGCTG AGAGGAGCT CAAGAAAATG 120
 GTGTGCAAGT ATAAATACAG AGACTTACT GTAGTGAAG CTGTCAATGT TATTACTCTA 180
 TACAAGATG TCAACCTGT TTTGGATTCA TATGTTTTTA AGGATGGCAG TTCCAGGGAA 240
 TTAATGAAG TCACTGGGAA AATGCTGTG CTTTATAGAG GTAATACATA CAATATTCCA 300
 ATATGCTTAT GGTACTGGA CACATACCCA TATAATCCC CTATCTGTT TGTAAAGCCT 360
 ACTAGTTCAA TGACTATTAA AACAGGAAAG CATGTTGATG CAAATGGGAA GATATATCTT 420
 CTTTATCTAC ATGAATGGAA ACACCCACAG TCAGACTTGT TGGGCTTAT TCAGGTCATG 480
 ATTGTGCTAT TTGGAGATGA ACCTCCAGTC TTCTCTGTC CTATTTGCGC ATCCTATCCG 540
 CATAACAGG CAACGGGGCC ACCAAATACT TCTACATGN CCAGCATGCC AGGTGGAATC 600
 TCTCCATACC CATNNGGATA CNCTCCANT CCGAGTGGGT ACCAGCT 648
 Name: 191 Len: 339 Check: 1278
 GTTGTTTAAG CTCAGGCTAA AGATGATATA AATAGAGGTG CACCATCCT CACATCTGTC 60
 ACACAGAGAG GACTGTGCAG AGATGAGGAA GACACCTCT TTGAATGCT TTCTAAATTC 120
 AATGTCAAAT TTCCACCTAT GGACAATGAC TCACTTTCT TACATAGCAC TCCAGAGAGA 180
 CCGGCGATCC TTAGTCTCTG CACGTCTGAG GCAGTGTGCC AAGAGAAAT TAATATGGAG 240
 TTCAGAGACA ACCCAGGGAA CTTTGTAAA ACAGAGAAA CTTTATTTGA AATTCAGGGA 300
 ATTGAACCCA TAGCTTCAGC TATACAAAAC CTTAAAACA 339
 Name: 192 Len: 352 Check: 1223
 TGATAGTAT GGATGACGC CGCTGCACTG CGTGTCTCT TGTAAAGAGG TTCACCTCTG 60
 CAAACAGCTG GTGAGAGTG GTGCCGCTAT TTTTCTCTA AGCATAGG ACATTGAAAC 120
 TGCTGAGAG AATGTGAGG NGATGAGGA AGGCTACATC CAGTGTCTCT AGTTTCTATA 180
 TGGGTGAGG GTGTGATGAA CAAAGGTGTG GGNATCTCT TGTGGGACTA 240
 TGAGGTGAG AA
 Name: 193 Len: 272 Check: 270
 GACAAAGAG ACTACGSCA GCGCTGGGAC CTGTCACTT TGTAAAGGA GACCAAATTC 60
 AGTTGAGCCA GTGAGGATG AGATTACAGA AACTCTATG AATTTAATA TATGAGAGAA 120
 ATTGCTCTCT CTTAATCTCA GGACAGCAT GTCCGAGGA AGGAGGCTT GTACCTTATG 180
 TTTGAGATCT CTCAGGAGAG CCGTGTCAAG TCACTCTCCG TCCGATCTC AGAGTCCCCG 240
 ACCTCTCTT CAGGCTCAAG TTTGAAGAG A
 Name: 194 Len: 334 Check: 1955
 GAGAGCTG AGAATTAAC CACATGAGAN AGGATACACT AGGAGAGATG TTGACGTTG 60
 GAAATATCG TCTGCAAC AAAATGATG TATGGAAC GTGTGAGG TTGGTGCTG 120
 GTGCAATGAT GGAACGATG GGAGGTTTT GCTCCATAT TCACTTATC CCGGAGGAG 180
 GAGTGTCTG GAGAGCAAA GCAAGTTTIG GATTTCCAA ATTTTCTCT AGTGGTCTTT 240
 ATGAATTCG TTTCAACAAA GTGGGACAGT CTTCTACATG GAACATTTT TGGCAAGATG 300
 TTATTTGAG AGCCAAAAGA CAGTGTCTG GTTG
 Name: 195 Len: 352 Check: 1337
 TTTTGTCTT GTCAAATGTT TTATTGATG TAGACATCTG GAGTATGTA AAACATGCT 60
 TATCTGTAGA TTCAAAAAG AGCAAGCCAC ATTGTCTCTA CTGTCAAATG TGTGAGCTT 120

GGCATATATG ATTAAGATTA ATGAAGTATC ATGAGAGTAA TATGTTTCTT TAAAAAGCTT 141
 TACAATTTGG AGTAGGGTCT TAATCAAGTG AAAAAGCAAA CTGTTTCACAT TTAGTGAAGC 142
 TGCATTTTCAT GGAAGGGGGG GGGTACACAN TATTTTAATT TTAAACAAA TAAAAATAAT 143
 TTGTTTGTCA AAGATTCCCA TCTCCCCAAC TTTATTTGTC GCATTGGTTT TC 144
 Name: 196 Len: 355 Check: 9AF
 TTATGAAGAA GAAATTATTG ATTTTAAGAA AGAACTTCGA GAACCACAAT TTGGGGATGC 60
 TGAGGAAAG TATAGAGAAA TGATGATGT TATGAGGACA ACAGAACTTG TGAACAAGGA 120
 TCTGGATATT TATTATAAGA CTCTTGACCA AGCAATAATG AATTTTCACA GTATGAAAAAT 180
 GGAAGAAATC AATAAATTA TACGTGATCT GTGGCGAAGT AACTATCTGT GACAAAGATAT 240
 TGAATACATA GAATAAGGGT CTGATGCTGA TGAATAATGTA TTAGCTTCTG ATAAAGGGG 300
 GAATTATATC TACCGAGTGG TGATGCTGAA GGGAGACACA GCGTTGGATA TGGGA 360
 Name: 197 Len: 456 Check: A6C
 GCACGAGTCT ACATCCAGAG GACCAAGAGC ATGTTCCAGA GGACCAAGTA CAAGTATGAG 60
 ATGATTAACA AGCAGAAATG GCAGATGCAT GCGCTGCTGG CCATTGCGCT CAGGATGTAC 120
 CCCATGCGTA TTGATGAGAG CATTCACTTC CAGCTGCGGG AGAAATATGG GGACAAAGATG 180
 TTGGCGATGC AGAAAGGTGA CCCACAAGTC TATGAAGAAC TTTTCAGTTA CTCTGCGCT 240
 AAGTTCTCTG CGCGCTGTAG GCGCAACTAT GATAATGTGC ACCCCAACTA CCACAAAGAG 300
 CCGTTCTCTG AGCAGCTGAA GGTGTTTCTG GATGAAGTAC AGCAGCAAGC CCAGCTTCTA 360
 ACCATCCGCA GCTGCTGAA GCTCTACACC ACCATGCGTG TGGCCAAAGT GGCTGGCTTC 420
 CTGGACCTCA CAGAGCAGGA GTTCCGGATC CAGCTT 486
 Name: 198 Len: 422 Check: 1FAE
 GCACGAGATA CTGTGAAATA CTTTCTCTCA CAAAAAGGCA AATATTGAAG TTGTTTATCA 60
 ACTTCGCTAG AAAAAAATA CACTTGGCAT ACAAATATT TAAGTGAAGG AGAAGTCTAA 120
 CGCTGAACTG ACATGAAGG GAAATTGTTT ATGTGTTATG AACATCCAAG TCTTTCTCT 180
 TTTTAAAGTT GTCAAGAAAG CTTCCACAAA ATTAGAAAGG ACACCACTTC TGAGCTGTAA 240
 TTTGCTCTTA AACTCTGGAC ACTCTATATG TAGTGCATTT TTAACCTTGA AATATATAAT 300
 ATTCAGCTAG CTTAAACCCA TACAATSTAT GTACAATACA ATGTACAATT ATGTCTCTTG 360
 ACGATCAATC TTCTTACTGC TGATTCTTGT AAATCTTTTT GCTTCTACTT TCATCTTAAA 420
 CT 482
 Name: 199 Len: 446 Check: 1C55
 CGATGGAGAC ATCAAAACAAG AGCCAGGAAT GTATCGGGAA GGACCCACAT ACCAACGGCG 60
 AGGATCACTT CAGCTCTGGC AGTTTTTGGT AGCTCTTCTG GATGAGCTTT CAAATTCTCA 120
 TTTTATTGCT TGGACTGCTC GAGGCAAGGA ATTTAACTG ATTGAGCTTG AAGAGGTGGC 180
 CCGACGTTGG GGCATTCCAGA AAAACAGGCC AGCTATGAAC TATGATAAAC TTAGCGGTT 240
 ACTCGGCTAT TACTATGAGA AAGGAATTAT GCAAAAGGTG GCTGGAGAGA GATATGTCTA 300
 CAAGTTTGTG TGTGATCCAG AAGCCCTTTT CTCCATGGCC TTTCCAGATA ATCAGCGTCC 360
 ACTGCTGAAG ACAGACATGG AACCTCACAT CAACGAGGAG GACACAGTGC CTCTTTCTCA 420
 CTTTGTGAG AGCATGGCTT ACATGC 446
 Name: 2 Len: 352 Check: FBA
 CATGGCATGC AGAGGATCTA CAAAATGGGT TCACAGGGCC TGTCTACAAC GCTGGGTGGA 60
 TGAAAAGCAA ACAGGAAACA GTACAGCCAG AGTGGCATGT CCTCAGTGCA ATGCTGAATA 120
 CTAATAGTT TTTCCAAAAT TGGGTCCAGT GGTCTACGTC TTGGATCTTG CAGATAGACT 180
 GATCTCAAAA GCGTCTCCAT TTGCTGCAGC AGGAATAATG GTGGGCTCTA TCTATTGGAC 240
 AGCTGTGACT TATGAGCAG TGACAGTGAT GCAGTTTGTA GGTCAFAAG AAGGTCTGGA 300
 TGTATGGAG AGAGCTGATC CTTTATCTT TTTAATTTGG GACTTCTAC TA 360
 Name: 20 Len: 1558 Check: F16
 AGGAGGGGGC GGGGNGCAG GGGGGGCACT GCGTGCCTGC CTGGGTTGGC GAAGTGATAG 60
 CCGCGAGCGC AGCGTGCTGC TTTCTTGCTA CTGCTTGGGC TTCCCGCTTA CTTCCTGGG 120
 ACGGTGAAGG CCGCTCAGCT GTGGATGCTC AGATAGCCCT TGTCTCCGCG CGGCAATCT 180
 TGGCCCTAG CAGCAAGGAG CAGACGGGG CAGCAGCAGC AGCAGGCGAG GAGGAAGATG 240
 GCGGGAAGGC TCGGCGCTG TGTGGTGGAC TGTGGCACGG GGTATACAAA ACTAGATAT 300
 GCTGGAAATA CAGAAACACA GTTTATCATC CTTCTCTGTA TTGCTATTAA GAGTCAAGTA 360
 AAAGTGGGTG ATCAAGCTCA AAGGAGGGTG ATGAAAGGTG TTTGATGATC TAGACTCTTT 420
 CCATTGNGTG ATGAAGCAAT AGAAAACTT ACATATTGCA ACAAAGTTGG CTTAATCTTC 480
 CATGGTATAG TNTGAAGATT GGGACTTTAA TGGAAAGTT TATGGAGCAA GTGATCTTT 540
 AAATATTTTA NGGSCAGAAC CTTGAAAGAC ATTATTTCT TTTGACTGAA CTTCTATTGA 600
 ATACTGAGA AAACAGGGAA TATACTGCTG AAATAATGTT TGACTCTTC AATGTTCCAG 660
 GTTGTACAT TGCTGTGAG GCTGTCTCTG CTTTATCTGC ATCTTGGACC TCAAGACAAG 720
 TAGGAGAGCG GACGTTGACC GGTNCGGTAA TAGACAGTGG AGATGGTGTG ACTCATGTCA 780
 TTCTGTGGC TGAAGGGTAT GTGATTGGCA GCTGTATTAA ACATATTCCA ATGGCAGGGA 840
 CCGAAGATAT AACAAATATT TAATTCAAGC AACCTGCTGA GAGACCTGAG AAGTAGGGAA 900
 TCCCTCCAAG AACCAACCTT TGGAAACCTG CTAAGGCAGT AAAGGAGCGC TATAGTTATG 960
 TCTGCCAGA TTTAGTAANA GAATTTAACA AGTGCTTTTG GAACCTAAGAG CTAGTATCTT 1020

CGATTAACTG	ATGCTGCTTA	GTCTTTTCTG	ATTACACGCA	TTCTGTTTCT	TGCTTTTAAA	1140
AAAGAGTAAA	SACCTGAGTG	TTCCACCCAGT	ATTGCTAGTTC	TCTAGTGTGA	TTCTTTTATAA	1140
AAAACNAAAA	AACAACAATA	ATTTATCCAA	ATTGCTATAT	TTAAAGCCTA	ACATTCCTAAT	1100
AAAGGCCAGAA	ATTCCTTTT	AAATACTTGT	TTCACTCTCT	TTNATCTCTT	TATAGTTTAA	1260
CTAATAAATC	TATTTTCTTC	AGACTTCTGC	ANACTTGTGA	TAAAATCACC	ACAGTTAGCA	1120
AGCTGACTTT	TGTAATGTGC	TGNAANAACA	ANACTTGTGA	ACTTTTAAAT	TGTTGAGTGC	1160
TTTCATTTT	ATAACTGGAT	CTCCACTTGA	TATTTTCATT	TGNATAACTC	ATTTGCAGTC	1140
TGTAACCTTT	TTTTAGTGGC	AGTCCCTTGA	CATATCATTG	AAAGTTAATT	TTCTTTTGCAT	1100
TTTAAATAT	CTGGATTATG	GAGGAAAAAT	GATGNAATA	AATTAATAAT	GAATTACC	1150

Name: 200 Len: 511 Check: 256

CGAAAAAATA	TCAGAAATGG	AAAGTGTCTT	GGCCGAGCTT	GATAACTATG	GACAGCAAGA	50
ACTTGCGGAT	CTTTCTGTGA	ACTATAATGT	AAATCTCTCC	ATTACTGGAA	ATGATCTATC	120
CCCTCCAGTG	TCTTTTAACT	TAATGTTCAA	GACTTTCTAT	GGGCTCTGAG	GAAACATGDC	180
TGGGTACTTG	AGACCAAAAA	CTGCACAGGG	GATTTCTCTG	AATTTCAATC	GACTTTTGGG	240
GTTCAACCAA	GGAAAGTTGC	CTTTTCTCTG	TGCCCAGATT	GGAAATTTCT	TTAGAAATGA	300
GATCTCTCTC	CGATCTGGAC	TGATCAGAGT	CAGAGAATTC	ACAATGGCAG	AAATTGAGCA	360
CTTTGTAGAT	CCCACTGAGG	AAAGACCACT	CCCACTTCCA	GAATGTGGCA	GAOCTTCACT	420
TTTATTTGTA	TTCAACAAAA	GGCCAGGTGA	GGCGACAGTC	CGCTCTGAAA	ATGGGCTCTG	480
GAGATGTCTG	TGAACAGGGT	GTGATTAATA	ACACAGTATT	AGGCTATTTT	ATTGGCCGCA	540
TCTACCTCTA	CTTCACTGAAG	GTGGAATATC	TTCAAGATAA	C		561

Name: 201 Len: 625 Check: 22A9

GTCTCTGGCC	AGAGCTTGGA	CGGGCTGAA	GGACACGGGG	GACAGGGCTC	CTGGCTTCTT	50
CGCCCTGCTC	CTGGCCGAGA	GCCTGGAGCA	TGATGAGCAC	TCTTGTCTCT	TTAAAAAATC	120
AGCCGCGCAC	CCCGCTCTCC	TGGCCAGCAA	GAAACCTAAA	AGGGAAACAA	ACTCTGACAG	180
CTCTCCACTC	GGCTACGAGC	CCATCTGCTG	GGCTGAGGCG	CTCAACGGCC	TCCGGGCTGT	240
CTCTCCGCTC	ATCCCTGCGG	CCCTCTCTTA	TGAAGAAATC	ACCTATTCAG	GCATCTCGGA	300
CGGCTCTCTC	CAGGCTAGNT	GTCTCTCTCT	GGCTATCGAC	CACATCTCTG	ACAGCAGGCG	360
CCAGAAAGGG	AGGCTCTGAG	GCAAGGCTCC	GGACACGACC	CTAGGCTCTC	CGTCTTCTCC	420
CATCCACGAA	GAGGATGAGG	AGAAGCTCTC	CGAGGAGCTG	GAGGCTCTCT	CCCTACTGGG	480
TGGGCGCAGG	CTGGCCCTGC	GGGAAAGCAG	CTCTCTCTGAG	AGTTTTCATA	CAGAAGAGGT	540
TGATGAGTGG	TCTGTCAACA	CAAGCAAGGG	GACCCGAGCA	GCTTCTCATT	AGAATGTCTT	600
CCAGACAAAG	CAAGNCCCGA	GCACT				625

Name: 202 Len: 306 Check: 1E23

TCTAGTTTTT	GGAAATGAGC	CTGCTATCTC	ATACAACCTC	TTACAAGGCT	AGAAATGTAT	60
TGTTCAAAAC	ACTTCATGCT	CCCAGTGTCT	AAAGACCTGT	GGAACTGGTA	TCTCCACACG	120
AGTTACCAAT	GACAACCTCT	AGTGGCGGCT	TGTGAAAGAA	ACCCGGATTT	GTGAGGTGCG	180
GCCTTGTGGA	CAGCCAGTGT	ACAGCAGGCT	GAAGAAAGGG	AAGAAATGCA	GCAAGACCAA	240
GAATCCCTCC	GAACCACTCA	GGTTTACTTA	CGCTGATGCT	TTGAGTGTGA	AGAAATACCG	300
GGCCAAATAC	TGGGCTTCTC	GCCTGAGGCG	CCGATGCTGC	ACGCCCAAGC	TGACCAAGGAC	360
TGTGAAGATG	CGGTTCCGCT	GCGAAGATGG	GGAGACATTT	TCCAAAGAAC	TCATGATGAT	420
CCACTCTCTC	AAATGCAACT	ACAACTGCTC	GCATGCTCAAT	GAAGCAGGCT	TTCCCTTCTA	480
CAGGCTCTCT	AATGACATTC	ACAAATTTAG	GGACTTAAATG	CTACCTGCTG	TTCCAGGGCA	540
CAGCTTAGACA	AACAAGGGAG	AAGATGTCTG	AATCAATATC	ATGGAGAAAA	TGGGCGGGGG	600
TGGTGTGGGT	GATGGGACTC	ANTGTAGAAA	GGAGGCTCTG	CTCANTCTCT	AGGANCANTA	660
AGGATTTCTG	AAACTGCAAA	GGGTGCTGCT	GGGATGGGAC	ACTAANGCAG	CCAAGATTGG	720
AJAATACTTT	GCTTCATAGT	ANTGGAGCAC	AGTTATNGCT	CAATTTGGAG	CNTGTGGAAT	780
TGAGACTTCC	NGNTTCTGCT	TGAAAT				806

Name: 203 Len: 439 Check: 610

GCACGAGGGG	CAAGATTTTC	ATTTTTCCTA	AAAGAAAAAA	AATGACAAAA	GGTGAACCTT	60
ACATACAAAT	ATTACTCTAT	TTGTTGTGTC	ACTGAGTAAA	GAATTTTCTG	ATCAAGCGGA	120
AAGAGTTTAA	GTGTTTAAAC	AACTTAAAGC	TACTGTAGTA	CCATAAAAGT	CAGTSTTGTA	180
CATAGTATAA	AAACTCTGCA	GAGAAGTATT	CCCAATAAGG	AAATAGCATT	GAAATGTTAA	240
ATACAAATTC	TGAAAGTTAT	GTTTTTTTTT	TATCATCTGG	TATACCATTC	CTTTATTTTT	300
ATAAATTTAT	TTCTCATTCG	CATTGGAATA	GATATCTCAG	ATTGTGTAGA	TATGCTATTT	360
AAATAATTTA	TCAGGAAATA	CTGCTCTGAG	AGTTAGTATT	TCTATTTTCT	TATAATGTTT	420
GCACATGAAA	TTGAAAGAA	GTTGCTTTTT	TCTTTTTTTT	GTTTNGNNTT	TTTTTTTTTT	480
TTTTTTTTTT						439

Name: 204 Len: 408 Check: 20BF

CAAGCTCAGA	AGGCTCATCT	CAGAGTTCAC	TCTCTCTCTG	ACTCATTTGG	GGAAACCATF	60
TGATCACTGC	AGGTGTGCTA	AGGCGAAGTA	AAAGAAATTC	AGGCAAAAAA	GTTTGCAGAG	120
TGGAATCAGG	AAAAGCAGGC	TGCTTTCTCT	TTAAATTCAA	CCCAAAAAAA	AAAGGTTCCG	180
AAGATCTCTG	CCGTTTGAAG	TTCAATCTAG	GGAAAAATGG	CAGAGAAGTA	AATGGGATGT	240
TCTGGTGTCA	ATAGGATATT	GAAAGTGTTC	GTTGGGCGAC	TTCAAAATCA	ACAAAGTTTA	300

AAAAATCDBA ACTNBAATCT GTAAAAACAG GTTTCGTTTT TAAGC TARN ATGTTGATT 460
GGAAAAANST TACDANAAGA AAGGGGTTCA AGAAAAAGGA TCA 403
Name: 205 Len: 462 Check: 1821

TTTACAGGTA CACAATTAA TATTTATTAT ATGCAATTIA TATACATTAT TTTTCAACAG 60
CTGTATGTTT GCTATGTGST ACAATCTTAA AAATTTGCTG ATTCATAGTT TGTAAAACAA 120
AAAGCTTACA AAATCCTACA AAATCTGCAA ACTCATCASA AAATTTTCTC GGAGGACTAG 180
AAAAAATACT TTATTGTCTT AATCATGCTT TACACAAACA AAATCTTTAG ITACACCCATA 240
AAATTAAGCA CATCTAAAAA AATAAAACAG GGATAACTAG TCAPAAACACA GCAGATTTCT 300
GTATCTTGAT TCAACTATTT TTGTATCTTA TTTGTAATGC AAATAAAACT TTACTCCAAA 360
IATTTTTTAA CAASTTAGTT TTGTTTGGAA TCATGGTAAA CCAASATATA TATCTTAGGG 420
GGACCCACTT TCTTTTGTAA TTTAAACTAT AAAATACTCC AT 482

Name: 206 Len: 724 Check: 2100
GTCA3GGGCT GTAGCAAGTA CATTAGCTTC AAGTTCCTTA ACTTGSACAT TCAATATATC 60
TTCTTGTCTT ATTAAGCGCT GGATGCTTGC AGTAAATTTT TCTAGTGTGT TCTTATTTC 120
TCTTTCATTA TGCCGTAACT TAACTACTCT TTCTTCAAGT TGTACTTTCT GTTCTTGGAT 180
TTGCATTCTT TTTTATAGAGT CGTTTTCGAA CTGTGATTC ATTTTCTTA CTTCTTCTC 240
AGAGATTTCA ATAACAAGTG AGGAACCCAT TCTTCTTTT ATTACTTTGC TTCTACCATC 300
AGTCATTTTA CTTACTCTT CTATGATTTG TCCCTGTAAA GTTACTACTC TCTATCTCT 360
ATCTTTTTTA TATGCTACTC TTGTGGCTTG ATCCAAGTTG TCAGCTACTA AGGTATCTCG 420
TAAAGCAAAA TAAAAAGCTT GGCGAATTTT CTCATCTTTT ACTTTTACTA AATCAATAA 480
ACGAGGASTA TTTTCAGGAG TTTGAATTTT GGTCTCTTTT TTGGGCCATA CAGCATCTT 540
ATCTAAACCT ATAAAGTTG CAACTCCAAT ATTTTGTCT TTTAAGGAAG TTACACATTT 600
TTTGGCTAT ATCAATAGA TCAACCAACA ATGTAGTCCA GTGCATGACA ACAGGATGAT 660
TAAACACTT CCGATTTTTT ATTAATGGGT TCTAAGGCC CAATCGTCCA TATATTTCTG 720
GALC 724

Name: 207 Len: 371 Check: 1633
CCTCGT3CAA GTTANAGGTT GCGNGGTNTG CAGACCTCAC AGAAGATCAG CTACCTTCTT 60
GTGAGATCTT GAAGSATACT ATTGCCAGAG CTCTGCCCTT CTGGAAT3AA GAAATAGTTT 120
CCCAGATCAA GAGGGG3AAA CGTGTACTGA TTGCAGCCCA TGGCAACAGC CTCCGGGGCA 180
TTGTCAAGCA TCTGGAGGGT CTCTCTGAAG AGGCTATCAT GGAGCTGAAC CTGCC3ACTG 240
GTATTCCTAT T3TCTATGAA TTGGACAAGA ACTTGAAGCC TATCAAG3CC ATGCAGTTTC 300
TGGGGGATGA AGAGAC3GTG GCGAAAGCCA TGGAGCTGT GGCTGCC3AG GCGAAGGCCA 360
AGAAGTGAAG G 371

Name: 208 Len: 359 Check: 57A
CGGCCATCAC CTCATTCTCTG TCAAGGAGAA CCTCGTTGAC AAAATCT33A CAGACCGTCC 60
TGAGCGCCCT T3CAAGCCTC TCCTCACACT GGGCCTGGAT TACACAG33A TCTCCTG3AA 120
GGACAAGGTT GCAGACCTTC GGTTGAAAAAT GGCTGAGAGG AACGTCATGT GGTTT3TG3T 180
CACTGCCTTG GATGAGATTG CGTGGCTATT TAATCTCCGA GGATCAGATG TGGAGCACA 240
TCCASTATTT TNNCTCTACG CAATCATAGG ACTTAGAGAG GGTCTATGCT TTCAATTGATG 300
GT3ACCGCAT AGACGGCCCC AGT3TTGAAG GAGCACCTGN TTTCTTTAAC TTGG3CTTG 359

Name: 209 Len: 353 Check: 22DB
TGGCAC3AGG C3TGT3CAA GATGTTTTCA GTTCAACACA CAGTCTCCTC CATTATTTTG 60
ATCGTCT3AT TCTTACCGGA GCGGAAAGCA AAGTAATGG GGAAGAG33C TATGGCC3GA 120
GCTT3AGATA C3CGGCTCTG AATCTTGCCG CCCTGCCTG CCGCTT333T CACTATCAAC 180
AGGCA3AGCT C3CCT33CAG GAG3CAATTA GGATTGCCCA GGAGTCCAA3 GATCA33T3T 240
GTCT33AGCA CTGTTT3AGC TGGCTTTATG TGCTGGGGCA GAAGAGATCC GATAGCTATG 300
TTCT3CT3GA G3ATTCTGTG AAGANG3CAG TACATTTTGG GGTTA333TA CCT 353

Name: 21 Len: 561 Check: 14E5
AGCCAGGTTT C3GAG3T3GT GAGAAGNCAN GAAACTCCGC AGACTACTCC TCAGAGAGCA 60
AAAAGCAGAA AACTGAAGAA AAGGAAATTG CAGCTCGTTA TGACAG33AT GGTGAGAAAA 120
GTGAT3ACAA CTG3T33GTT GAC3TTTCCA ATGAG3ATCC ATCTT333CT C3AG33AG3C 180
CAGCACATTC C3C3AGAGAG AATGGCCTAG ACAAGACAG CCTGCTCAA3 AA3AT3G3C3 240
G3ATTASTCC AG3CTCTATT GCATCTTCCA GCA3TACTCC CTCTTCCAAA TCCAAAGAAC 300
TTAG3CTTAA TGAAAAATCT ACTACTCCCG TCTCAAAGTC CAATA33333 TACTTCA33A 360
ACTGAT33NG C3AGCT33CAG G3AGTAACTC TANTCCCGG ATTTGAG33C TTGTANCTG3 420
GAAAA3CACC AG3AGTT3GA C3TTTT3GGC TCAAG3CTAA GGAC33CAAT G3GAAGTACC 480
TTTGT33ATA TNC3ANTCCA TTT333GATT GTG33CATGC TGGAA3GAAC G3G3AGCTGA 540
NCAG3333GG NGT333TAC G 561

Name: 210 Len: 551 Check: EC9
TTTTTTTGAC TGT3T3CACA TTAATGGAGA TTG3TGATTT CTCTTCAGCT TTTATTTCTC 60
TTG3TGATGA T33TT3GGAG GCTGGAGAAA ATCCACCCAG GGT3GAAG3G GCTGGAGTTT 120
CATCCGGATT CAATCCCTTT G3TTTTAATT TGGCTTCTTG TAAGGCTACT TTTCTTTTTT 180
CTACTTCTTT TTCCAGTAAT TCATAGTTTG GCTTTTTTCT GGTATAAAGC CTAAGTGT3T 240

CTATCTGAT	TTCTGTGAT	TTCTGTGAT	TAGTACCAAA	AAAGAGAAA	CAATCTGGAC	310
GAGTTGGCAA	CGAATCTGA	AGTGCTCTAG	CTGCAAGGTA	GATGCAAGCA	CATGCTATAG	360
TTCTCTCTTG	AAATCGAACA	AACACATTTG	TTTGAAGACT	CTCATTCATG	TAATTCAGAG	420
CAGTTTGAAT	CAGGCTTTGA	TTAGCTTCAC	ATTCTAAGAC	TTGTAAATAC	ATAACAATGA	480
TTCTATGAGG	ATGCTTGACA	TGAACACAAA	ATCCCAACTC	CTTTAGCACC	CTCTCTCTCTG	540
CTTTGATAAC	TTGATTTTGG	GTGTTAATCT	AGTCTTGATC	AAGGATCAGG	GGGCTTGGAG	600
TTCTTTCTCT	TTTAACTGCG	GGAGGTGGTG	GAATACATTA	ATACATCTCT	T	660

Name: 211 Len: 779 Check: F55

CAATGAGCACT	ACATGAGGCG	CTCTGACGGG	GTCTGGGACA	CTGGGTACCT	GTGGCATGTT	
CTATTGACAT	CCATCAGCAG	CAAAATCCAG	ATGGGOCATC	CATCTTTTGGT	AAAAACAAAA	120
ACAATGTCTG	CCATCCTCTG	AGAAGAGGTT	GAATGGATCA	AACTTAATGT	GGGCATGAAT	180
GGCTATTACA	TTGTGCATTA	CGAGGAGAT	GGATGGGACT	CTTTGACTGG	CTTTTANAA	240
GGACACACCA	CAGCAGCCAG	CAGTAATGAT	CGGGCAAGTC	TCATTAAACA	TGATTTTCAG	300
CTCTCTCAGCA	TTGGGAAGGT	GTCCATTGAA	RAGGCTTTGG	ATTTATCCCT	CTATTGAAA	360
CATGAAACTG	AAATTATGCG	CGTGTTCCTA	GGTTTGAATG	AGCTGATTC	TATGTATAAG	420
TTAATGGAGA	AAAGAGATAT	GAATGAAGTG	GAAACTCAAT	TCAAGGCTTT	CTCATCAGG	480
CTGCTAAGGG	ACCTCATTGA	TAAGCAGACA	TGGACAGACG	AGGGCTCACT	CTCAGAGCAA	540
ATGCTGGGGA	GTGAACTACT	ACTCTCTCTG	TTCTCTCACA	ACTATCAGCC	CTCTGACAG	600
AGGCGAGAG	GGTATTTTGA	AAAGTGGGAG	GAATCCAAAT	GAACTTGAG	CTCTCTCTCT	660
GAGCTGAGCT	GGCAGGTGTT	TGCTGTGGGG	GGCCAGAGCA	CAGAAGGCTG	GGATTTTCTT	720
TATAGTAAAT	ATCAGTTTTC	TTTGTCCAGT	ACTGAGAAAA	GGCAANTGA	ATTTTCCCTC	780
TTCAGAACCA						840

Name: 212 Len: 457 Check: D31

CAATTAAGGG	CTTTGGCGGG	ATTGGCTCCG	CGTTTGGGCT	GGTCCGCTGC	TCCCAACCTA	60
CCAGGGGTGG	ATCCGGAGCC	CTTCCCCGGG	GGGGGGGGAC	CTCCAAACAA	CCGACTCCCT	120
TCCAGCTGAA	GAAACACTTA	AATTCTGGAA	ATAGCBACTC	AGTATCATGG	CCAGCAGGCT	180
TAATGAAGAT	CCAGAGGGAA	GCAGAACTCA	TTATGTGAAA	GGAGACCTTT	TTGCATGGCC	240
GAAGACAGAC	TTTCTAGCCG	ACTGTATCAG	TGAGGATTGT	CGCATGGGGG	CTGGGATAGC	300
TGCTCTCTTT	AAGAAGAAAT	TTGGAGGGGT	GCAAGAACTT	TTAAATCAAC	AAAAAGAAAT	360
TGGAGAASTG	GCTGTTCTGA	AGAGAGATGG	GGCATATATA	TATTACTTGA	TTACAAAGAA	420
AAGGGCTTGG	CACAAGCCCA	CTTATGAAAA	CTTACAG			480

Name: 213 Len: 727 Check: 30C

TTTTTTTCTG	GSTAATATAT	TGCTGCACTG	AGTGTGTGCA	ATTTTATTTC	AAGGTCACTG	60
TGATGCTGAG	AAGTTTCGTT	GATAACCTGT	CCATCTCTAG	TTTCAACCCT	CTTAATCAGA	120
AGTGTCTCTT	TTGAGTGGGT	ATCAACCCAG	GGGAGTGAAT	CCAGATTAGT	TTCCCTCAGG	180
TTGAGGGAGG	AAAAGTTTGG	AAGAGGCCAG	GAAATCTTGC	TCTCTCTGGC	TTCCAGCAGC	240
TTCTCTTAGG	TGGCAATCTC	AATGTCAAGG	GGCATCTTAA	CATTGAGCAG	GTCTTGGTAT	300
TCACGAAGGT	GACGAGCCAT	TTCTCTCTTC	ATATTCTGAA	TCTCATCTCT	CAGGCGGCCA	360
ATAGTCTCTT	GCTAGTTAGC	AGCTTCAAGG	GCAAGTTTCT	CTTCCATTTC	ACGCATCTGG	420
CTTCTCAGGG	ACTCATTGGT	TTCTTTAAGG	GCATCCACTT	CACAGGTGAG	GGACTGCACC	480
TGCTCTCGGT	ACTCAGTGGG	CTCTGCTTTT	GGCTGGCGCA	GGCTGTCATT	GTTCGGGTTG	540
GCAGCTCTAG	AGAGGTGAGC	AACTTTGGAT	TTGTACCATT	CTTCTGCTTC	CTGCAAGTTC	600
TTGGCAGGCC	CACCTTCATT	TTGCTGAGCT	AGGTGACGCA	GGGCAGCGCT	GAGGTCAAGC	660
TTGGAAGCAT	CCACATCGAT	TTGACATGCG	TGTTCTCTGA	TCTGAGCCTT	GGGCTTCTGG	720
ATTTCTT						780

Name: 214 Len: 622 Check: 19DE

GTCTCTGTGA	GTACACACTC	CGAAACAGTT	AAACCCAGCT	CTAATTCCAA	CTCTGCAAGA	60
GCTTTTAAAG	AAATGCAAGG	CTTGTCTGCA	ACAGAGAAAC	TCACTCCAAG	AGCAAGAAAG	120
CAAGAGAAAG	AAAACATAAG	ATGATGAAGG	AGCAACTCCC	ATTAAAAGGC	GGGCTCTTAG	180
CACTCATGAG	GAGCAGACTG	TAGACAGCTG	CATCACTGAC	ATGAAAACAG	AAACAGGGGA	240
GGTCTGAGCC	CTAAGGAGCA	CTTCTGACCA	TGAGACCAGA	GATTCCTCAA	TTATTGATTC	300
AGGAATCTAG	CAAGATCTTC	CTTCCCCGCA	AAATAGTTCT	GTTAAAGAAT	ACCGAATGGA	360
AGTTCTATCT	TGTTTTTCAG	AAGACATGTC	AAATATCAGG	TCACAGCATG	CAGAAGAAAC	420
GTCCAAACAT	GCTAGATATG	ACGATTGTAA	AGAACTTAAA	GATTCCTCACT	GTTCCAAAGG	480
TTCTACCTTA	CTTGAAGGAG	AATCTGAGTT	GGCTCTTAAT	TCTATCTCTG	CAGTTCTGTC	540
TGCTTAATCT	GACTTGAGAA	GCTGTGATGG	CGAAGCTTTG	CTTTTCCAGG	AGCTTGAGGT	600
TGCTTTATCT	CTCAGTTGTC	GC				660

Name: 215 Len: 448 Check: EDC

ATAGTTAAAC	AACTTTATTA	ACATAGTCAA	GCAGTGATTA	ACATTCACAT	CTATTATGTC	60
ATATCATACA	AATGTAAATA	CAAAATTACT	ACAGTACAAT	ATATATTCTC	TGCATGATCC	120
AAATATTTTG	GTGGCCCCAA	AAAACCTCTT	TTAAATTTCA	GCACCTTATC	AAAAATTTAA	180
ACGCTATTCT	ATTTAAATAG	GAGATCTCTT	AGCACAGAGT	TAGACTTCAA	GAAATATCAA	240
TTTAGTACAG	TTTGAGGAAGT	TGCAGGAGGA	TATGTTTGAA	GGACACATTC	TAACATAGTG	300

TGTAGGTAC AGGAAACATC AGATTTAAAG CTTTAAAGCA TAACTCATAC AACCTAAGTT 361
 GTACACAGAA AGATCAATTT ATATTTGTAA CTAAGSCTAA TGCTACTAAA TTATTGACCC 420
 CATCTTTAAC ATATTAAATG TAAACTG 448

Name: 116 Len: 595 Check: E48
 TTCTTCTTAA TGTATCTATTA AGCTCTTAA AATACITGGAG AACAGCTTCC TTATCGCTTT 60
 GATTCATTTT CTCAGAAATGA GATTTTGTCT CTTTCAGCTT TTCAATAAGA TGGCTAAGAT 120
 CTCTCTATGT TGTCTCTATC AACTCTTCAA GCAGTTTCTT AGSAGTGTCC TTTCTTTTCA 180
 AATAGTACT TTGAAGGTCA TCTATAGGAT GACCATGATG TTACCTATG GTAAGSCAAT 240
 GATCATAAGC TAAATTTTTT TCTAATAGAC AGTAAACATT TAATGCTTGC CTGTAATGTT 300
 CAGCTATCTT TACAATATCT GGATCTCTCT CTTGCTGCTA CTCTTCAATA ATAGCCCTTA 360
 GTCTCAAAAT AACAGGTAAA GATTCATGCT CAGTTGAGC AATTTTCAGTA ATATTTCTGC 420
 AATTAGTCCA TTGATCTGGA ATTCTAAAG GTCTCCATAT ATAAAGTTA CCATATGCT 480
 CAABAATCTT TTCCAAACAA TTTCTACAAA ATGATGAGA CATGAGCAGT ACAGAGGAT 540
 CTTCAAAAT ACTATAACAT ATGGGACAAG TTAACCTCTG CTCANAATTG TGCAT 595

Name: 117 Len: 153 Check: 330
 AATCTCTGG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTTTC 60
 AATCTCTGG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTTTC 120
 TCTCTCTAAG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTTTC 153

Name: 118 Len: 446 Check: 920
 TATATGGCTA CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTTTC 60
 CTTCTCTAAG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTTTC 120
 TCTCTCTAAG CTTCTCTAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGCTTTC 180
 GCACCTGACT TTGACATATC CTCATGACCG TCACCTGCTT TGAGAAGTCT GAGCAGGTGC 240
 AGGCTGCTCA GAGCAGGTTC AAGAATCTT AGATCGAGGT GCAGAAGGGC CGCTACAGTC 300
 TGCATCTCTG GAGCAGGTTC AAGAATCTT AGATCGAGGT GCAGAAGGGC CGCTACAGTC 360
 AGATCTCTG GAGCAGGTTC AAGAATCTT AGATCGAGGT GCAGAAGGGC CGCTACAGTC 420
 GAGAAATCTC CAACTCTCTG GTGGCT 446

Name: 119 Len: 581 Check: A7F
 AGGATAGCG GATCTCTGAC AGGGCTCTGCT GGACATCAGC AACCATTTCA TCCCTCTGCT 60
 TGGGCTCTTT GCTCTCTGAC CTATTTTCCA TCCGAGTCTC CTCTTCAGCT TTTCTGCTTT 120
 GCTCATTTTT TGTCTCTATC TCTCTCTCAA ACTGTGATGC TTCTTGAGAC TGATGCTCTG 180
 AAGGATAGC TGGTCTAGCA GATGATGATG AGGTCTGGGG AGTTTCTCTA CTAGCTTCAA 240
 CTCTCTCTCT ATCTGTTTTT TCTCTCTCTT TCTTATTTGT CTTATCTGGG TCTTTGCTCT 300
 CTTCTATATG GCTACCTCTA GAGTCAGAGC ACTCTCTCTT TCTTCTCTCT TTTTAGAGAA AGGAATGCTC 360
 CCATCTCTCT CTCTCTCTGA ATAGGCTCTT TCTGCTCTTT TTTTAGAGAA AGGAATGCTC 420
 CAGATGATC AAATCTCTCT ATTTCTCTCT CAGCATCTCT TAACTCCTAT TCGGGCAAGC 480
 TATCTCTCT ATCTCTATG CTTCTCTCT CAGAGCGAAC CCGATAAGAC AAATAAGAAA 540
 GAGGATAGCA AAACAGATCT GCTAGCAGAT CCGCTATCTG T 581

Name: 120 Len: 450 Check: C1B
 CAGATTTTT ACATTACACT TGTCTCTCTT ATAATTGATA TTTAGGATG TTTGGGTGTT 60
 TTTTACAGGC AGAATTTGAT AGATACAGCC CTACAAATGT ATATGCTCTC CCGTGAAGAA 120
 AATTCTATGA AATCTCTCAC AGCAAGTGA AACACACAGA TAATAGGAAC AAAATGTAGT 180
 TCCATCTCTC CAAACAAAAT AAATGAAATC TGTGCTGTT TGCAGCATAT CTGCTTTTTG 240
 GGAATGTAAT CAGGCTATAA TCTTTGGCTA GTGTTATGTC CTTCTATTTT TTTAAATGG 300
 TACATCAGAA AAGCTCTGTC AGTCTACTTC TACCATAGTT AAATCTCAC CTCTTTAAT 360
 TCAATAGATA TCTTTGGGAA GCAGGAAGAA ATGCTCATAA AGAGGATCAG ACCTCTCTTC 420
 CCGTGAAGCC AGTATTTGTC GCCATATATA 450

Name: 121 Len: 372 Check: B74
 TTTTAAATA ATAGCTCTAT GTTCTCTCTT GACTTGGGGA CATGCTGAT AACAGTGA 60
 GATCTCTAAG AAGGATCTG AACTATGAAA AGAAATGCAA CTTCTCTCTA AGTACAGCA 120
 CCAATCTCTA TGGATCTATT TGATAAGCAA TCTCTCTAAG ATAGGATCTA CCAAACTCT 180
 AATCTCTCTA TGGATCTATT TGATAAGCAA TCTCTCTAAG ATAGGATCTA CCAAACTCT 240
 AATCTCTCTA TGGATCTATT TGATAAGCAA TCTCTCTAAG ATAGGATCTA CCAAACTCT 300
 AATCTCTCTA TGGATCTATT TGATAAGCAA TCTCTCTAAG ATAGGATCTA CCAAACTCT 360
 AATCTCTCTA TGGATCTATT TGATAAGCAA TCTCTCTAAG ATAGGATCTA CCAAACTCT 372

Name: 122 Len: 448 Check: 77C
 TTTTCTTTTT TTTTCTATG CACTCTCAAGT GGCATATGCT TATTTTATTC TTCTAGGAAAT 60
 TATATTTTTT TTTTCTAAGA GCACTCAAGT AACCAAAATG AAGGATGAA AGATACAGCA 120
 CTCAGGATAA ATCTATCTCT TAAATAATA ATAAAAAAT TTCTATATCT TCTATATCT 180
 TGTATATAT TTTTCTAAGA GCACTCAAGT AACCAAAATG AAGGATGAA AGATACAGCA 240
 TTTTCTAAGA GCACTCAAGT AACCAAAATG AAGGATGAA AGATACAGCA 300
 CAGGCTGATG TATATCTAT TTTTCTAAGA GCACTCAAGT AACCAAAATG AAGGATGAA 360
 AAAATATCTG CTTTCTAAGA TAAATCTTTT TTTCTTTTGA TCTCAAGTGA TAGAACCTCT 420

TTTTTTTTTT GTTTTGAATA TTCTAAGA
Name: 222 Len: 273 Check: A98
GTGCGACATG GCGTCGACCA TGATTGTJTA TGCTCTSGT3 GTGCTGTCTT ACTTCCTCAT 60
CACTGGGAJJA ATAATTTTATG ATGTTATPTG TGAACCTCCA AGTGTCTGGT CTATGACTGA 120
TMAACATGGG CATCAGAGGG CAGTASCITT CTGCGCTAC AGASTAAATG GACAATAIAT 180
TATGGAAGGA GTTCATGCA GCTTCTATT TACAATGGGA GGATTAGGTT TCATAATCCT 240
GGACCBATG AATTCACCAA ATATCCCAAP ACTCAATAGA TTCTTCTTC TGTTCATTGG 300
ATTCTCTCTT GTTCTATTGA GTTTTTTGTAT GSCITASASTA TTCATGAGAA TBAAACTGGC 360
GCTTATCTG ATG
Name: 223 Len: 336 Check: 824
GGCAGAGGGC TTCAAGCTAC TGGGAAATG CATCTGCGAG ATGACCGGGC CTGTGTGGA 60
GCGGTGCGTC GCGAGGCTCT CATTTAGAA ACCTAATATT GAGCAGGCTG TGCTBAACTT 120
TCTCAATAC AATTTTATG ACCTGCTCTC CCGGGAGCGG CAGACGATGT TCGAGCTCTC 180
AAGATGCTTC TTCTCTGCG TTAATCTACTG GAAGCTTGAG ACACCTGCC AGTTTCGGCA 240
GAGGTCTGAG GCTGAGGAGG TGGCTACCTA CAAGGTCAAT TACACGAGAT GGCTCTGTGA 300
CTGCGAGGTC CCGCAGAGCT GTGATAGCCT CCGCGGCTAC GAAACCACTC ATGTCTTTGG 360
GCGAGGCTT CTGCGGTCCA TTTTCA
Name: 224 Len: 523 Check: 1068
GGCAGAGGGA TTGCAACCT AAACCTTGA GATCATCAGC TGCTTTTCAA ACATTTAATT 60
GGCAGGTTA TGATTGACAA AAATCCAGGA ATCACTCAG CAGTAAATAA AATAAATAAT 120
ATTGACAAIA TGTACGAAA TTTCGAAATG GAAGTGCTAT CTGGAGAGCA GAACATGATG 180
ACAAAGGTTG GAGAAAAACAA CTACACCTAT GAATTTGATT TTTCAAAAT CTATTGGAAT 240
CTCTCTCTCT CTACAGAAAC CAGCGCTATC ACAGAACTTC TCAAACCTCG GGATGTCTA 300
TTTGTATTT TTCTGCGGT TGGGCGCTTT GCGATTCCAG TAGCAAAGAA AAATGCACT 360
GTATTTGCGA ATGATCTCAA TCTGAACTCT CATAAATGGC TGTGTACAA CTGTAAATTA 420
AATAAAGTGG ACGAAAAGGT GAAAGTCTTC AACTTGGATG GGAAGAGCTT CCGCAAGGA 480
CGAGTCAAA AASAGTTAAT GCAGCTGCTG GGTCTGTCAA AAGAAAGAAA ACCCTCTGTG 540
CACGTTGTCA TGAACCTTGC AGCAAAAGCT ATAGAGTTTC TTAGTGCTTT CAA 593
Name: 225 Len: 477 Check: 26B9
GTAAGTTTCAG CCGCGCGGCT CCGCGCGGCT CTGCGCTCC CCGCGCGGCT GGGATGTATT 60
CGTCCCGGCT CTGCTCTACC CAGGATGAGT TCCACCGGT CATCGAGGGC CTGCTGCTCT 120
AGTCCCGGCT CTGCGCTAC ACCTGCTTCA ACCTGCGAGG CCGGAAGGCG AAGTACTTCA 180
AGAGCAGCA GAAGCGGATG TCGAAGGAGG AGGAGCGTGC GGTCAAGGAC GAGCTGCTGG 240
GCGAGAAAGC CGAGGTCAAG CAGAASTGGG CGTCCGCGCT GCTGGCCAAG CTGCGCAAGG 300
ACATCCGGG CGAGTGGCGG GAGGACTTCC TGCTGAGCAT CACCGGCAAG AAGCGCGCGG 360
GCTGCTGCT CTCCAAACCC GAGCAGAAAG GCAAGATGCG GCGCATCGAC TGTCTCGGG 420
AGGCGGACAA GGTGTGGCGG CTGACCTGG TCATGCTCAT CTTGTTCAAG GGCATCC 477
Name: 226 Len: 299 Check: DE7
GCGAAAGCTC AATACCCAT TGTGATTTG GTAAAGATGC TCACTGASCA AGGCAAAAAA 60
GTGAGGTTTG GAATTCACCC AGTTGCGAGG CGAATGCGTG GNCAGCTTAA TGTGCTGCTG 120
GCTGAGGCTG GTGTGCCATA TGACATGCTG TTGGAAATGG ATGAGATCAA CCATGATTTT 180
CCAGATACTG AATTGGTCTT GTTAATGGA GCTAATGACA CTGTTAATTC AGCAGCTCAA 240
GAAGATCCCA ACTCTATTAT TCGAGGCTG CCACTCTCTG AGGTCTGSA ATCAAAGCA 299
Name: 227 Len: 290 Check: 2565
GASTGAAGGA GTTGAACCT TTCTTTTAG TGTACAACTC ATTTTGGGCG AATTTTCACA 60
AGTSTTTGTC TTTGTCTGAA TGAGAAGTGA GAAGGTTTTT ATACTCTGGG ATGCAACCGA 120
CATGTTCAAA TSTTTGAAAT CCGCAATGT TAGACCAATC TTAAGTTTCT TAAGTTATTT 180
CTTTTAAGAT ATATATTAAA CAGAAATCTA AGTAGAATG CATTGACTAA CCACTCCCTC 240
TGCATGGTGG TGAACCTGAA GATCTTTTAA AGCTCTAAGA CTGTCTAACA CGGTTTTCT 300
TCAATGTCTC TACAGACTGG GTAGCAAAA ATCACTTTT TAGTTTTAGT TTTTAATCTA 360
AAGATGTTAG ACAGATGCTG AGTGTGCTT
Name: 228 Len: 423 Check: 1661
TTCTCTCTG GGTGTGGGCT AAGTGGGAT AAAGABAAGA SCARCATCTC TAATGACTAG 60
CTCATGCTG TGTCTGTAT CTACTGGA GACACAGAGA GCATTCTGAA GGCCATAGAG 120
GAGATTGCTG GTTGTGTGT CCGCAATGT ATCAACTCTC CTAAAGATGC ATCTCTCTCC 180
ACATTTCTTA CACTGACGAG CTACTTTTT GTTGTCTTCT TCGTGTGAT GATGGTGA 240
GTAGAGAAGA CGGTGAAAAA ATTGAGCTG GACAGGAGG AGACTGCGAG CAGATTTCAT 300
GAAGAGAAAC TCTCTACTG GAAACATGGG GTGTTGAGA CTTGAGTATC CTCATTCAAC 360
TTGATTAATA GGTATTTTGA TAGTTCTATC TGTUCTGGC ATGTATGTTT GGAAGGGAAG 420
GAT
Name: 229 Len: 417 Check: 1300
TAGAAAAAGAA AAGAAAACCT GAAACTAATC CTGATATTAA GCCATCAAAT GTGGAACCTA 60
TGGAAAAAGGA GTTTGGGCTT TGCAAAACTG AGAACAAGG CAAGTGGGGC AAACAGAATT 120

MAASAAAC T STACTTCCAA GAACCTAAAA ASSTGATTGA AGGCTCCGAT GTTSTONTAG 180
 AGTTTCTTGA TCACAGAGAT CCTTTTGGTT GCAGATGTTC TCAGGTAGAA GAGGDCATTG 240
 TCAGAGTTAG ACAGAAAAAG CTGCTACITA TATTAAATAA ATCAGATCTG GGTACCAAAAG 300
 GAGGATTTAG GAGAGCTGGG NTAAATTATT TTGAAGSAAA SATTTGCGCA ACAGTGGGTG 360
 TTTCAGAGAC TCAACCAAAA CCTAAAGGGT TAAAGGGGGN GGTTTACCCA GGGTTTTG 420
 Name: 131 Len: 476 Check: 113A
 CCTACTTCTT CCTATATGCT ATCSACATCC CGTATCTTAG TTGAGTAST BAAGATGTGG 60
 TATGAGCTTA AAGAATGGGA TTACITAAAT GAAAATATTA TGCTTTTCTC DAAAAGGCGG 120
 AGTACTTAA AAGAAGCTGT TCCCAAAATG GTTCAACAGT GCTGTACTTA TGTGAGAGAA 180
 ATACAGAGAC TTCTATCAAA ACTTCGATTA ATTGATAGTC TACGATGGT TACCGAAGCA 240
 AGATTTATGT TGAATTTGAG CBTGCGCGAC TBACTAAAAC ATTACAACT ATAAAAAAGC 300
 AAAAAAGTGA TGTAAAAGAG GCAGCGCTCCA TTTTACAGGA GTTACAGGTG GAAACCTACG 360
 GGTCAATGGA AAGAGAAAGAG CGAGTGAAT TTAFTTTTGA GCAATGAGG CTCTGCTTAG 420
 CTGTGAGGA TTACATTGGA ACACAAATCA TCAGCAAGAA AATTAAACCC CAATT 476
 Name: 132 Len: 441 Check: 1340
 CAGTTTCTG TATTGGAATC SACAAGACAC CTCCCTCGAT TCTCAIGTA TGCGCTGACC 60
 AGCTCTGGAC CTGCGAGTGA GCCAATCAGT TATGTTAACT ITACATTGC AGAACGGGCA 120
 CAGAGCTGT TTCTATGGCT CGGTCAAAAG TTTCTGTTAC CAGAAACAC TCACATTGAG 180
 AATGCTCTAT TTCAAGTGT TTTCACATCT TTACGGGAATG GCGGCTANCT GGTATAAAA 240
 ATAAACCTTA GTGAGAGAT CACTATAAAT ACTGATGATA TTGATTTGGC TGGTGATATC 300
 ATCCACTCAA TGGCATCAT TTTTGCTATT GAAGACCTTC AAGTGAAGG GGAATTTTCT 360
 GTCTATTTG ABGGAATTAC GGAAAGGTGC TAGTTAAGGT GATGAATAT CTTTTCAGTG 420
 CATTGAGAAG CTCCASTGCT T 441
 Name: 131 Len: 333 Check: 480
 GGTSTCCAG GAAGTCAGCC ATTACTCCCC AGTGBAATGG ATCTAAGTCG ACACACAAGGA 60
 CATCCAAATA TGGGTGGGCT AATGCAGAGA ATGACTCTTC CAAGAABAAAT GGTGCGCTTA 120
 GCACACAGA ACTATGAGG TGCAATGAGA CCTTACTGTA ATGTTTTAGG TGGCGCTGGG 180
 AATGCTTGG AATGAACATG GGTCCAGGTG GTGCTAGACC TTGCTCAAC CCAACAAATG 240
 CCAATTTCAA TTACCAACT CCTTCAGCAT CTCTGCGGA ATTTATTGTT AGSTCTCCA 300
 GAGAGTTGA NGGGCCACCA GGGNACACCC TTC 333
 Name: 132 Len: 402 Check: 1753
 CCTTTACAC AGACTCACTT GTCACTCACT GGCATAGAGT ACAGTCACAG CCACGACAGG 60
 TACCTACAG GTGAACCTT TGTCCTGGGG AATAGCTGG CCGCTCTCTT GGAACACAC 120
 TCAGACTCAA TGGACTCTGC CTCAAATCCC ACCAACCTTG TCACAGCTC CCAAGGCAC 180
 CGGCTCTTG TTTCACTCTG TGGCCTCCCC CCAAGCACTG CTTGAGCTGT GCGCAGGCTA 240
 TGGTCCAGGG GGTCCAGCC ATACCTGGGA GAGCCGGAT GCTCTCTGA CTGAGTGGCC 300
 GGGACCTCT CCTTCATGG ACAGTTGAG GATGTTGATT GCAGTTTTGT TCCGGGAAG 360
 GTTGATTCCT CAGGTTTGGG ACCCCAAGST TGAACCTGTT TT 402
 Name: 133 Len: 492 Check: 1260
 TGGGATCATA AGGAGCCTT AAATACTTGT TATTGACTGG GGTATTTTT ATGCTGTAGC 60
 AAATGTGACA GCTCTTTTT AGCAAAATTT TTGAAAATTT TTTTGGTATT ACTCTGAAAC 120
 AAAATTTAAG TTGGAATTT AGGGATTTAG GGAGTAGTTT TCATTCTACA TGAAGTAGG 180
 TAATATTATG TAACTCCAA TATTGGTTA AAAAATCTAT ACATATCAGA ATAGTACTAA 240
 AATACTGTAG GAATTTTGG CATTTTATT TTGCACTTTG TGTGGGATTG AGGTTGTCA 300
 GGAATACCC AACCTATTAA AAATGTAATC TASTTGGGCC AAAGGCTGIG GGGTTAAAA 360
 CAGCGCAAC CGAATTTGG NTTGGNTTGG GGNTAACTTT TTGAGGGGTT TTTGTCCAA 420
 CAGGCTTGT GGAGGATTA CCATTTTCTN TTAAAGTTG GGTGCTGCC CTTGTCCAGA 480
 GTTCTNCGG AC 492
 Name: 134 Len: 321 Check: -
 CGTGGCTCTC GAGCAGCTCT ACCAATACAC GCAGAACTAC TATGACGAGA TCATCAATGC 60
 TTTGGAAGAG GATCTTGGG CACAGAAGAT GCAGCTGGCT TTCCGCTCTC AGCAGATTGC 120
 CGCTGACTTG GAGAACAAGG TCACTGACCT CTGAGCTACA ATCTCAGTG CTGCTTGGG 180
 ACATAGTAC CTGAGGTACC TGAGAGCTCT TCAGGAGNG NGGCGAGTG GGTGTGGCTG 240
 AGGCTCTAC CTCTCTTGG GAAGCGGCTC CAAGTGGAN TGGTGGAGG CCGAAGCGGN 300
 CAGCTTTT AACTGTAGC A 321
 Name: 135 Len: 359 Check: 1242
 GTTCTCTATG AAGCACTGTG TSAATGGACA ATGTTGAATG AATTTTGGG TCACTGATGG 60
 AAGGCTAGCT TATCTTTGA AATCTAGGG TCTTCACTCA TSAAGCAGAT TCCTAGTCTT 120
 GAGTGAATG TGTACAGAG CTGTGTTGTG GTCTGTATG TSAAGCAGT CAAGCTTGAT 180
 TCACCTTCA GCGGCTGATA ACCTAGTAAA TCATCAAAAT GAGATCATAA GTGTTAATGT 240
 ACACTGACA TGAATAAATA SACTGGTTTA GCAGCAGACA TTGCTTACT CTGAGCGCTG 300
 TGTCTCTGT TCCCTCTTT CCACTCTCT TCCCTCACC CAATCTTTT TTTTTTTT 359
 Name: 136 Len: 306 Check: 339

GTGATGATGG GCAGCGTGGT GTACCTGCGG CTGGGCTTGG AGAATLACC CTACTGCCAC 60
 CTGCTGGAGA GCAGCGATTG GGCAGAGATG TGTAGACCT TTACCGGGA GCGCTGTTCC 120
 CTGCTGGGCT TTCTCTGGA GTCTCCCTT AGCTCACTT TTGCTGTTGG CTGTGTGGG 180
 CTGCTGTTCT TATGAAATAT CAAGCTGTG ATTGAGAGG GGTAGTTCAT TGGGCTTTGG 240
 AATCAAGAGG AGGANTTACC GATTGAGATT NAAATAGGCA TGAAGTCTTG GTAACATTCC 300
 GTNTTC

Name: 127 Len: 335 Check: 1312
 GTCAAAATAT TACAGTAGAA TGTGAGTSTA ATATGTSTAA CCAAAATGAG AAAAATAGCA 60
 AGAATGTCTT CTGGAGGTAG TTATCTCTCA CAATTTTSTA GAATTTTATA GCATCTTTGA 120
 TAACTTTCTC AGTGAAGATG TTCTCTAGGC AAGTTCAGTT AAAATATAAT AGAATGTCTT 180
 ATCTCTGAT CTCTAAGTAT ACATTTAATT GTACAGAAA TTTACATCT AACATTCTTC 240
 AACATTTGCA GATTGACTGT ATATGACCTT AATCTTTGTG GCAGCTTGAA GGATCAGTGT 300
 AGTTAATGCG NGGCGAAAGT GCTTTCTTAC CTAGGACTTC CTTTCTTACG TTCTCCCTCT 360
 AAAGAGAGCC CTAANTATGG CTTTCTTGGN TTTGT

Name: 233 Len: 440 Check: 1545
 GACAATCCAT TAATTCGAGC TGCTGCGATA GATCAGATTT TTAATATSTA AAAATGCAAG 60
 CAAAAACAGC TGTAACAAAG AAGTGTGCT CAAGGACCAA AGATTTTATA GATAAAAAATA 120
 CCAATTTTGA AGAGATATAG TAGACTATAT GAAGAGAGAT TATATTTGTT ACACATCTAT 180
 ATACATTAAG GTGCTGTTG CTTCTTGAAG ATTTGAAGTG GCAAAATAT TTTATGTTT 240
 AATGATTATT TTATTTTATC AGGAGCTGCG TCAAGAAGAA AATAACATAA GCTTGTGGAA 300
 TGGGTGGGAG AAAATGCGCT ATTTTCTCTT GGCAATACT TGTATTAAAG TTAACNTTGT 360
 TGGATCTTGA TATTATCTTA GGGTACNGTG TATGTGTSTA TTAATTATAN GGTGTGTGTG 420
 TANATTATAC CTTTATATA

Name: 239 Len: 507 Check: 2655
 NGGCTCTAT CAGTGCACCT GCGCTGATGG TTACCGCAAG ATCGGGGCGG AGTGTGTGGA 60
 CATAGAGAGG TGCGGTACCC GGTACTGCGA GCACCGGTGC GTGAACCTGC CTGCTCTCTT 120
 CCGCTGCTAG TGCGAGCGCG GCTTCCAGCT GGGGCGCTAAC AACCGCTCT GTTGTGATGT 180
 GAAGAGAGTGT GAGATGGGGG CCGCATGCGA GCAGCGGTGC TTCAACTCT ATGCGACCTT 240
 CTTGTGTGCG TGCCACCGAG GTTATGAGCT GCATCGGGAT GGCTTCTCTT GCATGATAT 300
 TATGAGTGT AGCTACTCCA GTTACCTCTG TTCAGTACCG CTGCGTCAAC GAGCGAGGGT 360
 CGTTTCTTCC TGCGCACTGC CACAGGGGT TACAGCTGN TGGGCGAAAA GCTTTTGTCC 420
 AAGAACATTT GATTGAGTGT TGAGTTTGGT TGCGNAACAG TGGTTCCGAG GCGCAAAANT 480
 TTGTTAAATT TCCATGGGGG TTAACGT

Name: 24 Len: 273 Check: DEF
 AATTGGGCCC GAGGGTCTTT GTGCGAGATC CACGAAAAAA ACGGCTGSTA CACAGCCCCA 60
 AAAGAAGAGG GCTAACCTCG GAGTATCACC CTTCCTCCCT CCGCAGGCAC CACTGGACCA 120
 ATTACCTTTG AATGCTGTAT TTGGATCTCA CGCTGCTCT GTGGTTCCCT CCTTCATTTT 180
 TCCTGGACCT CATAGCTCTG CATTATGAG GACAATGATG GCTATTCTAA ACCTAAGGA 240
 AAAAAACAA ACACAGGACT GTTTNAAAGT ACTCAAGA

Name: 240 Len: 369 Check: 1CF5
 GAGACAGATG GCGCAACAGG AGCTGTTGCT CTGTTGCTT TOCTGCAGGC CTTNAGAGAAG 60
 GAGGTGGGCA TAATGCTTGA CTAGAGAGCC TGGAACTTGC ACCAGAAGAT TGTGAAAGAT 120
 CTGTTGAGC AAGGTCTTCT GAAGAGCGAG ATCTGATAT TAATTTACCA AGGTGGATCA 180
 GTGGAAGCTG CTCAGGCATT CTCTGCAAAA AATGGGGACC CGCAGACACC TAGATTTGAC 240
 CAGCTGCTGG CCATAGAGCG TCGCGAAGA GCTGCTGATG GCAATTACTA CAATGCAAG 300
 GAAGATGGAA CATNCAAGCA CTTNAGTTGA NCCATTNTA ACCATCTNTT TCTTNTGCTT 360
 GCGAGGAGG

Name: 241 Len: 248 Check: 1F04
 AATCTAATTC AAATTTGTAA AGCTACAAAA GGGGGGAAGA CATCTGTATT ANTTTTGCTA 60
 AGTCACAAAT TCTTAAACA AAATACTACT ACTGTACGCA GATCCTATT ATCATTTCT 120
 CATGAAATCC ATTAGAACA TAAAAATTTT ATCTTGAGAA ATAGCCACAA TGAAAGTAAT 180
 TTACACAATA TAAACAATG AAGNTCTAC AGATGCACTT GCTCATGAGT TTACACATGC 240
 ATACACAA

Name: 242 Len: 248 Check: D09
 GTTTTCAAAA TCACTGTAC ATGATAGTT TGTGTTCTT GTACCAAGT TTTTAACTGA 60
 AGGAACCAAT TGTAAAGTCT CAATTTTAA CTAAGACTTG AAGAACTAAA ACAGCAATGC 120
 AAACCTTTCA GCATTGTTT GCAAACTTG TAAAACTGT AATGCAAGAA CCAATGAC 180
 TGTGATCTGG CACCAACTAA TTAGAAAGGA TAAHTTTC ACCTAAGAGT GAAAAAGGA 240
 AAATCTACCA TGGCTTGAAG TTAAGGGA GAMCTCTGA CTACCAT

Name: 243 Len: 423 Check: 1FEC
 AAAGAGTTAA GGAAGGCAGG TTGNTCTCT ATTCAGGCA CTCTTCTTT TNCATGTA 60
 GCATGCTGTT TGTGGCACTT TATCTTCAAG CTAGGATGAA GGGAGACTGG CCAAGACTCT 120
 TAGNCTCAC ACTGCAATTT GTCTTGTG CCGTATCCAT TTATGTGGG CTTTCTCGAG 180

TTTCTGATTA TAAACACCCAC TGGAGCCGATG TGTGGAATGG ACTTATTCAG GAGCTCTGGB 240
TTGCAATATT AGTTGCTGTG TATGTATCGG ATTTCTTCAG AGAAAGAACT TCTTTTAAAG 300
ANAGAAAAGA GGAGSACTCT CATACAACCT TGGCATGGA ACACCAACAA CTGGGGGATG 360
ACTNTGDCGA GCCAATCACC AGCCTTGAAA GGCAGCCAGG GTTCCNAGGT GAAGCTGGBG 420
TGT 423

Name: 244 Len: 460 Check: 1420
CCAAACAGTAT CTCTTGCACT AAACGCCCTCT CTGGGCTCCT CAAASTCCTT GATATCATG 60
CCTTGACCTGT GCATGCTGT ATGCACCAGA AGCAGAGGCT CAGAAACCTG GAGCACTTTG 120
CCTGCTTGA AGACTGTGTT CTCTTGSCAA CAGATGTGCT AGTCTGCTGT CTGATATT 180
CTAAACTGCA GCATGTCATC CATTACGAGG TCCACGTAC CTGAGATT PATGTCTAC 240
GAAGTGTGCG AACTGCTGCA GCTAGCAATG AAGGCTTCAG TCTGATGCTC ATTGGGCTG 300
AGGATGTGAT CAACTTTAAG AAGATTTACA AAACGCTCAA GAAAGATGAG GATATCCCAC 360
TGTCCCGCT GCAGACAAAA TACATGGGAT GTGGTTCAAG GAGCGAATCT GTTTTAGCTC 420
GACAGATTG AGGAATCTGA GTATTCCGAA CTTTCCNGGT 460

Name: 145 Len: 2533 Check: 349
CCAAACCCAT GAGGGCCGCG CGCCCGGCCG CCGGTGCTGA CGAGACGGAG CTCTGCCCC 60
CCGAGGAGGA GAGAGGATG AATGCGGTTT AAGAATCGAT TCCAGCGGTT CATGAACCAT 120
CCAGCTTAC CCAATGGCCG CTACAAGCCA ACTTGCTATG AACATGCTCC TAAGTGTAC 180
ACACAGCAT TCTCATTGT TCCGGCCATC GTGGGCAGTG CCGTCTCCA TCGCTGTCT 240
GATGACTGCT GGGAAAAGAT AACAGCATGG ATTTATGGAA TGGGACTCTG TGCCTCTTC 300
ATCGCTCTA CAGTATTTCA CATTGTATCA TGGAAAAAGA GCCACTTAAG GACAGCGAG 360
CATTGTTTT ACATGTGTGA TAGAATGGTT ATCTATTTCT TCATTGCTGC TTCTATGCT 420
CCATGTTTTA ATCTTCGTGA ACTTGGACCC CTGGCATCTC ATATGCGTTG GTTTATCTGG 480
CTCATGCGAG CTGGAGGAAC CATTATGTA TTTCTCTACC ATGAAAAATA TAAGGTGTT 540
GAAGCTCTTT TCTATCTCAC AATGGGATTC TCTCCAGCCT TGGTGGTGAG ATCAATGAAC 600
AACACGATG GACTTCAGSA ACTTGCTGT GGGGGCTTA TTTATTGCTT GGGAGTTGT 660
TCTTCAAGA GTGATGGCAT CATTCCATT GCGCAGGCA TCTGGCACCT GTTTTGGCC 720
ACGGCAGCTG CAGTGCATTA CTACGCCATT TGGAAATACC TTTACCGAAG TCCTACGGAC 780
TTTATGCGG CATTATGACC AATCTGTACT AATTCTCCAA ACCAGTATTA TTCAATTAT 840
GGCACTTGG AGTGGGGTGA GAGCTAAACA TTGCACAGGG CAAAGAAAAA AAATAACTGC 900
ACTGACTTTA TATCTTTTGA ATATAATTAC TGTGAAAGTA TAAAGGCTGT GTTCTGGAAT 960
TTTCTGCTC ACAGCAAATA AATAAGGTAG TGAATTAATT ATTCATTCCA TTCACTATC 1020
ATGAAGSACT CTGAATAGAC TTGGCCAACT GATGTTTACA AACCAAGACT TTATATTTA 1080
ATTTTACAGA TTTTACTACA TGATTTTCT AAATTACTAT GTCAGGTTGT AAAAGTCAGT 1140
SCAATAACAA ACCTTCCTTT TTAAGAAGAA AATTGTTTCT ATTACTTTC CATTCACTAG 1200
GTAAAGAACT ATGGACAGAA CTTACACTAC TTTTACCAT GTTTCATCTT GGCATAACAT 1260
GGTCTTTTT TAAATAGAAA CTTTAGTTTT TTGTAAATTT TTAATAAAT ATTTTATTGA 1320
TATGATCTC TGCAGTCTC CATTATGTT GTAAATTTTT GGAGCAAGCA GTCACATTC 1380
CACAAACGAA CAAACATTAT ACCTCTTCTG ATAGTTTTAT TAAGCATGGA GAAATTGCCA 1440
ATTTTAAAA ACTGCAGTTT TCCAAACTTT TCTGCCAACC TCTTACTCTG AATTCACTGC 1500
TGCTTTGGGA CATATACTTG ACCTAGCTTG GTTTACCAGT GATGGAAAAG TATTTTGATA 1560
TCATTAACCT TTTCAAAAGA TCCAACTTTT TCTCTATGCC TTTGCCACAT TCTCTCAGG 1620
GTCTCTTTC ACAGCGGATA AATGTTTTTT CTGTATTATG ACAGTATTGT TGTGATGGCC 1680
ATCTGCTGGA AACTCCTGAA GAGCATTATG TATTACAGTG AGCASTTGTA TTGCTGTTT 1740
GGTGCCTAAT GGTAAAGTCA TTGTCACTTA GCTTTATATT GTCAGTTTGA TATCTATTT 1800
AAATTTGGA ACTAGATGCA TAAATTCACA TTTCTGCCTT TCCTTTGCAT CTCTCATAT 1860
ATTGCTTTT TTTTTTTTTT CCTAGAAAAA ATATTTAAAG CATTGTTTGA CAGGTAGAAA 1920
CTCATGTATC TTAGTCCAT GAGTTATATC CTGGCTCAGT GGASTGATAT TTATGTATTA 1980
TTTTTACTTT TCTCTCAGTG TCTTATATTA AGATTAACAT GTTBTAAATA GTTGTGTTGT 2040
TGATTAATCT CTCTGTTTG GTTTTTAATA AATGAAATAG GCTTGCCTTT AGATGGGTG 2100
CTGATATTC CTGTTCTCA GTAATGGGCT GATCAATGA TCASTGSAAT TCTTGTGTTG 2160
ATGATAAAT TATTAATTGA AATTTTTTAC TGATGTGCT TTAAGAAGG TTTATTTTGT 2220
ATATTTTAG AACTCTCTGA TTTTGATGAA TTATATGGGA GTGAGAAACA GAAGAGTGG 2280
TATTTGTTG CAGTTTAAAT AGGCAAGGTA CCCAGTGATA ACACCAACCA AACCCTCCT 2340
ATCTGCATGA TCTGAACAT CTGGATGCTT GTTGTTTTAC TGTGTATATT TTATTTTAA 2400
TATATTAAT TTGTGATTC ATTTAAGGTC TACTCAAAAG TAACACTGTC CAAACACTA 2460
ATATGTATGT AAAAAATGT CTGTATACTA CAATAAAAT GTTACTTGA TTTGTTCCAA 2520
AAAAAATAA AAA 2533

Name: 145 Len: 6072 Check: 1F2E
GCTGCTGCG GGGGAAGGCC CGCGCTTTA AAATAATGCG TGGGGCGGCC GCGGACCAT 60
GCAATGCGA GCTCTGTTG TGGGGCTGGT GCTCTGCGG CTGCGCTCT ATGAGATATT 120
GTGCTGCTG TCTGCGCTGG GCGCCAGCAT GGGCTTCTAC CAGCGCTTTC CGCTCAGCTT 180
CGGCTTCCAG GCTGTGAGGA GCCCGACGCG CCGCGCTCG CCGAATCGG GCGCGTGGG 240

CGGGCTGGG	GGGGTATCCG	GGGGCTGGT	GCTGCAACCG	CGGGGGACCG	GGGAGGCGA	301
GAGCDDGGC	AAGGCTCCGC	GGGCTCCTGG	GCCGGGGATG	TGGGGGCCAG	CCAACTGGGG	260
CTACCTCTCG	GGGGGGCGGG	GGGCGGGGGC	GACGGAATAC	GAGAAAGCGT	ACAGCGGCGC	400
CTTCCTCTCG	CAGCTGCGTG	CCGAGATGCG	CGACCTGGCA	CGGGGCATGT	TGCTCTTTGG	450
CTACGACAA	TACATGGCTC	AGGCTTCCCG	CCAGGACGAG	CTCAACCCCA	TCCACTGCGG	540
CGGGCTGGG	CCGACCGGG	GGGACCCCTC	AAATCTGAAC	ATCAATGATG	TACTAGGGAA	600
CTACTCATTG	ACTCTTGTGG	ATGCATTGCA	TACACTTGGC	ATAATGGGAA	ATTCATCGGA	660
GTTTCAGAAA	CACTCAAGT	TAGTGATCAA	CACAGTTTCA	TTTGACAAAG	ATTCACCGT	710
CAAGTCTTTT	GAAGGCGCA	TAAGGCTCT	GGGAAGCCTC	CTTTCTGCTC	ACAGAATAAT	760
AACTGACTCC	AAAGCAACCT	TTGGTGACAT	GACAATTAA	GACTATGATA	ATGATTTGTT	840
ATACATGGCC	CATGACCTGG	CGGTGCGGCT	CTCCTCTGCT	TTTGAACCA	CCAGGACAGG	900
GATTCATAT	CTCGGGGTGA	ATCTAAAGAC	AGGAGTTCCT	CTGACACCA	ATAATGAGAC	960
ATGCACAGCG	GGAGCCGGTT	CCCTCCTGGT	GGAATTTGGG	ATTCTGAGTC	GACTCCTGGG	1020
GGACTCCACA	TTTGAGTGGG	TGGCCAGACG	AGCAGTGAAA	GCCCTTTGGA	ACCTCCGGAG	1080
CAATGATACA	GGATTACTAG	GCAATGTGCT	GAACATTGAG	ACGGGCCACT	GGTTTGGAAA	1140
GCAGAGTGGC	CTGGGTGCGG	GGCTGGACTC	CTTCTATGAA	TACCTCTTGA	AACTTTACAT	1200
TCTCTTTGGA	GAAGAAAGAA	ACCTAGAAAT	GTTTAATGCT	GCATATCAGA	GTATTCAGAA	1260
CTACTTAAGA	AGAAGGCGGG	AAGCCTGCAA	TGAAGGAGAA	GGAGACCCCT	CACCTCTATG	1320
CAAGGTGAAC	ATGTTCAAGT	GGCAGCTGAT	GAACACCTGG	ATTGACTCTC	TGCAGGCCTT	1380
TTTCCCTGGA	CTGCAGGTGC	TGATAGGAGA	TGTGGAAGAT	GCCATCTGCC	TTCATGCCTT	1440
CTACTATGCC	ATATGGAAGC	GATATGGTGC	CCTCCCTGAG	AGATATAACT	GGCAGCTGCA	1500
GGCCCTGAC	GTTCTCTTCT	ACCCACTGAG	ACCAGAGTTA	GTGGAATCCA	CATATCTCCT	1560
CTACCAGGCA	ACCAAGAATC	CCTTCTACCT	CCATGTAGGA	ATGGATATTC	TGCAGAGTCT	1620
GGAAAGTAC	ACAAAGTCA	AGTGTGGGTA	CGCCACGCTG	CATCACGTCA	TTGACAAGTC	1680
CACAGAGGAC	CGGATGGAGA	GCTTCTTTCT	CAGTGAGACC	TGTAAATATT	TGTATCTGCT	1740
GTTTGATGAA	GACAATCCAG	TACACAAGTC	TGGAAACAGA	TACATGTTCA	CACAGAGGGG	1800
ACACATTGTA	TCTGTGGATG	AGCATCTTCG	GGAATTGCGA	TGGAAGGAAT	TCTTCTCTGA	1860
AGAGGGAGGG	CAGGACCAAG	GGGGAAAGTC	TGTGCACAGG	CCGAAACCTC	ATGAGTTAAA	1920
ASTCATCAAC	TCCAGCTCCA	ACTGCAATCG	TGTACCTGAT	GAGAGGAGGT	ACTCCCTGCC	1980
CTTAAAGAGC	ATCTACATGC	GACAGATTGA	CCAGATGGTT	GGTTTGATTT	GATCTGCTCT	2040
CTGTGAGGCC	TCATCTTGAA	CCAGACCTTA	ACGACCAAAC	CCAGACCATG	CCAAAGTCCA	2100
GTCTGAAATG	AAAGGGGACA	GAAGTCTTGC	TGTCCATGGT	GGTGTAGGAA	TTTCTGTGCA	2160
ACACCTCACC	ACGCTGGGTT	AATCCTTGCA	CACCTCAGTG	TTTCTCTCCT	GTTCAATAAA	2220
ATGCCCTGTT	AAGGATATAA	TTTGAAGTGA	GAAGATACAT	GGAAATTGCC	CTCTTATGAC	2280
ATGTTGATGT	TATAAGCACA	ATAGATGGGG	CATCTTTGGA	TTGATGTTCA	CAGCTTTTATA	2340
TTTCAGAACC	TAAGTCTCTT	CACCTTGCTG	GCACCTGCTA	TACTGGAGTA	TTGCTATGTC	2400
TTTAAAAAAT	TTTTTTTTTAT	TATATTTTAT	TTTTTTTGAGA	CAGGGTCTTG	ATATTTTTTTT	2460
GAGACAGGGT	TACCTGGGCT	CAAGTGATCC	TTCTGCCTCA	GCCTCCCGAG	TAGCTGGGAT	2520
TACAGGTGAG	CACCACTGTA	CCTGGCTAGC	TACTTCTTTG	TTAGAGGATT	GAGAAATGAA	2580
TTTCTGCAAA	AGGGCCCATG	GTTCAATTTG	TATCCCTATT	TAATTGCATT	GAAATGTGCA	2640
TCCTTTCTGT	TGTTAGATAA	TTGGGGTCTT	CCCTGATAT	CCAACCGTGA	TTTTGGATCA	2700
CATGGGAGAA	AAAGTCATCC	AGTTTTTCAT	GTTTGCCTCA	AGTAATCTTT	ACAGTGTAC	2760
AAATTATTTG	CTTAAGAAGA	ATGGTCTTAA	CCAGAATCTT	TAACAGATAG	TCTCTTAGGT	2820
TATTATGTTA	TGGTCTAAGA	GGTTAACTGA	CATCTTTTGG	ATGGTATTTT	GCATTTTGAA	2880
TATGAACCTA	CCTGAGGAAC	TCCCATAGTT	CCAGAATCAG	GTGCCTTTTA	GGGAGAGAAC	2940
AATACCTAAG	ATTGTCTGAG	CTTCCATCTT	TCTCATATTT	CCTAAGCAAG	GATTCTCACT	3000
TATGACCATA	TTTGGGTTAG	AGTTCTGTTT	TGTTTCTGTT	TTCTGTGTCT	AGTGCCTAAT	3060
AGCTAAATCA	GGGAGAAAGA	AATGATCACA	TGACTTTTAG	CATCCTTGAG	CCATTTCTCT	3120
GTGTAATACA	GGCTTTAGAT	TAGTGCCCTA	TATTGGTTTT	GGTTTGGGGC	ACTGGATGTC	3180
GCAGCTACTG	CTATGTTTTT	AGGAGGCGTG	TTTAGCCACA	TGGTGAGACC	GTGTTGAAAG	3240
GAGGATGGAA	ATTGCTTGGC	CAGTCTTTGC	CTTTCATCCT	GTAAAAGTAA	GCATGTAGAA	3300
GAGGAAGTT	GTGCTAAAA	GCCTTTGTTT	TTTGTATTAT	ATTTTCTTAG	CCAGAACATC	3360
TCTCTTTGAA	CTCAGCTGAT	TACACACCTG	CTACTCTTAC	ACAGTGCAGC	AGGGCTGACT	3420
CTTAGTCTGG	CTTCCATGAA	GCCTCATGGG	TGGAAACGCA	TTCTAGTAAA	AAAGGTAGGA	3480
AATCCCTAAA	ACTTCCAGCC	TCACATAGCA	CGGTTCTCAC	CTGTCACTGT	TTTCCACCTT	3540
CTAAGGATTT	CATGTACATC	TTTTCAAGGC	TAGAAATAAG	CACTGTCTAA	GTTTATGTTG	3600
CATTTTTAGT	CAAAAGGGAG	AAATCTTATT	CCTTCTTGAA	AATTTTAAGT	GTTATGGTTT	3660
TATATAGTTC	AGTTCTTTGA	GATTTTTGAA	AAGAGTATTT	TCAGTAATAA	ACGTGCCATC	3720
TCTATCTCTT	AAACATTTAT	TACAACAATT	TTTTTAAAT	AGAAAAATA	AAATGCTTCT	3780
ATTTTACCTT	TTTTCAATTC	AGAAACATTA	TTCTGTTTAT	TAACAGTGTC	CCATCTACTG	3840
AATAGAAAAC	TTTGAGAAAT	ATATATATAT	ATATTTTAAA	TGTTTTTACT	GACTCATTTA	3900
AAATGTTAAT	TACACACACA	TGCATGCAAG	CACACACGAG	CATACTTGTA	CCTTTGTCTC	3960
TGGGCAAAACA	GGTGGAAGTC	TTAGTGAACC	ATTTGGGAAA	ATAGAGCATC	TCAGAGAAGG	4020

AGGTGAGTTT	TTCTTGCCTG	TGATTTCTCT	TGGGGCTTCC	CTCTCTCTCC	CTCTCTGGCTT	4080
CTGTGGGGGG	AGTGGTGGGT	AAGCACTCCA	GTGTTCTTTT	AATGAGGGAC	TTTGCCTGTC	4140
ACTCGAGCAA	GGCTGGGTGT	TCCTTCCCTC	TCATGCTCCT	GGAATAGGGA	ATAGGGATCT	4200
CATGCTTGCA	AACTACACAA	TGCTGCAGGT	GCTTCCCAGG	GGCCACAGGC	TGTCAGGAAA	4260
CSTGTTTTAT	GTAAAGTCAC	AAACCCACTT	GACTTCTGGG	TACTGSAATT	AATACCAAGT	4320
GGTGAGACTG	AGGGTGAGTG	AGTTAGTACA	TATTAATCCT	GGTTGTTGAG	CTTCCAGACT	4380
ACCCCGTCCA	AAGTTTGATG	CTATGTAGTC	AGTGGTTTGT	GGGGCTGGAT	GCCAGAAGGT	4440
TCTTTGAGCC	AGTTTCAAAG	GTTACTTGT	TTTTTTTTTT	TTTTTTTAA	TCAGAATGTT	4500
AAAGCTTTG	ATATACTCTG	CAGGGCTTTT	GCATTTTCTT	CTGTTCTGT	TTCTGAAATC	4560
CTGGGTAGAG	AATGGCTGAG	GAGGAGATTA	CCAGAGAAAT	TGCTTTGCTC	AGTGGCTTTG	4620
CCCAAGATTG	CTTCAAATCT	GAGTGGACTT	CATCCTTTG	GGGGCTCTG	AGCCTGGGCC	4680
ATCTTCTAT	TCCCACTGT	AGCTAGTGT	TAGTGTGAGC	TTTGCTCAAT	GTGGTGGAAA	4740
CATTTTGAG	AACTGTTGTA	GAAAGCTGCT	TTATAGTTGG	CTTGACAAAG	CATAATTCTC	4800
TCATAACAAA	CTTTCAAATC	ATTACAGTAG	CTTAGCTACT	TTAGTTGATG	TGACCGAGGA	4860
ATCCTTTCTA	GAATCATAGG	TGGCAAGGGA	GGGTTTGCTA	GCTCTCCATT	TGCACCTGGC	4920
ATTGTGAAAA	ACCAGCTTCT	GTATTCAAAT	CTTCTCTTCA	TTTTTTTTAA	TTTTTTTTTT	4980
GGCAGCGCTT	GTGCTGGAAC	TTACTCATTG	TAACTGAATC	CTCAGGGCTT	TTCTTGTTTT	5040
AGATCATGGA	CTGTGCACTG	GACACTTAAA	TAATTTTCTA	TGTATTTAAA	GAAGAAATGCA	5100
CCAGGATGCT	GTCTGTGAC	GTGACTATTA	GAGGAGCGTC	TGTAGAAGTA	CTGCTTTTGG	5160
TCAGTGCACT	TGTGCAATCT	GAGGGCCTTG	TTTCTCTCTC	CCCTTTCCCC	TTCTCCCCAC	5220
CAAAGGAAAA	TATCCTCTCT	AATGATTTGG	TAGTTGAGTT	TACTGAATGA	TTACCACTCT	5280
TAATTCCTCT	TTGGAATGTT	TAGACTCAAC	ATGAGACATT	CCTTTCTGCT	TTCTGGAGGG	5340
CACCAAGGGG	CTTTCTCTTT	GATAAATTTT	TTTTGTCTGT	TGACAAAAAC	AAAAATCTTT	5400
TTTCAAATGT	AGTGTCTGGT	AAAAGGTAGG	GCTGAGTGAT	TACCTTAGCC	ACAGGGTGGC	5460
TGAGCAGGAA	CTTTAGAGAA	AAATCCTGAG	CTTCTCTGTC	CATTCOCAGC	ATCCAGCTCC	5520
TATTTAGTGT	CTCTTCCCT	GCAGGGCAGG	GACCTCTTGG	GAAATCGAGG	AGGTGGGACG	5580
GGCTGGGGCC	TGTGTCCAG	GTTTCCACAG	GCTCAGGGTT	ATGCTCCCGC	TTGAATCTGG	5640
ACCTGAATCT	GGTAAAAATA	TCAAGTACCT	GTGGAACCTC	CTGATTCTAT	ACCTCTTCTC	5700
TTCTTTCTGC	AAGGCAGAGG	AATAATATTT	TTAAAGGTTA	TTTTGTTTTA	GTTTTAAATA	5760
GCAAAACACA	AGCTGCATTT	TTATTTATTT	TGCATAAGAA	AGGTAAATCT	TTTTACAAAA	5820
AAAAGTATAG	AGTTGGAAAC	TCTGGGAAAA	CTTACGGAAA	TACACAAATG	CTTCTCTGTA	5880
ATGTGCAATA	TGCTTTGCAA	CTGTAGATGA	TATTTTATGT	TTAATCTGTA	AATAAGAAAT	5940
GTATTTAAAT	TAAAAGGGAT	CTTTTGTGTA	AAGGACCAAA	TGTTCTTTTA	TAAATGTAAT	6000
AAGGAATATC	TTGCTCTTTA	AAATTTATTA	GGATTTTAT	GAGTAATTTT	TATTAAGA	6060
TTTCTTTTTT	TG					6072

Name: 247

Len: 5615 Check: 2627

GAAACTGCGG	GTGTGACCCC	CCCGTGGTGG	CTCTGGGTGT	CTGCGGAGGA	GCTGGGGGCG	50
GAAGATGAGG	CTAAAGGCTT	GGCTTCAGTG	AAAGCACCGG	GATGTGAGG	CGGGGAGGTA	120
GAGGAGGCT	GATGGGGGAG	GGAACGAGCA	GGCTGTGAGA	CGGGGTGACG	CGGGCTACCA	180
GGGGGGGGGG	GCACCGGGAC	TGGAAGAGTT	GGCTGAGCAG	CCGGCTGGTC	CGGGCGCCAG	240
GCTAGGGGGG	GGGCGAGCGC	CCAGTTGAGC	CTGCTGGGGC	TGGAGGAGCG	AGAAGGGTTT	300
TCTTCACATT	TCAGAGGGAA	CCAGACGGGG	ACATAGAGGT	TTGGAGGAAG	GGGGCTGTT	360
GGAAGTAGCA	AGAAGTGGAG	AGAATCTGGG	AATAGAGGAG	AAACCGAAAG	AATCAGAAAG	420
AACTCTATCT	GAGTAGCTGA	AAGCAATGGG	TGACAGAGAA	GAAGGTGCGT	GTAAGTGAAG	480
GAAGAGTGAG	GTGTGGCTGG	ATCAAAGGGC	TAAGAGAAGC	GGGTCTGTGT	AAGTGGATGT	540
GAGTGAGGAT	CAAGGAAAAAG	CCGTGGAAAT	GGCGGGGGGT	CGGGGCGGCA	GAAGTGGCAG	600
ACGGGGGGGG	AAAGCAGCGG	AGCGGAGTTC	AAATTTGAGA	GCGTTTGGAA	ATTGGAAGAC	660
TTGGTGGGGA	ACGAGGGTCA	GGACCTGCAT	CTTCTCTCAG	AGAGTTATCG	ACGTATCCGG	720
AATGTGGAAT	CAGAGGCTGG	TGAGGTTGGC	CTGTTTGCAG	CATCTGGGGG	CTTCTATG	780
TATTAAGGTG	AAAGGTGTCC	GTGGGCACTG	CGATGCGAGG	AGACATGAAA	CAGCAGCCAC	840
GGAAATAGGG	GGTAAATAT	TTGAGTACG	TTTTAATGCA	CTGGGGGATT	CTGCTTAC	900
AGAAATAGGA	CACATTCGAA	GCTTCTCTGT	CGATGCTTGC	ACATCTTTAG	AAGACCATAT	960
TCATAACGAA	GGGCTTTTTC	GGAAATCAGG	ATCTGTGATT	CGCCTAAAAAG	CACTAAAGAA	1020
TAAAGTGGAT	CATGCTGAAG	GTTGCTATCT	TTCTGCACT	CTTGTGATA	TTGGGGGACT	1080
TCTTAAGCAG	TTTTTTTAGGG	AACTGCCAGA	GCCCATTTCT	CCAGCTGATT	TGCATGAAGC	1140
ACTTTTGAAG	GCTCAACAGT	TAGGCACAGA	GGAAAGGAAT	AAAGCTACAC	TGTTGCTCTC	1200
CTGCTCTCTG	GCTGACGACA	CAGTTCACTG	ATTAAGATAC	TTCTTTAACT	TTCTCAGGAA	1260
TGTTTCTCTT	AGATCCAGTG	AGAATAAGAT	GGACAGCAGC	AATCTTGCAG	TAATATTTTG	1320
ACCGAATCTT	CTTCAGACAA	GTGAAGGACA	TGAAAAGATG	TCTTCTAACA	CAGAAAAGAA	1380
GCTACGATTA	CAGGCTGCAG	TAGTACAGAG	TCTTATGAT	TATGATGAG	ATATTGGGCG	1440
TGTACGAGAT	TTTATCTTGG	AAAAGATACC	AGCCATGTTG	GGTATTGATG	GTCTCTGTGC	1500
TACTCATCA	CTGGAAGGCT	TTGAAGAAAG	TGAATATGAA	ACTCTGTGTG	AATATAAGAG	1560
AAAGAGAAGA	CAAGGTGTAG	GAGATTTTGT	TAGTGGAGCA	CTAAATAAAT	TTAAACCTAA	1620

ACAAAGAGCT	TCTATTACAC	CTCAAGAAABA	AAGAATTGCC	CAGGTATCTG	AATCACCAGT	1787
CAITCTTTACA	CCAAATGCTA	AGCGTACATT	GCCAGTAGAT	TCTTCTCTTG	CTTTCTCAAG	1740
TARGAAAGGG	AAGTCCATCA	AGCACAATTT	TAACTTTGAG	CTGTTCGJAA	GTAATCTCTT	1740
CAATAGCACT	TCTACACCGG	TATCAGTTCA	CATCGATACA	AGCTCAGAG	GGTCATCTCA	1860
GAGTTCACTC	TCTCCTGTAC	TCATTGGTGG	AAACCATTTG	ATCACTGCGAG	GTGTGCCAAG	1920
GCGAAGTAAA	ASAAATTGCAG	GCAAAAAAAGT	TTGCCAGAGTG	GAATCAGGAA	AAGCAGGCTG	1980
CTTCTCTGCT	AAAAATCAGCC	ATAAAGAAAA	GGTTCCGAAGA	TCTCTGCTTT	TGAAATTCAA	2040
TCTAGGGAALA	AATGGCAGAG	AAGTAAATGG	ATGTTCTGGT	GTCAATAAT	ATGAAAGTGT	2100
TGGTTGGGCA	CTTGCAAAATC	AACAAAAGTTT	AAAAAATCGA	ATTGAATCTG	TAAAAACAGG	2160
TTTGCTTTT	AGCCACAGATG	TTGATGAAAA	GTTACCAAAG	AAAGGTTCTG	AAAAGATCAG	2220
TAAATCTGAG	GAAACCTTAC	TAACTCCAGA	GCGACTAGTT	GGAAATAAAT	ACCGGATGTG	2280
TTGGACAGGA	CTTAATAATT	CAAGTTTTCA	AGAAGTAGAT	GCAAAATGAG	CTTCTTCAAT	2340
GGTGGAAAAAT	CTTGAGGTAG	AAAACCTCTT	GGAGCCTGAT	ATTATGCTAG	AAAAGTCACC	2400
TGCTACTTCA	TGTGAATCA	CCCTTTCCAA	TTTAAACAAT	AAGCATAATA	GCAACATAAC	2460
AAGTAGGCTT	CTTAGCGGGG	ATGAAAATAA	CATGACCAAA	GAGACTTTGG	TGAAAAGTTCA	2520
AAAGGCTTCT	TCTGAATCTG	GAAGTAATCT	TCACGCATTG	ATGAATCAGA	GGCAGTCATC	2580
AGTAACTAAT	GTGGGGAAAG	TAAAATTAAC	TGAACCATCT	TATTTAGAA	ATAGCCCAGA	2640
GGAAATCTA	TTTGAACCTA	ATGATTTGAC	TATAGTAGAA	TCAAAGGAGA	AATATGAACA	2700
CCACACTGCT	AAAGGTGAAA	AATGTTTTTC	AGAGAGGGAC	TTTTTCACCC	TTCAAACTCA	2760
AACATTTAAT	AGAGAAAACAA	CTATAAAATG	TTATTCAACT	CAGATGAAGA	TGGAACATGA	2820
AAAAAGCAAT	CATTCAAATA	TGCCAAAAAG	TTATTTAAGC	AAGCAAGAAT	TCTCCAGTGA	2880
TGAAGAAATA	AAGAAACAGC	AGTCCCCAAA	GGATAAACTA	AATAATAAAT	TAAAAGAGAA	2940
TGAGAAATAG	ATGGAAGGTA	ACTTACCGAA	GTGTGCAGCA	CATAGCAAGG	ACGAGGCTAG	3000
ATCTCTTTCT	TCACAGCAGA	GTACATGTST	GTAAACAAAC	TTGTCAAAAC	CTAGGCCCTAT	3060
GAGAAATGCT	AAACAGCAGT	CATTGGAAAC	ATGTGAGAAA	ACAGTTTTCTG	AAAGTTCACA	3120
AATGACAGAA	CATAGAAAGG	TTTTCTGATCA	CATACAGTGG	TTTAAACAAG	TTTCTTTAAA	3180
TGAACCAAAAT	AGAATAAAAG	TCAAGTCAAC	TCTTAAGTTT	CAGGCTACTC	CTGTTCTGTC	3240
GTCCCTCAGA	AGAATTAATT	CTTTGTTGGA	GTATAGCAGA	CAACCTACAG	GGCATAAGTT	3300
GGGAGTCTCT	GGTGATACAG	CTTCTCCTTT	GGTCAAATCA	GTGAGCTGTG	ACGGTGTCTCT	3360
TTCTCTTTGT	ATAGAAAGTG	CATCAAAAGA	TTCTCTGT	TCATGTATCA	AATCAGGTCC	3420
TAAAGAACAG	AAGTCCATGT	CATGTGAAGA	GTCAAATATT	GGTGCAATTT	CAAAGTCAAG	3480
CATGGAGTTA	CCCTCGAAAT	CTTTCTTAAA	GATGAGGAAG	CACCCAGATT	CAGTGAATGC	3540
TTCTCTTAGG	TCTACTACAG	TTTATAAACA	GAAGATCTTA	TCTGATGGCC	AAGTTAAGGT	3600
TTCTCTGGAT	GATCTGACTA	ATCATGATAT	AGTAAAACCA	GTTGTAAATA	ACAACATGGG	3660
CATTTCTTTCT	GGGATAAATA	ACAGGGTCTT	TAGGAGACCA	TCAGAAAGAG	GAAGGGCCTG	3720
GTACAAAGGT	TCTCCAAAAC	ATCCTATCGG	AAAAACTCAA	TTACTACCAA	CAAGTAAACC	3780
TGTAGATTTG	TAATTGGTAA	ATGTTATACT	TGTCATTAAT	GTAAATAAAG	TGAGTAATTG	3840
GTATGACTTG	CAGGATGATG	TACATGTTAG	TTTGTAGCTC	AGGATGATTG	TTAAGCAATA	3900
GATTGCTCT	ATTGAAAATG	TTTCATTTTT	TTCACTGTAC	AAGCAACTTA	GATTTTTATT	3960
TGTACAAATT	ACTTCTTTGT	TTTTCTTAAT	GATGGCAATT	TTTAAACTTT	AATTTTATTG	4020
TGATCTCTTA	AAGCAGAGGT	TAGACTTTAC	CTTTCTGACT	CTGTCTGTCA	GGCTGGAGTG	4080
CAGTGGGCGA	ATCTCACTGC	AACTCTCCAT	TCTCTGGTTC	ATGCCATTTT	CTGCTCTCAG	4140
CTCTCCGAGT	AGCTGGGACT	ACAGGTGCCC	GCCACCACGC	CCAGCTAATT	TTTTGTATTT	4200
TTAGTAGAGA	CGGTTTCACC	GTGTTAGCCA	GGATGGTCTC	GATCTCTCTG	CTTGTGTATC	4260
CGCCCGGCTC	AGCCTCCCAA	AGTCTGCGGA	TTACAGGCAT	GAGCCACCAC	CCCGGCTAG	4320
ACTTTACCTT	TCTAAAGAAA	TTGTTTACTG	GATTTATAAG	AAGTTAATTT	TTGAAAATGA	4380
CATATTTTTG	TGTGATAGAA	AGAATGGAAC	AAGTTGTGCC	TATTTCTCTC	AAGTCAGATA	4440
AGGTTTCTAA	AATAAATAAA	TTTCTAGCAT	ATAAAGGGTA	GAGATAAACT	CTGCAAATCT	4500
TATGCTCTGA	ATTATATTAA	TGTTTTATTG	CCTTGCCAAA	ATTCTAGAAA	ATTAATTTCC	4560
TTCAATAGCA	TCTTAAAACT	CTATTTTTAT	TTGGGCGAGA	GTAATTTCTT	TTATAGTGCC	4620
AGTAGGTTTA	CTTGTGTCTC	ACTCGAACTA	AGAACAATGG	TTAAGGCAAA	ATAATGACTA	4680
AAATATGTTT	ATATATTATG	ATGTGGAAT	AATTGATAAC	TTTTAAGGCA	TACTATGTTT	4740
TTAAAGATAA	TTTGCACAAA	CAGTTTTGTC	TCTGTTCTGT	CCAATATAGA	TTTGGCAATT	4800
ATTTAAAGAG	GGATAATCTT	GAATAAAAT	AAACCAAGGTG	ATTTCTTTATA	TGTAGATGCT	4860
CGATTTTGGG	ATTTGAAATA	GATAGTGCAC	CTCTTTACCT	TTTTTACTTG	GATAAAAACC	4920
TATGATGATT	TTGTCTCTGT	TGTAAATGTT	ATTTATTTAG	CATAGACATT	AAAGATAACT	4980
CTCTGGAAAA	TGACTTGACT	AACTCTCTCA	TGAAATTCAA	AGTGCCATTT	AGAACATGCA	5040
CCAAATTTCT	AAGTAAATTT	CTCTAAATTT	ATATTTTAAA	TTATTACAAA	TTACACATCT	5100
TTGAGGAAAG	AGTATTATGA	ACAATAGAAC	ATATTCTCTA	GGTTGTAGAG	GAAGGAATAA	5160
GCAGACAGAA	TCAACCACTA	AAGGTAGTTT	TTGAGATTGG	TTGTTAGAAT	GTGATGTTTA	5220
GATGTTGGAG	CAGATTAGAG	CAGCATTCAT	GCCACTCGGA	GCAACCGAGC	TTACAGCATA	5280
AGTATGTACG	AGGAATTTCA	AATCATCAGA	TGTTTGCTTG	GCTAGGTTCT	ACTTTGTTTA	5340
TTTGATATCA	AATAGGTTTT	TAGATGTTTA	TGGCATTCTT	AATTGTAAAT	AGAGACAAAA	5400

TATTGATATA TTGAGATATA TSTTGTGTTC TTTAAACAAT TTTTAAATTT TAAAAATGGA 5460
TTAAGGTCTT TTTATATCCA TCAAGGUAAS GATGAAATGT TGAATTTGAA GACTAATTCA 5470
STAAGCAAGT CTAGGGGTTT AACTTACAT ACTACCTGAA CTGGCTTTTC TGAGAGATGA 5480
ATCAATAATB AAADATGTCT GTTTTAAAAA CTACC 5490
Name: 248 Len: 5298 Check: F37
GGGCGGCGAC CCCAGCCACC GCCTGTGCGC CAGCGGCTCC CCGACTCGC CCGCGGAGGA 60
CCCGGAGGCT CCACAGATT CAGAAATGTC CAGAAATGAC AAAGAACCST TTTTGTGAA 120
GTTTTTAAAG TCCTCAGACA ATTCCAAATB TTTTTTTAAA GCTCTCGAGT CCATAAAAGA 140
ATTCTAATTA GAGAAATATC TCCAGATATC TACAGAAAGAA CAGGCATTGA AGATAAAGGA 160
GAATATATA TCACTTTTATA TCTGTGACCC TTTTAGTGGC GTTGTCTTTT ATCACCCTCAA 180
AAAGCTTGGC TCCAGAAATG TTGCTCTTCA AGTAGTCTATA TTTTGTATGC ACCACCAGCG 200
ATGTGTCTCA AGAGCCGAAC ATCCAGTTTA TAATATGGTT ATGTCTGATG TAACCATATC 220
TTGTACAAGT CTGAAAAAG AAAAAAGGGA AGAAGTTTCA AAATATGTAC AAATGATGGG 240
CGGACGAGTA TACAGAGACC TTAATGTATC AGTAACCTAC CTTATTGCAG GAGAAGTTGG 260
TAGCAAAAAA TATTTAGTTG CTGCAAAACT GAAGAAACCT AGATATACTG ATATAAACAT 280
AAAAACACTT TGGGAGAAGT CACAAGAGAA AAAAAATACT TGTGTGACTG GCTTATGTGG 300
GGAAGATTTT AAGTGTCTTA AGCAACTCAC AGTTAAGCAT GGAGGTCAAT ACATGGGACA 320
CTTAGACAGG AAGAAATTTT ACACCTCAT TGTGCAAGAA CCAAAAGGTC AGAAGTATGA 340
ATTGAAAAATG AATGAATGTA CACACCTCAT TGTGCAAGAA CCAAAAGGTC AGAAGTATGA 360
GTGTGCCAAG AGATGGAATG TACACTGTGT GACCACACAG TGGTTTTTTG ACAGTATTGA 380
GAAAGGTTTT TGTGAGATG AATCCATATA CAAGACAGAA CCTAGACDAG AAGCAAAAGC 400
TATGCCCAAT TCTTCAACTC CTACCAGCCA GATCAACACA ATTGATAGTC GTACTCTTTC 420
AGATGTGAGC AATATTTTCCA ACATAAATGC AAGTTGCGTA AGTGAATCAA TATGTAATTC 440
ACTTAACAGC AACTGGAGC CTACACTTGA AAATCTAGAA AATCTGGATG TCAGTGCATT 460
TCAAGCACCT GAGATTTTAT TAGATGGTTG TCGGATATAT CTTTGGCGTT TTAGTGGCAG 480
AAAGCTAGAT AACTTGAGAA GACTTATTA CAGTGGAGGT GAGTTCTGTT TTAACCAGCT 500
AAATGAAGAT GTAACTCATG TTATTGTGGG AGATTATGAT GATGAATTTA AGCAGTTTTG 520
GAATAAATCA GCGCACAGGC CTCATGTAGT GGGAGCAAAAG TGGTTGCTAG AGTGTTCAG 540
TAAAGGTTAT ATGCTTCTG AAGAACCATA TATCCATGCT AATTACCAGC CAGTGGAAAT 560
TCCAGTTTCA CTCAGCCTG AAAGTAAAGC AGCTCTTTTA AAAAAAGAGA ACAGCAGCTT 580
CTCTAAGAAA GACTTTGTCT CTAGTGAAAA GCATGAGCAA GCTGATGAAG ATCTGCTCTC 600
TCAATATGAA AATGGTAGCT CCACAGTAGT TGAGGCTAAG ACCTCTGAAG CCAGGCCCTT 620
TAATGATTCT ACTCATGCTG AGCCCTTGAA TGATTTCTACT CACATTTCTT TGCAAGAAGA 640
AAACCAGTCT TCTGTGCTG ATTGTGCTCC TGATGTTTCT ACAATTACTG AAGAAGGCTT 660
ATTTAGCCAA AAGAGTTTCC TTGTTTTGGG TTTTAGTAAT GAAAATGAAT CTAACATCGC 680
AAACATCATA AAAGAAAATG CTGGGAAAAT CATGTCCCTT CTGAGCAGAA CTGTTGCGGA 700
TTATGCTGTG GTTCTCTGCT TGGGGTGTGA AGTGGAGGCC ACTGTGGGAG AAGTTGTTAC 720
AAATACATGG CTGTTTACTT GCATAGACTA TCAGACTTTG TTTGATCCAA AGTCGAATCC 740
TCTCTTCAAA CCAGTTCCAG TAATGACAGG AATGACTCCT TTAGAGGATT GTGTTATTTT 760
ATTTAGCCAG TGTGCTGGAG CAGAAAAAGA GTCTTTAACA TTCTAGCAA ACCTCCTTGG 780
AGCAAGTGTT CAAGAATACT TTGTTGCAA ATCCAATGCA AAGAAAGGCA TGTTTGCCAG 800
TACTCATCTT ATACTGAAAG AACGTGGTGG CTCTAAATAT GAAGCTGCAA AGAAGTGGAA 820
TTTACCTGCT GTTACTATAG CTTGGCTTCT GGAGACTGCT AGAACGGCAA AGAGAGCAGA 840
C3AAAGCCAT TTTCTGATTG AAAATTCAAC TAAAGAAGAA CGAAGTTTGG AAACAGAAAT 860
AAACAAATGA ATCAATCTAA ATTACATAC TGCAGAGCAT CCTGGCAGAC GCCTGCAAAAC 880
TCACAGAAAA ACCGTGCTTA CACCTTTAGA TATGAACCGC TTTGAGAGTA AAGCTTTCCG 900
TGCTGTGGTC TTACAACATG CCAGACAGGT CGCAGCCTCC CCAGCAGTAG GACAACCACT 920
TCAGAAGGAG CCTCTGTTAC ACCTGGATAC ACCATCAAAA TTCTGTGTTA AGGACAAACT 940
CTTCAAGCCT TCTTTTGATG TGAAGGATGC ACTTGCAGCC TTG3AAACTC CAGGACGTCC 960
CAGCCACACG AAAAGGAAAC CGAGTACGCC ACTCTCAGAA GTTATTGTCA AAAACTTGCA 980
ACTTGTCTTG TAAATAGCT CTGGAATGCT TGTGCTCTTT TCTGCGAGCC CTCRACTGAA 1000
AGAGGCGCAG TACAGAAAGG AAGAAGCCCC AAAGCCACTT TATAAAGTAG TGGTATGTGT 1020
TAGTAAAAAA CTCAGTAAGA AGCAGAGTGA ACTAATGGG ATGCGAGCCT CTCTAGGAGC 1040
ASATTACAGG TGGAGTTTTG ATGAAACAGT GACTCATTTT ATCTATCAAG GCGGGCCAAA 1060
TGACACTAAT CCGAGTATA AATCTGTAAA AGAAAGAGGA TACACATTG TTTCCGAGCA 1080
CTGGCTTTTA GATTGTGCCC AAGAGTGTA ACATCTCTCT GAATCTCTTT ATCCACATAC 1100
TTATAATCCC AAAATGAGCT TGGATATCAG CGCAGT3CAA BATGGCCGCG TCTGTAATAG 1120
T3ACTACTC TCAGCTGTGT CTTCACAAA GATGATGAG CCAGATCCTT TGATTTTAGA 1140
AGAAAATGAT GTAGACAATA TGGCCACCAA TAATAAAGAG TCAGCACCAT CAAATGGAAG 1160
T3GAAAGAT GACTCTAAAG GAGTTCTGAC ACAGACCTTA GAGATGAGAG AGAAGTTTCA 1180
GAAGCAGTTA CAGGAGATAA TGTCTGCAAC ATCAATAGTG AAACCCCAA GGCAGAGGAC 1200
TTCCCTTTCA AGAAGTGTT GTAACAGCGC ATCTT3AAC CCTGACA3CA CTGCTCTGTC 1220
TCGAGTGGG C3AAGTAGAG TCCTAGAGGC ACTGAGGCAG TCTGCTCAGA CAGTACTTGA 1240

TTTCAATATA	AAATGAAACA	GATCATTTCG	GATCA	CTTA	CAGCAAGGGA	3540
GCATATGGA	AGCATTTGCA	GTGGGCTAGT	GTGCAAGAC	AATACTCTGA		3600
GCTTCAATTT	GACATTCARA	TTCTGTTTTT	CAAAA	CTT	TACATGATTC	3660
AGAAATTTCT	AAACAGGCTG	TCTGTGATCC	TGGAAACATA	CTGTGATG	AAAGCTCCCA	3720
ACACCCCATC	TCTGAAGAAC	TGGAAACTCC	CATAAAAGAC	AGCCACTTA	TCCCTACGCC	3780
TCAAGCCCTC	ATATTGCTT	TTCCACTCGC	CAACCCCTCT	GTGGCTCCCT	ACCCCTAGAGA	3840
AAAGATTATA	ACGATAGAGG	AGACTCATGA	AGAATTAATA	AAACAGTACA	TATTTCACTT	3900
ATCATTTTCT	AATCTTAAG	AACTATTGA	CTATTGTCT	CTGATTGATA	AACTAGCTGG	3960
ATTGTTGATA	GAAGAGCAAT	GCTTTGATCC	CACCTGTACA	CACATTCTG	TGGGACATCC	4020
ACTTGAAGC	GAAGATATT	TAGCTCAAT	GGCAGCTGGG	AACTGCTCC	CTCATGCTCT	4080
CTACTTTGAA	GCTTGCAGGA	CTGCTGGACA	CTTCTGTGAG	GAAGAAAGCT	ATGAATGGGG	4140
AAGATTTCT	ATACTTGAIG	TTTTGACTGG	AATCAATGTA	CAGCAAGGAA	GACTAGCACT	4200
TGCACCAATG	AGATGGAGAA	AAAAAATCCA	GCAAGACAA	GAATCTGGCA	TTGTTGAGGG	4260
AGCATTTAGT	GGGTGGAGG	TTATTTTACA	TGTGGATCAG	TCTCGAGAG	CAGGCTTCAA	4320
ACGCTTTCTT	CAGTCAGGAG	GAGCAAAGGT	GCTACCTGGT	CATTCTGTAG	CTTTATTTAA	4380
AGAGCCACAA	CATCTTTTTT	CTGACTTGAA	TAAACTGAAA	CCAGATGACT	CAGGAGTTAA	4440
TATAGCAGAA	GCTGCTGCCC	AGAACGTGTA	CTGCTTGAGA	ACAGAATACA	TTGCTGATTA	4500
TCTCATTTAG	GAATCACTCT	CTCATGTAGA	AAATTACTGT	CTACCAAGAG	CTATTTCTAT	4560
TATTGAGAT	AATAAGGAAC	TTGGGACTGG	ATTATCACAA	AAGAGGAAAG	CTCCTACAGA	4620
AAAAAATATA	ATCAAACGAC	CTAGAGTACA	CTAATCGCAT	CTACCTTTTA	GTTACCAAA	4680
ATTAAATTTT	TTTAAAAATT	GAAAGCCTGA	ATGTGACTGT	GATAGATTTG	GCTAGTAATT	4740
TAAAGATGAG	TACCTGAAGA	ATTCTGCTTC	AGAGTATAAT	GATGACCTTT	CTTGAGTTTT	4800
GAACCTCTGA	AATTGTAATC	ACTGAAATAT	TAACGTGTTT	TTAATAAAAA	GTTACCTGAA	4860
ATAACACAA	AATACAACTC	CTCAGCTAGC	TTGCTGTTAA	ACCACATTGA	AGTCTGTTAA	4920
AAGATATTTA	TTTTTCTTGT	AAATATCTGA	AGCTGTAGCT	TAGTGGAAAT	TTTAGCAAGG	4980
TAATGGATTT	TGCTTAAAAA	TGCTGCTCTT	ACAAATTCAT	AACAACAGAA	TTTGTGAGTC	5040
AGCATTTATT	CATGTTTTTC	CTGATTTTTA	TCTTCTCACC	ATTTTACCTC	TTTAAACAGG	5100
AGCTTACGAA	CAAGGTTTAA	TGAGGAAGCT	GGGGCTATAA	ATATGTGTGT	ATATATGTAT	5160
ATGTATTTTT	GTACAAATCT	CCATGATGTT	TGCCAAGTTT	GAATGCGCAA	AACTTGGAAA	5220
ATGTGACAA	AAAGAATAAA	AGTAGTAACT	CAAATTAGTA	TTAAGATGTG	TTTACATAGA	5280
TAAATTTTTT	AAAAAGAGC					5298

Name: 249 Len: 1584 Check: 12A6

GGGCTCGGC	CTAGCATGTC	GGAAGCGGGC	GAGGAGCAGC	CCATGAGAGC	GACGGGCGCC	60
ACCGAGAACG	GACATGAGGC	CGTCCCGGAA	GCGAGTCGCG	GCCGGGGCTG	GACGGGCGCC	120
GCGGC3GGGC	TGGAGGCGCG	ACCGCCGCGC	CCCCGAGCGG	GAATCAGAAC	GGCGCCGAGG	180
GACCAAGTCA	ACGCCAGCAA	GAACGAGGAG	GACGCGGGAA	AAATGTTCTG	TGGTGGCCTG	240
AGCTGGGATA	CTAGCAAAAA	AGATTTAAAA	GACTATTTTA	CTAAATTTGG	AGAGGTCGTT	300
GACTGTACAA	TAAAAATGCA	TCCCAACACT	GGACGSTCAA	GAGGTTTTTG	GTTTATCCTG	360
TTCAAGATG	CAGCCAGTGT	GGAGAAGGTC	CTAGACCAGA	AGGAGCACAG	GCTGGATGGC	420
CGTGTCAATG	ACCTTAAAAA	GGCCATGGCT	ATGAAGAAGG	ACCCGGTCAA	GAAAATCTTC	480
GTTGGGGGTC	TGAATCCTGA	AAGTCCCAT	GAGGAAAAGA	TCAGGGAGTA	CTTTGGCGAG	540
TTTGGGGAGA	TTAGGCTCAT	TGAATTGCCA	ATGGATCCAA	AGTTGAACAA	AAGACGAGGT	600
TTTGTGTTTA	TCACCTTTAA	AGAAGAAGAA	CCCTGGAAGA	AGGTCTTGA	GAAAAAGTTC	660
CATCTGTCA	GTGGAAAGCAA	GTGTGAGATC	AAGGTGGCCC	AGCCCAAGAA	AGTCTATCAG	720
CAGCAAGAGT	ATGGCTCTTG	GGGCGCTGGA	AACCGCAACC	GAGGGAACCG	AGGCAGCGGA	780
GCTGGTGGTG	GAGGTGGAGG	TCAGAGTCAG	AGTTGGAATC	AGGCTACCGG	CAACTACTGG	840
AAACAGGGCT	ACGCTACCA	GCAGGGCTAC	GGGCTGGCT	ATGGGGCTA	CGACTACTCG	900
CCCTATGGCT	ATTACGGCTA	CGGCCCCGGC	TACGACTACA	GTGAGGGTAG	TACAAACTAC	960
GGCAAGAGCC	AGCGACGTGG	TGGCCATCAG	AATAACTACA	AGCCATACTG	AGGGGGCCAA	1020
GGGAGCGACC	AATGATCGC	ACACATGCTT	TGTTTSGATA	TGGAGTGAAC	ACAATTATGT	1080
ACCAATTTTA	ACTTGGCAAA	CTTTTATTTG	CCTGTCCCAT	GTGCTCTTTA	TTTAAATTTT	1140
CTCCCATGGA	AATCACTCTC	CTGTTGACTA	TTTCCAGAGC	TCTAGTGTCT	TAGGCAAGCT	1200
GTGCTGTCTG	AGAGGCCATA	GCGCCATCAT	GGGCTGATTT	TTATTACAG	GTCCGCCAGA	1260
AGCAGGTGAG	AGGCTGTGCT	TCCTGCTGCC	GCTGTGCAGC	CTGACCTGT	GGACCTGCTG	1320
TGTAAAGAGT	AAATGTATC	TTAGGAAACC	AGTGTACCT	TTTTTTTCA	TTTTAATTTT	1380
ATATTATTTG	CGTCAATCAT	TTCCGTGAAC	GGAAGTGTTA	ATTTTACTGT	ACTTTTTTGT	1440
ACCTTTTTTG	GGAATCTAAT	GTATTGTAA	GTATTTTACA	CGTGTCTCTG	TTTTGCCACA	1500
ACCTTGATAT	TGAGCTATC	CAAGCTTTTG	AAATAAAATT	TAAAAACCTC	AAGCTGGGT	1560
GAGTGTGGGA	AAAAAAAAAA	AAAA				1620

Name: 25 Len: 237 Check: 14F6

GGAGTATTGG	AGAGGCGGCC	TTATGAGGAC	CAGGGGCTCG	GGGAGACGAC	TCCCTTTACT	60
ATCATCTGCG	AGCCCATGCA	GCCNCTGAGG	GTCAACAGCC	AGCCCGGCC	CCAGAAGCGA	120
TCCCTTTTTG	TGTGTGGCA	TGGTGAGAGG	ATGGATGTTG	TGTTTGGCAA	GTACTGGCTT	180

120 1251 2 NTGATNGCA AAGGCGNCTA CATGCGAAG CAACCTNGAA CATNGCC 1257
 Name: 25 Len: 1121 Check: 598
 GGAATTCCT ATAGAGCCGG GTGAGAGAGC GAGGCGCCGT CGGCGGGTGT CGAGGGCGGG 60
 TTGCTTCAGG CTGACCTTTC CCGCCCTCTT TCTGTCACA CACGAGGTCC CGGCGGAAAG 110
 CGCGGTGTTC GCGCCATGGG GGAGCTGAGG GCTCTTGAGA GTCTCATCGA GATGGGCTTC 130
 CCGAGGGGAC GCGCGGAGAA GGCTCTGGCC CTCATAGGGA ACCAGGGCAT CGAGGGTGCG 240
 ATGGAATGCG TGATGGAGCA CGAAGACGAT CCGGATGTGG ACGAGCCTTT AGAGACTCCC 300
 CTTGACATA TCGTGGGACG GGAGGCCACT TCGTCAGAGC AAGGGGGCCT TGAAGGATCT 380
 CTTCTGTCTG CTGAGAAAGG CAAACCGCTT TTGAGTGAAG AGGAAAGACA GGAACAAACT 420
 AAGAGGATGT TGGAGGTGGT GCGCCAGAAG CAGTGGGAGC GTGAAGAAAG AGAGGAAACG 480
 GAGGCAATTG AACGGGAAAG GCAGCGCAGG AGAGAAAGGG AAGAGTTGTC AGCAGCACGA 540
 CAGTGGGTAC AGGAAGATGA GATGGGCGCG GCTGCTGTG AGGAGAGGCG GAGGGAATAA 600
 GCGAGGAGT TAGCAGCCAG ACAAGAGATT AGAGAAAAGA TCGAGAGGGA CAAAGCAGAG 660
 AGAGGCAAGA AGTATGGTGG CAGTGTGGGC TCTCAGCCAC CCGCAGTGGC ACCAGAGCCA 720
 GGTCTGTCTC CTTCTTCTCC CAGCCAGGAG CTTCCACCA AGCGGGAGTA TGACAGTGT 780
 CGCATACAGG TCAGGCTGCC AGATGGGAGC TCACTGACCC AGACGTTCCG GGCCCGGGAA 840
 CAGCTGCGAG CTGTGAGGCT CTATGTGGAG TCCACCCTG GGGAGGAACT AGGTGGGGGC 900
 CAGGACCTTG TCGAATTGCT CAGTGGCTTC CCGAGACGGG CTTTCTCAGA AGCTGACATG 960
 GAGCGGCTTC TCGAGGAGCT GGGACTCGTG CTTTCTGTG TTCTCATTGT GGCCAAGAAA 1020
 GTGCGCAGCT GAGGGCCCTT GTCCCATTTG CCGCTGTGA CCGCTTCAIC TTTGATAAAG 1080
 CACTGACATC TCTTCTCTAA TAAATAGACC CTGAGTTCTG T 1121

Name: 251 Len: 2337 Check: 25F0
 GGAGCGGCCA ACATGGCGGA ACGCAGGAGA CACAAGAAGC GGATCCAGGA AGTTGGTGAA 60
 CCATCTAAG AAGAGAAGGC TGTGGCCAAG TATCTTCGAT TCAACTGTCC AACAAAGTCC 120
 ACCAATATGA TGGGTACCG GGTGATTAT TTTATTGCTT CAAAAGCAGT GGACTGTCTT 180
 TTGGATTCAA ACTGGGCAAA GGCCAAGAAA GGAGAGGAAG CTTTATTTAC AACCAGGGAG 240
 TCTGTGTTG ACTACTGCAA CAGGCTTTTA AAGAAGCAGT TTTTTCACCG AGCCCTAAAA 300
 GTAATGAAA TGAATATGA TAAAGACATA AAGAAAGAAA AAGATAAAGG AAAAGCTGAA 360
 AATGAAAAAG AAGAAGATAA AAAGAGCAAG AAAGAAAATA TAAAGGATGA GAAGACAAAA 420
 AAGGAAAAAG AGAAAAAAA AGATGGTGAA AAGGAAGAAT CCAAAAAGGA GGAAACTCCA 480
 GGAATCTCTA AAAAGAAGGA AACTAAGAAA AAATTCAAAC TTGAGCCACA TGATGATCAG 540
 GTTTTTCTGG ATGGAATGA GGTGTATGTA TGGATCTATG ACCCAGTTCA CTTTAAACAA 600
 TTTGTCTATG GATTAATTCT TGTGATTGCA GTAATAGCGG CCACCTCTT CCGCTTTGG 660
 CCAGCAGAAA TGAGAGTAGG TGTATTATC CTCAGTGTGG GTGCAGGCTG TTTTGTAGCC 720
 AGTATTCTTC TCCTTGCTGT TGCTCGATGC ATTCTATTC TCATCATTG GCTCATAACT 780
 GGAGGAAGGC ACCACTTTT GTTCTTGCCA AATCTGACTG CTGATGTGGG CTTTATTGAC 840
 TCCTTCAGGC CTCTGTACAC ACATGAATAC AAAGGACCAA AAGCAGACTT AAAGAAAGAT 900
 GAGAAGTCTG AAACCAAAAA GCAACAGAAG TCCGACAGT AGGAAAAGTC AGACAGTGAG 960
 AAAAAAGGAG ATGAGGAGGG GAAAGTAGGA CCAGGAAATC ATGGAACAGA AGGCTCGGGG 1020
 GGAGAACGCG ATTCAGACAC GGACAGTGAC AGGAGGGAAG ATGATCGATC CCAGCACAGT 1080
 AGTGGAAATG GAAATGATTT TGAAATGATA ACAAAGAGG AACTGGAACA GCAACAGAT 1140
 GGGGATTGTG AAGAGGATGA GGAAGAGGAA AATGATGGAG AAACACCTAA ATCTTCACAT 1200
 GAATATCAT AATCTGACTA ATTTTGGGAC TGAATGAATA AGTACAAGAG GTTGGATTTT 1260
 CTATGTTGGC TGATTACCAT ATTGAACACA TGGCATTTGT AGCATTCTTT AATCTATCT 1320
 ACTGAATGT ATTTGACAT CAGGCAGTTA TATTCGGTCC TTCATTTTAT AGAATATTGG 1380
 CACTATTATT GGTACAGTTT AAAGCCATTA ATATGTTTTA TCCATTTGAT AATTTTACAG 1440
 TAAATAGGTC TCATTCAATT TGACAGTTAT CAAAGATGTA CTTTCCACAG TTAATTTTAC 1500
 ATTAATGGCA ATTTTGTATA GTTTTATGGC TTTTACTGT TAGACTAATC AAAAATAACT 1560
 TTAAGAGGAA CAAAGAAACT CCAACATTTT ACATTATGCA TAGTTATGTA GCCATTTTAC 1620
 AATTTCTTTA AGATGTGTAA ACTCATTTGTC CTGATAGTT TTTATTTTTC ATTATAAAAT 1680
 TATACAGGA GATTTCTTTT AAGATTCTGA GTTAGCAGAG TTCAAAAATA TTTTGTGGAA 1740
 ACAAGCTAAC TAGTAACAAT GCAGCAACAC TTCTGTTTA GCTAAATTAT TTTTCCAAAT 1800
 TAGGAATCC AACTGATTT GTACGTCTGA CTGAGAGAAA GATGGTCTCT TCCAGCAGAG 1860
 AAGGTGAACA GCATTTGTTG GAAGGTGATG GCTCTCCCTC CTCCCTCCTC ATTTTATTGG 1920
 CTTAAGGTAAG AGTGTATTCT GTACATAATT TACAAATAAA ACATTTTATT TTAATTGTTA 1980
 CTTATTATTT AGATATTTCT CAACACTTAA ATTCATAAAA TTAAGACCAT GTAAGGGTAT 2040
 GTTTTGTAGG AAATGGAAGT TTGAGTAACC CAGAGAACAT CTGTGATCTT TCTACAGCAG 2100
 CTTGATTTT GTGCAACAT TCGATGTATT TTGAATATGA CCAAAAAGCT ATCTTAAGAG 2160
 CAGACTTAAA GTAGTTTGT ACCTCTTAAT GTTCATTTTG ATTTATTTTA AATCTTTACA 2220
 TTCAGAAATG AGATACTGTA TTATCAGACC AGGAGGCATT GCTGTGAAAG ATAATTTTCT 2280
 ATTCTAAAT ATCAAATTTA AAATAAGAT AATGAAAGAA AAAAAAATA AAAAAA 2337
 Name: 252 Len: 3380 Check: 3E0
 GCACATCATG GTGCACTTCT GTGGCCTACT CACCTCCAC GGGGAGCCAG TGCGCTGAA 60

GAATATCTTT	ATGAGGCTTA	AATTTAGAA	TTTTGTGCTT	GGTGTGTCTT	AAACTTTGAA	120
CTATAGAAAT	GAGGAGAAAG	TTCTTTTGG	GGCTTTCTTT	GTGTTCCCCA	TGGATGAGA	120
CTCTTATGTT	TACAGCTTTG	AGGCTTTGGT	GGATGGGAAG	AAAATTSTAG	CAGAAATTAA	240
AGATTAAGATG	AAAGGCTGCA	CAAGCTATGA	GAAAGCCATC	TCCCAGGCTC	ACCAGGCTTT	360
CTTATTGAGG	GGGAGACGCA	GCTTCCAGGA	TGTCTTCTCT	TGCAATGTBB	GTAACCTCCA	360
ADCTGCTGCT	AAGGCGGCTAG	TCACTCTGAA	GTATGTGCTG	GAGCTGCTCT	TGSAAGCAGA	480
TGCTGCTTCT	GGCTTCTGCT	TCCAGCTGCT	CCTGAATCTT	AGATACTGCT	TCTCTGGGTC	480
GTCTAAGGAC	ATTGCTCTTA	ATGTGAAGAC	TCTATAGTCT	CCTGTGGAAG	ACCTGCTCTA	540
CATCTTCAAG	ATGCTCTCTA	CTATAGATTC	CCAGCTGCTT	ATTGAGAAAG	TCCAACTTAA	600
CTCTCTCTCT	AGTCTCTCTG	AGTCTCTAGG	AGAGGACAAAG	ACTTCTCTCT	AGGTTTCTCT	600
GGCTCTCTCT	CACAACTTTG	ATGCTGCTCT	GGAACTCTCT	ATTTACTACA	ATGAGGTGCA	720
TACCTCTCTA	GTGCTTTTCT	AGATGGGCT	GCTTAACTCT	AAGCTAGGCT	ATTTGATGCT	720
AGATCTCTCT	GCAATGCTGA	GTCTCTATCT	AAATATCTCT	GAAGATCAAC	CATCAAAATC	840
CTCTGCTGAG	TTTATCTTCT	TCTGCTGCTG	CTCTGCTGAG	ATGCTGCTGCT	CTATGAGTAG	900
CCAGGATACA	TCTCTCTGCT	AATACAGGCA	GCTTAACTCT	CACTGATTTT	GCTCTGAAAG	960
AGTTTAACTA	TAGGCTGCTT	TTTCAACATC	TATGCTGCTT	GCTCTTCTCT	TGAGGCTGCT	1020
TTTCTGCTG	GTCTGAAGTA	CACTGCTGCT	ACAATGCTG	AGGCTCTGCT	GAGAGTGAAG	1080
CTTATCTGCT	CTTCTGCTG	GGCTCTGCT	ATCTTCTGCT	CACTCTGCTG	CATTTCTGCT	1140
GGAGCTCTCT	TCTCTGCTG	CTTCTGCTG	TTTCTGCTG	TTTCTGCTG	AGTCTGCTG	1200
GAGCTCTCTT	GTCTGAATTA	AGAAGTTAGG	ATCAACAGAC	AGAAACACAG	GTCTTCTCTA	1260
TTTCTGCTG	GAGAACTGCT	CTCTGCTGCT	CTTCTGCTG	GTCTTCTGCT	GGCTCTGCTG	1320
GGCTCTGCTG	AATTTATCTG	AGGCTGCTG	AGGCTGCTG	CCAAGGCTCT	CAGGCTCTG	1380
AAAGCTCTCT	TGCTGCTCT	GGTCTGCTG	GTCTCTCTG	GCTGCTCTG	GCTCTCTGCT	1440
CTCTCTGCTA	AAATGCTTCT	CTCTGCTCT	ACTGCTCTCT	TTAGGCTGCT	GAGATTAATC	1500
AGCTATGCTG	AGCTGCTGCT	GAGCTGCTG	GCAGCTGCTG	CAACAGGCTG	AGTATGCTCT	1560
AAATATGCTG	TCTGCTGCTG	GAGCTGCTG	GATGCTGCTG	CATTTCTCTG	ACAAGCTGCT	1620
CCTGCTGCTG	AGCTGCTGCT	TCTGCTGCTG	GCTGCTGCTG	CCTGCTGCTG	GAGCTGCTG	1680
ATGCTGCTG	GAGCTGCTG	AGTCTGCTG	AAAAAGCTG	CATGCTGCTG	TAGCTTCTG	1740
TCTGCTGCTG	TAAGCTGCTG	CAGCTGCTG	ATTGCTGCTG	ATAAGGCTG	CAACAGGCTG	1800
GTCTGCTGCT	CTCTGCTGCT	TAGGCTGCTG	CCAAGGCTG	TTCTGCTGCT	TGCTTCTGCT	1860
CTCTGCTGCT	CTCTGCTGCT	ATCAGCTGCT	CGAAAGCTG	TACTCTGCTG	CTCTCTGCTG	1920
CCATGCTGCT	TAAATGCTG	ATCAGCTGCT	TGTTATAAGG	CCAAGCTGCT	CCAGCTGCTG	1980
TCTGCTGCTG	AGCTGCTGCT	GGAAGCTGCT	AAGGCTGCTG	ACAGCTGCTG	CTTTGCTGCT	2040
GATTACCTG	TCTGCTGCTG	GATAAGCTG	AAGGCTGCTG	GTTCTGCTG	TCTGCTGCTG	2100
AATCAGCTG	TGCTGCTGCT	TTACCTGCTG	AATGCTGCTG	TGGCTGCTG	GCTGCTGCTG	2160
GATCTGCTG	AGATCTGCTG	TATGCTGCTG	GGCTGCTGCT	TCTGCTGCTG	CAGCTGCTG	2220
CTTCTGCTG	CCTGCTGCTG	GGCTGCTGCT	GAAAGCTGCT	CGCTGCTGCT	GATGCTGCTG	2280
AAGGCTGCTG	AGTCTGCTG	GGCTGCTGCT	AAAGCTGCTG	TTACTTCTG	GAAGCTGCTG	2340
CATGCTGCTG	CCAGCTGCTG	TTCTGCTGCT	TACCCTGCTG	AAAAAGCTG	GCTTTTAAAT	2400
GTGCTGCTG	CTATCTGCTG	CTTTTGAAGA	TGCTGCTGCT	ATGCTGCTG	GTGCTGCTG	2460
ACTCTTCTG	TTTTGCTGCT	AAAGTAAAGG	ATGCTTCTG	CACTTCTGCT	CTCTGCTGCT	2520
GGTCTCTGCT	GGATATGCTG	TTCTTCTGCT	CAACATGCTG	CCTCAGCTG	GTGCTGCTG	2580
TCTCTGCTG	TATCTCTGCT	CTGCTGCTG	TTCAAAACAT	TCATAGCTG	TAATGCTGCT	2640
TCTCTGCTG	CCAGCTGCTG	AACATGCTG	ACAGCTGCTG	TGAAGCTGCT	ACTAAAGCTG	2700
CCAGCTGCTG	TCTCTGCTG	TCTCTGCTG	AGAGCTGCTG	CTGCTGCTG	TTTCTGCTG	2760
CCAGCTGCTG	CTTCTGCTG	TATCTGCTG	ATCTGCTG	GCTTCTGCTG	GAGCTGCTG	2820
CACTCTGCTG	CTTCTGCTG	TATCTGCTG	TGTAATGCTG	AGATCTGCTG	GACAGCTGCT	2880
AGGCTGCTG	AAAGCTGCTG	TCTCTGCTG	TGCTGCTGCT	CCTGCTGCTG	TCTCTGCTG	2940
GGCTGCTGCT	ACTCTGCTG	GTGCTGCTG	TGCTGCTGCT	GCCTGCTGCT	CTGCTGCTG	3000
CTTCTGCTG	CTGCTGCTG	TATCTGCTG	TTCTTCTGCT	TTCTTCTGCT	GAAGCTGCTG	3060
ACTCTGCTG	TTGCTGCTG	ATGCTGCTG	GTGCTGCTG	AGTCTGCTG	TGCTGCTGCT	3120
ATGCTGCTG	TATCTGCTG	TTCTTCTGCT	CTTCTGCTG	GAGCTGCTG	TGCTGCTGCT	3180
CACTGCTGCT	AAAGCTGCTG	TTCTTCTGCT	ATGCTGCTG	ACCTTCTGCT	CTCTGCTGCT	3240
AGCTGCTGCT	GAAGCTGCTG	GCTCTGCTG	TGCTGCTGCT	TAACTGCTG	TGCTGCTGCT	3300
CTCTGCTGCT	GAAGCTGCTG	CTTCTGCTG	AAAAAACTG	AAAAAACTG	AAAAAACTG	3360
AAAAAACTG	AAAAAACTG	AAAAAACTG	AAAAAACTG	AAAAAACTG	AAAAAACTG	3420

Time: 123

Len: 6823 Check: 1202

GGCTGCTGCT	AGGCTGCTG	GATCTGCTG	GGCTGCTGCT	AAGCTGCTG	CATCTGCTG	60
TCTCTGCTG	GGCTGCTG	ATGCTGCTG	GGCTGCTGCT	AGGCTGCTG	ATGCTGCTG	120
CCAGCTGCTG	AGCTGCTG	AGGCTGCTG	AAAACTGCTG	TATGCTGCTG	AAAGCTGCTG	180
TGCTGCTGCT	TCTGCTGCT	CTCTGCTGCT	TCTCTGCTG	AAAACTGCTG	AAAACTGCTG	240
TAAAGCTGCT	AGTATGCTG	AAATGCTGCT	AGCTGCTGCT	ACTTTGCTG	AAAACTGCTG	300
GGCTGCTGCT	AAGCTGCTG	AGGCTGCTG	GGCTGCTGCT	GAGCTGCTG	AGGCTGCTG	360

TTTCTCTCTCT	GAAGGAAGTG	ATGGTAATAA	ASTGAAAACA	TTTCTGGAAG	GGTCTCTCT	401
TTATCTCACT	AAAGGAAGAG	ATGAAGCAGA	TGAAAAAAGA	GGTAAATCT	ATAGCCCATC	430
TTCTAGATTT	GCAATCAAAA	AAAACTCTCC	AAATCAGTCT	TTCAATGAAA	GACCACTATC	540
TCTTCTCTCT	ATAGAAACCA	AAAAAATCTCC	ACTTAAAAAA	GGAGAGAAAG	AAAGAAAAAA	600
AAGCAATTTG	GAATCTTTCA	AAGAAGAATT	AAAGCAAATT	CAAGAGGAAC	GTGATGAGAG	620
ACATAAAACA	AAAGGCAGAT	TAAGTCGATT	TGAACCTCCT	CAGTCAGATT	CTGATGGTCA	720
GCGTCCTTTT	ATGAGCGGCG	CTTCAAGAAG	AAATAGATCA	TCTGGTCTTC	TTGATGATTA	780
CGCATCTGCT	TCATATGATG	PAGGAGATCC	AAGCACTACT	AATTTATACC	TTGAAACAT	840
TAATCCACAG	ATGATGGAAG	AAATGCTCTG	CCAAGAATTT	GGAGAGTTTG	GACCTGTTAGC	900
CAGTCTGAAA	ATCATCTGGC	CTAGAACTCA	TGAAGAAAAG	GCCAGAGAGA	GAAATTGCGG	960
CTTCTGCTGG	TTTATGAATA	GAAGAGATGC	TGAAAGAGCT	TTAAAAAATT	TGAATGGAAG	1020
AATGATTATG	TCTTTTGAAA	TGAAGTTAGG	TTGGGGTAAA	GCTGTACCTA	TTCTCCACA	1080
TTCAATATAC	ATTCCGCTTT	CTATGATGGA	ACATACGCTT	CCCCCACCTC	CATCCGGAAT	1140
GCTTTTAAAT	GCGCAGCCTA	GAGAGCGGTT	AAAAAACCTT	AATGCTCCTA	TGTTACCGCC	1200
AATTAATAAC	AAAAGAGATT	TTGAGAAGAC	TCTGTGCGAA	GCCATAGTCA	AAGTGGTTAT	1260
CCCAACAAG	AGGAATTTGC	TGCGCCTGAT	ACATCGAATG	ATAGAGTTTG	TTGTACGTGA	1320
AGGCAATATG	TTTGAAGCTA	TGATTATGAA	CAGAGAAATC	AACAATCCTA	TGTTCAAGTT	1380
CTATTTTGA	AATCAGACAC	CAGCCCATGT	TTACTATAGG	TGGAAGCTTT	ATTCTATTCT	1440
GCAGGAGAT	TCTCCAACCTA	AATGGCAGAC	GGAGAGTTTT	CGTATGTTCA	AAATGGATC	1500
TTTTTGGAG	CAACACCAT	TAAATCCGTA	CTTGCACTGA	ATGTCAGAAG	AGCAAGAAAC	1560
AGAAGCTTTT	GTAGAGGAAC	CTAGTAAAAA	GGGAGCACTT	AAGGAAGAAC	AGAGGGATAA	1620
ATTGGAAGAA	ATCTTGCGGG	GATTAACCTC	AAGGAAAAAT	GATATTGGAG	ATGCAATGGT	1680
TTTCTCTCTT	AATAATGCTG	AAGCTGCTGA	AGAAATAGTG	GATTGCATTA	CTGATCGTT	1740
GTCCATCTTA	AAGACACCCC	TTCTAAAAAA	GATTGCCAGA	TTATATTTGG	TTTCTGATGT	1800
TTTCTACAA	TCTTCAGCCA	AAGTTGCTAA	TGCTTCATAT	TATAGAAAAT	TTTTTGAAAC	1860
AAATTTATAT	CAGATATTTT	CAGACCTCAA	TGCCACCTAT	CGTACAATTC	AAGGCCATTT	1920
ACATCTCTAA	AATTTTAAGC	AACGGGTAAT	GACTTGCTTC	AGAGCATGGG	AAGATTGGGC	1980
AATTTATCCA	GAACCATTTT	TGATCAAAT	ACAAAATATT	TTCTTAGGAC	TTGTAAATAT	2040
TATTGAAGAA	AAGGAAACAG	AGGATGTTCC	AGATGACCTT	GATGGTGCCC	CCATCGAGGA	2100
AGAGCTTTGAT	GGTGACCTC	TGGAAGATGT	AGATGGAATT	CCTATTGATG	CTACTCCCAT	2160
CGATGATCTT	GATGGAGTCC	CTATAAAAAG	TCTTGATGAT	GATCTTGATG	GAGTGCCTTT	2220
GGATGCAACT	GAAGACTCAA	AAAAGAATGA	GCCTATATTT	AAAGTTGCCC	CATCAAAATG	2280
GGAGCTGTG	GATGAATCTG	AATTGGAAGC	ACAGGCTGTT	ACAACCTCTA	AATGGGAATT	2340
ATTGGAACAG	CATGAAGAAT	CAGAAGAAGA	AGAAAATCAA	AATCAAGAAG	AAGAAAGTGA	2400
AGATGAAGAA	GATACTCAA	GTTCCAAATC	TGAAGAACAT	CATTTGTACT	CTAATCCAAT	2460
CAAGAGAGAA	ATGACTGAGT	CTAAGTTCTC	TAAGTACTCT	GAAATGAGTG	AGGAAAAACG	2520
AGCCAACTTT	CGTGAAATTG	AGCTCAAAGT	TATGAAGTTT	CAGGATGAAT	TGGAATCTGG	2580
GAAGAGACTT	AAAAAACCCAG	GCCAGAGTTT	TCAGGAGCAA	GTAGAACACT	ACAGAGATAA	2640
ACTTCTTTAA	CGAGAGAAAG	AGAAAGAGTT	AGAAAGAGAA	CGAGAAAGAG	ACAAGAAAGA	2700
TAAAGAAAAA	TTGGAATCTC	GCTCCAAAGA	CAAGAAGGAA	AAAGATGAGT	GTACTCCGAC	2760
AAGGAAGGAA	AGGAAGAGGC	GACACAGTAC	ATCCCCCAGC	CCATCTCGCA	GTAGCAGTGG	2820
TAGAGGAGTG	AAATCCCAT	CACCAAAATC	GGAGCGATCA	CGAGGTTTCA	AAAGATCTCA	2880
TAAAGAGAGC	TCAAGGTCCA	GCTCATCTCA	CAAAGATTCT	CCTAGAGATG	TTAGCAAAAA	2940
AGCCAAAAGA	TCACCATCTG	GTTCAAGGAC	ACCTAAAAGG	TCTAGGCGAT	CACGGTCTAG	3000
ATCTCTTAAA	AAATCAGGAA	AGAAGTCCAG	ATCCCACTCC	AGATCTCCAC	ACAGGTCTCA	3060
TAAAGAGTCA	AAGAAAAACA	AACACTGACG	TAAATTTTTA	AGATGCTGTC	ACTTATTGGA	3120
AATGCTATTT	GTTTTGTGCC	TGAACGCTCT	GTTTTTTAAA	AAAAACAAAA	ATCAAAATGAA	3180
AGAGCAITTC	TGGGGTTTTT	TGTTTGTITG	TGTATGCATG	TGTAAACTCA	TGAGCAACTG	3240
CATCTCTAGA	TCTGTCAATTG	TTTTATATTG	TGTAAATTAC	TTTCATTGTG	GCTATTCTTC	3300
AAGATGAAT	TTTTATTGTT	CTAATGGATT	TCATCAGAAA	TGTGTATAAT	GGATCTGCTG	3360
ACAGTAGTAG	TATTTTGTIT	TAGGATGTTG	TGACTTAGCA	AAAATAATAC	AGATGTCTTC	3420
CTCCCTTTTG	TAGCTTTGAC	AATTTGAATT	AGATTTTCAA	TAAATCTGTA	ACAGAAAACT	3480
ATAATCTTGT	TTTTTTGCCC	CACCGGTGAT	ATTAAGTCCC	TTAAAGTCCCT	ACTGAGTTTC	3540
AACTACTGT	TCTGCTTCTT	ATACCTGATG	CACCTTTATA	GCCCCAGTGT	TCAAGTAGCT	3600
TAGTCTTAT	ATTTACTAAG	ATGACTATCC	AAATTAAGGG	ACCTGAGACT	CCTATTGTTG	3660
GCTTGTCTAA	CAATTTGCTT	TTGATAAGTT	TCTCTTGGGT	AATACTAATA	CCAGATATC	3720
AAAGACTAGG	TAGATATGGC	ATGGCGTTTT	GTTAGTGGAA	TGCTTGCTTA	AAACATTTT	3780
TTCAACAAG	CAATATGATT	TCCATACATC	CAACCATCTT	TCTGAGCAAC	TACTTACTTT	3840
TAGGGGAAA	TAAATATCT	TTTCATTTCC	TCTTCTATTA	TGAAAGAAGT	TTATTTGTAA	3900
AACAAATTTT	CTAACAAGGT	TTGGCCATAG	AATTCCTCTG	TAGATTGTT	GACCTTTTAT	3960
AATCTTCTGT	AGGCIATCTT	TCAAAACACTG	GCATCAGAAT	ATTTTTTATA	AGTTTGTGTT	4020
TAAACAGCTT	ATTTGGTCCC	CCCCCCTACT	CCCAAGAGAC	TTGGGTTTAG	TTATAGCTTT	4080
AAGTAAATTT	TAAAAATAAA	ATGTTTTTCA	GGAAACTTGG	TATCTAATGG	TTTGTAATTT	4140

TAAAGTTGAAA	AAAGTTGATT	TAAACCATT	GCAGAGTTGA	ACTCTATTAT	AAAAATAAAT	4200
TTGCTACGAT	ATGAGGAAAG	AATAAACTT	GTGTAATGTT	GGTCATAATA	CTGCTATAAA	4260
TATAATAAAG	GGTTATGTAG	AATTGAAGT	ACACTATTAT	TTGTGAATCT	TGATTTTCAGT	4320
TTTTTATGTA	GGCACTTCAT	ACACTGGTTT	GATGGGTTTT	TTTTTTCCTC	CTTAAAGAG	4380
AAAGTAGAAA	ACTATTCTAA	CAATGGATTA	TTTTGATTTA	GCTTGCTTTT	TAAAAAATC	4440
TTTTCAACTT	GTTTACTTTA	ATCTTGCTTA	GTCACAAAAT	AAGATGTGCA	CCCATGGTTT	4500
GGAGAGTTCC	TATATTAGCT	GAGCAGTGAG	ATACACTATT	TCCAAACGGT	GCACACCTAC	4560
AGTAGCTTTG	GAAATGAGCC	AATCACTGTT	TTACTTAATG	GTTCTTATCA	GCATGCAAAAT	4620
ATTGCTTAAA	ACTTATTTC	TTATTCACTG	TTTTGTAGT	CCATTTTGT	AGGAAACATT	4680
AATTCCTAAA	AATTTGTTCA	GAATAATTAA	AAGTGAACAT	TTGGTGTGTA	TACTCAAAAA	4740
CTTACAAATG	TAGCCATTTA	AAAAGTAACA	TGTTTTTCTC	CCCTGCTCAT	TGCTGGGAG	4800
AATGGAATTT	TATATACTA	CCTTTCTTTG	CAAAAAATAAC	GGTGGTGTGG	AGTTGGTGGT	4860
GATTTTGGCA	TTCATCTTTG	CACTGGTTTC	TAGTATAGGC	TTAGAAATAA	TTGGTCAGGT	4920
AATAATCTTT	CCAGTCAAGT	TGCAAGGGAT	GCTTATTTCT	CTTCAAAAAA	AGACATCTTG	4980
CGGGATTGAG	TAGAAAATTT	TAGGTCAAGT	TTGGGTGCTT	ATTTGTAATA	TTTTTCTTAC	5040
TACATTGGAG	TTTAGCAGTT	CTTTTTTCT	GGATCCAGAT	ACAAGTGTC	TGGTTTATCT	5100
TACAGTGGGT	GAAACTGACT	TTCTTTTGGT	TGGGTGGGTG	AGGATTTCTT	AGGCTGATA	5160
GAATATATAT	TCTTTGAGT	TTGTTAATGT	ACATATTAGA	TTGATTTGGA	TTTTTTTTTC	5220
TTGAATTGCA	AATGGTATTA	TTAGATAGGT	TATTTCCAGT	TTACTTTCAT	GACAAATTAC	5280
CTAGAGTAAA	CCTACTTAAT	ACTCCAATGG	ATTCTATGAA	AGTTTAATGG	GATCAGAAAT	5340
TGGTGACTTA	TAGGGGGGAA	GATATTCTAC	CATATTTTTA	TAATAGCTTA	TTATTCATGT	5400
TTCTTGCTCG	AAGGACACTC	AAGTTACAGA	GCAAAATTTT	TATAGGTTGA	CTAGAAATGT	5460
CATAAGCATG	GTCTTCCAGT	TGCAGGAAAG	ATCATGTTCT	ATCTGTGGAC	ACTTACTCTC	5520
CTCTACACCA	GCTACGTGCC	AGAGTTGTTT	TCCACAGTTC	TTATAAAGGG	CATGACTTAG	5580
GCTCTTTACC	CTCCACTTTA	ATGTTTATAC	ACAGGGATTG	TTTACTAGGT	TAATGACATT	5640
TAACTGCTCT	CTCTTCTGTA	GGTGAGAGAA	AATAAGTAAG	TCTTGATCTG	TTTCTTACCA	5700
AAGAGAGACA	GACCTATGAT	GGAAAATGAT	CACGTCTCTG	AATTTTTTCT	TTAACGTTAT	5760
AGTTCCTTAT	TACAGATAGT	AAGCATATGG	GAATTTCTGA	GCTATAACAT	GTGAGAGAGT	5820
TAGAAATTAA	AACTAACACA	ACAAAAGGCG	CTGAATCAAA	AGATCTTTGC	TTTTATTGGG	5880
CTCAGAATGT	TTTTGGCTTT	TCTGCTAAAG	ATGGCAGAAA	TTACTCTACA	CAGACCTGAT	5940
TTTTCTTTAT	TGCAGACCAT	TCTTGTTGGG	TTACCCTGAG	ACTTTTATCC	CAATTAGTGA	6000
ATCTTGGAGG	GAATACTTGC	TTATTTATGA	CTTAGGTATT	TCCCCCAAAA	CTTTAATATT	6060
CTTGAGCACT	TGAAAATACT	TTTGAGAAAT	TTTAACTGTG	ATTAAATTTA	GGTTTATTAG	6120
AAATATTCTG	TACACATTTG	CCTCCATGGT	GGTGTAAAGT	CTGAAAAAAT	ATATGACCGT	6180
GACAAATAGT	TATCATCATC	ATTATTGTTA	TTCAAAATAA	GGGTAAATAA	ATCTCTGTAT	6240
TGCCAAAGTG	ACTTAAACTG	TTCTGATGAC	CACACAGTGT	GATTTCTTTA	GCAGAGAAAG	6300
TTGGTTTTTAA	AAATAAATAG	TACCACTTTT	CTAAGACTGT	ACAGTTTACA	AATAAGGTTT	6360
TTTTCTTTGT	TGTTTTCTCT	TTCTATTAA	TTTTAGTGAA	AAGCCTAATT	ACAGAAAAAT	6420
GTGCAGATAC	TAGTGAAGAT	ACTAGTATAA	GTTTTAAAGGA	ACATGTGACT	GTAAAACTCT	6480
ACATTTACAA	AGTGGTTGAT	CTCTTCATAT	TTCACACGCA	TGTTTTAGAA	TAGATTTTAG	6540
GGAGTGTTTA	ATTCAATTATC	CTTTTGACTT	AAAATTTTGT	TTACCAACTT	CTTAGGACTT	6600
AGATAATATA	TAAATAAGTA	CAAATCCCAG	GGGAAGTGT	GTGATGCTAG	ACTAAAAGGT	6660
GGGAATGTGC	TGCTTTCTCG	TGAGCCTTGT	TCCATTGTTG	AAAAATTGAT	GGCTCAGTGT	6720
TTATTACAGT	CCACCTCATG	GAGCTTCAAT	GTAATGGAT	TATATGTATA	ATTGGTAATT	6780
TGTATAGTTT	TGTAGATTGT	AGATTAAATG	CATCTATCAT	GTC		6840

Name: 254 Len: 6252 Check: EDD

GGGGGGGGCA	ATGGCACTGC	AGCTCTGGGC	CCTGACCCTG	CTGGGCTGTC	TGGGGCGCAG	60
TGDCAGCCTG	AGGGCCCGCA	AGCTGGACTT	CTTCCGCGAG	GAGAAAGAGC	TGAACCACT	120
GGCTGTGGAT	GAGGCTTCAG	GGGTGGTGTA	CCTGGGGGGG	GTGAATGCCC	TCTACCAGCT	180
GGATGGGAAG	CTGCAGCTGG	AGCAGCAAGT	GGCCACGGGC	CGGGCCCTGG	ACAACAAGAA	240
GTGCAGGCG	CTCATGAGG	CCAGCCAGTG	CCATGAGGCT	GAGATGACTG	ACAATGTCAA	300
CCAGCTCTTG	CTCTTGAAG	CTCCACAGAA	GGGCTGGTGG	GAGTGCGGCA	GCTCTTTCAA	360
GGGCACTCTG	GCTCTGCGGG	CCCTGAGCAA	CATCTCCCTC	CGCTGTTTCT	ACGAGGATGG	420
CAGCGGGGAG	AACTCTTTGG	TGGCCAGCAA	TGATGAGGGC	GTGGCCACAG	TGGGGCTGGT	480
GAGCTCCAGG	GTCTCTGGTG	GTGACCGGGT	GCTGTTTGTG	GGCAAAGGCA	ATGGGCCACA	540
CGACAACGGC	ATCATGTGTA	GCACCTGGCT	GTTGGACCGG	ACTGACAGCA	GGGAGGCTTT	600
TGAAGCCTAC	ACGAGCAGCG	CCACCTACAA	GGCCGGGTAC	CTGTCCACCA	ACACACAGCA	660
GTCTCTGGCG	GCTTTGAGAG	ACGCCCCCTA	GCTCTTCTTT	GTCTTCAATC	AGCAGGATAA	720
GCACCCGGGC	CGGAACGGCA	CTCTGCTGGC	ACGCATGTGC	AGAGAAGACC	CCAACCTACTA	780
CTCCTACCTG	GAGATGGAGC	TGCACTGGCG	GGACCCCGAC	ATCCACGCTG	CTGCTTTTGG	840
CACCTGGCTG	GCTCTGCGCG	TGGCTGCGCG	TGGCTCTGGC	AGGGTGTCTAT	ATGCTGTCTT	900
CAGCAGAGAC	AGCTGAGGCA	GTGGGGGGGC	CGGTGCGGGC	CTGTGCTGT	TCCGGCTGGA	960
CAAGGTGCAC	GCCAAAGATG	AGGCCAACCG	CAACGCTGT	TACACAGGCA	CCCGGGAGGC	1020

[illegible]

GGTGGAGAG GCGAAGTCCA AGACAGGCGA GTTGAAGAG AAGGAGCGGA CGAAGGCCAT 4880
 CACGAGATC TACTTGAAGT GGCTTCTCTC AGTCAAGGCT AACTTGCAGC AGTTTGTGGA 4920
 CAAATTCTTC CAAATCTGAT TGGCTCTCTG GACAGCGGTG CCACTTGCAG TCAAGTACTT 4960
 CTTTGAATTC GTGAAGGAGT AGGCAAGAA GCAAAACATC CAGGAGGAAG ACACCATCCA 5040
 CATCTGAAG ACGAAGAGCT TACCTCTCTG GTTCTGGGTG AACATCTCA AGAACCCCA 5100
 CTTTATCTTT GACGTGCTATGCCAGAGGT GGTGAGCGCC TCGGTGTCA TCACTCGCGCA 5160
 GACCTTCATG BATGCTTGA CGCGCAAGGA GCATAAGCTG AGCCCGGATT CTCCCAGCAA 5220
 CAAATCTCTG TACGCAAGG AATTTCTCAC CTACAAGAA ATGTTGAGG ATTACTACAA 5280
 GGGATCTTG TATATCTCTG AGGTGAGCA CCAAGCATG AADACACACC TGGAGAGAT 5340
 TTTTGGGCG TATATCTGAT CTTTGAACAC CTTGCTGGCA CTCGAGCAGC TCTACCAATA 5400
 CAGGTAGAA TACTATGAG AGATCTTCA TGGCTTGGAG GAGGATCTT CCGCCAGAA 5460
 GATGCAAGT GCTTCTCTCT TGCAGCAGAT TGGCTTGGCA CTGGAGAAAG AGGTCACTGA 5520
 OCTCTGACT ACAATCTCCA GTGCTGCTT GGGACATAG TACCTGAGGT ACCTGAGAG 5580
 CCTTCAGGG AGGAGGCCGA GTGGCTGTG CTGAGGCCCC CACCTCTCCC TGGAACCGCG 5640
 CCGAGCGGG AATGGGTGCA GCCGGAACCC GCGCAGCTC TAGACTGTAG CATCTTCTC 5700
 TGAGCAATAC CCGCGGCAC CGCACCAGCA CCAGCCCGAG CCGCAGCTC GCTTACGCT 5760
 AGAACCAGCA TCGGTGTTC ACTGTGAGT CTCGAGTAT TTGAAATCT GCTTACGCT 5820
 GCTAGCTTG TGGAGCTTG CTTCTCTCTC CGCCAGCTC CCGCAGCTC CTTCTATGCT 5880
 CTAGGTTGG CCGCTGGGG ATCTGAGGG CTGTGGGCC CAGGCAAT TCCAGATCT 5940
 TATGTCTGT TGTCCACAC GAGATGGAG GAGGAGAAA AGCGGTACGA TGGCTTCTG 6000
 ACCTCAGCG CTTCCCAAG GGTGCGGCA CTCTGGGTG ACTCAGGT GCTGGGCCCC 6060
 AGCTCAAAG TCAAGTGAGA CGTAGGTCAA GTCTACGTC GGGGCCAAG CATCTGGG 6120
 TTCTGGTCT TCAAGCAGG TGCCTAGAG CCCCACCCAG TCCGGGGGA CTGGGAGCAG 6180
 TTCCAAGAC ACCCCACCC TTTTGTAAA TCTTGTTCAT TGTAATCAA ATACAGCGTC 6240
 TTTTCACTC CG

Name: 255 Len: 7334 Check: 616
 CTTCTGAAG TACGAGGCC CGCCGACAG CAGAGCCAG TCCGCGCTAG CCGAGGCCCT 60
 CCGTGGAGGT GACGCTTTC AGTCCACACA TACTGGGACC CCGGGGAGAT ACTCAGCAG 120
 ATCCGAGCCT GCTATGTTTC AGAGGCAAGT CCGCGCGGA CTCGAGCGG GCGGGGAGG 180
 CGACGGTGTG CTGGAAGGAC GAAGAAGGAC GGACGTTAAA GAGCTTCTG CCGCTGATTG 300
 AAAGCGCGGG AAGGAGGCGT TTCACAGGAC GTGAAACGG GCGGTTTGG GAAGTTTGA 360
 GTCATCAGAG GAGCACTTCC TTCACAGGAC GTGAAACGG GCGGTTTGG GAAGTTTGA 360
 GACCATCTCT CCGCGACCAA AACCGTCAA AGGATTATCA GACACGCGG TCGGACGCT 420
 CACATCAGCC GGCAGCCCG GCGGCTCCCG GGGTCCGAGC AGCGCACTT CCGTGAGCTA 480
 TTTGTTTTTG TATCCCTCCG CCGACGTCAA CCGGAAAGTA CCGGACCGG CTCTCTCGGT 540
 GGTCCGGGGT GTTACAGCCA CGTGACAACG CAGGACCGG CTTTCCCGCT CTTTGTGTTA 600
 CAGACGTGAG GGTCTTTTG AGACGTAAAC ATCTCCGAGT GCGGAGGGT GCGGGGGCTA 660
 GGGCTTGGGA AAGGGCGGG TGGCTTGTG GAGGTGTGGA AAGACCAGAA GAAGGTGAGG 720
 TCAAGAGAGT GCGAATGAGG CATTCCAATG GTGGGTGGG CCGTACCTGA GAGAGTGGG 780
 CCGGAGGGG TGAAGCGCG GCGATCTGG AACGCCAGG GCGCTTGGG CCGATGCGG 840
 AAGGGCGGG CGATTAGGTC ATAGAGCGG TCCAGCGGT CCGTCCGGG TAGGAGCGG 900
 TCCAGACTAC AAAAGCGGT GCGGAAAAG GCGCGGCACC TCATTCACTT CAGCGGTCT 960
 CTAGTAGTGC AGCTTCCGGT GGTGTCTCG GTTCTCTCC CCGCTTCTTA TACTCTCTG 1020
 CTTTCCCGGT CATCGAGGCC ATTTCCAGC ACTTGTGCA CCGTTTTCTA TACTCTCTG 1080
 TCCCGGCTAA CCGCAACCAT TGACGCCATG TGGGTTATT CGAGTGACC AGACCGCGG 1140
 CCGGACCGAG GTTATTCTGA GTGACCGAGA CCGCGGCCAC CGAGGGTGA TTTGGGAGC 1200
 GAGCTGTGAG GCGAGGCGG TGGGGGGAT GAGGGGCGG TCAGGGTGG GCGCGGCGG 1260
 GCGTTTGGG CTTGGAATTG GCGTTTCCG GCTATCTTG GACTTCTTT CCGGAACGTT 1320
 GCGGCATTTT GATATTCAAG TCACAGTGAT TGGAAAGAG TTGACGCTG AGTGTCTTA 1380
 AGCTTCTTTT TTGTGTGGG ATTTGGGGAG CTGTCCGGGC GCGTCCCAT TGGTAGCTG 1440
 TGAGGGAGTT GAGAGGGAAT GTATTGTGG BATGAAAGG GAGCTTCTA GGCATGAGGA 1500
 AGGAACATCT CTAGGTGGG GCGTTTCCG AGTGTTTTT GCGGTCTCT GGCATTCTG 1560
 GCGAGCGAG GAGCACTTC CAAAGCCCTC TGGCGGCTC GAGCATGGT GCGGCGGCT 1620
 CAGCCATGTC GTTGAATGAG GAGTACAAA TGGCGAGCT GAGAAATCT GCGGCGAGGA 1680
 TTTTACCTG CCGGCTGAG GAGCTCAAAA TGGCGAGCT GAGAAATCT GCGGCGAGGA 1740
 GAAATGCGAG ACAAAGGGG AAGCGCGGC CAGAGCGGA CCGGCGGCG CCGATTCCG 1800
 CCGGCTCGG ACTCTCTCT CCGTAGTGG CCGCTCTCT TTTTCTTTT TCGTGGTTA 1860
 TATAATTTTG ATTCTTGTG CCGAGCTCT ACCGCGGCT TCTTATCGT GACTGTACT 1920
 GCAGAAATST TTCTGAGAAA ACCCTTGTG CTATATGAG AACTATGTG TGATGTCTT 1980
 TACCATCAAA GCTGTCTGT TCCAAAACG CTATATGAG AACTATGTG TGATGTCTT 2040
 CCGTTCTATG AGCTTGTTA TTCTGATAG TGAATGCTA GCGTGTGGA GAGGATTGA 2100
 GTAACCAAA GAAATGCTGT GTGCCAGAA CCAAAATTCT GCGATGTGG TGACAGTTT 2160
 CCGACATGAT AAATCCCGG CTTCCGACAT GATAAATCC AGCTGTTTA CATGACTAA 2220

TTAATGCTA GTTGGGTA TGGAAATST TAACTSTGGG TTTT GAGA SA GAGAGACATT 2340
TTACGAGAGG ACAGTGGCTAG GTTTACCTCT CGAAGTCTGT TTTTCAGTGGT TTTTAGCTTG 2340
TGCDAAFGGA TGACAAATCT ATACAGAAAG CTGGGSTATAG CCTAAAGAAA ATGTGAATTA 2400
CGTTCTTTTT CATTCAGCT TTGGTGCAGG TCGATTGGGA GGAAGTAGGG CAGGGCCCTT 2460
ATCTGGAAAG AAGTTTGGAA ACCCTGGGGA GAAATTAGTT AAAAAGAAST GGAATCTTGA 2520
TGAGCTGGCT AAATTTGAGA ACAATTTTTA TCAAGAGCAC COTGATTI33 CTAGGGGCAC 2580
AGCACTGAGT AAATTCATGT GCTTCATCA GCGCTGTAACT CSATCGTGGG TICTAGTAAA 2640
TGAATTTCTG ATAGGTSTTT TCAAAATAAC TCAATTTTGG TAGAGTTACA TGTCTGACT 2700
TCAATTTCTG GAAAGGTGTG ATTCATTTT GGAATATAGG TGGCTTTGGG ATTTTTACTT 2760
AAATTAGGTT GAGTATAACA AAAAAATTTT TTTTCATAAT AGGCTGTTCA TAGGTGGGTC 2820
AGATTAAAT GAAGGCTACT TTAAGTAGTT ACTAAATTA GAAGTTAGGG GCTTATCAAT 2880
TAGCTATTTA CTAAGGCTGG TGTGATGAAT TTAGACTGTA TATTGTTGG AGCAAGAGST 2940
GGAAACATAC AGAAGAAGCA AAGAAATTA AGTTAGAGGT CACAACCTGG CGAAGCCAST 3000
TCTAAATTTT TATGAASCCA ATTTCCCTGG TAAGTGCTAC TTTTCAGTTC TACCTACCG 3060
TGTTTTCTTT TCCACCTACC TCTCTTTTTT CTTGGCATCA CTAATTTTTA CTAATATCT 3120
GTTACTAATT ATAGCAAATG TATGAGATGT TATTGCAAGA CAGAATTTCA CTGAACCCAC 3180
TGCTATTCAA GTCAGGGAT GSCCAGTTGC TCTAAGTGGG TGGGATATGG TTGGAGTGGC 3240
AAGACTGGA TGTGGGAAA CATCTCTGT AAGTTTGGGA BAADCTTTBA GTTGATCTBA 3300
TATATGCAAG AAAATGTAAT GGTAAATTA AAACGAGTAT TTTAATGTBA TTTCTGTTG 3360
TCCCACTTT CACCTAAAT AGTATTTGCT TCCCTGCCATT GTCCACATCA ATCATCAGCC 3420
ATTCTAGAG AGAGGCGATG GSCCTATTGT AAGTATATAT TTTACTTTTA TTAGAAGCAT 3480
AATSTGTAGA TTTTAGACTA CATAGCTAAA GATGTAATCA TTTGTGGTGG TTTTATATAG 3540
AGGTTAGCTC ATCTATTCA GCTGGAGCTG TTTTGGGTAT TGGACAACAC CTGAAAGCTG 3600
GATCTGCTAG TATAATAAGT TAGCAGTTTA AAAGTAGTAC CAGGTTTGTG CTGAAAGCTG 3660
TTTCTCTTTT CCTTAGTGTG TGSTGCTGGC ACCAAGCTCG GAAGTGGGCT AACAGGTGCA 3720
GCAATAGCT GGTGAATATT GTAGAGCATG TCCTTTGAAG TCTACTTGT TCTACGGTGG 3780
TGCTCTAAG GGAACACAAA TACGTGATTT GGAGAGAGGT ATGTAATGAA AAGGTTTTTA 3840
TTTGTCTTTG GTGCTAAATA TCTAGGTAT TGTAAGTACA CTTACGTATT TAATTAAAGG 3900
TGTGGAAATC TGTATTGCAA CACCTGGAAG ACTGATTGAC ITTTTAGAGT GTGGAAAAAC 3960
CAATCTGAGA AGAACAACCT ACCTTGCTCT TGATGAAGCA GATAGAATGC TTGATATGG 4020
CTTTGAACCC CAAATAAGGA AGATTGTGGA TCAATAAGA GTAAGTGTCC TTTGAAATAT 4080
GTGATCAAAC TGAATTGTGT TTTACTCTTA AGAGTCTGAT ACTAATTTTT CCCCCAAAA 4140
TCCATTAGCC TGATAGGCAA ACTCTAATGT GGAGTGGGAC TTGGCCAAAA GAAGTAAGAC 4200
AGCTTGCTGA AGATTCTCTG AAAGACTATA TTCATATAAA CATTGGTSCA CTTGAAGTGA 4260
GTGCAACCA CAACATTCTT CAGATTGTGG ATGTGTGTCA TGACGTAGAA AAGGATGAAA 4320
AGTAAGTTTT ATTAAGCTG TTATATTGCT TTCCTAACAA CTTTGCTGTA AAATTGAGGA 4380
TCATTGTTTT GTGAGTTGTT TTAGGTTATT TCAGTTGGTG TGATTTCTATT TAGTTAGCCT 4440
ACTAATCTG AAAATTTCTT GAATCTTCAA ATAATGGCCG TCAACATTTA TAGCTTTCCA 4500
TATGAAGAA TGAATTCATG TGTCTCTGGT TGACTTAAGG ACCAAGGGTC GAAGTGTCTG 4560
ATAAGTGGAT TAGCAGGCGT CTCTCTCTT TTTGACCTTT CAGGCCATGT AAATTGAAGT 4620
CAATGTTTTG CTGACCATAA ATSTGTGGCC CTAGCAATGG TCTTTAAAA CTCAGGATT 4680
TCTTTCTCT CTCTATTAT TAGACTTATT CBTCTAATGG AAGAGATCAT GAGTGAGAAG 4740
BAGAAATAAA CCATTSTTTT TGTGSAACCT AAAAGAAGAT GTGATGAGCT TACCAGAAAA 4800
ATGAGGAGAG ATGGGTATGT GTGAGCTCT CTTGAAGCA GATTGATTAA AACAGCTTAG 4860
GAAGGCAAAA CTGAGTAC CAGCACTGGA TTTTCTCTAT ATCTGATAGT GAATTTAACT 4920
TTTTCTATTG TGGGAAAT AAAGAGATCT GTGACAAAA GTGCTCAAGC ACTGAGTCT 4980
GAGGTTTTCA ATGTGAGTTT AATAACACAA CTGTCTTTT AACTTAGGTG GCTGCTCATG 5040
GSTATCCATG GTGACAAGAG TCAACAAGAG CGTGAAGTGG TTCTAAATGG TAAATATTT 5100
AAATGAAGTA TTTTCTCTT TACTTAAGC TAGCTAGAAT TCAAACTAGG AAAAGCTCT 5160
ATTCTGATG CTACAGATGT GSCCTCCAGA GGGCTAGSTT AGTACAACT CGCATTCAT 5220
GCTTGGTTT CAGAGAAGAT TCCATTTAAG TTTTAAAG AAAGTTTATT GCTTTCTTTA 5280
AATCTGATTT ITTCTAAGTT TTTTCTACA TAAAGGTGCT GTCTTTTGTG CAAGGCTAG 5340
GATGACAAAT CGGAGGACT GAGGGGATG GAGGACTAGT GATCGGCTGG CTGCTTCCAG 5400
TGTATAGAG AGGTGAAAA GTGAAGTGT GCCASTAAT TCAAAAGGG AGAATATAT 5460
AATCTGCTCT CTAAACTGT TCTCTCCGAG GGAATAATG GAAGTTATCT CACAGTTTAC 5520
CTCTGCTGTA TTTCTCTCTT CCAATGCTTT GCATGACTGC CATGGTACAG CCTTGTCTTCA 5580
AAATSTTCTG TGTGATCTCT GGTCTTTGA GTTTCAAGTGA GTTTGTGTA ATGTGGAAGA 5640
AGTAGTTCTA AACTTCAATG TTTCAATGAAA TTTTGTCTCA AATTTTAAAT GGAGAGAGCA 5700
GCTTTAAAAA STACTAAGCT TTTTACAAAT TGGTGAGTTA CTGGCACATG AGATCTAGAG 5760
TAGGACAAAT TTCTACACAC TATGAGTAAG TGGGAAAAAG AAGTGTCTTG AAATTTCTCT 5820
TCTCACTTAC ACAGTAGTCT TCTATCTGAG ACCTGCCAGA GAGAGACACA TTCTCAAGTG 5880
AAATCTGGCT TCTTGGAAAG GTTTGCTAG ACGAGACACA GTGCATAAAA ACAAATTTTG 5940
GGGACAGGT ATGTTTTCTT CAGCTGCGG TTSTAAGGTC TTGGCAAGAC AAGCAGTGTG 6000

CGGAGAAATTT	TGAACCTCTG	ATGAATCTGT	ARTGAAAGG	ACCTTATACA	TTTTTTTTTT	6180
TGAAGSTOCT	CAAAATGAGG	ACATGAAGAG	GTTCCTGTGA	AACTTTAAGT	G-CCCTACTG	6120
CGCAGAAAGCA	TTCAGATGTC	ACTTGATGAT	CTGTAAAGGA	ACTGTGTGAT	TGGGAATGT	6180
GCTTATTTAA	CACACATTCG	TTTTGACAGG	GTCTGTCACT	GGGTGGGG	TATGAATTA	6240
TACAGATGAG	ATGTGCTTTT	TTTTTCTTTT	TTCAACCTCA	ATGATATTC	TACAGGAAAT	6300
GGATAACCAT	TTTAACTGTA	TTTTTTTGCA	GCCGTACCT	TCTTGGGAAT	ACAATTGTCT	6360
AACTTTTTAT	TTTTGCTTGT	GCTGTTGTGG	TGTGCAAAAC	TCCGTACATT	GATATTTTGC	6420
CACACTTCAA	TACCTTACAG	ATGTGGAAGA	TGTGAAATTT	GTCAATTAAT	ATGATACCT	6480
TAACTCTTAA	GATGATTATA	TTCATGCAAT	TGAGAAACT	GCTCTAGTA	CCAAACACAG	6540
CACAGCATAC	ATTTTCTTTA	CACTAATAAA	CAFAAAGCAA	GTGAGGATC	TIATCTCTGT	6600
GTTTCTGTAA	GTTAATCAAG	CAATTAATCC	CAAGTTGCTT	CASTTGTGT	AAGACAGAGG	6660
TTCAGSTAA	GATGATGAT	AGGAAATGTT	GSTAGTTACG	GTCACTACCT	ATACAAATCC	6720
ATTTAAATGG	TATTGAGGG	TGAGTAAAC	CTTGAAGTGA	AACTTAAGC	TGAAAAATTG	6780
TAAAAACATT	TCACGCTTAC	CATGAATAGA	TCTGTTTCTT	CTGTCCACAA	TGATTGTGT	6840
CATAGACATA	ATTGATCAAT	TTGCAATTGT	TTTCTTGACA	GTCTGTCCA	GGGGTAGAGG	6900
AGGCATGAAG	GATGACCGTC	GGGACAGATA	CTCTGCGGGC	AAAAGGGGTG	GATTTAATAC	6960
CTTTAGAGAC	AGGGAAAATT	ATGACAGAGG	TTACTCTAGC	CTGCTTAAAA	GAGATTTTGG	7020
GGCAAAACT	CAGAATGCTG	TTTACAGTGC	TGCAAAATTAC	ACCAATGSSA	GCTTTGGAAG	7080
TAATTTTGTG	TCTGTGTGTA	TACAGACCAG	TTTTAGGACT	GGTAATCCAA	CAGGGACTTA	7140
CCAGAATGGT	TATGATAGCA	CTCAGCAATA	CGGAAGTAAT	GTTCCAAATA	TGCACAATGG	7200
TATGAACCAA	CAGGCATATG	CATATCTGTC	TACTGCAGCT	GCACCTATGA	TTGGTTATCC	7260
AATGCCAACA	GSATATTTCC	AATAAGACTT	TAGAAGTATA	TGTAATGTC	TGTTTTTCAT	7320
AATTGCTCTT	TATATTGTGT	GTTATCTGAC	AAGATAGTTA	TTTAAGAAAC	ATGGGAATTG	7380
CAGAAATGAC	TSCAGTGCAG	CAGTAATTAT	GGTGCACCTT	TTGCTATTT	AAGTTGGATA	7440
TTTCTCTACA	TTCTGAAAC	AATTTTTAGG	TTTTTTTTTGT	ACTAGAAAAT	GCAGGCAGTG	7500
TTTTACAAAA	AGTAAATGTA	CAGTGATTTG	AAATACAATA	AATGAGGCA	ATGCATGGCC	7560
TTCCAATAAA	AAATATTTGA	AGACTGAATT	AAGTGGAAAT	TGTACTTTAT	TTATATAATG	7620
TCAATGAAAA	CTTTGCTTAA	GATGGTCTGG	TTTTTTTTTTT	GTTTTTGTTT	GGTTTTTTTTT	7680
TTCAATGAAA	ACAAATGACT	GTTCCTTTT	ATTTAATTGG	GGAGGCAGGG	GGAAATCAGAA	7740
GGCCCTCTCT	TATAATGAGC	TATTCATATT	GCAGGAGTCA	GAATGAATTG	ATACAGGTGA	7800
ATTTTATGTT	ACAGGCTAAA	TTGCATAAAA	GCTT			7834

Name: 256

Len: 903 Check: 215E

CGGCGGGGGG	GACAGGACCG	AGGGGCCCTTA	GTTGGTGGGC	AAGTCGGGGA	TCCAGAAAG	60
AGAAGCGTGA	CCCGGAAGCG	GAAACGGGTG	TCCGTCCCAG	CTCCGGCCTG	CCAGTGAGCT	120
TCTACCATCA	TGGACCTATT	GTTCCGGGCG	CGGAAGACGC	CAGAGGAGCT	ACTGCGGCAG	130
AACCAGAGGG	CCCTGAACCG	TGCCATGCGG	GAGCTGGACC	GCGAGCGACA	GAAACTAGAG	240
ACCCAGGAGA	AGAAAATCAT	TGCAGACATT	AAGAAGATGG	CCAAGCAAGG	CCAGATGGAT	300
GCTGTTCCGA	TCATGGCAAA	AGACTTGGTG	CGCACCCGGC	GTTATGTGCG	CAAGTTTGTA	360
TTGATGCGGG	CCAACATCCA	GGCTGTGTCC	CTCAAGATCC	AGACACTCAA	GTCCAACAA	420
TGGATGGCAC	AAGCCATGAA	GGGTGTCAAC	AAGGCCATGG	GCACCATGAA	CAGACAGCTG	480
AAGTTGCCCC	AGATCCAGAA	GATCATGATG	GAGTTTGAGC	GGCAGGCAGA	GATCATGGAT	540
ATGAAGGAGG	AGATGATGAA	TGATGCCATT	GATGATGCCA	TGGGTGATGA	GGAAGATGAA	600
GAGGAGAGTG	ATGCTGTGGT	GTCCAGGTT	CTGGATGAGC	TGGGACTTAG	CCTAACAGAT	660
GAGCTGTGGA	ACCTCCCTCT	AACCTGGGGC	TGCTTAGTG	TGGCTGCTGG	TGGGAAAAAA	720
GCAGAGGGCG	CAGCTCAGC	CCTAGCTGAT	GCTGATGCAG	ACCTGGAGGA	AAGGCTTAAG	780
AACCTGTGGA	GGGACTGAGT	GCCCTGCCA	CTCCGAGATA	ACCACTGSGAT	GCCAGGATC	840
TTTTACACA	ACCCCTCTGT	AATAAAAGAG	ATTTGACACT	AAAAAATAAA	AAAAAATAAA	900

AAA

Name: 257

Len: 1360 Check: BF4

CTGCAACGGT	CGTTGCAGAG	ATTGCGGGCG	GCTGAGACGC	TGCTGTCTTG	GCACCTAGGA	60
GGGCGGGGGA	GGGGGACAC	CGCGGGGGCT	GCGATGAGT	CTGAGACCGA	ACCCGAGGCC	120
GTACGCTCTC	TGTTGAAGAG	CCCCAAGCAG	CGCCACGGCG	ACTTGAAGCT	GATGGCGCAG	180
CGGGGCTGGA	GTGTGGGCCA	CCTCAAGGCT	CACCTGAGCC	GCGTGTACCC	CGAGCGTCCG	240
GTCCAGAGG	ACCGAGGTT	AATTTATTCT	GGGAAGCTGT	TGTTGGATCA	CCAATGTCTC	300
AGGCACTTGC	TTCCAAAGCA	GGAAAAACCG	CATGTTTTGC	ATCTGCTGTG	CAATGTGAAG	360
AGTCTTTCAA	AAATGCCAGA	AATCAACGGC	AAGGTGGCTG	AATCCACAGA	GGAGCCTGCT	420
GGTTCTAATC	GGGACAGTA	TCCTGAGGAT	TCCTCAAGTG	ATGTTTTAAG	GCAAAAGGGAA	480
GTCTTTTGGG	AGTTTTCTTC	CCCTGATGAG	GAAACATCT	CAAGGCTTGA	AGCTGCCAG	540
TAGGCACTTC	AAGGCTGGG	TCCTGCTTTC	TCGGTTACA	CACCTATGCG	GTGGCTTCAG	600
CTTTCTCTGT	TCCAGCAGAT	ATATGCACGA	CAGTACTACA	TGCAATATTT	AGCAGCCACT	660
GCTGATTCAG	GGGCTTTTGT	TCCACCAAGA	AGTGCACAAG	AGATACCTGT	GGTCTCTGCA	720
GTGCTTCCAG	CGCTATTCA	CAACCAGTTT	CCAGCTGAAA	ACCAGCTTGC	CAATCAGAAT	780
GCTGCTCTC	AAGTGGTTGT	TAATCTCTGA	GCCAATCAAA	ATTTGCGGAT	GAATGCACAA	840

GGTGGGCTTA	TTGTGGAAGA	AGATGATGAA	ATAAATGAG	ATTGGTTTAA	TTGAGCTAT	900
TCAGCACTA	CATTTTCTGT	TTTTCTCAGT	ATCCTCTACT	TCTACTCCTC	CTGAGCASA	960
TTCCCTCATGG	TCATGGGGGG	CACCGTTGTT	ATGTACCTGC	ATCACCTTGG	CTGGTTTCCA	1020
TTTAGACCTA	GGCCGCTTCA	GAACCTCCCA	AAATGATGGT	CTCCTCCTGA	CCTTGTAAT	1080
CAGGACCTCA	ACAATAACTT	ACAGGAAGGC	ACTGATCCTG	AAACTGAAGA	CCCCAACCAC	1140
CTCCCTCCAG	ACAGGGATGT	ACTAGATGSC	GAGCAGACCA	GGCCCTCCTT	TATGAGCACA	1200
GCATGGCTTG	TTTTCAAGAC	TTTCTTTGCC	TCTCTTCTTC	CAGAGGCTCC	CCGAGCCATC	1260
GCATACTGAT	GTGTTTTGTG	CTGTAGCTGT	TGGAGGCTTT	GACAGGAATC	GACTGGATCA	1320
CCTGATTCCA	GCTAGATTGC	CTCTCCTGGA	CATGGTAATG	ATGAGTTTTT	AAAAACAAT	1380
GTGATGATG	ATATGTTTTT	GTGAGCAAGC	AAAAGCAGAA	ACGTGAAGCT	GTGATACAAA	1440
TTGCTGAACA	AAAAATGCCC	AAGGCTTCTC	ATGTGTTTTT	TCTGAAGAGC	TTTAATATAT	1500
ACTCTATGTA	GTTAATAAG	CACCTGACCT	AGAAGGCTTT	AGGTGTTGTA	TGCTATATGCT	1560
TGAGGAACCT	TTCCAAATGT	GTGTGTCTGC	ATGTGTGTTT	GTACATAGAA	GTGATAGATG	1620
CAGAGTGGT	TCTGCTGGTA	AGATTTGATT	CCTGTTGSA	TGTTTAAAT	ACACTAAGTG	1680
TACTACTTTA	TATAATCAAT	GAAATTGCTA	GACATGTTTT	AGCAGGACTT	TTCTAGGAAA	1740
GACTTATGTA	TAATTGCTTT	TTAAATGCA	GTGCTTTACT	TTAAACTAAG	GGAACTTTG	1800
CGGAGGTGAA	AACCTTTGCT	GGGTTTTCTG	TTCAATAAAG	TTTTACTATG	AATGACCCTG	1860

Name: 153

Len: 5350

Check: 1331

TTTATTGAAC	ATTTATTCTG	TTCAAAACAT	TOCCAAAGGC	AACAGAAGAT	ACAAATAAAT	60
CTCTGCCCCAT	GAAAAGGTGT	GGGGGGCATT	AGAAGGCGTT	CTCTTCGGTG	TATGAAGTA	120
ATGAGAGAAG	AAAAAGTAGT	TTGAAGCTAT	GGAGTAAGGG	ACTTTGAGTA	TOCCAGGCTC	160
AAAAAGTTGG	GACTTGAACA	GTACGGGGGT	GCTGCTGAAA	ACGTTTGAGG	GAGGTAATGA	240
CATGATCGAA	GCTATACTTG	AGAAAGGTGA	ATCTGATAAA	GTATGAGTGA	AAAAGAGACT	300
GAAGGTCTAG	AAATTAGATT	GAGGCTAATG	ACAAAATCCA	CATAAATAGG	AGGACTTGAA	360
CGAAGGGGCA	CTTASAAGAG	GACAGGAGAT	AGTAAAAGGC	ATTCAATGAT	GAGAGCACAC	420
ACTACAGGGG	AGCATGAGGG	AGGTTGSA	AGATAATGAA	AGGATTACTG	AGCTTCACTG	480
ACGATGTGTT	TGAATGAGC	AGGAATCTTG	TAGTGATCCT	AATCCCTGCT	TTTCTGGAGC	540
ATTTACAGGC	CTAGSAACAT	ACAAGGGGGG	CATCTCCCTG	GAATGTAAAT	TGACTAAGAG	600
GAATTCAATA	ATGGTCAAA	GAATGCAGAA	TTTTAGAGTC	TTGCTTAGTA	TTCTCACCAC	660
ATTTCTGTTA	GTCTACTCAT	ACTTTTTTTC	TCTTACTGCT	GACACTAGAT	GGAAAACTC	720
TTAATTAATA	GTATTTTACA	AAATGTGCTC	GTTTTCAGTC	ATTCCTGTTT	CACCTCCAGCC	780
TGTTGTGTTG	TTTTTTTGAA	ATAATAATTT	AAAGTAATTT	TCCTTTTGCA	GGATGGCATA	840
GTCAATCCAA	CAATAAGAAA	AGATTTGAAA	ACTGGACCGA	AATTCTACTG	CTGTCCAATT	900
GAAGGCTGCC	CCAGAGGGCC	TGAGAGACCG	TTTTCTCAGT	TTTCTCTCGT	AAAACAGCAC	960
TTTATGAAAA	TGCATGCTGA	GAAGAAGCAC	AAATGTAGTA	AGTGCAGCAA	TTCGTACGGT	1020
ACAGAATGGG	ACCTGAAAAG	ACATGCAGAG	GACTGTGGCA	AGACCTTCCG	GTGCACATGC	1080
GGCTGTCCCT	ACGCCAGTAG	AACAGCACTG	CAGTCTCACA	TCTACCGAAC	TGGGCACGAG	1140
ATACCTGCAG	AACACAGGGA	CCCACCTAGT	AAGAAAAGGA	AAATGGAAAA	CTGTGCAJAA	1200
AACCAGAAGT	TATCCAACAA	GACCATTGAA	TCATTGAACA	ACCAACCAAT	CCCTAGACCA	1260
GACACTCAAG	AACTAGAAGC	TTCAGAAATA	AAGCTAGAAC	CATCTTTTGA	AGACTCTTGT	1320
GGCTCTAACA	CTGACAAGCA	GACTCTTACA	ACACCACCGA	GATATCCTCA	GAAGTTGCTT	1380
TTACCAAAGC	CCAAAGTGGC	TTTGSTTAAA	CTACCCGTGA	TGCAGTTTTT	TGTCATGCTT	1440
GTCTTTGTGT	CTACAGCCCA	CTCCTCAGCC	CAGCCTGTGG	TGTTAGGTGT	TGATCAGGGC	1500
TCTGCCACAG	GGGCTGTGCA	CTTAATGCCC	TTGTCAGTAG	GAACCCCTGAT	CCTCGGGCTA	1560
GATTACAGAG	CTTGCTCTCT	TAAGGAGAGC	CTACCTCTTT	TCAAAATTGC	TAATCCTATT	1620
GCTGGTGAGC	CAATAGTAC	TGGTGTTC	GTGAACCTTG	GTAAAAGTCC	ATCTAATCCT	1680
TTACAAGAAC	TAGGGAACAC	GTGTCAAAA	AATAGCATTT	CTTCAATCAA	CGTGCAGACA	1740
GATCTGTCTT	ATGCTCTACA	AAACTTTATA	CCTTCTGCAC	AGTGGGCCAC	TGCTGATTCC	1800
TCTGTGTCTG	CTTGTCTCTA	AACTGATTTG	TCGTTTGATT	CTCAAGTCTC	TCTTCCCAT	1860
AGTGTTCACA	CTCAGACATT	TTTGCCGAGC	TCTAAGGTAA	CTTCACTCTAT	AGCTGCTCAG	1920
ACTGATGCAT	TTATGSAAC	CTGTTTCCAG	TCAGGTGGGG	TCTCCAGAGA	AACTCAAACC	1980
ASTGGGATAG	AAAGTCCAA	GGATGACCAT	GTACAGATGG	ACCAAGCTGG	AATGTGCTGA	2040
GACATTTTIT	AGAGTSTTCA	TTCATCATAT	AATGTTGCTA	CAGSTAACAT	TATAAGCAAC	2100
AGTTTAGTAS	CAGAGACAGT	AACCTATAGT	TTGTTACCTC	AGAATGAGCC	TAAGACTTTA	2160
AATCAAGATA	TTGASAAATC	TGCACCAATT	ATAAATTTCA	GTGCACABAA	TAGTATGCTT	2220
CCTTCACAGA	ACATGACAGA	TAATCAGACC	CAAACCATAG	ATTTATTAAG	TGATTTGSA	2280
AATATCTTGT	CAAGTAATCT	GGCTGGCCAG	ACATTGGATC	ATCGTASTCT	TTTGCTGAC	2340
ACAAATCCTG	GACCTGACAC	CCAGTCCCA	TCTGGCCAG	CCGAGAACTC	CGGAATGAT	2400
TTTGATATCG	AAGAGTTCTT	TTGCTCCTCA	AATATCCAGA	CTCAAACTGA	AGAGAGTGA	2460
CTTAGACCCA	TGACCAACCGA	GGCACTCTTG	GAGTCACTGG	ACATAGAGAT	TCAAACGGAC	2520
TTCTTACTCG	CAGATACCTC	TGCTCAGTCC	TATGGGTGTA	GGGSAATTC	TAACCTCTTA	2580
GGCTTTGAGA	TGTTTGACAC	ACAGACACAG	ACAGACTTAA	ACTTTTTCTT	AGACAGTAGC	2640
CCTCATCTGC	CTCTGGGAAG	TATTTTGAAA	CACCTCCAGCT	TTTCCGTGAG	TACTGATTCA	2700

TCTGACACAG	AGACCCAAAC	TGAGGGASTC	TTCAGTGCCTA	AAATATATAC	TCTGCTAGAA	232
AGCAAAAGTTC	AGTTTACACG	TACAGAAACA	CAGACCATGA	GTTCTGGGTT	TGAAACCCCTG	2321
GGGACCTTGT	TCTTACACAG	CAACGAAACT	CAGACAGCAA	TGGATGACTT	TCTTCTGGCT	2641
GATCTGGCCT	GGAAACATGAT	GGAGTCTCAG	TTGAGCTCTG	TAGAAACCCA	GACTTCTGCG	2940
GAACACACAA	CAGTCTCCAA	CTTCTAAAAC	TAACCGTGGA	GTCCATGTGT	GAAATGGCAT	3081
CTACCATTTTC	CTCTGGATTA	AAACTACGGA	CTGGGGACAA	CAGTATTAAT	TGATTTGAAT	3089
GTGGCTGATG	ATGCACTTGC	TTAGCTTCTT	TGTGTTTCTT	TGCTTTTCTT	ACTTGTAAAC	3119
AGAAATTTGT	CTATAAATGT	GAGTGTATTA	TAAAGTTTGA	GATGTGATGC	TAAATGTCTT	3181
TTCTTTTCTT	TACATTTGCT	TTTTACACAG	TAGTCTTTCT	ATGTTAAAAA	AAAAATGTAT	3241
TTCATATCTA	TAAAACTAT	ATAGCCATTT	AGCTGAAGCC	CAGCTTACCA	GTTTCAAGGG	3301
TACAACTTTC	TCAAACTTTC	AAAAATTTT	AGTCAAGGTG	TAATATACTT	AAACTGCACCT	3361
TAAATATCTT	TTGGCACTGC	TTGTTAGAAA	TTCTGATTC	CTGTTACTAA	TCTCTAAAGA	3421
AAACCGATGC	TGCCACCGTA	GGATTTAAGC	AGTAGTGCTT	CCATGCTCTT	AAGACTCCTG	3481
CTGCTGGAC	CTTCGTGAGC	TTTGACACCT	CTTTTCTGAT	TTAAAGACAC	CAAGGAAAC	3540
TACAACTGTC	TTTAGCTTTG	AAGCAGTTT	CATGTAATCA	TTGCCACCTC	TTCTCTACAT	3600
GAACTACTAT	TGATACGAGC	ATACAAGTGT	ATAGCACTTT	ACACACAAGA	GGTTTATTGA	3660
TGTAAATTA	TGCGCTAGGG	AAGCAGCAGC	GGGCCAGGTG	TGGTGGCTTA	CCCTGTAAAT	3720
CCCACTACTT	TGGGAGGCTA	AAGCAGGAGC	ATCACTTGA	CCCAAGGTT	CAACACCAGC	3780
TTGGGCAACA	TAGAAGACC	GTGCTCTGG	AATTTTTTTT	TTTTTTAATT	AGCCAGGCAC	3840
AGTGGCATGC	CCCTGTGATC	CCAGCTACTT	GGAAGGCTGA	GGTGAGAGGA	TCACTCGAGG	3900
AGATGGGGGC	TGCCATGAGC	CATGGTCTTG	GCCTGTACT	CCAACCTGGG	TACAGGGGCA	3960
ASACCTATC	TCAAAAAAAA	AAAAAAAAGT	CGCCAGCAAC	AAGCACGTAG	TGTAGTGTTC	4020
CTGCTAAATG	AGCATAGGTT	ATCCAAACCT	TGGGAACAGG	GAGTTATGGA	AAGTGCCTA	4080
TSACTTCAIC	TTGGGGTGTG	TCCTATGAAG	ATCCTTTCTG	GTCTCCACAG	TAGGCCAGAG	4140
TTGGGGGGCTC	TGGAGCTGTT	TCCCCAAGTG	CATCCACAG	CTGGATCTGA	GTTTTGTAC	4200
TCTAAATTA	AAACAAGAAA	AAAGTGGGGA	AAGGGCATCC	CCCATTAGGT	TTCAATACTT	4260
TGCACTTCTA	CTAAGCTTGA	TAGGGCAGGA	GTGCAATCTA	CAATTATTTT	AAAGTGAATT	4320
TCTTTCATC	CACCATCTTT	TATCTTTTCT	TTGAATAAGA	AAAAATATCT	AGCAAGGATA	4380
TTACTTTGTG	CTTGAGGCTA	GCAATTATAG	GATAGATTCA	TCTAAATAT	GATATTCTGC	4440
ATTTTGGTTT	TTTTTCTTAA	GTGAATAATA	CCAGTCTTCA	AAGAAAACAA	GGTGAAGACC	4500
TATTGCTTCA	ATAATCAAGA	ATGCTTTGTG	TGTTTTGAGG	TAGGAGCATG	ATCAAGTATG	4560
CTTTGGGGAT	TTTCTGTATT	TAGGAGATCC	TGGATTCTTA	ATTGTTGGCT	AAGTTCCAGT	4620
CAAGTAGGAA	TCAGTGCAGC	CTGTAAGTTC	TCCACATTGA	CACACACACA	CACACACACA	4680
CACACACACA	CACACGACAT	GCTCCTTTCT	GTGGCACATG	CCTGTATTAC	TGAAAGCTAA	4740
ATCCTCAAAA	CCTAGTAAGG	GGACCAATGA	TTCAATTAAG	TAAATTGATG	GTTTGTCTAC	4800
TAATTCCTAT	CCCATACATT	TGACACAAAA	GAAGTGTGTT	TAATGGATAA	ATAACATATC	4860
CCGGGCAGAT	GAGCTCAACC	TAGTAGGTAA	GAGTTTGGTT	TGGTCACAGT	TGCCTATGAG	4920
TGTGGGTTTC	AAAAGAAACA	TAAAGCCTTA	ACTTAGAATT	TCATTATGTT	TTAGAATCAT	4980
CAGTGCCTTA	ATATTCAAGC	ATCTATTTAA	GTCTTAATAA	AGGAGAAATG	CATGTTTATG	5040
GCTTTTTTGT	AAATATAAAT	GCAGTGATCT	ATGGCTTAAA	AAATTTGTTT	CTGTGACAAAT	5100
GTTTSTAAT	CTAGCCAATA	GAGTCATTTA	CAGAAGAAAA	ATGAGCATGT	AATAATACAA	5160
GAAGTGTTC	CCCTCAAAA	CCTGAACCTG	AATTTATTTG	AAAACTGAA	ATTTAATGAT	5220
TAAAGAGAA	CCAGAAATGT	ACCCTTTTTT	GTGAATTCTT	GAACGACTC	ATAAATATGA	5280
CTTATGTAT	TGCCTTAAGT	TTCACTCAT	TGTCTTTTGA	AAGCCATATG	ATAAATGAT	5340
TTTATTTAAT						5350

Name: 259

Len: 3497

Check:

233D

CTGTGGGATC	AGAGGGCAGC	CCTATTACAA	CCAGAAAAC	ACAAGTATAA	CAGCGAGGAT	60
GGATGAACAG	GCTCTATTAG	GGCTAAATCC	AAATGCTGAT	TGAGACTTTA	GACAAAGGGC	120
CCTGGCTAT	TTTGAACAT	TAAAAATTT	CCAGATGCT	TGGCAGGCTG	GTGCAGAAAG	180
TCTAGCACA	AGGACATACA	GTGATGATCA	TGTGAAGTTT	TTCTGCTTTC	AAGTACTGGA	240
ACATTAAGTT	AAATACAAAT	ACTCAGAACT	AACTACTGTT	CAACAACAGC	TAATTAGGGA	300
GAGGCTATA	TGATGGCTGC	AAGCTCAGAT	GCTGAATGCT	CAACACAGAG	AGACCTTTAT	360
ACGAATATA	GCTGGCTAAG	TCTTGGCTTT	GCTTTTGTG	ACAGAGTATC	TCACTAAGTG	420
GGCTAAATTT	TTTTTTGACA	TTCTCTCAAT	AGTGGACCTA	AATCCAGGGG	GAGTAGATCT	480
CTATTTGCTA	ATCTCTATGC	CTATTGATTC	AGATTTGCTG	GATGCTGATG	TGGTGCATAC	540
ATCAGAGGAG	GCTGGTAGGA	ATACTCTCAT	AAAAGATACC	ATGAGGGAAC	AGTGCATTCC	600
AAATCTGGTG	GAATATGCT	ACCAGATATT	ACAAAATTAT	CAGTTTACTA	ATTCTGAAGT	660
GAGCTCTCAG	TGCTTTGAAG	TAGTTGGGGC	TTATGCTCTT	TGGATAGACT	TATCCCTTAT	720
AGCTAATGAT	AGGTTTATAA	ATATGCTGCT	AGGTCATATG	TCAATAGAA	TTCTACGGGA	780
AGAGGCTAT	GAGTTTCTAT	TTGAAGTTGT	AAATAAGGGA	ATGGACCTCT	TTGATAAAAT	840
GAAGCTAAGT	GAATTTTTGT	GTCAAGTATT	ACAGTCTGCT	GGTTTTTTCA	GCATTGACCA	900
GGAGAGAGAT	GTTGACTTCC	TGGCCAGATT	TTCTAAGTTG	GTAAATGGAA	TGGGACAGTC	960
ATTGATAGTT	AGTTGAGATA	AATTAATTAA	GAATGGGGAT	ATTAAGAATG	CTCAAGAGGC	1020

ACTACAAGCT	ATTGAAACAA	AAGTGGCACT	GATGTTGCAG	CTACTAATTC	ATGAGGATGA	1081
TGATATTTCT	TCTAATATTA	TTGSAATTTG	TTACGATTAT	CTTCATATTT	TGAAACAGCT	1140
TACAGTGTTC	TGGATCAGC	AAAAAGCTAA	TGTAGAGGCA	ATCATGTTGG	CGGTTATGAA	1210
AAAAATTGAT	TACGATGAAG	AATATAACTT	TGAAAATGAG	GGTGAAGATG	AAGGCGATGT	1240
TGTAGAATAT	AGAAAACAAC	TGAAGTTACT	GTTGGACAGG	CTTGCTCAAG	TTTCACCCAGA	1320
GTTACTACAG	GGCTCTGTTT	GCAGAGTTT	TAGTTCTACA	CTGCAGAAAT	GSCAGACTAC	1350
ACGGTTTATG	GAATTTGAAG	TAGCAATAAG	ATTGCTGTAT	ATGTTGGCAG	AAGCTCTTCC	1440
AGTATCTCAT	GGTCTCACT	TCTCAGGTGA	TGTTTCAAAA	GCTAGTGTCT	TGCAGGATAT	1510
GATCGAAGCT	CTGTAACAT	CAGGAGTCAG	TTCCTATCAG	CATACATCTG	TACATTGGA	1540
GTCTTTCGAA	ACTGTTTGA	GATATGAAAA	GTTTTTCACA	GTTGAACTCT	AGCAGATTCC	1610
ATGTTACTTA	ATGGCTTTCT	TAGATCAGAG	AGGCTCTGCG	CATTCCAGTG	CAAAAAGTTCC	1640
GAGCAGGAGG	GCTTACCTGT	TTTCTAGATT	TGTCAAATCT	CTCAATAAGC	AAATGAATCC	1740
TTTCATTGAG	GATATTTTGA	ATAGAATACA	AGATTTATTA	GAGCTTTCTC	CAGCTGAGAA	1800
TGGCCACCAAG	TGCTTACTGA	GCAGGATGA	TCAACTTTTT	ATTTATGAGA	CAGCTGGAGT	1860
GCTGATTGTT	AATAGTGAAT	ATCCGGCAGA	AAGGAAAACAA	GCCTTAATGA	GGAATCTGTT	1920
GACTCCACTA	ATGGAGAAGT	TTAAAAATCT	GTTAGAAAAG	TTGATGCTGG	CACAAGATGA	1980
AGAAAAGGCAA	GGCTCTCTAG	CAGACTGTCT	TAACCATGCT	GTTGGATTGG	CAAGTCGAAC	2040
CAGTAAAGCT	TTCACTAACA	AACAGACTGT	GAACAATGT	GGCTGTTCCT	AAGTTTATCT	2110
GGACTGTTTA	CAGACATTCT	TGCCAGCCTT	CAGTTGTCCC	TTACAAAAGG	ATATCTTCAG	2160
AAGTGGAGTC	CGTACTTTCC	TTGATCGAAT	GATTATTGTC	CTGGAGGAAG	AAGTTCTTCC	2220
GTTTCATTCCA	TCTGCTTCAG	AACATATGCT	CAAAGATTGT	GAAGCAAAAG	ATCTCCAGGA	2280
GTTTCATTCT	CTTATCAACC	AGATTACGGC	CAAATTCAAG	ATACAGGTAT	CCCCGTTTTT	2340
ACAACAGATG	TTGATGCCCC	TGCTTCATGC	AATTTTTGAA	GTGCTGCTCC	GGCCAGCAGA	2400
AGAAAATGAC	CAGTCTGCTG	CTTTAGAGAA	GCAGATGTTG	CGGAGGAGTT	ACTTTGCTTT	2460
CCTGCAAAACA	GTGACAGGCA	GTGGGATGAG	CGAAGTTATA	GCAAATCAAG	GTGCAGAGAA	2520
TGTAGAAAGA	GTGTTGTTTA	CTGTTATCCA	AGGAGCAGTT	GAATATCCAG	ATCCAATTGC	2580
ACAGAAAACA	TGTTTTATCA	TGCTCTCAAA	GTTGGTAGAA	CTCTGGGGAG	GTAAGATGAG	2640
ACCAATGGGA	TTTCTGATT	TGTTTTATAA	GCACATTGTC	CCCGCATGTT	TGCTAGCAAC	2700
TTTTAAACAA	ACCTTTGACC	TGGCAGATGC	ACAAACAGTA	TTGGCTTTAT	CTGAGTGTCG	2760
AGTGACACTG	AAAACAATTC	ATCTCAAAAG	GGGCCAGAA	TGTGTTCACT	ATCTTCAACA	2820
AGAATACCTG	CCCTCCTTGC	AAGTAGCTCC	AGAAATAATT	CAGGAGTTT	GTCAAGCGCT	2880
TCAGCAGCCT	GATGCTAAAG	TTTTTAAAAA	TTACTTAAAG	GTGTTCTTCC	AGAGAGCAAA	2940
GCCCTGAGGA	CTGGATTTC	CTGTGCTTAC	TTGATGATCA	TGAATTCCAG	TTAATTTATA	3000
AAGAGGCGAT	TTTTGTGTGC	CATTACACT	GGTCTTTTTC	ACATTGTTT	GAGCTTATTG	3060
CAGTATATGT	TTTGGGATTT	TTCTGTAAAA	TGGGTGTAAT	TTTCCTAATA	CAGGTATGTA	3120
ACAACAAAAG	AAGTTGCTTG	CATGCGGCTC	CAAATTGTTC	TGTATAAAGA	TGCTCTTAAA	3180
AGACACAAGA	GTTATCCTAG	AACCTTAATT	CTTTTTTATT	TGAAATTTTA	AGTCAAGTCC	3240
TTTATAAAGA	CCATCAAGT	GGAAAACAGT	GTACTTTTTA	AAAAATTGCT	GAATATAAAA	3300
TCTTTGAAAA	TTTTCTTTAT	GTGTGAAGAC	ACAAAGTATG	GGGGAAGACA	GCAATCAAAA	3360
CTAAGTTTTT	GATGATAGCC	ATTTCAATTC	TTTAAACTGT	TTCAACGCCA	ATATGTATTG	3420
TACAAAAGAG	AATGTTTTTA	GGCTCCAGTG	TTTACTTTTT	TTTTATATAT	ATATATAAAA	3480
ATAAACTTTA	CTAGTGTG					3497

Name: 26 Len: 620 Check: 9F5

AATTCGGCAT	AGAGGCGCAT	TCTTCAATCG	GATCGGTGGA	GTGCAGCAGG	60
ACACTATCCT	GGCCGAGGCG	TNTCACTTCA	GGATCCCTTG	GTTCCAGTAC	120
ATGACATTCC	GGCCAGACCT	CGAAAAATCT	CTCCCCCTAC	AGGCTCCAAA	180
TGTTGAATAT	CTCCCTGCGA	GTGTTGTCTC	GAOCCCAATGC	TCAGGAAGCT	240
AOCAGCGCCT	AGGCTCTGAC	TACGAGGAAC	GAATGTTGCC	GTCCATTGTC	300
TCAAGAGTGT	GGTGGGCAAG	TTCAATGCTT	CACAGCTGAT	CAOCCAGCGG	360
CCCTGTTGAT	CGGCGGGAAG	CTGACAGAGA	GGGCCAAGGA	CTTCAGCCTC	420
ATGTGGCCAT	CACAGAAGCT	AGCTTTTACC	GAGAGTACAC	AGCTGCTGTA	480
AAGTGGGCCA	NCAGGAGGCG	AGGCGAATTT	TCTTGGTAGA	AAAANCAAA	540
GCAGAAATG	TCAGGCGGAG	GTGAGCGAGC	TGCAAGATGC	TTGAGAACAT	600
TGGCTACATA	ACTGCAAGA				620

Name: 260 Len: 5238 Check: 16B5

GAATTOGGCA	CGAGGCTCTT	CTGTCCCGGA	GCTACCCAGG	GCTCGCGGAT	60
GCTCTCTGGC	ACTGCTGTTT	CTCTCTGAGT	ACAGCTTCAC	CTATGTGCTC	120
CTCAGCTGCT	GGAGGCTCTC	AGCAGACCCA	CGCCTTTGAT	CATTGGGGTC	180
TCCAGGCAGA	GAGCCAGGAG	CTGCTCGATG	TGATTGTTGC	TGATCTGGAT	240
TCACCATTC	TGAGTGTGTC	CACATTCCAC	CCTTGCCAGA	GCCACTGCAG	300
ACAGTGTGCT	GAGCATGGTC	CTGGACCGGG	AGCTGGAGTT	GGCTGACCTC	360
CGCCACAGAC	ATCCACCTCC	TCCCTGAAGA	TGCAGGACAA	GGAGCTGCGC	420
TGCGGCTGTT	CGCTCAGCTG	CTGCAGGGCT	ATCGCTGGTG	CCTGCACGTC	480

AGTCTTTTAC	AAAAGGAGG	TCTGTGAGG	AGTGTGTTG	CACCTATAAG	CCCGGTACTT	2760
TGGGACACCG	ATGGGATAGA	TACTTGGAGC	CAAGGAATTC	AAGATCACTG	TAGAAAACAT	2810
AGACCCCTCT	TTTATAAAAA	ATAAAAAATT	GGTGTGGGAG	TGGTAGCTTG	TGCTGTGGGT	2810
CCTAGCTACT	CAGGGGTGCT	GAGGTGGGAG	GATTGCCGGA	GCTGGGGAGG	TCAAGGCCCCA	2940
CTACAGCTTG	ASACGCTGTC	TCAATAAAAA	AAAATACACA	CACACCTACT	CACCTACTCC	3000
AGTCTGAGAC	CCTGTCTCAA	GAAAAAATAA	AATACACACA	CACACACACA	CACACACAGA	3060
CATACATAAT	CACACACACA	CACACGGGGG	AGAGAGAGAA	GGCAGCTTCA	GGAGTGGCCAC	3120
CAGATATATG	GTAGACGGAT	GGGGGACCTT	CTGGCTTCCC	AGAGGGTCTT	GGTACACAAJ	3180
CTAGCTATAG	CTCTGGTCTG	CTGAGGCCCC	TGCAGCTTGG	TGGGAGATTT	CTGGCGGGGG	3240
GTACAGCTTG	TAGAGGGCCC	TTTCTCTTTT	GGTGGACTTG	AGCCGGCTTA	GGGAGAACTT	3300
CGCTTCTTTT	GACTGGGCTC	TGCATTCCCA	TGAACCTCTG	TCTTCTTGAG	CCGAGCGAGT	3360
CCCTCTTTTG	ACCCCTGTCC	TGAGCCATTA	TACCCCTAGA	TTGAAACAGT	CAGCACTCTT	3420
CATACGGGCG	CGGCTGTGGC	ATCGGTGGAA	GGTGCCATGC	GAATGTCAAG	ATTGAGGTCA	3480
AGCTTCCGGA	GCTGGGGAGT	GCAGGTGTGA	TCTAGAACAG	GGCTCACAGC	CTCGGAAACC	3540
TGGTCTCGCC	GGGGCCCCCG	AAGAAAATAG	ACGCCCTTCA	CCGGAGAGTG	GGGCTTGGGG	3600
CCTGTCTGCT	GGGAGCCATG	TGTCAGGGCT	GGTGGCTGGG	TGTCAGGCAG	CCCTGAGGCC	3660
ATGCTTCCGC	CTTCCAGGGC	TCTGCACCAG	CACCATTTGC	CAAGCCCCAG	GGACGCCAGA	3720
CCCATCCGGG	GACAGCGGCC	GGCGGCGTCG	TGCAAGCCAC	AGTCTGGGCA	TTGGGGCTCT	3780
GTGGGAGGCT	CTCTCTTTTG	CCTTGCAGTA	GCCATCCGGG	GGCTACTCTG	AGCACGGGCT	3840
TGTTCTTACC	CAGGGCTCGT	CCCGACCCCT	GCACCTCTGG	TTGACCGAGT	TCCACCCCTAA	3900
CCCATCCGTA	AGAACCTTTG	CAGGACAGTG	GCTGGCCACA	TCCAGGAAA	CCGGAACCAG	3960
GGGAGGGGCA	GGAGCCCCAG	AGGGCATCCA	CTGGGGTGCC	GTGTCCGCTC	CTGACTCGGG	4020
GCTGAGAGTC	TGCTGTGGGT	GTCCGGGGAT	CTGGGATCGT	CTGTCCCAAG	AGGGACACAG	4080
CGTATTGGGC	ACAGTTAGGG	AGTCCCGGGG	CCCTTGGTGT	GCTCACATCT	GAGTGAATGC	4140
TCTTGGGGCC	ACAGGCGGGG	GGAGTGGGGG	TGCTGGATGG	CCGAGCTCCCT	CTGGGGCTCC	4200
AGATCGGTAG	GAGCGGGTGG	CGTGGTACCA	GGCATCCGAG	TGTGACCTCT	CTCCCTCTGC	4260
TCCACCTTCC	AGGACGGCCC	ACCTCCATGG	AGACGGCCCA	CGGCCTCGCC	ACCACCACTC	4320
CTACCTGGCC	TCCACTTGGT	GGCCCCAGCC	CCGATCCAG	CGCCCGCCAG	CTGACCCCAAC	4380
TCTGAGAGCC	TGGCCGAGCT	GGCAGCATGG	AGCCCTCGGC	TCCCCAGACT	TTGCCGAGGG	4440
GCTGCTCCGG	ACCCCGTTGT	GAGCCGGCCT	CCTGTCTGCA	TGCCCCCTGT	GGCCACCAGG	4500
CTGCGAGGGG	CTGTGGTGAC	TCTTGATCAA	AGAGCACAGT	GAAGTGTCCC	TTCTGAGTCT	4560
CCCTTTTCTA	CAGTTGATAT	ATTTGTAAT	GGTACAAGAT	GAAGGACAGC	AGCTTTCCAT	4620
CCCTAGTTCA	GAGCCCCCGT	TCCCCAGGGT	CCTGTGGGCT	GAGCGGCTGG	GGCTGGGGCT	4680
GGCCACGTGT	GGCTCCGCT	GGCTCTGCCT	GCTCCTGCAA	CAGTGCGGTC	CCTGCCCGGA	4740
GAAGTCAGGA	GGCTGCAGA	AGAGAACTGA	TTGGTGGTCG	AAGCACCATC	TTCACAGATG	4800
TTGAGGGGCA	GTGGGGGGCT	CCAGGCACGG	TCAATGAAGG	AAACAGTGCC	TGTCCACCCA	4860
CGCTGCGTGT	CAGTGTGGCG	GGCTGGGCTG	CGCTGCTTTT	TGTCTCTGTC	CGTGTTTGCG	4920
CGGCTTCACT	GGCTTCCCTG	GTGGCTTCTG	GCTGGGGCCC	TCAGTGTCTG	GGGCTTTGGG	4980
GTGCATGGGC	GGCGCCCTGG	GCAGCTAGAG	TGTCTCAGCC	CGGTGTCTGG	CCTGGCCGAG	5040
GGGGGGAGGC	ACAGCTGCTT	CCAGCAGCCA	GCATTCACTG	GCCTTGTCTC	CAAGCTCCAC	5100
ACCTGCTCTT	GGTGTGGCT	TTGGTGACAT	CACAAGGCCC	CTCCAGGTGC	AGGGGCTTCT	5160
GTGTGGGAGG	CCCTTGGCAG	GGAGGACCTG	GTGGCTCTCT	CATTCTCTTT	TGCCATTGGA	5220
ATGTCCCTTT	GGAGTTCTCT	TCTCTTTTTT	TTTTTTTTTG	AGATGGAGTT	TCACTCTTGC	5280
TGCCCCAGCT	GGAGTGCAGT	GGCTCAATCT	CGGCTCACTG	CAACCTCCGC	CTCCCGGGTT	5340
CRAAGTATCG	TCTTGCCTTA	GGCTCCTGAG	TAGCTGGGGA	TTACAGGTGC	CTACCAGCAT	5400
GCTCAGCTAA	TTTTTTTGTA	TTTTTAGTAG	AGAAGGGATT	TACCATGTT	GGCCGGGCTG	5460
GTCTCAAACT	CCTAAGGTCA	TCCACCTGCC	TGCGCTCCCT	AGAGTGTCTA	GATTACAGGC	5520
GTGAGCTCTC	CGGCCCCGGC	CCCTTGCAGT	TCTCTCTGAT	TTGGTTTGTG	CTGTCTCAGG	5580
CTTCTGTGGC	AGGACTGGCC	CAAGGAGGAG	GAAGCCAGCA	GCACACCTGG	GGAAATGGGGT	5640
CTTGGGCGGG	AGGCTTGGCC	TCTGGGCGAC	CTGCTCTCTG	TTTGTCTTGT	TGTTGTCTTG	5700
TTTTTTTAAA	GTAAACCTTC	CTGCGCGGCA	GATGGCAAAG	GGAGTGGCTG	GGCTCTGGTA	5760
CTTGGGCTTG	GATCCACCCC	TGGGAGGCCC	TGGGCGACGG	AGGTGTCTGC	TGCTCACCTG	5820
CTTCTGGAGG	GCTGGCTCTG	AGCTGGGGCT	GGGGACAGGT	CGGCTGTGGG	GCAGCTCACT	5880
ACCTTCCCTG	AGGCTCACGG	TGGCTCCGAG	CATGAGCTCT	GGCTCTGGG	CGAGACCCAG	5940
CAGTGGACAG	CACGCTCTCT	ACACCTAGCT	CCCTGCACAC	CCAGGCCAGC	CACCCCTCC	6000
GCTGCTCAC	AGGCAAGCAG	ATGGCTTCAC	AGCTACACAC	ACACAAATGC	ACGCCCACTT	6060
GCACATCTCT	ACGCAACGCT	TCACACATGC	ACACTCACGC	TCACACATGC	TCTCACGCAT	6120
ACACACAGGC	ACAACTCTCT	GCACATGTTT	CCATGCTATG	GTGTCTACTC	GGACCGAGCA	6180
CTTCCACAGC	ACCTCTACCC	CACCTCCAAG	ACCTCTCTCT	CCCCATGCAC	CTCTCCCCAA	6240
CAATACACAC	AGCCCTCTGC	ACCGCCCGCC	CCCTGGCCCG	ACCAAGGCCC	CAGGCTCTGG	6300
CTATGAGTCC	TGGTGGCAGA	GCTTTGGGTG	AAGTTGGGGC	CGCAGAGTGG	CCCGCTGGGA	6360
CTCCCATGTG	CTGGGCTCTG	ATGTGCTCAG	ATGGGCTCAT	CGTTGGTTCC	TTTTTACTGT	6420
ATATTTATAG	TAATAAAATC	ATGCAGCAAT				6480

Name: 101	Len: 111	Thick: 50				
GTSTGCTG	CTTTCTGTCA	GCCTCTCTG	CTCTGCTCT	CCCTCTCTCT	TCCTCTGCT	60
TCCTCTCTG	CACCTGAGG	TACGACCTG	CCGGGGGGG	GCTCTCTCT	CCTTTCTCT	12
CCCTCTCTG	CCGGGGGGG	GGGGGGGGG	CTGTCTCTG	TCACGGGGG	CCGGGGGAG	140
AAGATGACA	CCGGGGGGG	AGACATAGT	AGAGTGTGT	GGTCAGAAAG	AACACCTGAG	240
AAACCGCTTT	ATCATCTTG	TGTATGTACT	GGCAGTATTA	AGTTTATCCA	TCAAGAAATGC	300
TTAGTTCAAT	GGCTGAAACA	CAGTGGAAAA	GAATACTGTG	AATTATGCAA	GCACAGATTT	360
GCTTTTACAC	CAATTTATTT	TCAGATATG	CTTTCAAGGG	TTCCAATTTA	AGACATATTT	420
GTTTAACTGG	TTACAAATAT	TGGCACTGCA	ATACGATATT	GTTTTCATTA	TACACTTGTG	480
GCTTTTCAAT	GGTTGGAGT	TGTTCTTTT	ACAGCAATGG	GCATCTACAA	GTCTTTGTTT	540
ACTTCTCTG	TGAGCTCACT	ACTGAGGCTG	CCATTAGATA	TGTTGTCAAC	GGAAATTTTG	600
TTGGCAGATT	GTTCGAGGG	TTGTTTTGTG	GIGACGTGCA	CACTGTGTGC	ATTCTATCAGC	660
CTGTTGTGT	TGAGAGAGCA	GATAGTCCAT	GGGGGAGCAC	CAATTTGTTT	GGAGCATGCT	720
GCCTCAAGGT	TCAATGCTGC	GGGGCATCAC	CAAAATGAGG	CTCCAGCAGG	AGGAAATGCT	780
GCAGAAATG	TTGCTGTGA	TCAGCTGCT	AACCCACAG	CTGAGAACGC	AGTGGTGGGG	840
GAAACCGCTG	ATGCCAGGA	TGACCAGGCA	GAAGAGGAGG	AGGAGGACAA	TGAGGAGGAA	900
GATGACGCTG	GTGTGGAGGA	TGCGGCAGAT	GCTAATAACG	GAGCCAGGA	TGACATGAAT	960
TGGAATGCTT	TAGAAATGGA	CCGAGCTGCT	GAAGAGCTTA	CATGGGAAG	ATGCTAGGA	1020
CTTGATGGAT	CACCTAGTTT	TCTGGAACAT	GTCTTCTGGG	TGGTATCTTT	AAATACACTG	1080
TTCAATCTTG	TTTTTGCAAT	TTGCCCTTAC	CATATTGGTC	ATTTCTCCCT	TGTTGGTTTG	1140
GGATTTGAAG	AACACGTCCA	AGCATCTCAT	TTTGAAGGCC	TAATCACAAC	CATAGTTGGG	1200
TATATACTTT	TAGCAATAAC	ACTGATAATT	TGTCATGGCT	TGGCAACTCT	TGTGAAATTT	1260
CATAGATCTC	GTGCTTACT	GGGAGTCTGC	TATATTGTTG	TTAAGGTCTC	TTTGTTAGTG	1320
GTGGTAGAAA	TTGGAGTATT	CCCTCTCATT	TGTGGTTGGT	GGCTGGATAT	CTGTTCCCTG	1380
GAAATGTTTT	ATGCTACTCT	GAAAGATCGA	GAAGTGAAGT	TTCACTGCTG	TCCAGGTACT	1440
ACCATGTTTT	TGCATTGGCT	AGTGGGAATG	GTATATGTCT	TCTACTTTTG	CTGCTTCAAT	1500
CTACTACTGA	GAGAGGTACT	TGACCTGGT	GTCTGTGGT	TTCTAAGGAA	TTTGAATGAT	1560
CCAGATTTCA	ATCCAGTACA	GGAAATGATC	CATTTGCCAA	TATATAGGCA	TCTCCGAAGA	1620
TTTATTTTGT	CAGTGATTGT	CTTTGGCTCC	ATTGTCTCTC	TGATGCTTTG	GCTTCTCTATA	1680
CGTATAATTA	AGAGTGTGCT	GCCTAATTTT	CTTCCATACA	ATGTCATGCT	CTACAGTGAT	1740
GCTCCAGTGA	GTGAACGTGC	CCTCGAGCTG	CTTCTGCTTC	AGSTTGTCTT	GCCAGCATTA	1800
CTCGAACAGG	GACACACGAG	GCACTGGCTG	AAGGGGCTGG	TGCGAGGCTG	GACTGTGACC	1860
GCCGGATACT	TGCTGGATCT	TCATTCTTAT	TTATTGGGAG	ACCAGGAAGA	AAATGAAAAC	1920
AGTGCAAATC	AACAAGTTAA	CAATAATCAG	CATGCTCGAA	ATAACAACGC	TATTCCTGTG	1980
GTGGGAGAAG	GCCTTCATGC	AGCCCCACAA	GCCATACTCC	AGCAGGGAGG	GCTGTTGGG	2040
TTTCAGCCTT	ACCGCCGACC	TTTAAATTTT	CCACTCAGGA	TATTTCTGTT	GATTGTCTTC	2100
ATGTGTATRA	CATTACTGAT	TGCCAGCCTC	ATCTGCCCTTA	CTTTACCACT	ATTTGCTGGC	2160
CGTTGGTTAA	TGTGTTTTTG	GACGGGGACT	GCCAAAATCC	ATGAGCTCTA	CACAGCTGCT	2220
TGTGGTCTCT	ATGTTTTGCTG	GCTAACCATTA	AGGGCTGTGA	CGGTGATGCT	GGCATGATG	2280
CCTCAGGGAC	GCAGASTGAT	CTTCCAGAAG	GTTAAAGAGT	GGTCTCTCAT	GATCATGAAG	2340
ACTTGGATAG	TTGGGCTGCT	GTTGGCTGGA	GTTTCCCTC	TCCTTCTGGG	GCTCCTGTTT	2400
GAGCTGGTCA	TTGTGGCTCC	CCTGAGGGTT	CCCTTGGATC	AGACTCCTCT	TTTTTATCCA	2460
TGGCAGGACT	GGGCACTTGG	AGTCTGCTAT	GCCAAAATCA	TTGCAGCTAT	AACATGATG	2520
GGTCTCTGAT	GGTGGTTGAA	AACTGTAATT	GAACAGGTTT	ACGCAAATGG	CATCCGGAAC	2580
ATTGAGCTTC	ACTATATTGT	TGTAAGCTG	GCAGCTCCCG	TGATCTCTGT	GCTGTTGCTT	2640
TCCTCTGTG	TACCTTATGT	CATAGCTTCT	GGTGTGTTTC	CTTTACTAGG	TGTTACTGGG	2700
GAAATGAAAA	ACTTASTCCA	TGCGCGGATT	TATCCATTTT	TACTGATGCT	GCTGTTATTT	2760
ATGGCAATTT	TGCTCTTCCA	AGTCCGCTAG	TTTAAAGCGCC	TTTATGAACA	TATTAATAAT	2820
GACAAATACC	TTGTGGGTCA	ACGACTGGTG	AACTACGAAC	GGAAATCTGG	CAAAACAAGG	2880
TCATCTTCAC	CACCTTCACA	GTCAATCCAA	GAATAAAGTA	GTTGTCTCAA	CAACTTGACC	2940
TTCTCTCTTA	CATGTCTTTT	TTTGTGGACT	TCTCTCTTTG	GAGATTTTTC	CTAGTGATCT	3000
CTTACCTGTT	TTTTTAAGTT	AAATGTATTT	GACTTGTGTT	CTCAGCATTC	AGAGAGCAGC	3060
GGTGTAAAGT	TCTGTGTTTC	TCCTGGGATC	TTCTGACATT	ACTGCTGTCT	GAGATTTGTA	3120
TATGTGTAAA	TACAAATTTT	TTGATACCTT	AAAACCTTGG	ATTAACAGTA	ATGTGCATTT	3180
TACATCTTTA	AAACAAATGT	ATATTAATTT	ATTAATCTTA	GTTGTCACTT	TATTTTGGAC	3240
CTGCTGTGAT	CTGACAGGA	AACTGGCCAC	AGAGCAGTAG	TGCGCAGGCA	AGACTTTTCA	3300
GTACGCTTT	GTGAAAGCA	GTTCAATGAT	TCTAGCAGC	TCTCACTAAG	GCAACTGTAC	3360
ATTCTTTTCT	TCTTGGCTAT	TCAGACCTTA	CCAAGAACGT	TAAAGGAAAC	AAGTAGAAT	3420
CAGCAGTGA	GTGTCTGTGG	TAAGAAAACA	TGAACCTTAT	GCTTCACTGT	TAGTTGTTTG	3480
PGAAGTTAT	TTTGTATAAC	ACCAAGCTG	TTGTACATTT	CCTACTGCTT	GATTTTTTTC	3540
ATGTGTCTGT	TTTTTAAGTA	TTGTATAGTA	TCTTGTGCTA	GTTGAGGAAA	TTATTTTTTAA	3600
TTTTGTATAAT	TTAATATTCC	TAGTGTGATC	AGCATTGGGA	GTTGGGTTTC	AGTGGGGCAT	3660
GTCTATACTT	AGAGAAAAAA	AGTCCAAATG	AAGATTTTCA	TGAGTCAGCC	CCCCCGCCCC	3720

CCCTCAGCTC	AGATCCAT	CCCTCTCTTT	CCACACACAA	CTATCTCTTT	ATTTTTTTTA	3781
GCACTGGCTC	AAATCCCTGC	AAGTTCTATA	ATCTTTTAGA	GTGACATCAC	CAACTGTACT	3841
GCATCTTACT	GAATTTAGGA	CTTCTGAGAT	CTTGTGGAAG	TATAGATGTG	CTTCTGCTCT	3901
TAGATTGAGA	GCATTAGAGA	AGACTGGTTA	GAACATCTGG	TCTCCTTGGT	TAGTGGCTCT	3961
TTGGCTGAGG	ACTAGGTGTG	CATTTCTCCT	AGCTTTTCAT	CAGGAAATCT	CAAAATTTCT	4021
AAAGCTTTTT	TTTTACAGAA	TAAAACTTCA	AATAAAACCA	ATTCTATTAT	TGTCCAGAGG	4081
GAACTTTGGG	TGAGCTGGCC	TTTTAACATA	GGATGTATT	TCGTGCAAAA	CATTCTGAAA	4141
AATCTCAGAG	AACTGAACCC	TTACAAACTT	TCTTTTCCCT	CATAACCAAA	GCTTCACTTT	4201
AGAACTTTAG	AAAAATAGAA	TGCTTGGGTA	TATGATCTAA	ATGTTTAAAT	CTAAAGCTAT	4261
ATCTTAAGGG	TAGTCTTTCT	TTTTGAAGGA	TAATTTAGAA	GTTCTCATAG	AAAGCTGATA	4321
ACATAGGTCT	TCAGAACTTA	TAAAGGAATT	TTCATATAGT	ATTAAATCTC	ATAACTTAAA	4381
ATCTCAGAA	TTTTTAACAT	ATGCAAGTCA	GCCAAACATA	AGCTACCAAA	ATAAGAGCCA	4441
ATGTCTTCTG	GCTGTTTTAT	ACTTCAACAA	TTTTTTCCCT	AAGTGGTAA	CAATTACTCT	4501
AAAAATATT	TTTTAAAAAC	TCGGTATCGG	GAGCTGCGGT	GGCTCCGGCC	GCTTGTCTCT	4561
GCACACAAGG	AGGCGAGGCT	ATGCGTTTGA	GGCCAACTTA	GGCAAAATTG	G	4611

Name: 163

Len: 3074 Check:

F6A

CCGCTCTCTG	CTGGGGGGGA	GGCCATGGCG	GAACCTTCCC	AGGCCCCGAG	CCGGGCCCGG	60
GCTGCGCAGC	CCCGCCCTCT	TCACTCCCCA	GGCCCTGCCC	CAACTCCTAG	TCTGCTAGCT	121
AGCCCGGCTT	CAGCCCGGAT	TCCGACTCCC	ACCCCGGCAC	CAGCCCTCTC	CCCAGCTGCA	181
GGCCCGAGCG	GCAGCAGAGG	GACTGGGGGG	CCCGGGGTAG	GAACTGGGGG	GGCCGGGAGC	241
GGGGGGGATC	CGGCTCGGCC	TGGCTTGAGC	CAGCAGCAGC	GCGCCAGTCA	GAGGAAGGCG	301
CAAGTCCGGG	GGCTGCCCCG	CGCCAAGAA	CTTGAGAAGC	TAGGGGTCTT	CTCGGCTTCT	361
AAGGCCAATG	GAACCTGTAA	GTGTAATGGC	TGGAAAAACC	CCAAGCCCGC	CAGTGCACCC	421
CGCATAGATC	TGCAGCAGCC	AGCTGCCAAC	CTGAGTGAGC	TGTGCCCGAG	TTCTGAGCAC	481
CCCTTGGGCT	ACCACGTATC	CCACTTGGAG	AATGTGTGAG	AGSATGAGAT	AAACCGACTG	541
CTGGGGATGG	TGGTGGATGT	GGAGAATCTC	TTCATGTCTG	TTCACAGAGA	AGAGGACACA	601
GACACCAAGC	AGGTCTATTT	CTACCTCTTC	AAGCTACTGC	GGAAATGCA	CTGCGAGATG	661
ACCCCGGCTG	TGGTGGAGGG	GTCCCTGGGG	AGCCCTCCAT	TTGAGAAACC	TAATATTGAG	721
CAGGGTGTGC	TGAACCTTGT	GCACTACAAG	TTTAGTCACC	TGGCTCCCGG	GGAGCGGCTG	781
ACGATGTTGG	AGCTCTCAAA	GATGTTCTTG	CTCTGCCTTA	ACTACTGGGA	GCTTGAGACA	841
CCTGCCAGT	TTCGGCAGAG	GTCTCAGGCT	GAGGACGTGG	CTACCTACAA	GGTCAATTAC	901
ACCAGATGGC	TCTGTTACTG	CCACGTGCCC	CAGAGCTGTG	ATAGCCTCCC	CCGCTACGAA	961
ACCATCATG	TCTTTGGGCG	AAGCCTTCTC	CGGTCCATTT	TCACCGTTAC	CCGCGGCGAG	1021
CTGCTGGAAA	AGTTCCGAGT	GGAGAAGGAC	AAATTGGTGC	CCGAGAAGAG	GACCTCATC	1081
CTCACTCACT	TCCCCAAATT	CCTGTCCATG	CTGGAGGAGG	AGATCTATGG	GGCAAACTCT	1141
CCAATCTGGG	AGTCAGGCTT	CACCATGCCA	CCCTCAGAGG	GGACACAGCT	GGTTCCCCCG	1201
CCAGCTTCAG	TCAGTGCAGC	GGTTGTTCCC	AGCACCCCCA	TCTTCAGCCC	CAGCATGGST	1261
GGGGGAGAGC	ACAGCTCCCT	GAGTCTGGAT	TCTGCAGGGG	CCGAGCCTAT	GCCAGGCGAG	1321
AAGAGGAGGC	TCCCAGAGAA	CCTGACCCTG	GAGGATGCCA	AGCGGCTCCG	TGTGATGGST	1381
GACATCCCCA	TGGAGCTGGT	CAATGAGGTC	ATGCTGACCA	TCACTGACCC	TGCTGCCATG	1441
CTGGGGGCTG	AGACGAGCCT	GCTTTCCGGC	AATGCGGCCC	GGGATGAGAC	AGCCCGGCTT	1501
GAGGAGCGGC	GCGGCATCAT	CGAGTTCCAT	GTCATCGGCA	ACTCACTGAC	GCCCCAGGCC	1561
AACCGGCGGG	TGTTGCTGTG	GCTCGTGGGG	CTGCAGAATG	TCTTTTCCCA	CCAGCTGGCG	1621
CGCATGGCTA	AGGAGTATAT	CGCCCGCCTC	GTCTTTGACC	CGAAGCAGAA	GACTCTGGCC	1681
TTGATCAAGG	ATGGGCGGGT	CATCGGTGGT	ATCTGCTTCC	GCATGTTTCC	CACCCAGGGC	1741
TTCACTGAGA	TTGTCTTCTG	TGCTGTCAAC	TCTGAATGAG	AGGTCAAGGG	TTATGGGACC	1801
CACCTCATGA	ACCACCTGAA	GGAGTATCAC	ATCAAGCACA	ACATTCTCTA	CTTCTCTACC	1861
TACGCCBAGC	AGTACGCCAT	CGGCTACTTC	AAAAAGCAGG	GTTTCTCCAA	GGACATCAAG	1921
CTGCCCAAGA	GCCGCTACCT	GGGCTACATC	AAGGACTACG	AGGGAGCCAC	GCTGATGGAG	1981
TGTGAGCTGA	ATCCCTGCA	CCCTACACAG	GAGGTGTCCC	ACATCATCAA	GAAGCAGAAA	2041
CAGATCATTA	AGAACTTCTT	TGAGCGCAAA	CAGGCCCCAG	TCCGCAAGGT	CTACCCGGGG	2101
CTTACCTGCT	TCAAGGAGGG	CTTGAGGCA	ATCCCTGTGG	AGAGCGCTTC	TGGCATTTGA	2161
GAGACAGGCT	GGAACTCATT	GGGGAAGGAG	AAGGGGAAGG	AGCTGAAAGG	CCCTGACCCG	2221
CTCTACAGAA	CTCTCAAAAA	CTGCTGGGCT	CAAACTCAAGT	CTCACCCGAG	TGCTTGGGCC	2281
TTCTAGGAGC	CTGTGAAGAA	GTGGAAGGCC	CTGACTACT	ACGAGGTCTA	CCGCTTCCCT	2341
ATTGACCTGA	AGACATGAC	TGAGCGGCTG	CGAAGCCGCT	ACTACGTGAC	CCGGAAGGCT	2401
TTTGTGGGCG	ACCTCAGGCG	GGTCATCGCC	AACTGTGCGG	AGTACAACTC	CCCGGACAGC	2461
GATTAATGCG	GCTGTGGCAG	GGCCCTGGAG	AAGTTCTTCT	ACTTCAAGCT	CAAGGAGGGA	2521
GGCTTCTATG	ACAAGTAGGC	CCATCTTTGG	GGCGCAGGCC	TGACTTGGA	TGTCTCCACC	2581
TGGAATTTG	ATCTGATGCT	TAGGGGGTCT	CTTGGGCCCA	TGGACCGGAC	TCAGCTTGA	2641
ATATCTCAGC	CAAGGCTCCT	CTGGAACCCA	TCTGTCAGCT	CTTTCTGAT	CTTCAAGGAC	2701
CCCCAAGGCT	GCAGCTCTGT	CTCAGGCTTC	ACTGTGTGTG	AGAGGTCTCC	TGGGTTGGGG	2761
CCAGGCTCCT	CTAGAGTAGC	TGGTGGCCAG	GGATGAACCT	TGCCAGGCG	TGGTGGCCCT	2821

AGGTTTATTTT TCCCAAGAGG TTTGGAGGCT TGGATTGCTT GGGCTGGTCT AGTTGGTCTT 2440
TTGCTTGAGG ATTAGAACTG CTCATTTTAT CTTGAGTGA? GGCTTCAGGG GTTGGAAAT 2440
CAGGCTAAAC TTAAGGGGGG CATGCTTGT CCAGCAATGT TCTGTASTC TCCTGGAAGG 3000
GTGGGGTSTA TGGGGAGCAT TCAATCCCTG GCATTAATCC CTTAGAGGGA ATAATAAAGG 3000
TTTTATTTT TGTG 3000

Name: 244

Len: 6184 Check: 7A5

GAGGAGGGGT	GGAGGGGGGG	CAGCTGAGTG	GGGGGGGGGT	GTGAGTGTCT	TGCTCAASTA	40
CCTAATTTAT	GGAGGGAGGA	CAGTTTTGTC	CCATGAGCTG	GTGTGAACAG	TGTGTTGTCT	100
GATAGAAAT	TGTTTTGCA	AATCATCTCT	CTATTGCTT	ACAGAGCAAG	CAGAAAGAT	140
GGATGGATTG	AAGAGGCAAT	TGACTGTGTG	CTTTCTAOCCT	TCTGTGGCTT	TTTTAATCCT	240
AGTADGACT	CTAGGCAAG	CTAAGAGTGT	GACTAACAGC	ACTTTAAATG	GCACTAACGT	300
GGTTTTGGG	TGTGTGGGG	TAATCAITGC	CAGAAGTGAC	CATATCATAG	TCAAGGAAGG	360
GAAGAGTGGC	ITGATTAACT	GTAAGTGTTA	TGGCATCCCT	GACCCACAGT	TCAAGTGGTA	420
TAATTCATT	GGCAAGCTGC	TGAAAGAAGA	AGAGGATGAG	AAGGAGAGAG	GAGGAGGAAA	480
ATGGCAATG	CACGACAGCG	GGCTGCTGAA	CATCACCAG	GTATCCTTCT	CAGACCGAGG	540
TAAATACAG	TGTGTGGCTT	CTAACATCTA	CGGCACCGTG	AACAACACGG	TGACCTTGCG	600
CGTCATCTTC	ACTTCTGGAG	ACATGGGTGT	CTACTCATAG	GTGTGTGTCT	TGGTGGCCTT	660
CAGTATCTT	ATGTTCTCA	ATATCAACCG	TGTGTGATG	ATGAGCAAG	ATCTAAAGLA	720
GACTGAGAG	GGCATCAATG	AGTTCTTTAG	GACCGAAGGT	GCAGAGAGG	TGCAGAGGGC	780
ATTTGAGATC	GGCAAGGCA	TCCCATCAT	CACCTCCGCC	AAAACCTCTAG	AGCTTGCCAA	840
AGTCAGGCG	TTCAAAACCA	TGGAGTTCGT	CGCTACATC	GAAGAGCTTG	CCAGGAGCGT	900
GGCTCTGGCG	CCTCTCATTA	TGAAGTGCAG	GACTATCATG	GAGGAGATTA	TGSAGGTGGT	960
TGGGCTGGAG	GAGCAGGGGC	AGAATTTTGT	GAGGCATACT	CCAGAGGGCC	AGGAGGCGCG	1020
AGACAGGGAT	GAGGTCTACA	CAATCCCCAA	CTCTCTGAAG	CGGAGCGACT	CCCCCTGGCG	1080
TGACTGGAG	GGCTCATCGC	TGCACGAGCA	ACCTCAGCAA	ATTGGCATCA	AGGTGTCACT	1140
TGACCTGGAG	TCCAAAGAA	AGCATGCAGA	TGACCAAGAG	GGTGGAGAGT	TTGAAGTCAA	1200
AGATGTAGAG	GAGACAGAAC	TGTGGGGGGA	ACATTTCCCG	GAAAGTGCAG	AACTTCTTAC	1260
CGATGTCAAG	TCCACCGAGC	TAACATCTGA	AGAGCCAAAC	CCTGTGTAGG	TACAGATAAA	1320
GGTACTGGCG	CCAGCTTACC	TGGAAGCCAC	AGAGCCAGCA	GTGACACATG	ACAAAAACAC	1380
CTGCATTATT	TACGAAAGCC	ATGTCTAATA	CCAACCCCGA	AAAGCTATGC	ATATCAAGAA	1440
AATCAGGGGC	TGCTGCTTGT	AATACAGATG	TAGTACGCAC	TGCGCGCTAA	GGCTTACCAG	1500
GAGACTCTCA	TCCCTTAGGT	AGGAGTGATG	CCACTTTAAA	AGGAGAAACA	CCTGCCTGCA	1560
GTGAATGGGA	CTGGAATTTT	CCCAAGTAGAG	AAGGGTGCGA	GAAACATCAG	GGTGCAGAA	1620
TGATACCAAG	CAGAAAGGTG	CTATGTGATA	ATGAGTTTCA	GAGGCTGATC	TCTGCCAAAT	1680
ACCTTAATTG	GTGATGCTTT	CTTGGCAAAG	AGTACACCAC	TGTAAGATAT	TCTGAGTTCA	1740
AGAAGCTGT	CCAGTGCCCC	CTGCATTGCT	TTTTCTTTTA	AAAAGTATAG	GTCTGCTACA	1800
ATAGCAATG	CAGGTACGTG	GGTTTTTTTG	AGTTTCTTCT	CAGTTTTTAT	TTTGCTTTTC	1860
CTTTATAATG	GGGTCAITGT	TATTAATACT	AATTGTTCTT	TCTGTTTTAG	TCTCATTTGC	1920
CAGTTTTTGT	CTTATTTTTT	CCTAGAACAC	GTACCTCAGA	GACTTTGGTA	TGAGTCACCA	1980
GTACAGGGGC	TGATATCTAC	AAGTCACATT	ACATTTGTCA	TGTTCCAAAG	TAGTTACGAG	2040
GCTTGTATT	TTTTTTTCAT	TCOCCAGGCC	TATTTCCATA	GATAGCTTTT	TTTGTTTGT	2100
TCCAAAGGAG	CTGCTGTAA	ACGAAACTGA	GAAAAACTTT	GGCCCGGAAT	AGCACTTTAA	2160
TAGTCAAAAA	TGTGTTTACC	TGTCTGATTG	AGTGAGCCTT	TTGGTGAGCT	CAGCTGAGAT	2220
GTAGAGGGAG	ATTGTAAGAG	GTTAAATATA	CCCACACCAC	CCATGAAAGT	CAGCTGTTAA	2280
GTTACATCAT	CTCCTAATA	AAGACTGATT	CTTTACCTGG	AAAATATATT	GCTTCCAAAG	2340
ACATCAGATT	CAGTGGATTG	CTGTAGGTTA	TAGAATATTG	GCTTCCAAAC	AGGCTTGCAG	2400
GGACCATATG	CTGTTGATG	ACATATAACC	AGGTCTACTT	TTATGAAGTG	CATAGCTGAC	2460
TTGTTTGTTC	TTAAAGAGGA	AAGCGAAAGG	TTAGGGTAAT	AGCAAGAGGA	ACTGTGCCAT	2520
CAGATTTTAT	CCCAAGACTG	TTGAATAATT	ATGCACTCCT	GGCAAGAGGT	GGTTATATGT	2580
GAGGTGGGTG	ATGTTATGGA	AAGAAGACAA	AATTAGTCAT	CCCAAGGCTT	AATACCCACT	2640
GTCCTAATA	CTAGCTGCTT	GGTTTTGGAC	AAGTCTGGAC	CTGAGGTGCT	TTATCTGTAG	2700
AAGGCTCAGA	TGATATGAGC	TGTGAGCACT	GTGAAATGG	TATCACTGTC	ACACAGAAC	2760
AAATCAATAT	TGATATCTT	CTCCTTTTTT	ACAATGACTT	TAAAGATTTT	TGCTTTTCATC	2820
ICTTCTTCA	CTTAACATTT	TCATGCTTCA	TTACTTAAAT	AAAGATGTTG	GTTTTGAGAA	2880
ATAGATTTT	AAACAAATTG	TGGATCTTCT	CTTTCCAAAA	AAACCATTAG	GACCATCTCT	2940
GCATTAAGA	TTTAATATTG	GTGAGAAATG	GTGTTTATAT	CTAATTTTCC	CTTAAAGGCA	3000
AAGCAGAGAG	TAATCTTAAT	AAATTCATAG	GGGCGGTGGC	CACATCAGGT	AATGGGGTTA	3060
TSATGTGCA	GATTGATGG	AACACATTGG	TGATGAGAGC	AGACCCAGAT	CTTTATCTCT	3120
CAGTGTGCA	CCATGTGAGG	AGGTGACCTT	GGACAACTCC	CTTCTCTCTT	CTGGGATTTA	3180
ATCTTTTTCA	TCTGTAAAT	ATGCAGGTAG	TACTGTGAGG	CTGAGAGG	CTTCTCTAGT	3240
TGAAGATTT	ATAGTTTCA	GAAAGTTTGC	AGTCTTCCAG	GATGAGTAC	CTCGGTTGCA	3300
TGAGCAAGG	AAAAAATGGG	TCCATGAAAT	TGGATCTTTT	TGCTATCTAA	ACTTTACAAC	3360
AAACATTATC	TGCTCTGTA	ATTGAGAGCA	GTGGGCTTGG	TTTTAAACCT	AGCTTGTATT	3420

AGTTTCTTGA	TACATAACTG	TTGTGGAGG	TGATAGAACT	AGTCATGGAG	TTTGATGAGA	3480
CATCTCTTGA	AAAGSACTGA	ACTGTTGACT	TCTGGTTAGA	AGTCTTTTGG	GCAGTCACAT	3540
AAAATAATGA	GCAGTGAGAA	ATCAGGAGAA	ATTATGACTC	CTGTTGGGCT	TTCTGGACTA	3600
GCATGTATG	TTTTTGGGTT	GCAGAAAAST	TTTAACACCA	CCTCTTAGAA	TATAAAAAAT	3660
TTCTAGTTGT	CATGGAGGTC	CACASATTC	TTACCATGGG	TTTATATGTC	CAAAGCAACA	3720
ACAGAGGACT	TAAGTTTATT	TTGTGATACT	GTATGGATGT	TACCCCATTC	TATTCAGTTG	3780
TCATTCACAT	CAAAACCATG	IGTAGGTTTC	CACATGGAAA	GGAGAAAGCA	TCCATTCCAC	3840
CTAAGATATG	AATAGTGATA	ATAAGCTAAA	AGTGGGCAGA	TTTTCAATTC	AGCAAGAGCA	3900
GAATATATGG	GGCAAAAGAT	TTTTCTGAT	TGGTTTTGCT	CTTTTAGACT	GCAGTGGGGA	3960
GAGCTTATGT	AGATTTTCAA	AACTTTCTCT	CTCTTAAAGG	CATCATAATG	CTCTCGGTTT	4020
TGATAACAA	TGACATAAAG	GGAGGTTGAC	TTAAATGGG	AATTTCTCTT	TCCAAAAATG	4080
CTACATCTCT	CTATCCATC	CTACAGCTTC	TTTATGAAAT	GAGAGGCCCT	CCTGCTAGAA	4140
TATGAATGC	AGAAGACCTC	ATGACTTTCA	GCTGATTTTT	CAAAGATAAA	GTGAAGTSTT	4200
CAGCTTCATA	GAAATTCATG	CGAGTGTGAC	TGAACGTGTG	TGCATACACA	CTCGTGCACA	4260
TTGGACTCAT	TTGGGCAGTT	TTAAAAGCTT	CACACTAAAT	CCAAAGCCTC	CTCCTTTGGG	4320
TGSTATGTAG	TGTTTTGTAA	AATCAATTTT	TGGCTTCTGA	GTCTCCTGG	TCATATCTCT	4380
AGCAATGTTT	TTCTTGAAAT	TCTGAAATG	ATTCACATAT	GTGTGTACAT	TTAATTCACT	4440
TAGATATCT	GTAAACTTGG	ATGCTATTTA	TTCTAAATGG	GGAAAAAAT	TTTATATGGA	4500
AAATCTATG	TAATTTATAA	TGGTTTTGTT	TTATATATTA	TATTTTCATA	TCTCTAGGGC	4560
TCATCTATCC	TCATCTTTTT	GTATACCATA	CTTAGCAAAA	AGAAATACTA	ATACTTGAAT	4620
AAAACTCTTA	GGAAACCAAC	GTGATACATG	TGATATATAG	CTTCTAGAAA	TGCTCTAAA	4680
AACTCTTGAA	TGTCTCATCC	ATCCCAAGCA	TTATTGTGCT	GTGTCAATAT	GTCCAGAATG	4740
ATTTGTCTTG	GATGCTTATG	AGCATTTGTT	TTTCACAAT	AAGGTTGAAA	GACCTGACAT	4800
CTCACAAT	GGGTTCTGG	AATTCCTCTT	TCCTCCTTTA	TCTGTTTTTA	TTGTTTGT	4860
CATTTTTAAT	TGCAACAGTC	TATGTTGTG	AACTTTGTT	TTGAAGGGCA	AATGTGAGAT	4920
AAAGGAAAG	CAATGTGATG	GAAAGACTGG	ATGAATTTAC	CTATGGCTAT	GTAAATTATT	4980
TATATGGACT	GATAAGATGT	TTCAAGTCTC	ATGCTTGGAT	CTTTATTTAT	TGGTGAATCTA	5040
GGATCTGCTC	AGCTCTTTAG	CACATGAAGA	AAATCAGGTA	CAAAGGACAT	TTGCATGTTT	5100
GGACAGCAT	GCTCTAAGCC	CGGTGCAGCC	AACACAAATT	AACCTGACTG	TAGAAACACC	5160
AATTCAGCT	GCTGGAAGAA	ATGGTTTAGA	AAGGCAAAAC	AGATACCTTT	TATTCTGCCC	5220
TAGGAAATAC	AGTGTGTATC	AGTGCTAAAA	CTCTTCAGTG	GCAGTCACTG	TGGTTCTTTT	5280
AACTGGGGAT	TTCTTTTCAG	TGTTTCATTT	GGTACCAAAA	CAGAACATTT	ACCTTACATT	5340
TCAGATACTC	TGTTTTCTCA	GCAITGTTCA	GATACTTTCC	TTTACCGCTC	TTCAGGTACC	5400
CTTTTGGCAT	TGAGTAATTC	TATAAATGTT	TCTATCCTTG	GTTTTTAAAC	CAAGTTATTC	5460
ATACTCTTAA	AATATCTACC	AAATCTCATT	GTATTTTCAC	ATATTTTGAG	CATCAAGATA	5520
CTGGTCATTT	TAAAAAATCC	TTCAAGTAAAT	AGCACAGTTT	ATTTTCTTAA	TGACATTTTT	5580
AGGGTTTCTT	CATTGATCAA	CCAGGTTTGG	GTTACACAAA	TCAATTGTGG	GGGAAAAATC	5640
AAATAAAACA	ATTGCTTATT	ATATTTTCCA	AAGGACTGAG	CATTTATCTT	TTATTACCGA	5700
AGATATCATA	TGAGGATGAT	AATGATCTTT	AACAGATTTT	TTAGAGATAG	AATTTATAAA	5760
GAGGCTGATA	CTAAGAATAC	TACAATCAAA	ATTGAAGCTA	GAGAATGTAA	AAATAGAAAG	5820
TAAATAGTTC	TAAGAATATT	CTGGCATAAA	TTATTTTTAT	TTAGCCAATA	AAATAGCCTC	5880
CAAAATGTATA	TCTCAGACAC	CATAGAGCTG	CTAACAATGA	GAATCAAGGA	AGATGCTTGC	5940
ACTTAGATTT	CGTTTGTGTT	ATTTTCAGTAG	TTCTGGATGT	CCTTTGTAA	AATTGCAAAA	6000
TGAAAAAATG	TCTCGACAGA	AATGTCAATC	TGGTGATTCT	GTGAAGTGA	AAATGTTCAC	6060
TTTTAAAAAT	AAAGTTGTAA	ACAAGTTACT	CATATAAGTT	GGTATTACAG	TAGCAAAAC	6120
AGAAACCAT	GTGATCCATC	CTGTATTTTG	ATTGATGCTT	TAATAAAGGG	TTTGCACAGC	6180
TGTG						6184

Name: 265

Len: 4359 Check: 2395

GAGGTGGGGA	CTCACAATTC	CTGATGGGCC	TGTTTCTGCA	GGCTGGCGGG	AACACATGGA	60
ACGAGGTGGG	AGTTTGAAT	TTGATTTTCT	AGATAGAGAT	GATGAACGGG	GTTACCGAAG	120
GTTCTGCTCT	GGCAGTGGGA	GCATAGATGA	TGACAGGGAT	AGCTTGCCCG	AATGTTGCTT	180
AGAGGATGCT	GAAGAAAGAA	TGGGTACATT	TGACTCATCT	GGAGCATTC	TTCTCTTAAA	240
AAAGGTAGAG	AAAGAGCTTA	TTCCAGAGGA	GTAGGAGATG	GACTTCCGGT	CTGTGGACGA	300
AGGGGAGGAG	TGCTCTGACT	CTGAGGTAG	CCATAATGAA	GAGGCCAAAG	AACCCGATAA	360
GACAAATAAG	AAAGAAGGAG	ASAAAAAGAA	TAGAGTAGGA	GTGAAAGCTA	GTGAGGAAAC	420
TCCCCAGACC	TCATCATCAT	CTGCTAGACC	TGACTACTCT	TCAGACCATC	AGTCTCAGGA	480
AGCATCACAG	TTTGAGAGGA	AAATAGGAAC	AAAAACTGAG	CAAAAGGAAA	AAGCTGAAGA	540
GGAGACTGGG	ATGGAAAAATA	GTCTACCAAC	CAAGTGGCCC	AGCAGAGGGG	ATGAAATGGT	600
TGCTGATGTC	CAGCAGGCTC	TGTGGCAGAT	TGCTTCAGAT	ACAGCCTCTC	CTCTTCTCAT	660
ACTTCTACCT	CTGTTTCTCA	ATCTTAGTCT	TACTCTCGGG	CCAGTTGAAA	CACCAAGTTGT	720
AGGTGCTGCT	GTATGGGGCA	GTGTTTCTAC	ASAACTGAT	GATGAAGAA	GTCTCAAGCA	780
TTTGGAGCAG	CAAGCTGAGA	AAATGTTGGC	TTATCTCTAA	GACAGTGCAC	TAGATGATGA	840
AAGATTGGCA	TCAAAACTGC	AAGAGCACAG	AGCTAAAGGA	GTGTGATTC	CATTGATGCA	900

CGAGGCAATG	CGAGAGTGAT	ATTACAAAGA	TCCTCA GGA	GAAATTCAG	CTCCTTCAG	340
TAATCA AGAG	ATGCGAGAA	GSTTTGAGG	GGGCTATTTT	ACTATGTCTT	TATTTGGTGAA	1010
GAAGCTTGT	GATGAAAGCT	TCGAAGCTCT	TGGGATATG	ATGAAAAATGT	GAGGAAAGGGT	1081
TCATTTTCT	CGAGGTCCAG	CTCGCTCTCT	TCATATGGGA	GAGCTGGACC	AGGAAAGACT	1144
GAGGAGGAG	CAAGAACTCA	CAGCCTTATA	CCAGATGCCA	CACTGGCACT	ACCAGCAGTT	1200
TTTAATACAA	CAACAATATG	CACAGCTTTT	GGGCAACAG	CAGAAAGCAG	CACTGTCTTC	1260
CGAGGAGGAG	CAGCAGTTGG	CACTTCTTCT	TAAACAGTTT	CAGACCTTCA	AGATGAGAA	1320
ATCTGATGAG	AACATCATTC	CTCAGTAA	TAGGTCTGTG	TCCGTGCCAG	ATACTGGCTC	1380
TATCTGGAG	CTTCAGCCAA	CAGCTTCACA	GCTACABT	TGGGAAGGTG	GTAGTCTATG	1440
GATTTTCTCT	CTGACACCA	CGACACAGG	CTCTGCTGTG	GAACAGCTTC	AGCAGCTAGA	1500
GAAGGCCAAA	CTGCAAAAGC	TAGAGCAAGA	GAGAAAGAGG	GCAGAAATCA	GGGCAAAACG	1560
GGAAGAGGAA	GAGCGAAAGA	GGCAGGAAGA	ACTCCGAAGA	CAACAGGAGG	AAATTCCTTG	1620
GCGACAGCAG	GAAAGAGAAA	GGAAAAGGCG	AGAGGAAGAA	GAACCTTGCCT	GAAGGAAACA	1680
GGAAGAGGCT	CTGCTGCGCC	AGCGGGAGCA	AGAAATTGCA	TTAAGGCGAC	AGCGAGAAGA	1740
GGAAGAAAGA	CAGCAGCAAG	AAGAAGCTCT	TAGAAGACTG	GAAGAGAGGA	GAAGAGAAGA	1800
GGAAGAAAGG	CGGAAGCAGG	AAGAATTGTT	ACGCAACAG	GAAGAGGAGG	CTGCAAAATG	1860
GGGCTGGGAA	GAAAGAGAA	CCGAGCGTGC	ATTAGAGGAG	AACCGGCTGC	GGATGGAAGA	1920
GGAGGCACTC	AGATCTGGG	ATGAGCAAGA	AGAAAGGAAG	AGAAAGGAAG	TGGAGGTCCA	1980
CGGCGAGAGG	GAGTTAATGC	GCCAGAGGCA	GCAGCAGCAA	GAGGCTCTCT	GGAGGTTGCA	2040
CGAGCAGTCC	AATACAACAG	CATGTCACTC	CCAGGCGCAC	CTGTCTGTGG	CTGAAATCCA	2100
AAAAGTAGAG	GAAAGACGAG	AACGGCAGCT	TCGAGAAGAG	CAAAGGCGCC	AGCAGAGGGA	2160
GTTGATGAAA	GCTTTTCAGC	AGCAGCAGCA	ACAGCAACAG	CAGAAACTCT	CAGGTTGGGG	2220
GAATGTCAAG	AAAGCTTCAG	GTACACAGAA	ATCTCTTCTG	GAGATCCAGC	AGGAAGAGGC	2280
CAGGCAAAATG	CAAGAGCAGC	AGCAGCAGCA	GCAGCAACAC	CAGCAACCAA	ACAGAGCTCG	2340
TAACAATAAG	CATTCCAACT	TGCACACAG	CATTGGCAAT	TCTGTTTGCG	GCTCTATAAA	2400
TACTGTCTCT	CCTAACCACT	GGGCATCTGA	CCTAGTCAGT	AGTATTTTGA	GTAATGCTGA	2460
CACTAAAAAC	TCCAAATGG	GATTCTGGGA	TGATGCAGTG	AAAGAGGTGG	GACCTAGGAA	2520
TTCAACAAAT	AAAAATAAAA	ACAACGCCAG	TCTCAGTAAA	TCTGTAGGTG	TGTCTAACCG	2580
GCAGAATAAG	AAAGTAGAAG	AAGAAGAAAA	GTTGCTGAAG	CTCTTTTCAAG	GAGTAAATAA	2640
AGCCCAAGAT	GGATTTACGC	AGTGGTGTGA	ACAGATGCTT	CATGCCCTTA	ATACGGCAAA	2700
TAAGTTGGAT	GTTCCACAT	TTGTTTCTTT	CCTGAAAGAA	GTAGAATCTC	CTTATGAGGT	2760
CCATGATTAT	ATCAGGGCCT	ATTTAGGAGA	TACTTCTGAG	GCCAAGGAGT	TTGCCAAGCA	2820
GTTCTTTGAG	CGGCTGCCA	AACAGAAAGC	CAACCAGCAG	CGTCAGCAGC	AGCAGCTGCC	2880
ACAGCAGCAG	CAGCAGCAGC	CGCCACAGCA	GCCGCCACAG	CAGCCACAAC	AGCAGGACTC	2940
TGTGTGGGGG	ATGAACCACA	GTACACTCCA	TTCACTATTT	CAGACCAATC	AAAGCAACAA	3000
CCAACAATCC	AATTTTGAGG	CTGTGCAGAG	TGGCAAGAAG	AAGAAAAAGC	AGAAGATGGT	3060
CCGAGCAGAT	CCGAGTTTAT	TAGGATTTTC	AGTCAATGCA	TCATCGGAGC	CACTCAACAT	3120
GGGTGAAATC	GAGACGTTGG	ATGACTACTG	AGCACCTGCC	AGTGGACTGG	CCATCCCTCT	3180
CTGTCTGTGC	GACTATGGAG	TCTCCACCTT	TGGACACAAC	ACTTACTCAC	CATTTACTCT	3240
TTATCACTCT	GCAACAAATC	ACAGAACCGA	TCATCTCAGG	CTTTTCTTTC	TGGCCCTTTG	3300
GTGCAAGAT	TCTTTAATCC	ATTTTGTG	GTGAACATCT	CAGACTATAG	ATAAGTGGAC	3360
TGGACCTCT	GTCTTGGGGG	TGGCAGTTGG	GATTACTCCC	CAACAAGGCT	GATTTTAGGC	3420
AGCATGTGTT	CACTGTGCTG	TGATTTTATC	TACTGTCTCC	CAGAAAGTGT	GTGGGATCG	3480
GCCATTAGCA	GCTTGTCTTC	TCTGTCTACT	TCTTTCTTTC	TATTTTGTG	TCTCTCTTTC	3540
TTTTTCCCCC	CATCAGGGCA	AATGGTCTAA	CTGGTGCAAT	CATGAAGAGA	GTTAATGGTT	3600
ACAGACAATT	GGCAATAAAC	AAAACACCCC	ATGGACTGTG	ACTCGAGTAT	CCAACAGGCA	3660
GTCAAGGCTC	TCCGCTCTG	AAAGTTGCAT	TGCCACTGCT	AACTTTGGGA	TGCAATCAGA	3720
GAGGCTCTGA	GTGGGCTTGA	GATGAGGTTG	GTTTGGTTTG	ATGTTACACA	CTCCTCACTT	3780
GTCTTTTCTG	AGTGTCTCTT	CTCTGAAAGG	ATTTATGTTT	TTCTTCTGTA	GATAGTGACT	3840
TCTGAGCAAG	CTGATCTCCC	CTGGCATGCT	CCAACCTGAT	TGACAAAGG	AGCTCTATG	3900
GCTGCGGAGA	GAGATATTC	TTAATTTTTC	TTCTTTACAA	AAACTGATTT	TTCCCATAAA	3960
TATTTTACT	TCAGAGGACT	AGGACCATTT	TGTTTTGGGC	CTTCTGTG	AAAATTTGTC	4020
TGTTTTAAAG	GAGAGCTAGA	ATCTTTACCA	TATGATGAA	TTTGATATA	TTTATTTTTG	4080
GATAGGGATA	AACTTTTGT	TCTGATAAAA	GCCTGGAATT	TCATCTGTG	CTCAGAGCAT	4140
TGCTGTGTG	TTTGTCTGTA	GCCCGGAAAA	GTTTTTGTGT	AAAGATTCTG	GGATGGCAAG	4200
TTGTTTGCT	TTTTTGAAAA	GAGAACATAC	AGAACTCTG	CATCTTTAAG	ACCTTCATCC	4260
ATGGAATCTA	CTATACAGGA	GAGATGCACTG	GGCTGAGGAG	GATGGGCGAA	AATGGGAGCA	4320
GGAGGCTCTG	CTTGGCTTCT	GCTCATGGCC	TCTTAAACCC	TTAACTTTCA	AGTAGAAATG	4380
TACTCAAGCC	CTATTTATAA	ACAAATACTT	TCTTGGCTC	CACCAAAACC	CTACAGAAC	4440
TGACCTGAAA	TTTCCACTCA	CACTGGGTTG	GATCATTTGG	GCAGCTGTGC	CTGTGAGAGA	4500
GCTGCTGTGG	TCTGGGCAGC	CCCTGGAAAA	GCACCTTTGG	TGCTGTCTAT	TGTTGCTGTA	4560
AGAAGGCTGG	AGTTGCTCTG	AGAGCAGTTT	GGTTTTGGAG	TATTATATTT	GGCTTCTATT	4620

TTTATTAATTT	TGATATACAAA	ATGATGCTAT	CTTTTCTTCC	CTGCTGCTCT	TCTAAACATG	4740
TGTAATAAAGT	ATACAGAGAG	TGCTACAAAA	TTGTATATAG	TTTTTGGATC	AAATAGCATG	4800
AGGGGAGAGG	AAACCATTAA	AAGTTGGGGG	TCCTACTCTC	CTTTGCTTTG	TAAATTCAAA	4860
AGTTGGGGGT	GGSTAAGAGG	GATAGTTAAA	ATGTTTACAA	AACTTTAGGC	TCCCTCGGAA	4920
CTTTTGCCAG	TGTGGAGGAA	AATAAAAAAG	AACTTAAAT			4980
Name: 265		Len: 5676	Check: 102F			
GGATCCTTGA	GGGCACTGCT	GCGACTTTCA	GGTGAGGTCT	TAGCAGATGA	AAGGGGCTGG	60
CTGTGGGCG	CGCCAGTAAT	GCTTTCTGCT	CGGCACCTGG	CGTGAGCCAG	GTGTGCAACG	120
GTATTTCGG	CGAGGGTAC	AGCTGGCTAC	TCGCATGGGC	AGAGCGGAA	GGCGGCTGAC	180
TGGACTACAG	CTCCACAGAA	AGCCTTGTGG	AGGCGGCAAG	CGCGAAGCGG	CTGGGCGCAT	240
CTTGAATCT	GATCCTCCAT	CCCGGAGGCT	TTGGCTCTGC	GCGGCGGGCG	GCTGCTGCTC	300
CGGGAGGCGA	GTCTGCTAAA	AGGGGAGGAC	GTTGAGGACG	CGGCGGCTGG	CGGGAGAGAG	360
AGCTGGGAG	AGACATGGCA	GGGTGCGAGC	GCGGCTTGCG	CTCTGTGCA	TCAGCATCCT	420
CTTAGGCGTT	TCCACGCGCG	CCCGCTGGCG	GAGGGGCGGG	GCTGACGGCT	CTGGTACCCG	480
GAGTCGGGCG	CGCGGGCAGG	GGCGCGCGCG	TGCAGAGTGG	GGACCCCACT	GGGCTGTGCG	540
ATGCTGACCG	GAACCCACCG	AGGCGGGAGA	CAGAGCGCGG	CGAAGAGCCA	TTGAGTGGTC	600
ACCCAGTAGC	CGCGCGCGCG	GCGCGCTGGG	GAAGCTTGGC	ACCCGCTAGG	AGGGAAGATG	660
AAGGAGATT	GCAAGATCTG	TGCGCGAGAG	CTGTGTGAAA	ACCGAGCGCG	CTGGATCTTC	720
CACACGGGCT	CCAAAGCTCA	TGCCAGGTT	CTGCTTTCCG	ACGTCTTGGG	CAAGGATGTC	780
CCCGCGGATG	GCAAGGCCGA	GTTGCTTTGC	AGCAAGTGTG	CTTTCATGCT	TGATCGAATC	840
TATCGATTGG	ACACAGTTAT	TGCGCGGATT	GAAGCGCTTT	CTATTGAGCG	CTTGCAAAAG	900
CTGCTACTGG	AGAAAGATCG	CCTCAAGTTC	TGCATTGCCA	GTATGTATCG	GAAGAATAAC	960
GATGACTCTG	GCGCGGAGAT	CAAGGCGGGG	AATGGGACGG	TTGACATGTC	CGTCTTACCG	1020
GATGCGAGAT	ACTCTGCACT	GCTCCAGGAG	GACTTCGGCT	ATTGAGGGTT	TGAGTGGCTG	1080
GTGGAGAATG	AGGATCAGAT	CCAGGAGCCA	CACAGCTGCC	ATGGTTGAGA	AGGCGCTGGA	1140
AACCGACCGA	GGAGATGCCG	TGGTTGTGCC	GCTTTGCGGG	TTGCTGATTG	TGACTATGAA	1200
GCCATTGTGA	AGGTACCTCG	AAAGTTGGCG	AGAAGTATCT	CCTGCGGGCG	TTCTAGCAGG	1260
TGGTGGACCA	GCATTTGCAC	TGAAGAACCA	CGGTTGTCTG	AGGTTGGGGC	ACCGGACTTA	1320
GCAAGCACAA	AGGTACCCCG	AGATGGAGAA	AGCATGGAGG	AAGAGAGCGC	TGGTTCTCTT	1380
GTGGAATCTT	TGGATGCAAG	CGTCCAGGCT	AGCCCTCCAC	AACAGAAAAG	TGAGGAGACT	1440
GAGAGAAGTG	CAAAGGAACT	TGGAAAGTGT	GACTGTTGTT	CAGATGATCA	GGCTCCGCAG	1500
CATGGGTGTA	ATCACAAAGT	GGAAATTAGT	CTTAGCATGA	TTAAAGGTCT	TGATTATAAG	1560
CCCATCCAGA	GGCCCGGAGG	GAGCAGGCTT	CCGATTCCAG	TGAAATCCAG	CCTACCTGGA	1620
GCCAAGCCTG	GGCCTAGCAT	GACAGATGGA	GTTAGTTCCG	GTTTTCTTAA	CAGGTCTTTG	1680
AAACCCCTTT	ACAAGACACC	TGTGAGTTAT	CCCTTGGAGC	TTTCAGACCT	GCGAGGACTG	1740
TGGGATGATC	TCTGTGAAGA	TTATTTGCCG	CTCCGGGTCC	AGCCCATGAC	TGAAGAGTTG	1800
CTGAAACAAC	AAAAGCTGAA	TTACATGAG	ACCATATATA	CTCAGCACTC	TGTATCTGAT	1860
TCCCACCTTG	CAGAACTCCA	GGAAAAAATC	CAGCAAAACAG	AGGCCACCAA	CAAGATTCTT	1920
CAAGAGAAAC	TTAATGAAAT	GAGCTATGAA	CTAAAGTGTG	CTCAGGAGTC	GTCTCAAAAG	1980
CAAGATGGTA	CAATTGAGAA	CCTCAAGGAA	ACTCTGAAAA	GCAGGGAACG	TGAGACTGAG	2040
GAGTTGTACC	AGGTAATTGA	AGGTCAAAAT	GACACAAATG	CAAAGCTTCG	AGAAATGCTG	2100
CACCAAAGCG	AGCTTGGACA	ACTTCACAGC	TCAGAGGGTA	CTTCTCCAGC	TCAGCAACAG	2160
GTAGCTCTCT	TTGATCTTCA	GAGTGGCTTA	TTCTGCAGCC	AACTTGAAAT	ACAGAAAGTC	2220
CAGAGGCTGG	TACGACAGAA	AGAGGCGCAA	CTGGCTGATG	CCAAACAATG	TGTGCAATTT	2280
TGAGAGGCTG	CAGCAGACGA	GAGTGAACAG	CAGAAAGAGG	CTTCTTGGAA	ACATAACCAG	2340
GAATTGCGAA	AAGCCTTSCA	GCAGCTACAA	GAAGAATTGC	AGAATAAGAG	GCAACAGCTT	2400
CGTGCTCTGG	AGGCTGAAAA	ATACAATGAG	ATTGSAACCC	AGGAACAAAA	CATCCAGCAC	2460
CTAAACCCATA	GTCTGAGTCA	CAAGGAGCAG	TTGCTTCAGG	AATTTGCGGA	GCTCCTACAG	2520
TATCGAGATA	ACTGAGACAA	AACCTTTGAA	GCAAAATGAAA	TGTTGCTTGA	GAAACTTCGC	2580
CAGCGAATAC	ATGATAAAGC	TGTTGCTCTG	GAGCGGGCTA	TAGATGAAAA	ATTCTCTGCT	2640
CTAGAAAGAG	AAGAAAAAGA	ACTGCGCCAG	CTTGCTCTTG	CTGTGAGAGA	GCGAGATCAT	2700
GACTTAGAGA	GACTGCGCGA	TCTCCTCTCC	TCCAAATGAG	CTACTATGCA	AAGATGAGAG	2760
AGTCTCCTGA	GCGCAAAAGG	CGTGGAGTGG	GAAACAGTTAT	CTACTACCTG	TCAAAACCTC	2820
CAGTGGCTGA	AAGAAAGAAAT	GGAAAAACAAA	TTTAGCCGTT	GSCAGAAAGGA	ACAAAGAGAT	2880
ATCATTGAGC	AGTTACAGAG	GTCTCTTCAT				

AAAGAGGAG	TTAACTCAT	GGCTAAAAA	GAAAGAGAAA	ATCAGATGGA	ACTTTCTTCT	3480
CTACAGTCCA	TGATGCTGT	GCAGGAAGAA	GAGCTGCAGG	TGCAGGCTTC	TGATATGGAG	3540
TCTCTGACCA	GGACATACA	GATTAAAGAA	GATCTCATAA	AGGACCTGNA	AATGCAACTG	3600
GTTGATCCTG	AAGACATAAC	AGCTATGGAA	CGCTTGACCC	AGGAAGTCTT	ACTTCTTCGG	3660
GAAAAAGTTG	CTTCAGTAGA	ATCCCAGGGT	CAAGAAATTT	CAGGAAACCG	AAGACAACAG	3720
TTGCTGCTGA	TGCTAGAAGG	ACTAGTAGAT	GAACGGAGTC	GGCTCAATGA	GSDCTTACAA	3780
GCAGAGAGAC	AGCTCTATAG	CAGTCTGCTG	AAGTTCCATG	CCCATCCAGA	GAGCTCTGAG	3840
AGAGACCGAA	CTCTGCTAGT	GGAACTGGAA	GGGCTCAGG	TGTTACGCG	TGGGCTAGAA	3900
GAATTTCTTG	GAAGAAGCTT	GGAGCGCTTA	AACAGGCTGG	AGACCTTGGT	CGCTATTGGA	3960
GCTGCAGCTG	CAGGGBATGA	CACCGAAGAT	ACAAGCACTG	AGTTCAATGA	CAGTATTGAG	4020
GAGGAGGCTG	CACACDATAG	TCACCTAGCA	CTATAGCTTC	AGAAGCATTT	TTACTTGGAA	4080
GACGATGGAT	ATATTCCCTT	TGGGCTTTTT	GTAACGTGAA	CGCACACACG	AAGACAGGGA	4140
BTCTATGAA	GGCTGCTCGG	GGAGGTGGCA	GGGCGGAGGA	CCTGCTTGGG	AAGAAACTCC	4200
AAGAAGATTG	GAATGCTTCC	AAAGCAAGAA	TCTTTCTCAG	TGAAATCTCA	TTATACAAAG	4260
AGAACCTTAT	GCAACTTGAC	AAACCACTGA	GGTCATGGTG	ACTCAGTGA	CAGCAGATGG	4320
TACTTCAACA	GCAATCCCTT	GTCAAACCTC	AGAACCTGAG	GCTGAAACAT	TGCTTCCACC	4380
CACCATCAGT	GAAGATGTAA	CTAGCATGTT	ACAAGAGTGA	ATAATCTGGA	CTTCAGAGAT	4440
TAAGTACCCA	ATAGTATCT	CACAAGCACT	CACCGCAACT	CCTATAATCT	CTCCACTTTG	4500
TCCATGCCAT	TTAGCAATCT	CATCTCCTAA	ATGCACTGTG	CCTATGATTC	TTAAGGAGAA	4560
AGTGAATCAT	TGGTAGATAT	CCTGCACAAG	CAGCTGGACT	TTCCAGTAAT	AGCTTTCTTG	4620
GGGCTATTAG	GAATAATTA	CAAGAAATGA	GGCTTTCTGG	GTCTGCCTGT	ATGTCTTCTG	4680
CATAAGACAA	AGAAGAGACA	TCGAATCAAC	CAATAAGAAG	AGCCCAAATA	AGCATCCTCA	4740
AATCTTTTGG	GATTTGGCAC	TTGGGGACAT	GAGTAGTTGT	CTGGGATACG	TCATATTCTC	4800
AACAGTTTCT	TTGTAAGTAG	AGGATCACCT	TCTTATAATA	GGATCACCTT	CTTGTTGCTA	4860
TAGCTGTAAC	CGACCTTCCC	TTCTCCCTTG	AGTGCTTGCA	TGAGCTCCAC	TTTTCTTTT	4920
GCTTGAACAG	CTTCTCTGTA	GTCTCCTTA	CGATGCTTG	TGACTTTAAT	TATATACATC	4980
TCTGTCCCTC	CAGACAGATC	CCTCTGTCCT	CATCTCTGTA	TTTCATTGAG	GATCTTGCTT	5040
GAGAGAGAGG	GACCTGCAGG	ATGAACAAAT	GTCTACTCTA	AGACAGCTAG	ATTGGGAGGT	5100
TGGCTGCTCA	CTGATGGTTA	TAATGACTGT	GGGACAGGAT	TAACTTCAGA	ATAAATGAAC	5160
AGGAGACACA	GATATGAAGA	AAGTTTCTGA	TTGATATGGT	CTGAAGTACT	CCTGGTATTG	5220
CAAGTCATTT	GCTCTAATTC	TCAATTGTAG	GCAAACCTGAT	TTGTAAATTT	GCTTCTTCAG	5280
CCTTCTTTCC	TGTAGCCTAG	CATGGAGAAT	CTGACCAGAC	CCCATTTTGA	GAAGGTGAGC	5340
CTACACTGGA	ATGAACTTTT	TACATTAGGG	CATTTGTATT	TCCCTCACAA	TACTTGCCAC	5400
ATTACTTGGC	ATAGGAGAGA	TGCTTAGTGT	AATTATAAGT	TAACAAGCCT	TTGGATCAGG	5460
GCTTGAATCA	TGATAGACAA	AGTATATGCC	TGCTGGATGG	AAGAATCTCT	TGGGCGAGCA	5520
CCATTTTCTC	TTCCATCACC	TTTTCTTGAA	AATATATCTT	CAGCTTTGGG	TAGGAGGAAT	5580
CTTGGTGTAT	GAAATCATTG	CAAAATTTACT	TCATCTTTTC	TGGAGTTTGA	AGTTGTGACT	5640
CTCCTGCTAC	CAATTAATA	AAGCTTACTT	TGCCAT			5676

Name: 267 Len: 2483 Check: C86

TGGAGTTTGA	CTATTCTGAG	GACAAGAGTA	GTTGGGACAA	CCAGCAGGAA	AACCCCTCTC	60
CTACCAAAAA	GATAGGCAAA	AAGCCAGTTG	CCAAATGCC	CCTGAGGAGG	CCAAAGATGA	120
AAAAGACACC	CGAGAACTT	GACAACACTC	CTGCCTCAC	TCCCAGATCC	CCTGCTGAAC	180
CCAATGACAT	CCCCATTGCT	AAAGGTACTT	ACACCTTTGA	TATTGACAA	TGGGATGACC	240
CCAATTTTAA	CCCTTTTTCT	TCCACCTCAA	AAATGCAGGA	GTCTCCCAA	CTGCCCCAAC	300
AATCATACAA	CTTTGACCCA	GACACCTGTG	ATGAGTCCGT	TGACCCCTTT	AAGACATCTT	360
CTAAGACCCC	CAGCTCACCT	TCTAAATCCC	CAGCCTCCTT	TGAGATCCCA	GCCAGTGCTA	420
TGGAAAGCCAA	TGGAGTGGAC	GGGGATGGGC	TAAACAAGCC	CGCCAAGAA	AAGAAGAGCC	480
CCCTAAAGAC	TGACACATTT	AGGGTGAAAA	AGTGCCTAAA	ACGGTCTCCT	CTCTCTGATC	540
CACCTTCCCA	GGACCCACCC	CCAGCTGCTA	CACCGAAGAC	ACCACCACTG	ATCTCTGCCT	600
TGGTCCACGC	TACAGATGAG	GAAAAGCTGG	CGGTCAACCA	CCAGAAGTGG	ACGTGCTATG	660
CAGTGGACCT	AGAGGCTGAC	AAACAGGACT	AACCGCAGCC	CTGGGACCTG	TCCACCTTTG	720
TAAACGAGAC	CAAAATTCAGT	TCACCCACTG	AGGAGTTGGA	TTACAAGAAC	TCCTATGAAA	780
TTGAATATAT	GGAGAAATTT	GGCTCTCTCT	TACCTTAGGA	CGACGATGCT	CCGAAGAAAG	840
AGGCTTTGTA	CTTTATGTTT	GACACTTCTC	AGGAGAGCCC	TGTCAAGTCA	TCTCCCGTCC	900
GCATGTGAGA	GTCCCCGAGG	CGGTGTTTCT	GGTCAAGTTT	TGAAGAGACT	GAAGCCCTTG	960
TGAACACTGC	TGGGAAAAAC	CAGCATCTCT	TCCCAAGAGG	ACTGCCCCCT	AACCAAGAGT	1020
CACACTTGCA	GGTGCAGAG	AAATCCTCCC	AGAAGGAGCT	GGAGGCGATG	GCTTTGGGCA	1080
CCCTTTGAGA	AGCGATTGAA	ATTACAGCTC	CCGAGGGCTC	CTTTGCTCTT	GCTGAAGGCC	1140
TCTTCAGCAG	GCTAGCTCAC	CCCGTCTCTC	TCTGTGCTGC	ACTTGACTAT	CTGGAGCCCC	1200
ACTTAGTACA	AAAGAAACCC	CCACTATTGG	CTCAGAAACT	CCAGAGAGAG	GCTGTTTACC	1260
CAACAGAGCT	CTCCATCTCC	AAAACAGCCT	TGACTCCCG	CATCGGACCC	GCTGAGGTGG	1320
AGAAACCTGC	AGGCTTTCTG	TTCCAGCAGC	CCGACCTGGA	CTCTGCCCTC	CAGATCGCCA	1380
GAGCAGAGAT	CATAACCAAG	GAGAGAGAGG	TCTCAGAATG	GAAAGATAAA	TATGAAGAAA	1440

AGATGATAGA	GGAGCAACA	AGAGAGAAGT	CAGTCTCCCA	GGAGAGTCT	CTGGCCGACC	1620
TTCTGGAGAA	GGAGCAAGC	CTGSCCGACC	TGAATCCCGT	CTTCGCAAG	AAATGAAGAGG	1680
TCTTCAGAA	ATATGAGAA	ATGAAGSAGG	TCTTAGAAGG	CTTCGCAAG	AAATGAAGAGG	1740
TGTTGAGAG	ATGTGCGCAG	SAGTACCTGT	CTGGGCTGAA	GAAGSAGGAG	CAGAGGTACC	1800
AGGCGCTGAA	GSTGCAAGCG	GAGGAGAAAC	TGGACAGGGC	CAATCTGAG	ATTGCTCAGG	1860
TTGAGGCGAA	GGGCAAGCG	GAGCAAGCGG	CCGACAGGGT	CAGCTGCGG	AAGSAGCAGT	1920
TGAGAGTGA	CGCTCTGAA	AGGAGGCTGG	AGCAAGAGAA	TAAAGGATA	GAAGAACTCA	1980
CGAGAGTTG	TGAGAACTG	ATTGCGAAAA	TGGGAGAAAG	CTAACTCTGA	ACTGAATGTT	2040
TTGAGCTTAA	CTCTGCTGG	AAATGAGCG	TCGGTACACT	CTCTCTCTG	CAGTTCCAGT	2100
GACAGCTTCT	GTCTTCACTT	TTTCTATGCT	ACTACTGTAT	TTCTCTCTA	AAATAAATTT	2160
ATTTGATTTT	ATGAGTACT	AAGGAGACTA	TCAGAACTTC	TTGCTATTGG	TTTGCATTTT	2220
CCTAGTATTA	TTGATAGCAA	GTTGACCTCA	GAGTTCTGCT	ATTAGGAGAA	TTGCTGTGAT	2280
CTCTAATAAA	AGACACATTG	CTGACCTTGG	CTTTGCGCTT	TGTACACAA	TTCCGAGGGT	2340
GAGCAGTTTT	TGATTTAAT	ATGAACATGT	ACAGCGTGCA	TAGGAGCTCT	TGCTTTAAGG	2400
AGTGTAAACT	TGATCTGCAT	TTGCTGATTT	GTCTTTAAAA	AAACAAGAAA	TGCATGTTTT	2460
AAATAAAAT	CTCTATTGTA	AAATAAAATTT	TTTCTTTGGA	TCTTAAAAA	AAAAAATAAA	2520
AAAAAATAA	AAAAAATAA	AAA				

Name: 268 Len: 4143 Check: 130F

GGCTGATGAT	GACTGGTGGC	CAATGCAGAT	ACTAATTAAG	TGCTCTAATC	AAATTGTGAG	60
ACAGATGTTT	CAGCGTTTTGT	GTATCCATGT	GATTCAGAGG	CTGAGACCTG	TGCATGCTCA	120
TCTCTATTTG	CAGCCAGGAA	TGGAAGATGG	GTCAGATGAT	ATGATACCTT	CAGTAGAAGA	180
TATTGGTGCT	CTTTCTATGT	TCACTCGCTT	TGTGAGAAAC	CTGTTATTAA	TTATGGAACA	240
TGGTGTAAAA	CTCTACAGTA	AACATCTTAC	AGAGTATTTT	GCCTTCCTTT	ACGAATTTGC	300
AAAAATGGGT	GAAGAAGAGA	GCCAAATTTT	GCTTTCTATT	CAAGCTATAT	CTACAATGGT	360
ACATTTCTAC	ATGGGAACAA	AAGGACCTGA	AAATCTCTAA	CTTGAAGTGT	TATCAGAGGA	420
AGAAGGGGAA	GAAGAAGAGG	AGGAAGAAGA	TATCTCTCTT	CTGCGAGAA	AAAAATACAG	480
GCCAGCTGGC	CTTGAAGAGA	TGATAGCTTT	AGTTGCTCTT	TTGTTTGAAT	AGTCTCGATC	540
AGAAGGGGAT	TTGACATTAT	CACAGACTGA	CATGGCAGCA	TTACAGGAG	GAAAGGGGAT	600
TCCCTTTCTG	TTTCAACATA	TTGCTGATGG	CATCAATATA	AGACAAACTT	GTAATCTGAT	660
TTTCAGGCTG	TGTCGATACA	ATAATCGACT	TGCAGAACAT	ATTGATCTTA	TGCTTTTTCAC	720
ATCAATAGCA	AAGTTGACTC	CTGAGGCAGC	CAATCCTTTT	TTTAAGTTGT	TGACTATGCT	780
AATGGAGTTT	CTGCTGGGAC	CTCCAGGAAT	GCCTCCCTTT	GCATCTTATA	TTCTGCAGAG	840
GATATGGGAG	GTGATTGAAT	ACAATCCTTC	TCAGTGTCTA	GATTGGTTGG	CAGTGCAGAC	900
ACCCCGAAT	AACTGGGCAC	ACAGCTGGGT	CTTACAGAAT	ATGSAAGAACT	GGGTGAGCG	960
GTTTTCTTTT	GCTCACAATT	ATCCTAGAGT	GAGGACTTCT	GCAGCTTATC	TTCTGGTGTG	1020
CTTTATACCA	AGCAATTCAT	TCCGTCAGAT	GTTCCGGTCA	ACAAGGTCTT	TGCACATCCC	1080
AACTGGTGAC	CTTCCACTCA	GTCCAGACAC	AACAGTAGTC	CTACATCAGG	TCTACAACGT	1140
GCTGCTTGGT	TTGCTCTCAA	GAGCCAAACT	TTATGTTGAT	GCTGCTGTTC	ATGGCACTAC	1200
AAAGCTAGTG	CCCTATTTTA	GCTTTATGAC	TTACTGTTTA	ATTTCCAAAA	CTGAGAAGCT	1260
GATGTTTTTC	ACATATTTCA	TGBATTTGTG	GAACTTTTTC	CAGCTTAAAC	TTTCTGAGCC	1320
AGCAATAGCT	ACAAATCACA	ATAAACAGGC	TTTCTTTTCA	TTTTGTTACA	ATGCTGTGTC	1380
TGACTGTCCA	GAGAATATCC	GCCTTATTGT	TCAGAACCCA	GTGTTAATCA	AGAACATTGC	1440
CTTCAATTAC	ATCCTTGCTG	ACCATGATGA	TCAGGATGTC	GTGCTTTTTC	ACCGTGGGAT	1500
GCTGCTGAGG	TACTATGGCA	TTCTGAGGCT	CTGCTGTGAG	CAGCTCTCTG	CATTACACAG	1560
ACAGCTGGGT	TCTCACCAGA	ACATCCAGTG	GGCCTTTAAG	AATCTTACAC	CACATGCCAG	1620
CCAATAGCTT	GGAGCAGTAG	AAGAAGCTTT	TAACTGATG	CAGCTGTTTA	TAGCTCAGAG	1680
GCCAGATATG	AGAGAAGAGG	AATTAGAAGA	TATTAAACAG	TTCAAGAAAA	CAACCATAG	1740
TTGTTACTTA	CTTGGCTTAG	ATGGCGGCTC	CTGCTGGACT	ACTTTAATAA	GTGCTTTTCA	1800
AACTACTATTA	GAATCTGATG	AAGACAGACT	TCTTGTGTTA	TTTAATGAG	GATTGATTCT	1860
AATGACAGAG	TTTTTCAACA	CTTTGCACAT	GATGATCTAC	GAAGCTACAG	CTTGCCATCT	1920
GACTGAGAGT	TTAGTAGAAG	TTCTGTCAAT	ATTTCTTTCT	TTTTTGAAT	CTACAGCCCT	1980
TTATCTTTAG	AGAAAGCATG	TGAAACAGG	ATTAATGAG	TTTTAGGAGC	GAATTGAATT	2040
TGCTTATAAA	CTGTTAACTC	TTCTTAATTC	CTAGATCTCT	TCAGAACTTA	GAAATGCTGT	2100
TATAGATCTT	CTCAAGGAAC	TTGATCTTTT	GAGTCTCTAT	GATTTTCTTC	ATACTCTGGT	2160
TGCTTTTCTA	CAGACAAAGC	ATTGTAATTA	CCATCAGAGT	AATATACCAA	TGCTCTTTGG	2220
AGCTTATTTT	CTTGTCTGAG	AAAATATCAA	GTAATAGGA	GGGAAAGGCA	ATATTGCGCC	2280
TGCTGCTGCT	TAAGTCAATA	TGCTGCTCTT	GCTTCAATG	GTGGAAGGCA	CTAAGGCGAA	2340
AGATGAGGTT	TATGATCTGA	TGCTGCTAGA	CTACTCTTTT	TTTATCATC	AGTTTCATCA	2400
TTTATTAATG	TGATTTGCAA	TGAAGTGTGA	AAAATTTACT	GAAACATTAG	TTAAGCTGAG	2460
TGCTCTAGTT	CTTATGAAAG	CTTTGCGACT	TCATCTTGCA	CTGTTCTCTA	AACTTTGGAC	2520
TGAGCTATGC	TAGAGCTCAGT	CTGCTATGTC	AAAAAACTGC	ATCAAGCTTT	TGTGTGAAGA	2580
TCTTGTTTTC	GCAGAAATATA	TAAATGTAT	CCTAATGGAT	GAAAGAACTT	TTTTAAACAA	2640

CAACATTGTC	TACACGTTCA	TGACACATTT	TTTTTAAAG	TTTCAAGTC	AAGTGTTC	1700
TGAAGGAAAC	TGTGCGAATT	TGATTCAGCA	TTTTATTATA	AAGTTGATAA	CCCATATCA	1760
GAACGTACAG	TCTGATTTCT	CCAAACGAGT	TGAAATTTCT	AAAGAAAGTC	CTTCTTTAAA	1820
TGGGGACCTG	AGGGCACTCG	CTTTGCTCCT	GTCATACAC	ACTCTTAAAC	AGTTAAATCC	1880
AGCTCTAATT	CCAACTCTGC	AAGAGCTTTT	AAGCAAATGC	AGGACTTGTG	TGCAACAGAG	1940
AAACTCACTC	CAAGAGCAAG	AAGCCAAAGA	AAGAAAAACT	AAAGATGATG	AAGGAGCAAC	2000
TCCCATTTAA	AGGGGGGTG	TTAGCACTGA	TGAGGAGCAC	ACTGTAGACA	CTGTGATCAG	2060
TGACATGAAA	ACAGAAACCA	GGGAGGTCTT	GACCCCAACG	AGCATTTCTG	ACATGAGAC	2120
CAGACACTCC	TCAATTATTG	ATCCAGGAAC	TGAGCAAGAT	CTTCTTTCCG	CTGAAATAG	2180
TTCTGTAAAA	GAATACCGAA	TGGAASTTCC	ATCTTCTGTT	TCAGAAAGACA	TGTCAATAT	2240
CAGGTCAACG	CATGCAGAAG	AACAGTCCAA	CAATGCTAGA	TATGACBATT	GTAAAGAAAT	2300
TAAAGACCTC	CACTGTTCCA	AGGATTCTAC	CTTAGCTGAG	GAAGAATCTG	AGTTCTCTTC	2360
TACTTCTATC	TCTGCACTTC	TGTCTGACTT	AGCTGACTTG	AGAAGCTGTG	ATGGCCAAAGC	2420
TTTGGCCTCC	CAGGACGCTG	AGGTTGCTTT	ATCTCTCACT	TGTGGCCATT	CCAGAGGACT	2480
CTTTAGTCTAT	ATGCAGCAAC	ATGACATTTT	AGATACCCTG	TGTAGGACCA	TTGATCTAC	2540
AATCCACTCTC	GTCACAAGGA	TATCTGGCAA	AGGAAACCAA	GCTGCTTCTT	GACATTAGGT	2600
GTAGCATCTC	TACTTTTTAAG	TCCCTCAACC	CCAAACCCCA	TGCTGTTTTG	ATAAGTTTTG	2660
CTTATTTGTT	TTTGTGCTTC	AGTTTGTCCA	GTCTCTCTG	CTTGAATGTC	AAGATGATT	2720
TATAGGCTTA	ATTCTTGGTC	AGGCAGAACT	TCAGATGAAA	AAAACTTGCA	TCTTCAGTAT	2780
ACTTCTTAAA	GGGCAATCAG	ATAATGGATA	TGTTTTATGT	AATTAAGAST	TCACTTTAGT	2840
GGCTTTTCATT	TAATATGGCT	GTCTGGGAAG	AACAGGGTTG	CTTAGCCCTG	TACAATGTAA	2900
TTTAAACTTA	CAGCATTTTT	ACTGTGTATG	ATATGGTGTG	CTCTGTGCCA	GTTTTGTACC	2960
TTATAGAGGC	AGATTGCCCTC	CGATCGCTGT	GGTTCTTATT	ATCAAAATTA	AGTTTACTTG	3020
TATACGGAAC	AACCACRAGA	AATTTGATTC	TGTAAAGAAT	CTCTTTTASC	TGTGCGCTGG	3080
CAGTATATAA	ATGGTGCTTT	ATTTAACAGA	ATACCTGTGG	AGGAAATAAA	GCACACTTGA	3140

TGT
 Name: 269 Len: 1605 Check: 1799

AATGCGGAGA	GGATGGAGAG	CATCCTGCAG	GCAGTGGAGG	ATATTCAGCT	GGATCTGGAG	60
GCACTGAACA	TCAAGGCAGG	CAAAGCCTTT	CTGCTCTCTCA	AGGCGAAGTT	CATCCAGATG	120
CGAAGACCTT	TCTTGGAGCG	CAGAGACCTC	ATCATCCAGC	ATATCCAGG	CTTCTGGGTC	180
AAAGCACTTC	TCAACACCCC	CAGAATTTCA	ATTTTGTATCA	ACCGACGTGA	TGAAGACATT	240
TTCCGCTACT	TGACCAATCT	GCAGGTACAG	GATCTCAGAC	ATATCTCCAT	GGGTACAAA	300
ATGAAGCTGT	ACTTCCAGAC	TAACCCCTAC	TTCAAAACA	TGGTGATTGT	CAAGGATTC	360
CAGCGCAACC	GCTCAGGCCG	GCTGCTGTCT	CACTCAACCC	CAATCCGCTG	GCACCGGGC	420
CAGGAACCCC	AGGCCCGCTG	TCACGGGAAC	CAGGATGCGA	GCCACAGCTT	TTTCAGCTGG	480
TTCTCAAAAC	ATAGCCTCCC	AGAGGCTGAC	AGGATTGCTG	AGATTATCAA	GAATGATCTG	540
TGGSTTAACC	CTCTACGCTA	CTACCTGAGA	GAAAGGGGCT	CCAGGATAAA	GAGAAAGAAG	600
CAAGAAATGA	AGAAAGCTAA	AACCAGGGGC	AGATGTGAGG	TGGTGATCAT	GGAAGACGCC	660
CTGTACTATT	ATGCAGTGA	AGACATTTTC	AGCGAGATCT	CAGACATTGA	TGAGACAATT	720
CATGACATCA	AGATCTCTGA	CTTCATGGAG	ACCACCGACT	ACTTCGAGAC	CACTGACAAT	780
GAGATAACTG	ACATCAATGA	GAACATCTGC	GACAGCGAGA	ATCTTGACCA	CAATGAGGTC	840
CCCAACAACG	AGACCACTGA	TAACAACGAG	AGTGCTGATG	ACCAAGAAAC	CACTGATGAC	900
AATGAGAGTG	CAGATGACAA	CAACGAGAAT	CTTGAAGACA	ATAACAAGAA	CACTGATGAC	960
AACGAGAGGA	ACCTTAACAA	CAACGAGAAC	ACTTAAGGCA	ACAACTTCTT	CAAAGGTGGC	1020
TTCTGGGGCA	GCCATGGCAA	CAACGAGGAC	AGCAGCGACA	GTGACAATGA	AGCAGATGAG	1080
CCCACTGATG	ATGAAGATAA	TGATGGCAAC	GAAGGTGACA	ATGAGGGCAG	TGATGATGAT	1140
GGCAATGAAG	GTGACAATGA	AGGCAGCGAT	GATGACGACA	GAGACATTGA	GTAATATGAG	1200
AAAGGTATTS	AAGACTTTGA	CAGGGATCAG	GCTGACTACG	AGGACGTGAT	AGAGATCATC	1260
TCAGAGCAAT	CAGTGAAGA	AGAGGGCATT	GAGGAAGGCA	TCCAGCAAGA	TGAGGACATC	1320
TATGAGGAAG	GAAACTATGA	GGAGGAAGGA	AGTGAAGATG	TCTGGGAAGA	AGGGGAAGAT	1380
TTGAGGCACT	CTTACCTAGA	GGATGCTGTT	CAGCTCCCAA	AGGTTTGGGG	CAATCGGGG	1440
AAGAGGTTGA	AAACCGGATA	AGGGTTTTTC	CTTTTGGGG	ATCACCTCTC	TGTATCCCCC	1500
AACCACTATC	CCATTTGCC	TCTCTCTGAG	CTAGGGGAC	GCGGACCCAC	ATTGCACTTC	1560
TGCGGCTGTA	CCGACTTCTG	ACACGGGTTT	AAAGTTTATT	TTTTT		1620

Name: 27 Len: 421 Check: F84

AACGAAAGAA	ATGGGAATGA	CAGTAATAAA	CAAGATTTCC	CCACTGAGTA	TTGCAATGGG	60
ACTGCAGTAG	TCTTATCTTT	GAAATTCTGA	AAGGAAACAA	CTCTGTTCCA	AACAGTTAAA	120
TATGCAATTC	CAAAAAATGA	AGGTATTTTC	AACCTGCTACA	TTCACTGAAA	GCCCATTCAT	180
TTCTTTTACG	ATCCCAATGA	AGTACACGAT	CTGCTTAGCT	AAATAAGGTG	GCACAGGCGC	240
TGACCTCTTG	ATATGACAGG	ACAGTTTCTC	ATAAAACTAG	ACTTCTGACC	GCAGGCTCTC	300
AGTTTCACTT	TCTCAGAGGT	CATCATCTCT	ATCTGCGAG	AGCAGTCTCT	TGGAGCAACC	360
TGTAAATCA	TGCTGTACT	TGTGTGCGC	AAAGTTGGGG	TCCATGACCA	CNTCCAGGTG	420

Name: 171 Len: 2488 Check: 1806

GGCCGGGAACA	GGCGTTTAGA	GAAGATGGCA	GACGATATTG	ATATTGAAGC	AATGCTTGAG	60
GCTGCTTATA	AGGAGGATGA	GAACAAATGG	AGCAATGGCA	ACGGCCATGA	AGAACGTAGC	120
AAAAAGAGGA	AAAAAGCAA	GAGCAGAAAT	CTAGTGCATG	AACGAAAGAG	AAGCAAAAT	180
AAGGAAGGGA	AGCGAAATAG	AGACAGAGAA	AGGAAAAAGA	GCAAAAGGCC	TGARAGAAAG	240
CGAAGTAGAA	GCAAGAGAG	GGACGGAGC	CGCTCAAGAA	GTCGAGATTG	AAGATTTTGA	300
GGCGCTACA	GAAGTCTTA	CTCGGGACCA	AAATTTAACA	GTGCAATCTG	AGGAAAGATT	360
GGTTTGGTTC	ATAGCATCAA	ATTAAGCAGA	CGACGTTCCC	GAAGCAAAAG	TCTATTGAGA	420
AAAGAGAGGA	GGCTGTGAG	AGAACTTATT	GATAATTTAA	CTGCTGAGTA	AAGAGATGCA	480
AGGATAGTCT	TCTGATGCA	GCTGGGGGCA	AGAATTCGAC	CAAGGGATTT	GGAGAGTTTT	540
TTCTCTACAG	TAGGAAAGGT	TGGAGATGTG	AGGATGATTT	CTGACAGAAA	TTGAGAGCTT	600
TCTAAAGGAA	TTGCTTATGT	GGAGTTGGTC	GATGTTAGCT	CAGTGCCTCT	AGCAATAGGA	660
TTAATGGGCC	AAGCAGTTTT	AGGCGTGCCA	ATCATAGTAC	AGGCATCACA	GGCAGAAAAA	720
AACAGAGCTG	CAGCAATGGC	AAACAATTTA	CAAAAGGGAA	GTGCTGGAGC	TATGAGGCTT	780
TATGTGGGCT	CATTACACTT	CAACATAACT	GAAGATATGC	TTGCTGGGAT	CTTTGAGCCT	840
TTTGGGAAGAA	TTGAAAGTAT	CCAGCTGATG	ATGGACAGTG	AAACTGGTGG	ATCCAAAGGA	900
TATGGATTTA	TTACATTTTC	TGACTCAGAA	TGTGCCAAAA	AGGCTTTTGA	ACAACCTAAT	960
GCATTTGAAC	TAGCAGGAAG	ACCAATGAAA	GTTGGTCATG	TTACTGAAGG	TACTGATGCT	1020
TGCAATGCTA	GTTTCAATTTT	GGACAGTGAT	GAACTGGAAA	GGACTGGAAT	TGATTTGGGA	1080
ACAACCTGGC	GTCTTCAGTT	AATGGCAAGA	CTTGACAGAG	GTACAGGTTT	GCAGATTCCG	1140
CCAGCGGCTC	AGCAAGCTCT	ACAGATGAGT	GGCTCTTTGG	CATTTGGTGC	TGTGGCAGAA	1200
TTCTCTTTTG	TTATAGATTT	GCAACAAGA	CTTTCCGAGC	AGACTGAAGC	TTGAGCTTTA	1260
GCTGCAGCTG	CCTCTGTTCA	GCCACTTGCA	ACACAAATGT	TCCAACCTCT	TAACATGTTT	1320
AACCCCTCAAA	CAGAAGAAGA	AGTTGAGTGG	GATACCGAGA	TTAAGGATGA	TGTGATTGAA	1380
GAATGTAATA	AACATGGAGG	AGTTATTCAT	ATTTATGTTG	ACAAAAATTC	AGCTCAGGGC	1440
AATGTGTATG	TGAAGTGCCC	ATCAATTGCT	GCAGCTATTG	CTGCTGTCAA	TGCATTGCAT	1500
GGCAGGTGCT	TTGCTGGTAA	AATGATAACA	GCAGCATATG	TACCTCTTCC	AACCTTACCAC	1560
AACCTGTTTC	CTGATTCTAT	GACAGCAACA	CAGCTACTGG	TTCCAAGTAG	ACGATGAAGG	1620
AAGATATAGT	CCCTTATGTA	TATAGCTTTT	TTTCTTTCTT	GAGAAATCAT	CTTGAGTTAT	1680
CTTTTATTTA	GATAAAAAATA	AAGAGGCAAG	GATCTACTGT	CATTTGTATG	CAATTTCTCTG	1740
TTACCTTGAA	AAAATAAAAA	TGTTAACAGG	AATGCACTGT	GCTCATTCTC	CCTAAATAGT	1800
AAATCCCACT	GTATACAAAA	CTGTTCTCTT	GTTCTGCCTT	TTAAAATGTT	CATGTAGAAA	1860
ATTAATGAAC	TATAGGAATA	GCTCTAGGAG	AACAAATGTG	CTTTCTGTAA	AAAGCCAGAC	1920
CAGGGATGTA	ATGTTTTTAA	TGTTTCAGAA	GCCTAACTTT	TTACACAGTG	GTTACATTTT	1980
ACATTTCACT	AATGTTGATA	TTTGGCTGAT	GGTTAGCAG	TTTCTGAAAT	ACACATTTAG	2040
TGTATGGAAA	TACAAGACAG	CTAAAGGGCT	GTTTGGTTAG	CATCTCATCT	TGCATTCTGA	2100
TCAATTGGCA	AGAAAGGGAG	ATTTCAAAAT	TATATTTCTT	GATGGTATCT	TTTCAATTAA	2160
TGTATCTGTA	AAAGTTTCTT	TGTAAATACT	ATGTGTTCTG	GTGTGTCTTA	AAATCCCAAA	2220
CAAAATGATC	CCTGCAATTC	CTGAAGATGT	TAAACGTGA	GAGTCTGGTA	GGCAAGCAG	2280
TCTGAGAAAG	AAATAGGAAA	TGCAGAAATA	GTTTTGTCT	GGTTGCATAT	AATCTTTGCT	2340
CTTTTAAAGC	TCTGTGAGCT	CTGAAATATA	TTTTTGGGTT	ACTTCAGTGT	GTTTGACAAG	2400
ACAGCTTGAT	ATTTCTATCA	AACAAATGAC	TTTCATATTG	CAACAATCTT	TGTAAGAAAC	2460
ACTCAATAAA	AAGTCTCTTA	AAAAGGCC				2488

Name: 171 Len: 1769 Check: 15BD

GGTTCCACCC	ATTAGCATT	CTTACGTAGA	TAATCTTTA	TGCTAGTTA	TTATACATAT	60
TAATTTTAA	GGTATACAT	TAAATTACAC	AATTGTTTAT	TGTGTTTTGT	ATCCCAAGAT	120
GTGTTGTGTT	TTTTAAAGA	TGCATAATAG	CTGAATGTAT	GCATGACTTT	GAAGAGAGTT	180
AAATGGTGA	TTTTTTTCA	CCTCTTGTAC	ATTTTAAAC	CAGGCCAAAT	CTATTTGCCA	240
AGCAGGTGAT	CACTAATAAG	AAAAGCAGTT	TTTCCTTTTA	TTGCAGTTTT	TGTTTATCTG	300
CCATAGAAAT	CCCTTATACT	GTGGCTTGGT	ATTATTCAG	ATTAGCTATT	TGGCTGGTAT	360
TACATCTTTT	TAAAGGCTA	TTATAAGATG	GTTAGCCTAT	AAGGCAGTGT	TGCTCTCCTT	420
CTAATATTGG	CTTCATAAAG	GGTTCTTAC	GTACTTTCCG	CATATTACTG	TGTTTGTGTT	480
TTCTTTTSTG	GATATATAAG	CAAAATGAGC	TTGGGTGATT	TTTATGAGAG	CAATAATTAG	540
ACAATACTGT	ATAATTAGTT	TTACTTAATA	GATTATCATC	TTGTGAGAG	AGATGTTTAA	600
AGSTGGTAAA	TCACCTCATA	TTACAAAACA	GTTTTTACACT	TAATATGTTA	ACATTGGGTG	660
CAATAATTTA	GTAGCATTAG	CTTTAGTTAC	AAATATAACT	GGATCTTTCT	GCTGACAACT	720
TAGGTTGTAT	GAGTTATGCT	TAAAACTTT	AAATCTGATG	TTTCCTGTAC	CTGCCACACT	780
ATGTTAGAAT	GGTCTCTTCA	AACATATCCT	CCTGCAACTT	CTCAAACTGT	ACTAAATTGA	840
TATTTCTTGA	AGTCTAACTC	TGTGCTAACA	GATCTCCATT	TTAAATAGAA	TAGGTTTTTA	900
ATTTTGTGATA	AGTGTCTGAA	TTTTAAAGAG	AGTTTTTTGG	GGCCACCAAA	TAATTTGGAT	960
CATGCAAGAG	ATATATATTG	TACTGTAGTA	ATTTTGTATT	TACATTTGTA	TGATGTGACA	1020
TAATAATGAT	GAATGTTAAT	CAGTCTTGA	CTATGTTAAT	AAAGTTGTTT	AACATAAAAA	1080
AAAAAAGAAA	ACCCAGGCT	CCTTCAGATC	AATCCATCTA	TGCAAAATTTA	TGGGGAAAAA	1140

GATTCGAGTTS A TACATACA TTTCACTACT AGGTTTAGCA ATTGGGTAAT GAGAAAAATT 3120
 TCAATATTTC ASAGAGTCTT TCCCTTATTT GGGACTCCTA ACACGGTATC CTGGCTAGTT 3180
 TGTTTTAAGG GAAATANTCT GTTCTGTGCT GTGASTAGAG GCTTGTGCTT TGGCTTGTGG 3240
 TTTGACTTTC CTGAAACCA CCGCTCACCA GAAACATAAA GGATTAATAA TACACTAATA 3300
 ACCCTTGGAT GGTAAATCTG ATAATAGCAT CAGATTTAAG TCTACCTTAA TTCTTAACAT 3360
 TGGAGCTTTC TCTTATCTG CAGATTATTC CCAGTCTCCG AGTAACATCT TTCTACCTAG 3420
 ATCTTITTTT ATTTCTTTAA GTTTTATCTT CCGTCTTCTT GATGAABGAG GCAGAGCTCA 3480
 GAGATCTTTC GCATGACCTA TAAAGATTAG CTGAAAGCAG GGCAGCTCTG GATAAAGCAG 3540
 CTTTACTTAA CTCTTGGGAA TGCTATCATT TTTTTCCTAA AGTAGAAGG AAGGACTTCT 3600
 GAGCTAGTGA CCACTGAAAG STATGCTGTA TGATAAAGCA GATGGCTTAT TTGAGGAAGA 3660
 GGTCTCTCTT CTTTACAAA CAGCTCTCTC TCCCTTGCAC TAGCTGTCTC AAGCTTACAT 3720
 ACAGAGCTTC TTGAGGAGG CTTCTCTGTC CGCAGGGAGG GTGCTGCTGG AAGATGCTTC 3780
 CTGCTAGCAC GTTCTGAAG GTTTCACATG AAGCATGGGA AGCGCACCTT GTCTTCTAGT 3840
 GAGCTCATTC TTCTCAGGC TGGCCCCGCC CCTCTGACTA GGCACCCAAA GTGAGCATCT 3900
 GGGCATTTGG CATTCATGCT TATCTTCCCC CACCTTCTAC ATGGTATCAG TCCCAGCAGG 3960
 CATCCCTGGG GCAGACGTGC TTTGGCTCAA GATGGCTTCT ATTTACCTTT AGTTTTTTTT 4020
 AAAACCGTGG AGCTTGGCCA CCGGCTCTGG CACCTGGCCC TGGCAGCACA SCTCTCAGGC 4080
 CCAGCTCTGG GCTAGCTCTT TGGCTAAGTC TGGCTTTTCT GCTGGCTTGA GCATCAGTCT 4140
 TGGCTCTGCT GGTCCAGATC TTGCTCTCAG CACACTCTAG GGAATAATTT CACTCCAGAG 4200
 ATGGGGCTGC TTCAAGGTCT TTTCTAGCTG ATTGTGGCCC CTCCATTTTC CCCATTTTCT 4260
 TATCTCCCTG AAAAAAATTG CTTTGACTTC TAAATGTTTT TGCTTCCAG AATGCACCTG 4320
 ACTTATGAAA TGGGATAAT ACTCCCAGGA AATAGCGCAG GACATCACAA GGACCAAAAA 4380
 GGCAATTCTT ATTTAAATGT TACTATTTGG CCAGCTGCTG CTGTGTTTTA TGGCAGTGTT 4440
 CAGAGCTTGA TCAGCTTATT TCTTCTTTT ATTAAGAAGG AAGCCAATTG TCCAAGTCAG 4500
 GAGAATGGTG TGATCACCTG TCACAGACAC TTTGTCCCTT CTCCCCCTTC GAGGGCTTGA TCAGCAGCTG 4560
 CTGGCAGAGC TAAGGCCCTG CAGGAGGACC CCGGCTCTCT GAGGGCTTGA TCAGCAGCTG 4620
 CTTGCCCTGA GGTGCCCCCG GTGAATGTTA TTGGAATTCA CCAGAGATAG ACAGTAGAAT 4680
 GTGTTTTAAGT CACGAGATAT TTTGTTCCTA AACTGACTGG ACGGCTGCCA AGGAGGCCCC AAACCCAGGC 4740
 GCAATAACCT CCTTCCCTTA AACTGACTGG ACGGCTGCCA CATCTGCGCT TTCCAGATAA 4800
 CCAATGCAAA GGCACGTGGT TTCTTTTCT CCTCTCTCTG CAAATCAACT GTGACCTCTG CTCTTCCCAT 4860
 GGGCAAAAGC AACAACCTCT CCACTCATGA CAAATCAACT ATCTCACTCA TTAGCAGCCC CATCACCCAG 4920
 TTCTGTCCAT TAGAAACCAG CTTTTTCAGC ATCTCACTCA TTAGCAGCCC CATCACCCAG 4980
 TGATCAGTGG CCTCAGTAAA GCAGATCTGT GGTATGGGAG CCTACGGGTG GTAAGAAGTG 5040
 GTGTTTTGTG TTTTATCTCC AGCTTGGTGT TCCATGGCCC CTAGGCGAGG TGATCAGGGA 5100
 GTGGGGCCAA TGGGCCCCCG GCGCTGGCTT TGGGACCTTG TGCTGAGGGA TGATTTGCTC 5160
 CTGACCTTGA TTAACCTAAC AGTTCCCGAG TGGGAGGGAC ACTTTCAGGA CCCAGTCCAC 5220
 TGTATGGCAT TTGTGATGCA GAATTATGCA CTGACATGAC CCTGGGTGAC AGGAAAGCCT 5280
 TTCGAGAGGC CCAAGGTGGC CTCGCCAGCC CTGCACTATT GATGTGAGT ATTGCACCTC 5340
 AGCTCTGCGG ACCTTGGCCA TTGCGGAGT CGCAGCTTCT TTTTTCTGT TTGCACTGTT 5400
 TGTGTTGATG ATGTAGCTA ATTCCACTGT GTATATAAAT TGTATTTTTT TTAATTTGTA 5460
 AAATGCTATT TTTATTTGAA CCTTTGGAAC TTGGGAGTTC TCATTGTAAC CCAACATCT 5520
 GAGAATAAAA TGTCTTCTGT C

Name: 273

Len: 5047 Check: 2510

CCGTTGCTGT CCGCTTGTCT GTGCGGGGGG CTGTGCTCTG AGGAAGGCGG GGGCGAGCGG 60
 GAGCAGAAGA AGGAGGGAGG GAGGAGGCGG CTGAGGCGAC CACCGCCAGT ATGTCTTACC 120
 AAGGCAAGAA GAGCATCCCG CGGATCACGA GTGACGCTCT CCTTATCAAG GGAGGCAGAA 180
 TCGTCAATGA TGATCAGTCC TTTTATGCTG ATATTTACAT GGAAGATGGC TTAATAAAAC 240
 AAATTGGAGA CAATCTGATT GTTCTGAGAG GAGTGAAGAC CATTGAAGCT AATGGGAAGA 300
 TGGTGATCCC TGGAGGCATC GATGTCTATA CTCAGTTCCA GATGCCATAT AAGGGAATGA 360
 CCACAGTAGA TGACTTCTTC CAAGGGACAA AGCGGGCTTT AGCAGGTGGC ACCACCATGA 420
 TCATTGACCA TGTGCTGCTT GAGGCTGAGT CCAGGCTGAT TGAGGCTTAT GAGAAATGA 480
 GAGAGTGGGC TGATGGGAAG AGTTGCTGTG ACTATGCTCT GATGTGGAAT ATTCACCTCT 540
 GGAATGACAG CTTCAGGAGG GAAATGACGA ACCTCATCAA GGACAAAGGG GTTAACCTCT 600
 TCATGCTTTA TATGGCTTAT AAGGATTTGT ATCAATGATC TAACATAGAG CTCTATGAGA 660
 TTTTCACTTG TGTGGGAGAG CTGGGGGGCA TTGCTCAAGT TCATGCTGAG AATGGGGATA 720
 TCATTGCTCA GAGGAAACCC CCGATGTTGG AAATGGGGAT AACTGGGCTCA GAAGGGCATG 780
 TACTGAGCAG GGCAGAAAGG CTGGAAGGCT AGGCTGTGTT CCGTGGCCTC ACCATTGGCA 840
 GGCAGAAACAA TGGGCTCTCT TAAGTCACAA AGTTCATGAG CAAGATGGA GTTGAGCTCA 900
 TCTCAGAGC GAGGAAAAAA GGAATGTAG TCTTTGCTGA GGCATCACTT GGCAGCTCTG 960
 GCATAGATGG AAGGCTTAT TGGAGTAAAG ACTGGGCCAA GGGGCTTGA TTTGTGACAT 1020
 CCGCATCTCT GAGGCTGAG CCAACTACTC CGGACTACAT CAACTCTCTG CTGGGAGGCG 1080
 GGGATGTGCA GTTATGTTGG AGTGGCTACT GCACCTTCAG CACTGGCCTG AAAGCAATTG 1140
 GGAAGGACAA CTTTACAGGC ATTTCTGAGG GCACCAATGG TGTGGAGGAG CGGATGTCTG 1200

TCATCTGAAA	TAAGGCTGTG	GCATGAGGA	AAATGAGCA	AAAGCAATTC	GTGGCTGTGA	1260
CAGGCACAAA	CGCTGTAAAG	ATTTCAAGC	TGTATCCCG	CAAGGGGAAG	ATATCTGTGG	1320
GTCTGTACAG	CGACCTGTG	ATTTGGGATC	CAGATGCTGT	GAAATATGTC	TCTGTCAAGA	1380
ACATACAGTC	TGTGTAGAG	TAAACATAT	TTGAAGGJAT	GGATCTGCGC	GGGTGTCTTC	1440
TGGTTGTGAT	CTGCCAAGG	AAJATCATGC	TGGGAAGATG	CAACTTGCAC	GTJAGCCAGG	1500
GGCTGTCTCG	TTTCATAACC	TGTAGCCGCT	TCTCCGACTA	TGTCTACAA	CGCATTAAG	1560
CATGGAGGAA	GAAGGAGAG	CTGCATGCTG	TCCCAAGGCG	CATGTACAT	GGGCTGTGT	1620
TTGATTTGAC	CAACATCCCG	AAATGTGGA	CTCCGCTAGG	CTGTGCTGG	GGCTCTCTTA	1680
CTGTGATGAA	GCATCTGTG	AGAAATCTTC	ATGATCTGGG	ATTTAGCTG	TGAGGCAAGC	1740
AAATGATGAA	GGGCTTCCG	TCAAGCAGCA	AGGCGATCT	GGGCGCTTA	GGTGGGCTT	1800
CTAATATGAC	ATCTCTGAGT	TAAGCAAGCC	TTCTCAGAG	AGAAGGCGAG	AAGCAAGGAG	1860
AGATTTGTCT	GAAGCTAAAA	TGCTACATCG	ATATTTAAGA	AGGAAAGGCA	ATCCAAACGG	1920
CTGTGATGTA	AAGAATCAAT	AAGCCTCAAG	CTTTATGTTT	CTCCAAATGTT	AGGCTGGCTT	1980
GGCTAGCTTT	ACGAATATTG	CTTTGTTTTT	IGTTTATGCA	TAGCCTTGAT	TTGTTTGACT	2040
GGGCTCCGCG	CATTTACATG	CATGCAATCA	GACAGGCTAC	TAAGGTAAAA	GAGTCTGCTC	2100
TATCATAGTG	TTGAGAGCGT	GTGTAGTGCT	GCATCTTATG	ACAAGGGGAC	AGACAAGCTG	2160
GGAGCTCAGG	GAAATGAACA	AAAGGGACGG	AGGTTATTTG	GGGTGAGTGG	GTGGTGGGAG	2220
GGTGGAGCAA	GGTGGAGGGT	GCAGAGGGGC	TGCGGTAGGG	CATGTAGGAG	GGAGTGGGT	2280
GGGTGAGTG	AGTGGAGGGG	GTGTGTGATA	TTGTGTGAT	GACGTAGCTT	ATTTCCATGG	2340
AAGATAGGCG	CTGTGGGAGC	TGTCACATCA	CCACAGCTCC	CTAGGGTCTG	CCGAGAAGGC	2400
AGGCACTGCT	TGGGTTCTGT	CTTTGTGAC	GTCCCTTACA	AGTAAATTTT	GTTTCTTTGA	2460
ACGTTTATTA	AAATGGCAAG	AACCAACCAT	TTCTTCCAGC	TGCTTGATTG	TGCCAGTGT	2520
TGCTCAGGCG	TCTTTCTTAG	TGTTGCTTTC	AAATCCTTCT	CTTTCTCTGG	TTGGGAAGGC	2580
CAGGCAGGGA	CAGAGCAAAAT	GACACTTCTC	TTCTCTTTCG	CTTCCCTGCG	TCTTTGCTGC	2640
TCTTAAAGAG	CAGCAGCTGA	GAACATAGCA	CAGGCGGACG	TGGTGAGGCG	AACCAAGCT	2700
TAAGAGGCT	TCTTCTTAAA	CAGGCGGAGG	TGATCTCTCA	CTCTCTGTC	TTTGCAGGCT	2760
GAGAGGAGTG	GTATGCTTCT	GGCATCCCAA	GTGAGGATTT	TAGCTCAGAT	GAGGCAGGAT	2820
GAAGGGGCTC	TCTTACAGGC	AGTTTGTGTT	TGATCTCTCT	GATCCTGGCA	CATCCATGAT	2880
AAATAGGAGT	TTTTGAAAGT	TGTTTTTATT	AGGTGTTCCG	TAATTTTATC	CGTAATAGGT	2940
CATCTCAGCT	TATATGAAAG	TCAAGTGGGG	AACTGGGAAA	GCCAAAGTCA	GTCTTGAGCA	3000
GAGGGAGCAC	ATTTTGTGGA	CCTGGTTCCA	CTTTTCCATT	CCAAACCCAC	TGTTTTCCCT	3060
TCCATTAGCA	GAAACTCTGG	GGGAACCTTG	TGTCTCAGTC	CTAGAATCTC	CCCAAGTGAG	3120
TGGAGTGAAC	ATGATGCAGT	CTTCTCTCAT	GGGCACCTGA	AAGAAATTAG	TGTGGGTGCT	3180
TGATCTTACC	TTGTCTGTCA	GAGTTGAATA	TCTCTTTCCC	TATCATGCTG	CTTCTGAAAA	3240
TTGAGTTTTG	GAGCAAGTCC	TGTGAGCAAG	ATAAGAATCT	ATAGAACCAG	GATGCTCATT	3300
TTGGAAGAAA	ATATGTTCAA	CCTGGGATCA	GACTTCCATG	CTCTGGGGA	TCCAAGTGGT	3360
AGCACCTGTA	ACCTGTGTGA	CTAAGTGCTT	TGAAGAGAAG	AGCAGGCTTC	AGACACCTTT	3420
TAATTTGCTTA	GGAGAAACCA	TTCTCTCTGA	CTGCAGGTTT	GAATAAGTTG	AAGACCAGAG	3480
AAAGGTACAC	ACTGGGCTAC	AAAGGAATTT	GGAGATAGCC	AAGGAACAGG	ATTTCCCTTA	3540
GCAAGCTACC	TTCTGTTCAA	ATCATGAAAA	AAGACTATTT	CCCTTAGAG	TAGGGAGGCT	3600
TGCTATTTTA	AAGCTCTTGT	AGTCTTTTTT	TTTTAAGGGA	GATGTAGTAA	AAGGAAAAAT	3660
GTAGCTCTTA	GTTTACACTT	CAAGATGTG	GGGCTCTTTT	AGAGAACTAA	GAATAACAGT	3720
TTTAGGTGCA	GAGAGAGTTT	GGCAGATCTG	ATCATATAG	CTCATTGACT	AGGCTGTTAC	3780
TTTGGGATAG	GTGTCAGTAC	CAGCCACAGC	CAGCAGATAG	AGGAAAAGAC	ACACATAAAC	3840
TGGGTTCTGA	GGGTGCACTT	CTGCACTCTC	TGCTCTGCTG	TTACTCAGCC	CCTGAGTCTG	3900
ACTCATCTCT	GCACAACCTC	TCTGTGCCAT	GAAGATAAGT	CTTCCATGCG	CAAATGGGTC	3960
ATCCGCACTG	CCCTTGGGAC	TCTCGAAGTG	AAACATTCCA	CCAGAACCTT	TGATTCTGCA	4020
CAAGATTTTC	TTGCTCTGGG	AACCAAGGCC	AAATGGGCTT	GGGAGGAACA	ACATGAGCTC	4080
AGGAAGGCTC	TCTTTCTTCA	CTTACCATTA	CTAATCTCTC	AAGCATAGAA	ATCCCTGGGA	4140
ATGCGAGAAA	TAACCTCCAC	TATTTTAAAA	TTTATATTC	GATTTGTTTC	GTTCATAG	4200
ACACATCAAA	CAGGCTTATA	CAAAAGTTTT	AGGAAAAGAA	AACAATGGTG	AGTCCGGGCG	4260
CTCTTGAAT	TCACTGGGAG	CTCATGCAAG	TGTAGGAAGG	CAGGCTGGAT	CGTCTATCTG	4320
ACTCCAAAGC	TGTCTTTTGC	TATCTTATCC	CTTGGGCTGG	CCGCAACTTC	TGAGGATGCC	4380
CTGTGATGTC	CCCTCAACCTC	CTCATATTTG	CTCTGAAGCC	AGATGGCAAT	CCATCCCGGT	4440
CTCTGTGAG	GGGCAAGGGC	TTGGGTAGTG	GAAAGGGTGT	TTGGGAAATT	GTTAAATCAG	4500
CTACCGGTAG	TAGAGCTATT	TCTTGTACTT	CTAATTTTTC	TAGAAGTGG	AGGATTGTAG	4560
CTATCTGAA	AAATGGGTTT	CTTCAAAATC	CCTCAGGCTT	GTCTTTCAG	ACTGTCTATA	4620
CTGAGAGGCT	CATGTTTCCA	CAAGGGGCTG	ACAGCTTACG	CTGGATTTTC	ACTCATGCTT	4680
GAGAAAGGCT	TTCCAGTAGG	GTGGGCAATC	CCCAACTTCC	TTGCCACAA	CTTCCAGGCG	4740
TTTCTTCCCT	GGAAAACTCC	AGCTTATGTC	CCAGATACAT	TGAGGGGCTG	CCCTGGGCGG	4800
CCAATATTC	TTGTAAGTTC	CTTCTTTGAA	AACTGCTGTC	TGGGTGTCGA	GTCTGTGTC	4860
TGGTGGGTAT	GGACAGACAG	TAATCTCTCT	TGATCTCTCT	TAGCTGTGAG	GCAGCTCTGG	4920
AACTGGAAGA	GCTGTTTGGT	TTGAAACCTG	AACAAACTG	TGTTTTGAGT	TTAGCTGACA	4980

TTAAAGAAAA AAGTTTATCA CCGTGAAT TT AATGTAAACG TGGTTATCAA TATAAATATG 5146
AAATTAC 5047

Name: 274 Len: 1031 Check: 18CE
GACAGAGATG GACACAGGGT GGTACCACTA AGTGTCTCTC CGTTTADGTC AACCCAGTGC 60
CCGTTTGGGG CCGCAGGCTG AGTTCCAGTG CCAAGGOCAG CAGTGGCTGC GGCTCCGGTT 120
CCGTTTGGGG CTCCAAGCTC ATCTTCAGAG CCGTGGGOCAG CAGTGGCTGC AACTGGGGGT 180
CGTGGGTAAG CCGCGGCTTC AGGSCAAGGT CCAAGGOCAG CCGTGGCTGC CGTTCTGGCT 240
GGTGGTGGT TTTAGGGGG CTTCCCGGGG GGGGGGGTGG TCAGTTTGGT CCGTGGCTGC 300
TTGGTTTGA TTTGGGAGAG CTAGGAGAGA CCGTGGGAGG GTTTTGGGG AATTATGGGG 360
AAGTTTGGGG TAACTGTGGA CAAACACTCA GTTGGGTC CCGTGGCTGC TTTATGGGG 420
CAGATGAGT CAGAGATGGA AGTGGCTGT ATCTGGGCT GGTAGGCTAG GGGGCTAGC 540
CTGGTAAAAA AAGTTTGGGG AAATGAGCTC ATCTGGGCT GGTAGGCTAG GGGGCTAGC 600
ATCAGAGAGC ACTGTGGTGT GATCCATGAG TACTACAGCC GAGAGGGGGG CAAACCCATC 660
CAGTGGCTGC TGGAGCAGAG TCTCCAGAAC GGGGGGATGA GCATCAAGAG CTAGCTCAGC 720
AATTTAATGG GAGTGGCTGG GAGGACCATG GGAATGATGT TCAGGGCTCT GACAGTGAAA 780
TACGGGTACT ACGACACTGA ACGCATCGGA GTTGAAGCTA TCATGAAGAG CTGGTTTAGC 840
CCCAAGAGAG TGATTGGACT CTCAAGTGAC TTGCAGCAAG TAGGAGGGGG ATCAGCTCGC 900
ATCAGAGAG CCGTGGTGT AGTGTGGCA TATGGAGAGG ATCTAGGCTG TGAAGGGGTG 960
TCAGCTGACA ATACTGTGGG CCGCTTCTCT ATGAGGCTGG TTAAGCAAGT ACGGAAATA 1020
GTTGGGATG ACTTTGAGAC CATGCTCAAC AGCAACATCA ATGAGCTTTT GATGGTGACC 1080
TACCTGGGCA ACCTCAGACA GTCACAGATT GCACTCAATG AAAAAGTGT AAACCTGTGA 1140
ATGGAGGGGA AGCAGTACAC TTGCTGGTCT AGGTATTAAC CCGAGGACTC AGAAGTGAGG 1200
GAGAAATGGG TTTTTGTGG TCTTGAGTCA CACTGAGATA GTCAGTTGTG TGTGACTCTA 1260
ATAGAGGAG CCTAGCTTTT GTAAAAAAA A 1320

Name: 275 Len: 8363 Check: 1FA2
GGGATGGGG GGGGAGGGGG GGGTCATGG TCAGGGGTGG CTCTCAGGAA CAGCAGGGA 60
AAGTTTGGGT CCGTGGCTGG CTCCGGGGGG CCGTGGGTGG TGGGACTTTA ATTAAGGGG 120
CGTGGGTGG CCGAGGGGTGG AGCAGGGGGG CCGGGGCTTC TCGGGGCTCA AAATGAGTAG 180
CTGGGCTCT CCGGGGGGGG AGAGGGGGGG AGGGGGGGCT CCGGGGGGGG GGCTCGACAC 240
GGGGAGGGGG GAGATGGGG CCACCGAGAA GGACCTGGGG GAGGAGGGGG CGTGGAGAA 300
GATCCAGCAG AACACTTTCA CGCGCTGGTG CAACGAGCAC CTGAAGTGG TGAGCAAGGG 360
CATGGGCAAC CTGCAGAGGG ACCTGAGCGA CCGGGCTGGG CTTATGGGCT TGTGGAGGT 420
GCTCAGGCTAG AAGAAGATGG ACCGCAAGCA CAACGAGGG CCGACTTTCC GCGAAATGCA 480
GCTTGAGAAC GTGTGGGTGG CGCTCGAGTT CCTGGACCGG GAGAGCATCA AACTGGTGTC 540
TATCGATAGC AAGGGGATGG TGGACGGGAA CCTGAAGCTG ATCTGGGGG TCATCTGGAC 600
CCTGATGGTG CACTACTCCA TCTCCATGCC CATGTGGGAC GAGGAGGAGG ATGAGGAGGG 660
CAAGAGGAG ACCCGCAAGC AGAGGGCTCT GGGGTGGATC CAGAACAAGC TGCCGGAGCT 720
GGGATGAGC AACCTGAGCC GGGACTGGCA GAGCGGGGGG GGTGTGGGG CCGTGGTGGA 780
CAGCTGTGG CCGGGGCTGT GTCTGACTG GGAATCTGG GAGGCGAGCA AGCGGGTTAC 840
CAATGGGGA GAGGGGATGG AGCAGGGGGA TGAATGGCTG GGCATCGGG AGGTGATCAC 900
CGGGGAGGAG ATTGTGGAG CCAACGTGGA CGAGCACTCT GTCATGAGCT ACCTGTGGCA 960
GTTGGGCAAG GCGAAGGTGA AGCGAGGGGG TGGCTTGGGG CCGAAAGTGA ACCGGAAGAA 1020
AGCGGGTGG TACGGGGGAG GCATCGAGCC CAGAGGCAAC ATGTGAGGA AGGGGGGCA 1080
GTTCACTGTG GAGACAGAA GTGCTGGGCA GGGAGGAGTG CTGTGTAGG TGGAGGAGGG 1140
GGGGGAGAG CAGGAGGAGG CAAAAGTGAC CCGCAATAAC GAGAAGAAGC GCACTTCTC 1200
GCTGTGGTAC GTGGGGGAGG TGACGGGGAG TCATAAGGTT ACTGTGGCT TGTGTGGCA 1260
GCATAGGGG AAGAGGGGCT TCGAGGTGTA CCGGATAAG TCAGAGGGTG AGCGAGGCA 1320
AGTGAAGGG CAGGTTGGGG GCTGGAGGG CAGTGGCAAC ATCGGCAACA AGACCACTA 1380
CTTTGAGATG TTTAGGGGAG GAGCTGGGAC GGGGGAGGTC GAGTTTGTGA TCGAGGAGGG 1440
CATGGGAGAG AAGGGGAGGG TAGAGGCTCA GGTGGAGGG CCGGGGGGCA GCACATAGGG 1500
TGGAGGATAG CAGTGGGAG TGGAGGGGG CCGACCGGTG CAGGTGAGGT TGGGGGGGG 1560
GGGATGGCT CAGAGGCTGT AACTGTGAC TGTGGGCAA GGTGTAGGG CAGTGGCTG 1620
GGGGGCTGT GGGGGGGGG TCCAGGGGAA GGGGTGGGG GTGAAGGAGA CAGTGGCTG 1680
GAGGTGATG ATAGAGGGGG AGGTTGAGG GGGGGATGG GTGTATGGCT TCGAGTATTA 1740
TGGAGGAGG TGGTTGAGG AGAAGGAGCT GGGGGATGG GTGTATGGCT TCGAGTATTA 1800
CGGATGGTG CCGTGGAGCT ATATCGTAC CATCAAGTGG GGTGGTGAAG ACATGGGGGG 1860
GAGTGGCTG TAAATGAGG TGGGCAAGGA GTGTGGCAAT CAGAGGATAG GGGGGTGGGG 1920
TGTGGGGTG GAGGGGGGG TGTGGGCAA GTGAGGAGC TTTGTGGTG AGGCTATGG 1980
GGAGGAGTG GGGGCTGTG GCTTGTGGGT GGAAGGGGCA TCGGAGGTA AGATGGAATG 2040
TGAAGAGAG GGGGAGGCT GTGTGATGT GGGCTACTGG CCGGAGGAG GTGGGAGTA 2100
TGTGTGGTG GTGTGTGGA AGAGGGAAGA CATCGGCTC AGGGCTTTCA TGGGTGAGT 2160
CGTGAAGTG CCGAGGAGT TCGAGGAGG CAGGGTGAAG GCAAGTGGG CTGGATTTGA 2220
GAAGAGGAG GTGGGGGTC AAGAGGAGC AGAGTTGACA GTGGATGGA AGCAGGGTGG 2280

CAAGGCGCTA TTTCGGGTTC AAGTTCAGGA GATGAGGRC TGCCCTGTAG AGGCTTGGT 2341
CAAGGAGAAC GGCAATGGCA CTTAGAGTG CTTATATTA CCGAGGAAGC CGGTGAGCA 2400
CACAGGATAG GTGTCTTGGG GAGGNTDAG CATTCTTAA AGCTCTTTA AGGTGATBT 2460
GGGAGCTGG AGGCACTTA ACAAGSTCAA AGTAACGGT CCGAGGAGG 2520
GCTCAAGGCT CAGGAGCTTA CTTACTTCAC TGTGACTGC GCGAGGCTG GCGAGGGGA 2580
CGTACGCTAG GATATCAAGT GTGCCCCGAG AGTGGTAGGC CCGGCGGAG CTGACATCGA 2640
CTTCGACATG ATCGCTAATG ACAATGACAC CTTACAGGTC AAGTACAGC CCGGCGGAG 2700
TGGTACGTAG ACCATTATGG TCTCTTTTTC TGAACAGGCT ACGGCTTGA GCGGCTTGA 2760
AGTCAAGGTG GAGGCTTCTG ATGAGGCGAG TAACTTGAAG GCGGCTTGA 2820
TGGTACTGCT GTGAGGCTT GCAAGGCGAG CCACTTGAAG GTGCTTGAAG 2880
CAAAGGCGAG CTGAGGCTT AGTTCTCAGG ACTGAGGAG GGGGATGAG TGGGATGAG 2940
GGACATGATG GAGGAGCTG ACAACAGCTA CAGAGTGAAG TACAGGCTG TCGAGTGGG 3000
TCCAGTAGGCT GTCAATGTCA CTTATGGAGG GGATCCCATC CTTAAGAGGCT CTTTCTCAGT 3060
GGCAGTATCT CCAAGGCTTG ACCTCAGCAA GATCAAGGTG TCTGGGCTG GAGAGAAGGT 3120
GGAGCTTGGT AAAGAGGAGG AGTTCAAGT CAAATCAAAG GGTGCTGCTG GTCAAGGCA 3180
AGTGGGCTG AAGATTGTGG GCGGCTCGGG TGCAGGCTG CCGTGAAGG TGGAGGCTG 3240
CCTGGGGGCT GACAAAGTGG TGGTGGGCTT CCGGCGGCTG GAGGAGGAG CCGTGAAGG 3300
GGAGGTGAGT TATGAGGCTG TGGGCTGCTG TGGGCGGCTG GAGGAGGAG CCGTGAAGG 3360
CCGCAAGAG CTTAGGAGG TGAAGGCTT TGGGCGGCTG GAGGAGGAG CCGTGAAGG 3420
CTCCCGGCTG GCTTCAAGC TCGACACCAA GTGCTTGGAG AATGAGGATG GCAATGTTT 3480
GGTGGAGGCT CCGTGTGAGG GCGAGCTCGA GTGCTTGGAG AATGAGGATG GCAATGTTT 3540
CGTGTCTTAC GTGCGGAGG AGCGCGGCTG CTACAACATC AACATCTCT TCGCTGACAC 3600
CCACATGCTT GGTCTCCCAT TCAAGGCTT CCGTGTGCTT GAGGTGGGCT AATTCAAAGT 3660
CAAGTGTCTA GCGCGGCTG TGGAGGCTG CAGGCTGCTG GAGGTGGGCT AATTCAAAGT 3720
GGAAGTGTCT ACGCGGCTG GCGCGGCTG GAGGTGGGCT AATTCAAAGT 3780
TGGTGTCTG GTGTACATC AGGAGGCTG TGAAGGCTG GAGGTGGGCT AATTCAAAGT 3840
CCTGTGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAAGTCAAGG GGTGTGCTG GGTGTGCTG 3900
CCTGTGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAAGTCAAGG GGTGTGCTG GGTGTGCTG 3960
TGGTATTGAG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAAGTCAAGG GGTGTGCTG GGTGTGCTG 4020
GCTGTGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAAGTCAAGG GGTGTGCTG GGTGTGCTG 4080
GCTGTGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAAGTCAAGG GGTGTGCTG GGTGTGCTG 4140
TTAGGAGGAG AGCTACGTTT AGGAGGCTG CAGTGGCTG TACAAAGTGG AGTACAGGCT 4200
CCCCTTCCAG GTGCGGCTG CCGAGGCTG CAGTGGCTG TACAAAGTGG AGTACAGGCT 4260
AGGCATCCAA AGTGGGCTG CCAACAAGCT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 4320
TGGGAGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 4380
GGATACAAAG GAGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 4440
CCTCAAGCTG ACCTATGCTG AGGTCAAGT CTGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT 4500
TGATGTGACA BATGCTTCCA AGGTCAAGT CTGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT 4560
TGGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 4620
GCAAGGCTG GTGCAAGGCT CCAAGGCTG GGTGGGCTG TGGGCTTACA CCGTCAAGT 4680
TGATGGGCTG TGAAGGCTG CCAAGGCTG GGTGGGCTG TGGGCTTACA CCGTCAAGT 4740
ACTGTATGGA BATGAAGAG TACCCGCTG CCGGCTTACA CCGTCAAGT 4800
TGATGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 4860
CCTGGGCTG GAGTTCACCA TCGATGCAAA GAGGCTTACA CCGTCAAGT 4920
GATCAGGCTG CCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 4980
GTATACAGT GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5040
TGGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5100
CAAGTGGCTG GTCAGGCTG CAATCGGAGG TCAGGCTG GGTGTGCTG TGGGCTTACA CCGTCAAGT 5160
CATTCAGAT GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5220
AGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5280
TGGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5340
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5400
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5460
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5520
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5580
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5640
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5700
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5760
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5820
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5880
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 5940
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 6000
TGTGGGCTG GCGGCTTACA CCGTCAAGT CAACAAGTGG AGTACAGGCT 6060

AAATTTTGGG	TGTGTTGGG	ATATGCCCCAT	AGCATCTCA	GAGACGGATT	TCAATTTGGT	6120
GACATTTACT	GTGGTTTGGG	GCTC3GGGCG	AGAGIAGCCC	TSTTTGCTGA	AGG33GCTGG	6120
TAATTTTAC	GTGGGGAATTT	CATTGCTGCG	TAAG3AGAGC	GG33AGGACC	TGGT3MAIST	6240
GAAAGAAAAT	GGTCAGTACG	TGGGACAGTAC	CCCCATCCCG	GTG3TATCA	CCAGT333A	6300
AATT333GAT	GGCAGTCTG	TCGGGTGTC	TGGT3AGGGC	CTTCAG3AAG	CTCAGATCTT	6360
TGAGGCTGCA	GAGTTTATCA	TTGATAACCG	CGAT3CAGGC	TATGGTGGGC	TCAGTTTGTG	6420
CATT3AGTAC	GGCAGGAAAG	TGGACATCAA	CACAGAGGAC	CTGGAGGAGC	GGAGCTGAG	6480
GGT3AGTAC	TGGGCTACAG	AGCCAGG3AA	CTACATCATC	AACATCAAGT	TTGGC3AGCA	6540
GCA3GTGCT	GGCA3GCTCT	TCTGTGT3AA	GCTGACAGGT	GAGGCTTGGG	T3AAAGAGAG	6600
CATT3AGTAC	AGGCT3GCGG	CTCCTTCAGT	GGCCAAAGTT	GGTAGTCAAT	GTGACCTCAG	6660
CT33AAATC	CTTGAAATTA	GCATCCAGGA	TAT3ACAGGC	CAGGT3AGCA	GGCCATGCGG	6720
CAAG3GCAAT	GAGGCT3AGA	TGGTGAAGG	GGAGAAACAC	ACCTACT3CA	TCTGCTTTGT	6780
TCTGCTGAG	ATGGG3CAGC	ACACAGTAC	CGTCAAGTAC	AAGG3GCA3C	AGCT3GCTGG	6840
GAGGCTCTTC	CAGTT3CAGC	TGGGCCCCCT	AGGGGAAGGG	GGAGG3GACA	AGGT3GCGAGC	6900
TGGG3GCTCT	GGCT33AGA	GAGCTGAAGC	TGGAGTGCCA	GGCGAATTCA	GTATCTGGAG	6960
CTGG3GAGCT	GGTGTGGAG	GGCTGGCCAT	TGCTGTGAG	GGCCCCAGCA	A3GCTGAGAT	7020
CTCTTTT3AG	GACCGCAAGG	ACGGCTCCTG	TGGTGTGGCT	TATGTGGTCC	AGGAG3GAGG	7080
T3ATTAC3AA	GTCT3AGTCA	AGTTCAACGA	GGAAACACAT	CGGACAGCT	CTTT3GTGGT	7140
GGTGTGGCT	TCTGCTGCTG	GCGACGCCCC	CGGCTCACT	GTITGTAGCC	TTCA33AGTC	7200
AGGGCTAAAG	GTCAACCAGC	CAGCCTCTTT	TGCAT3CAGC	CTGAACGGGG	CCAGGGGGGC	7260
GATCGATGCC	AAGGTGCACA	GGCCCTCAGT	AGCCCTGGAG	GAGTGCTATG	TCACAGAAAT	7320
TGACCAAGAT	AAGTATGCTG	TGCGCTTCAT	CCCTCGGGAG	AATGGCGITT	ACCTGATTGA	7380
CGTCAAGTTC	AACGGTACCC	ACATCCCTGG	AAGCCCCCTT	AAGATCCGAG	TTGGGGAGCC	7440
TGGGCTAG3A	GGGACCCAG	GCTTGGTGTG	TGCTTACGGA	GCAGGTCTGG	AAGGCGGTGT	7500
CACAGG3AAG	CCAGCTGAGT	TGCTCGTGAA	CACGAGCAAT	GGGGGAGCTG	GTGGCTGTC	7560
GCT3AGTAT	GAGGCTGCT	CCAAGGT3AA	GATGGATTGC	CAGG3GTGCC	CTGA33GCTA	7620
CGGCTCAGC	TATAG3GCTA	TGGCACCTGG	CAGCTACCTC	ATCTCCATCA	AGT3GCGGG	7680
GGCTAGCAG	ATTGG33GCA	GGCCCTTCAA	GGCCAAAGTC	ACAGGCCCCC	GTCT3GTCAG	7740
CAAGCAGAGC	CTCCAGGAGA	CATCATCAGT	GTTTGTAGAC	TCTCT3AGCA	AGGT3ACCTG	7800
TGCCCCCAG	CATGGGGGCG	CGGGTCTTGG	GGCTGCTGAC	GGCAGCAAGG	TGGTGGCCAA	7860
GGGCT3GGG	CTGAGCAAGG	CTACGTAGG	CCAGAAGAGC	AGCTTCACAG	TAGACTGCAG	7920
CAAAGCAGGC	AACAAGATGC	TGCTGGTGGG	GGTTCATGGC	CCAAGGAGCC	CTGCGAGGA	7980
GATCTGCTG	AAGCAGTGG	GCAGCCGGCT	CTACAGCGTG	TCCTACCTGC	TCAGGACAA	8040
GGGGGAGTAC	ACACT3GTGG	TCAAATGGGG	GCACGAGCAC	ATCCAGGCA	GGCCCTACCG	8100
CGTTGTGGTG	CCCTGAGTCT	GGGGCCCGTG	CCAGCCGGCA	GCCCCCAAGC	CTGCCCCGCT	8160
ACCCAGGCA	CCCCGCCCCC	TTCCCCCTCA	CCCCGGCCCC	GCCCCGCCCT	GGCGCCCCGC	8220
TGTCACT3CA	CTGCCCCCTG	CCCTGTGCGC	TGCTGCGCTC	ACCTGCTTCC	CCAGCCAGCC	8280
GCT3AGCTCT	GGGCTTTTCA	TTGGGCAGAG	GGAGCCATTT	GCTGGCGCTG	CTGTCTTCT	8340
TTGGTTCTGG	GAGG3GTGAG	GGATGGGG				8368

Name: 276

Len: 4803 Check:

FF4

3GGGCT3GCT	AGTT3AG3CA	CCCATTTAGT	CGCTGGGTTT	TTTGCAGGCG	TTT3AGCGTTT	60
TGCTCTG3AG	3GGGCTTCCA	TGCTTGGAGG	CCTAGTGGCG	TGGGAGAA3A	3AGCGGGAGC	120
CG3G3AGAGA	3AGGCT3GCG	CAATTCCGAG	CCGACTCTGG	GTGCG3ACT3	T3GGAGCTGA	180
CTT3GG3TAG	CGGCT3G3GC	GTGGCTGGGG	AGGCGAGGCG	CGAC3CACCT	CT3TTTGGGG	240
GTCT3AGAG	ATTAATGATT	CATCAAGG3A	TAGTTGTACT	GTCTCT3TGG	3AAT3ACTTC	300
ATCATG3GAA	ATCT3AAATT	ATTTCCGACC	CTGGAGTTCA	GG3ATATTCA	AGGT3CAGGG	360
AATCITCAST	GCTTCTCTCT	CGAACTGAA	CAGG3GACGG	TGCTCATTTG	TTCA3AACAT	420
GGCT3GATAG	AAGTAGACCC	TGTCTCAAGA	GAAGT3AAAA	ATGAAGTTTC	TTT3GTGGCA	480
3AGG3TTTTC	TTCCAGAGGA	TGGAAGTGCC	CGCATTGTTG	GT3TTCA3GA	CTT3CTGGAT	540
3AGG3TTTTC	TGT3GTGGG	CACAGCCTCT	GGAGAC3TCA	TACTCT3GAG	TCT3AGCACA	600
TAAG3AGT3G	AGT3T3TTGG	GAGT3TAGCT	AGTGGTATCT	CTGTTAT3AG	TT3AGTCTCT	660
3AGTAA3AGT	TGT3GTTTCT	TGCCACAGST	CAACAGACCC	TGATTAT3AT	GAC3AAAGAT	720
TTT3AG3TAA	TCT3GAGCA	GCAGATCCAT	CAGG3T3ATT	TT3GT3AAAG	CAAGTTTATC	780
AGT3TT3GAT	GGG3TAG3AA	GGAGACACAG	TTCTATGGAT	CG3AAGG3AG	AG3AG3AGCT	840
TTT3AG3T3G	AAAT3GAT3A	GTCTGCTTTG	CCCTG3GATG	AGCATAGACT	AG3AGTTTAC	900
TGGG3GG3GG	AT3G3AGT3T	TTT3GCTGT3	AGT3TT3TTT	GGCC33AAAC	AG3GGCTCGG	960
AGG3T3AG3G	TGT3G3AACG	AGAGTTT3GT	TTG3AGTCAA	CG3AGT3AGCT	TGT3GCAG3A	1020
CT3G3AG3AG	TGT3G3TTTG	3AAACCTTCA	GGCAGTTT3A	TT3ATCTTAC	AG3AGATAAA	1080
CG3AG3TCA3	AG3ATATTGT	GT3TTT3T3AG	AAAAATGGAC	TCTTCTAT3G	AG3TTT3TACA	1140
TTT3GCTT3G	T3AAAG3ATGA	GGTTAAG3TA	AAT3AGCT3G	TGT33AAT3G	AG3TTCTCTT	1200
TT3TTT33AG	TGT3GCT3GA	AGACCTT3AG	AG3A3AAAAA	GCT3GATTTT	AG3AA3CTGT	1260
TT3AG3TCT	GG3AGT3TGG	AAACTAT3AC	TGGTATCTCA	AG3AAAGTTT	ATCTT3CAGC	1320
AGCT3T33GA	AG3AGCAAGAT	TGT3TCTCTG	AT3TGGG3AG	CT3T3AGCTC	AT3AGGCTG	1380

CAGTGTCTCT GTGAGGGGCTG GCATTACCTG GCGTATGATT GGCAGTGGAG GAGTGACGGG 1440
 AGGHTGAGAG ATAAITCAAG TGACTTGTCC AATGTGGCTG TCATTGATGG AAGCAGGGTG 1500
 TTGJTBATAG TCTTTCGCGA GACTGTGGTT CCGCCTCCCA TGTGCACCTA CCACTGCTG 1560
 TTGTCACCTG CTGTGAATCA AGTCACATTG TFAGCACAGC CTCAAAAGAG TAATGACCTT 1620
 GCTGTCTGAG ATGCGAGTAA CCAGATTCTT GTTTATAAAT GTGGTGATTG TCCAAGTGCT 1680
 GACCTTACAG TGAAGCTGGG AGCTGTGGGT GSAAGTGGAT TTAAAGTTTG COTTAGAACT 1740
 CCTTATTTTG AAAAGAGATA CAAAATCCAG TTTGAGAATA ATGAAGATCA AGATSTAAR 1800
 CCGTGAAGAG TAGGCTTTCT CACTTGGATT GAAGAAGACG TCTTCTGGG TGTAGGCGAC 1860
 AGTGAITTA GCTCCCGGTC TGTCAITTCAG CATTGACTG CAGCTTCTTG TGTAGTGSAT 1920
 GAAGAGCATG GACAGCTCAA TGTCAGTTCA TCTGCAGCGG TGGATGGGGT CATAATCAGT 1980
 CTATGTTGCA ATTCCAAGAC CAAGTCAGTA GTATTACAGC TGGCTGATGG CCAGATATTT 2040
 AAGTACCTTT GGGAGTCACC TTCTCTGGGT ATTAAGCCAT GGAAGAACTC TGTGGGATTT 2100
 CCTGTTCGGT TTCTTTATCC ATGCACCCAG ACCGAATTGG CCATGATTGG AGAAGAGGAA 2160
 TGTGTCTCTG GTCTGACTGA CAGGTGTCCG TTTTTCATCA ATGACATTGA GGTGTGGTCA 2220
 AATATCACCT CATTGTGAGT ATATGATGAG TTTTATTGT TGACAACCCA TCCCATACC 2280
 TGCCAGTGGT TTTGCCCTGAG GGATGCTTCA TTTAAACAT TACAGGCCGG COTBAGCAGC 2340
 AATCATGTGT CCCATGGGGA AGTCTGTCCG AAAGTGGAGA GGGGTTCCAG GATGTCACT 2400
 GTGTGCGCC AAGACACAAA CTTGTATTA CAGATGCCAA GGGGAAACTT AGAGTTGTT 2460
 CATCATCGAG CCTGGTTTT AGCTCAGATT CGGAAGTGGT TGGACAAACT TATGTTTAAA 2520
 GAGGCACTTG AATGCATGAG AAAGCTGAGA ATCAATCTCA ATCCGATTTA TGATCATAAC 2580
 CCTAAGGTGT TTCTTGGAAA TGTGGAAACC TTCATTAAAC AGATAGATTG TGTGAATCAT 2640
 ATTAACCTGT TTTTACAGA ATTGAAGAA GAAGATGTCA CGAAGACCAT GTACCCCTGCA 2700
 CCAGTTACCA GCAGTGTCTA CCTGTCCAGG GATCCTGACG GGAATAAAAT AGACCTTGTC 2760
 TGCGATGCTA TGAGAGCAGT CATGGAGAGC ATAAATCCTC ATAAATACTG CCTATCCATA 2820
 CTTACATCTC ATGTAAAGAA GACAACCCCA GAAGTGGAAA TTGTACTGCA AAAAGTACAC 2880
 GAGCTTCAAG GAAATGCTCC CTCTGATCCT GATGCTGTGA GTGCTGAAGA GTGCTTGA 2940
 TATTTGCTGC ATCTGGTAGA TGTTAATGAA TTATATGATC ATTCTCTTG CACTATGAC 3000
 TTTGATTTGG TCCTCATGGT AGCTGAGAA GTCACAGAAG TCACAGAAGG GGTTTACTAT AGACAAATAC 3060
 TTTCTTAATA CACTTAAGAA AATGGAAACT AATTATCAGC GTGGACCTGA GTACTTCCCA 3120
 TTGAAACGAT ATGAAAAGC CATTGGCCAC CTCAGCAAAT GTGGACCTGA GTACTTCCCA 3180
 GAATGCTTAA ACTTGATAAA AGATAAAAAC TTGTATAACG AAGCTCTGAA GTTATATTCA 3240
 CCAAGCTCAC AACAGTACCA GGATATCAGC ATTGCTTATG GGGAGCACCT GATGCGAGGAG 3300
 CACATGTATG AGCCAGCGGG GCTCATGTTT GCCCSTTGGG GTGCCACAGA GAAAGCTCTC 3360
 TCAGCCTTTC TCACATGTGG CAAGCTGGAAG CAAGCCTCT GTGTGGCAGC CCAGCTTAA 3420
 TTTACCAAAG ACCAGCTGGT GGGCCTCGGG AGAAGCTCTG CAGGAAAGCT GGTTGAGCAG 3480
 AGGAAGCACA TTGATGCGGC CATGGTTTTG GAAGAGTGTG CCCAGGATTA TGAAGAAGCT 3540
 GTGCTCTTGC TGTTAGAAGG AGCTGCCTGG GAAGAAGCTT TGAGGCTGGT ATACAAATAT 3600
 AACAGACTGG ATATTATAGA AACCAACGTA AAGCCTTCCA TTTTAGAAGC CCAGAAAAAT 3660
 TATATGGCAT TTCTGGACTC TCAGACAGCC ACATTGAGTC GCCACAAGAA ACGTTTATTG 3720
 GTAGTTGAG AGCTCAAGGA GCAAGCCAG CAGGCAGGTC TGGATGATGA GGTACCCAC 3780
 GGGCAAGAGT CAGACCTCT CTCTGAAACT AGCAGTGTG TGAGTGGCAG TGAGATGAGT 3840
 GGCATAACT CCCATAGTAA CTCCAGGATA TCAGCGAGAT CATCCAAGAA TCCCGAAAA 3900
 GCGAGCGGA AGAAGCACAG CCTCAAAGAA GGCASTCCGC TGGAGGACCT GGCCTCCTG 3960
 GAGGCACTGA GTGAAGTGGT GCAGAACACT GAAAACCTGA AAGATGAAGT ATACCATATT 4020
 TTAAGGTAC TCTTTCTCT TGASTTTGAT GAACAAGGAA GGAATTACA GAGGCTTT 4080
 GAAATACGC TGCAAGTTGAT GGAAGGTCA CTTCAGAAA TTTGGACTCT TACTTACCAG 4140
 CAGAAATCAG CTACCCCGGT TCTAGGTCCG AATTCTACTG CAAATAGTAT CATGGCATCT 4200
 TATCAGCAAC AGAAGACTTC GGTTCCTGTT CTGATGCTG AGCTTTTTAT ACCACCAAAG 4260
 ATCAACAGAA GAAGCTAGTG GAAGCTGAGC CTGCTAGACT GAGTGAAGT AGTTAGGAGG 4320
 GATCGGACAG AGAAGACCAT TTCCACTCAT TCCTGTTGTC CTACCAACCC TTGCTCTTTG 4380
 AGGCTGGCT ATTGAGAACT GGAAGAGTAA AAATGATAAC TTACCTTAGC ATTGCAAGA 4440
 ACTTAGCAG ACACCAAGCA ATTCTATTTA TTTTATGTTG TGTATACATC TTGATCATT 4500
 GCAAGACAT AAGCTTTAAC CATTATGGCA CCATTTTGTG AGAATGATTG TTCTTTCACT 4560
 TGGGTGTTT GAGAGCATAA TTATGGTAAT CATGAGATTA ATGTTTCATG ATTTCTACCT 4620
 CCAAGTGTG AAGACAAGTA AAACAATTT TCTAAATGT CTTATTTTGT TGGCGGAGAA 4680
 GATTACAAT GCTATTAGTG CTACATTTG TCAATGTAA TCACTTAAAT AGCTTCTTGT 4740
 CACTTTAAAT TAAAGCAGAA TAAAAAGTAT CTTTGAAT TAAAAAAAC AAAAAAGCTA 4800
 AAA

Name: 277 Len: 3548 Check: 1972
 TGGCGGAAGC AGGGGGACAG CAAGGGGACG TCAGGCGGGG ACCATGGGCG AGGGGGGCTC 60
 GGAAGGGGGT GAGGGGCGCA TGGTCAAGAT GGAGGTGGAC TACAGCGGCA GGGTGGATCA 120
 GCGGCTAACG GAGTGTGCGA AGCTAGCCAA GSAAGGAAGA CTTCAAGAAG TCATTGAAAC 180
 CTTCTCTCT CTGGAAAAGC AGACTGTGAC TGCTTCCGAT ATGGTATCGA CATCCCGTAT 240

TTTAGTTTCCA TTASTGAAGA TGTGCTATCA TGCTAAAGAA TGGGATTTAC TTAATGAAAA 300
 TATTATGTTT TTCTCAAAA GGGGGAGTCA GTTAAACAAA GCTGTTGCCA AAATGSTTCA 340
 ACAGTGGTGT ACCTATGTTG AG3AAATCA AGACCTTCT ATCAAACTTC GATTAAATGA 420
 TACTTTAACA ATGGTTACCG AAGGCAAGAT TTATGTTGAA ATTGAGGCTG CCGACTGAC 480
 TAAACATTA GCAACTATAA AAGAA3AAAA TGGTGTATGT AAAGAGGCGAG CTTCCATTTT 540
 ACAGGAGTTA CAGGTGGAAA CCTACGGGTG AATGGAAAAA AAAGAGGCGAG TGGAAITTTAT 600
 TTTGAGGCAA ATGAGGCTCT GCTAGCTGT GAAGGATTAC ATTGAAACAC AAATCATCAG 660
 CAAGAAAAAT AACATCAAAT TTTCCAGGA AGAAAAATAA GAGAAATTA AGTTGAAGTA 720
 CTATAATTTA ATGATTCAGC TGGATCAACA TGAGGATCC TATTTGTTA TTTGTAAGCA 780
 CTACAGAGCA ATATATGATA CTGCTGTAT ACAGGCGAGAA AGTGAAAAAT GGCAGCAGGC 840
 TCTGAAGAGT GTTGATCTCT ATGTTATCTT GGTCTCTTTT GACAATGAAC AGTCAGATTT 900
 GGTTCACCGA ATAACTGGTG ACAAGAACTT AGAAGAAATT CCAAAATACA AGGATCTTTT 960
 AAAGCTTTTT ACCACAATGG AGTTGATGCG TTGGTCCACA CTTGTTGAGG ACTATGGAAT 1020
 GGAATTAAGA AAAGGTTCCC TTGAGAGTCC TGCAACGGAT GTTTTTGGTT CTACAGAGGA 1080
 AGGTGAAAAA AGGTGGAAG ACTTGAAGAA CAGAGTTGTT GAACATAATA TTAGAATAAT 1140
 GGCCAAGTAT TATACTCGGA TAACAATGAA AAGGATGGCA CAGCTCTGAG ATCTATCTGT 1200
 TGATGAGTCC GAAGCCTTTT TCTCAAATCT AGTAGTTAAT AGACCCAGG GATCCAAATA ATTTATTTAA 1260
 AGACAGATTA GCAGGAATTA TCAACTTCCA GAGACCCAGG GTCTCTGGTT AACAAACTA CGCATCTCAT 1320
 TGACTGGTCT CAGAACTGA ACTCATTAA GTCTCTGGTT TAGTGCTTTA GAAAAAGTT 1380
 AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGTCT ATATGTTGGG GTTTTTTTC 1440
 AAAATTGGAA CTCATTAAAA AAAGACTGTT ATAATGGTGT TGAGACTCC TTTGACCTTT 1500
 TAAGCTCTCT TGTCTTAAAT TTTAAATAG TGAATATGTT TGAGACTCC TTTGACCTTT 1560
 CAGTCCCA AGTTCAATTGT TAACTTTGCA TTTGCAATTG GTGCAAAAT ACAGATTCTT 1620
 GTGCTGTGAA TACACAAAAA GTTGTGTCT AACTTACCCA GATATGTTTT TCTATCTTT 1680
 GAAACCTTTT TAGCTACTGT TTGTTTTCT TCAACTAACA AACATAATCC AATAATAAAA 1740
 GCAGTATATA CATATTCTCT TTCTACAGTT ACCTCTGATT TAAAGTTATC AGTCATTTAG 1800
 TGATTTGGCA AGTGTTTTTT AAATAAAACA AATCTCAATT GATAGAGTTG TGATTTGTGA 1860
 TAGAATAGAA AAGCAACATA GAGCATAACA GAACATTTGG GATAGAGTTG TGATTTGTGA 1920
 AGAATTTGTA CTTTGATATT GTGGCGGAAA GTCTAGACTG AGTGTGTATG CTGGTAACT 1980
 GTAGACTTTT TTTTTTTTTT TTGAGTCCGG CTGGTTCCAA TCACAGTAGC TTGATTGCTT 2040
 TCAGCCCTCA TCTCTCACT TGATCAGTTT TTCAACAGAA TCAGCTGACA TAATTGACAC 2100
 AGTTTATTGG GTGTTAAGTC CGCTCTATAG GGATAGTGAC TACTTTTTTT TTTTTTTTTT 2160
 TTTTGTCTCT TCTTCTCTC CCCTTTCTTT ATATGGGTTT AAATTTAACA TAAAGTTGTT 2220
 TTTATAAGGC TTATTTGTGG CTTTAACTTG TAAGTCTGAT TACATCATTA TTGTTCCAAA 2280
 TTCATTATCT CTGTAGGAAC TTTTAGTTCC ATTATATGAA CACTGGATAA CCTAATTTTT 2340
 TTTAATGCTT TAAAAAATG GCAAAAAGAG GCTTGCTGTC AAAGAAACAC CTGAGATGAA 2400
 TATTAATAA TTTTCACGGA ATTAATAAGTA TGATTTATTT CAGAGAAAAA AGAAAAAACA 2460
 TTGGTGTGAA CGAATTTTGC AAGTTTAATT TGATTTATTT CAGAGAAAAA AGAAAAAACA 2520
 ATGTTAGAAG GTTATTTAAA ATGATACTTA AATAAAGAAA GTGTGAGGTC TACTTTAAAA 2580
 AAATTCAAAT GAAGAGAAAA AGAAAAACAG CATTCTAGAA ATGGCATTTT TCTTAATTAA 2640
 TTTTCCACTT AATGGAAGAT TATCAATTGT CCTATTTTAT GATCCCAGGA CTGAAGACAG 2700
 TTGTTGGGATA TCTGTCAAT TTATCTCTGT AGTCATTGTG AATAATGACA TACAGTACTG 2760
 AAGTAATCTG ATTTTATCT TTGGAATTC AATGCAATTG TCACACTAAT AACATCAACA 2820
 TCTGTATCA CTTATCTTTT TAAACTAAC CAAAAAAGGC TGGGATTACA GGCATGAGCC 2880
 ACTGCACCCA ACTCTCTTTT CTTCTTTCTT TAACACACAC TAGGCTCTTT GTGTATTATG 2940
 ATTCAGTGT ATTTGTAAC GTGTCCAGT GACCAAAATT CACTGCACTC GATCAGCTGT 3000
 TCATCCATTT CTGTGTTTTT CTTGTCAAA ATTAATCCAG CAAATATATG AGGTATTTAC 3060
 CAATTTATTT TCTTAGTATT ACAAATAAT TCATTAGCAT AAAGTACAAT AGTGAAATAT 3120
 TTEAGTTGTT CCGAATCTCA ATTAATCTCT TTTTACATT ASAAGATAAC ACTTATTTCC 3180
 AGGAGAAGAA GCACCTTGTT TTAATGTGG TGAGCCATT TTCAAAATGA ATACCTTTTA 3240
 CATTAGTGTA ITAACAGCA GCAGAGGTCA TGAAGCTGTT TCTATGATTA TCTCAATTT 3300
 TTTCCATATA ATTTTITTTAT TTTAGAGTTT AATAGCTGTT TCTATGATTA TCTCAATTT 3360
 CCATATGTTA CTTAATCTGA AAAACATCTT TAAATTCAA ACAGTTCTAT TTTCTCTCTT 3420
 GTAAGTGTTA AATGCGATAA AAGTACATAT TTTAATTTGT TTTGAGTCTT TGGATATAGC 3480
 AGCAATAAAA ACACTAATTT GTGGSTATTT AAGAAAACCT GGAGATATAA CTCATACTTT 3540
 AAAAGATC

Name: 273

Len: 4022 Check:

2A0

GTAGTGGGCT GTGCTGCTGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC 60
 GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC 120
 GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC 180
 GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC 240
 GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC 300
 GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC GGGGGGCGGC 360
 AAGAATTACT CAGAACCCTG TGATCAATGG GAATSTGGCC CTGASTSATG GACACAACAC

CG GAGGAG	GAGATGGAGG	ATGACACGAG	TTGGGCTGCG	GAGGCAAGCT	TTGAGTTCAC	440
TGTGGAGGCG	TTGAGCAGAG	TGAGTSGAGT	GGTCCTTAGG	CCTTCGCTGT	TTGTGGGAAA	440
TTGGGATGG	AAGATTATGG	TGATGCJACG	CTTTTATJCA	GACAGACCAC	ACCAAAAAAG	440
CCTAGGATTC	TTTCTCCAGT	GCAATGCTGA	ATCTGATTCG	ACGTGATGGT	CTTCCCATGC	440
ACAAGCAGTG	CTGAAGATAA	TAAATTACAG	AGATGATGAA	AACTGCTTCA	GTCTGTGTAT	440
TAGTCATTTG	TTCTTCCATA	AAGAAAATGA	TTGGGGATTT	TCCAATTTTA	TGGCTGGGAG	440
TGAAGTGACG	GATCCTGAGA	AAGGATTTAT	AGANGATGAC	AAAGTTACCT	TTGAAGTCTT	440
TGTACAGGCG	GATGCTCCCG	ATGGAGTTGC	GTGGGATTTCA	AAAGAGCACA	CAGGCTACGT	440
CTGCTTAAAG	AATCAGGGAG	CGACTTCTTA	CATGAACAGC	CTGCTACACA	CGTTATTTTT	440
CAGCAATCAG	CTACGAAAGG	CTGTGTACAT	GATGCTCAAC	GAGGGGGATG	ATTGCTCTAA	440
AAAGCTCCCT	TTAGCATTAC	AAAGAGTGTG	CTAGCAATTA	CAGCATAGTG	ATAAACCTGT	1020
AGGAACAAAA	AAGTTAACAA	AGTCATTTGG	GTGGGAAACT	TTAGATAGCT	TCATGCAACA	1080
TGATGTTTCA	GAGCTTTTGT	GAGTGTGTCT	CGATAATGTG	GAAAAATAAG	TGAAAGGCAC	1140
CTGTGTAGAG	GGCACCATAC	CCAAATTATT	CCGCGGCAAA	ATGCTGTCTT	ATATCCAGTG	1200
TAAAGAAGTA	GACTATCGGT	CTGATAGAAG	AGAAGATTAT	TATGATATCC	AAGTAAGTAT	1260
CAAGGAAAG	AAAAATATAT	TTGAATCATT	TGTGATTTAT	GTGGCAGTAG	AACAGCTCGA	1320
TGGGACAAAT	AAATACGACG	CTGGGGAACA	TGGCTTACAG	GAAGCAGAGA	AAGGTGTGAA	1380
ATTCTTAACA	TTCCACCAAG	TGTTACATCT	ATAACTGATG	AGATTTTATG	ATGACCTCTA	1440
GACGACCAAA	AATATCAAGA	TCAATGATAG	GTTTGAATTC	CCAGAGCAGT	TACCACTTGA	1500
TGAATTTTTG	CAAAAAACAG	ATCCTAAGGA	CCCTGCAAAAT	TATATTCTTC	ATGCAGTCCT	1560
GCTTCATAGT	GGAGATAATC	ATGGTGGACA	TTATGTGCTT	TATCTAAATC	CCAAAGGGGA	1620
TGSCAAATGG	TGTAAATTTG	ATGACGACGT	GGTGTCAAGG	TGTACTAAAG	AGGAAGCAAT	1680
TGAGCACAAT	TATGGGGGTC	ACGATGACGA	CCTGTCTGTT	CGACACTGCA	CTAATGCTTA	1740
CATGTTAGTC	TACATCAGGG	AATCAAAACT	GAGTGAAGTT	TTACAGGCCT	TCACCCAGCA	1800
TGATATTCCT	CAGCAGTTGG	TGGAGCGATT	ACAAGAAGAG	AAAAGGATCG	AGGCTCAGAA	1860
CTGGAAGGAG	CGGTAGGAAG	CCCATCTCTA	TATGCAATGT	CAGATAGTCT	CAGAGGACCA	1920
GTTTTGTGGC	CACCAAGGGA	ATGACATGTA	CGATGAAGAA	AAAGTGAAAT	ACACTGTGTT	1980
CATTAATTTG	AAGAATCCTT	CGCTTGCTGA	GTTTGTTCAG	AGCCTCTCTC	AGACCATGGG	2040
ATTTCCACAA	GATCAAAATC	GATTGTGGCC	CATGCAAGCA	AGGAGTAATG	GAACAAAACG	2100
ACCAGCAATG	TTAGATAATG	AAGCCGACGG	CAATAAAACA	ATGATTGAGC	TCAGTGATAA	2160
TGAAAACCCCT	TGGACAATAT	TCCTGGAAAC	AGTTGATCCC	GAGCTGGCTG	CTAGTGAGGC	2220
GACCTTACCC	AAGTTTGATA	AAGATCATGA	TGTAATGTTA	TTTTTGAAAG	TGTATGATCC	2280
CAAAACCGCG	AGCTTGAATT	ACTGTGGGCA	TATCTACACA	CCAATATCCT	GTAAATACCG	2340
TGACTTGCTC	CCAGTTATGT	GTGACAGAGC	AGGATTTATT	CAAGATACTA	GCCTTATCCT	2400
CTATGAGGAA	GTTAAACCGA	ATTTAACAGA	GAGAATTCAG	GACTATGACG	TGTCTCTTGA	2460
TAAAGCCCTT	GATGAACCTA	TGGATGGTGA	CATCATAGTA	TTTCAGAAAG	ATGACCCTGA	2520
AAATGATAAC	AGTGAATTAC	CCACCGCAAA	GGAGTATTTT	CGAGATCTCT	ACCACCGCGT	2580
TGATGTCAAT	TTCTGTGATA	AAACAATCCC	TAATGATCCT	GGATTTGTGG	TTACGTTATC	2640
AAATAGAATG	AATTATTTTC	AGGTTGCAAA	GACAGTTGCA	CAGAGGCTCA	ACACAGATCC	2700
AATGTTGCTG	CAGTTTTTCA	AGTCTCAAGG	TTATAGGGAT	GGCCAGGTA	ATCCTCTTAG	2760
ACATAATTAT	GAAGGTACTT	TAAGAGATCT	TCTACAGTTC	TTCAAGCCTA	GACAACTTAA	2820
GAACTTTTAC	TATCAGCAGC	TTAAGATGAA	AATCACAGAC	TTTGAGAACA	GGCGAAGTTT	2880
TAAATGTATA	TGTTTAAACA	GCCAATTTAG	GGAAGAGGAA	ATAACACTAT	ATCCAGACAA	2940
GCATGGGTGT	GTCCGGGACC	TGTTAGAAGA	ATGTAAAAAG	GCCGTGGAGC	TTGGGGAGAA	3000
AGCATCAGGG	AAACTTAGGC	TGCTAGAAAT	TGTAAGCTAC	AAATCATTTG	GTGTTTCATCA	3060
AGAGATGAA	CTATTAGAAT	GTTTATCTCC	TGCAACGAGC	CGGACGTTTC	GAATAGAGGA	3120
AATCCCTTTG	GACCAGGTGG	ACATAGACAA	AGAGAATGAG	ATGCTTGTCA	CAGTGGCACA	3180
TTTCACACAA	GAGGTCTTCG	GAAGCTTGGG	AATCCCTTTT	TTGCTGAGGA	TACACCAGGG	3240
CTAGCATTTT	CGAGAAGTGA	TGAAGCGAAT	CCAGAGCTTG	CTGGACATCC	AGGAGAAAGGA	3300
GTCTGAGAAG	TTTAAATTTG	CAATGTATAT	GAGGGGCTCA	CACGAGTACA	TAAATGAAGA	3360
CGAGATGAA	GTAAATTTGA	AAGACTTTGA	GCCACAGCTC	GGTAATATGT	CTCATCTCTG	3420
GGCTTGGCTA	GGGCTCGACC	ACTTCAACAA	AGCCCTCAAG	AGGAGTCTGT	ACACTTACCT	3480
TGAAAAGGCG	ATTAAAAATC	ATAACTGATT	TCCAAGCTGG	TGTGTTCAAG	GCGAGGAGCG	3540
TGTGTGGGTG	GGCTTTTAA	AGCTTGAAC	TTTGGTGGAC	GTGCTCTCTA	GGGGAAGTCT	3600
TCAGCAAGAG	GATTCGCTGC	TGGTGTTAAT	TTTATTTTAT	TGAGGCTGTT	CAGTTTGGCT	3660
TCTCTGTATC	TATTGACTGC	CTTTTTTGG	CAAAATGAAG	ATGTTTTTAT	AAAGCTTGGG	3720
TGCAATGAG	AGTTATTTTA	TGGTAACAC	AGTCAAGGCT	AACTGTCAAG	GCAATGGGGG	3780
AGAAAGGCTT	AGTGGATGGG	GGGTCCCTGG	CTCAAGGCTT	CTGGGCTGTC	CCTAGTGGGC	3840
ACGAGTGGCT	CGGTGCTCTT	CTGGGGCTCC	CGTGCACACG	CCCTGCAAGT	AGCAAGCTCT	3900
GTGTTTAGGC	TGCTCTGACC	TATTTCTCTC	AGTTATACCT	TCAATGACCT	TTTGTGCTAT	3960
TGTAAAGGCA	AAACAGAGAA	ACTCACAAAC	TAATAAATAG	CGCTCTTCCC	TTCAAAAAAA	4020

AA

Name: 279

Len: 3403 Check:

705

CAGGTTCTGAG	GCAGAGGTAG	GTGAGGCTGTG	CGAGGAAAG	ATGAGGCAAT	TAGGGGCGCGG	60
GTGTCTCTCC	TCCGAGAGTT	TGGAACGGCT	GAAGTTTACD	TTGAGGCTCT	TAGGCGCTTT	120
CGGCTAGGTA	GGGCTGGCTT	CTGAGGGGCT	TGGGCTGCTC	GCTGGC GGGC	TAAGCGGGGC	140
AGGCTGCGAA	CAGGGGCTTC	GGGCTAGGCT	TCCTCTGGGG	ACAGGATTTT	GCTGTGAAGT	160
CCCTCCGGGA	AACGGAGGAA	AAAAAGAGTT	GCGGGAGGCT	GTCTGC TAA	AACGGTTCTT	180
GATACATATT	TCCGAGACTT	CAAGATTTCA	GAAGAGGGGT	GAAGA GAAG	ATTGCAACTT	200
TGATTCAGAC	CTGTAGGCTT	GATAGACTGA	TTAAACACAA	GAAGGT BACC	TGCTGAGAAA	220
AGTGGA TAA	ATACTGGGAA	AAACCTGCTC	TTCTGCTTTA	AGTGGAGAGC	AATGTACAAA	240
GTAAAAAGCT	CTTATTCCTA	TGAAGGCGCC	TGGGATTTCA	TCAAATTTTC	ATCCTTGGAT	260
GATGAAGGAG	ATACTCAAAA	CATAGATTTA	TGGTTTGAAG	AGAAGGCGCA	TTTGGAGAAT	280
AGGTTACTGG	GAGAGGATGG	AAGTGGAGGG	CTTTTTCAGG	GCAAAAATTC	TTTGAGAAAG	300
GCTAATCTTC	AGCAGGCTAT	TGTCACACCT	TTGAAACCAAG	TTGACAACAC	TTACTACAAA	320
GAGGTCAGAA	AGGAAAATCT	TGTGGAACAA	TCCATTCCGT	CAAATGCTTG	TTCTTCCCTG	340
GAAGTTGAGG	CAGCCATATC	AAGAAAAACT	CCAGCCCCAGC	CTCAGAGAAAG	ATCTCTTAGG	360
CTTTCTGCTC	AGAGGGATTT	GGAAACAGAA	GAAGAGCATC	ATGTAAAAAT	GAAAGCCAAAG	380
AGATGTGCCA	CTCTGTGAAT	CATCGATGAA	ATTCTACCCCT	CTAAGAAAAAT	GAAAGTTTCT	400
AACAACAAAA	AGAGGCCAGA	GGAGGAAGGC	AGTGCTCATC	AAGATACTGC	TGAAAACAAT	420
GCATCTTCCC	CAGA GAAGGC	CAAGGGTAGA	CATACTGTGC	CTTGTATGCT	ACCTGCAAAAG	440
CAGAAAGTTTC	TAAAAAGTAC	TGAGGAGCAA	GAGCTGGAGA	AGAGTATGAA	AATGCAGCAA	460
GAGGTGGTGG	AGATGCGGAA	AAAGAATGAA	GAATTCAAGA	AAGTTGCTCT	GGCTGGAATA	480
GGGCAAGCTG	TGAAGAAATC	AGTGAGCCAG	GTACCCAAAT	CAGTTGACTT	CCACTTCCGC	500
ACAGATGAGC	GAATCAAAAC	ACATCTTAAG	AACCAGGAGG	AATATAAGGA	AGTGAACTTT	520
ACATCTGAAC	TACGAAAGCA	TCCTTCATCT	CCTGCCCGAG	TGACTAAGGG	ATGTACCATT	540
GTTAAGCCTT	TCAACCTGTC	CCAAGGAAAG	AAAAGAACAT	TTGATGAAGC	AGTTTCTACA	560
TATGTGCCCT	TGTCACAGCA	AGTTGAAGAC	TTCCATAAAC	GAACCCCTAA	CAGATATCAT	580
TTGAGGAGCA	AGAGGGATGA	TATTAACCTG	TTACCCCTCA	AATCTTCTCT	GACCAAGATT	600
TGCAGAGACC	CACAGACTCC	TGTACTGCAA	ACCAAAACACC	GTGCACGGGC	TGTGACCTGC	620
AAAAGTACAG	CAGA GCTGGA	GGCTGAGGAG	CTCGAGAAAT	TGCAACAATA	CAAAATTCAAA	640
GCAGCTGAAC	TTGATCCGAG	AATACTTGAA	GGTGGGCCCA	TCTTGCCCCA	GAAACCACCT	660
GTGAAAACAC	CCAGCTGAGC	TATTGGCTTT	GATTTGGAAA	TTGAGAAAAG	AATCCAGGAG	680
CGAGAAATCA	AGAGGAAAGC	AGAGGATGAA	CACCTTTGAAT	TTGATTCAGG	ACCTTGCCCT	700
ACTAAGATTT	TGGAAGATGT	TGTGGGTGTT	CCTGAAAAGA	AGGTACTTCC	AATCACCGTC	720
CCCAAGTCAC	CAGCCTTTGC	ATTGAAGAAC	AGAATTGCAA	TGCCCCACCA	AGAAGATGAG	740
GAAGAGGAGC	AACCGGTAGT	GATAAAAGCT	CAACCTGTGC	CACATTATGG	GGTGCCTTTT	760
AAGCCCCAAA	TCCGAGAGGC	AAGAACTGTG	GAATATATGC	CTTTCTCGTT	TGATTCTCGA	780
GACAAAGAAC	GTCACTTACA	GAAGGAGAAG	AAAAATAAAG	AACTGCAGAA	AGGGGAGGTG	800
CCCAAGTTCA	AGGCACTTCC	CTTGCCCTCAT	TTTGACACCA	TTAACTGCCC	AGAGAAGAAG	820
GTAAAGAAAT	TGACCTCAGT	TGAATCTTTC	TGCTTGGAGA	CTGACAGAAAG	AGGTGCTCTG	840
GCACAGAA	CTTGGAGCA	CCAGCTGGAA	GAAGAAGTGA	GACAGCAGAA	AGAAGCAGCT	860
CTTCAAGG	CTCCTCCAAA	CACCTTCATC	TCTCAGGAGC	CCTTTGTTCC	CAAGAAAGAG	880
AAGAAATCAG	TTGCTGAGGG	CCTTTCTGGT	TCTCTAGTTC	AGGAACCTTT	TCAGCTGGCT	900
ACTGAGAAAG	AGGCAAAAG	GCGGCAGGAG	CTGGAGAAGA	GAATGGCTGA	GGTAGAAGCC	920
CAGAAAGCCC	AGCACTTGGA	GGAGGCCAGA	CTACAGGAGG	AAGAGCAGAA	AAAAGAGGAG	940
CTGGCCAGGC	TACGAGAGAA	ACTGGTGCA	AAGGCAAAATC	CAATACGCAA	GTACCAGGCT	960
CTGGAGATAA	AGTCAAGTGA	CCAGCCTCTG	ACTGTGCTCT	TATCTCCCAA	ATTCTCCACT	980
CGATTCCACT	GCTAAACTCA	GCTGTGAGCT	GCGGATACCG	CCCGGCAATG	GGACCTGCTC	1000
TTAACCCTCAA	ACCTAGGACC	GTCTTGCTTT	GTGATTGGGC	ATGGAGAGAA	CCCATTTCTC	1020
CAGACTTTTA	CTCAACCGTG	CCTGAGAAAG	CATACTTGAC	AACTGTGGAC	TCCAGTTTTC	1040
TTGAGAAITG	TTTTCTTACA	TTACTAAGGC	TAATAATGAG	ATGTAACCTA	TGAATGTCTC	1060
GATTAGACTC	TATGTAGTTA	CTTCTTTTAA	ACCATCAGCC	GCTCTTTTAT	ATGGGTCTTC	1080
ACTCTGACTA	GAATTTAGTC	TCTGTGTGAG	CACAGTGTAA	TCTCTATTGC	TATTGGCCCT	1100
TAGCACTCTC	AGCTCTCTCC	CACCTTTTTT	AAAAATTTTA	ACCAGAAAT	AAAGATAGTT	1120
AAATCTTAAG	ATAGAGATTA	AGTCATGGTT	TAAATGAGGA	ACAATCAGTA	AATCAGATTG	1140
TGTCTCTCTC	TCTGTATACC	GTGAATTTAT	AGTTAAGGAT	CCCTTTGCTG	TGAGGGTAGA	1160
AAACCTCACC	AACTGCACCA	GTGAGGAAGA	AGACTGCGTG	GATTCATGGG	GAGGCTCACA	1180
GCAGGCAAGC	AGCAGGCTCT	GCTTGGGGCT	GCTTTAAGG	CACAGTTCTT	TCTTACTGCG	1200
TGCTGATAAC	AACAGGGAAC	CTTGCACTGT	GCATTTTAAAG	ACC		1220

Name: 28	Len: 426	Check: 1220				
TTGATTTGTG	GCATATGCAA	GCAAGGAGTA	ATGGAACAAA	ATGACAGGCA	AGGTTAGATA	60
ATGAAGGCTGA	AGAAATAAAA	CAATGATTGA	GCTCAGTGAT	AATGAAAATC	CTTGGACAAT	120
ATTCTCTGAA	ACAGTTGATC	CCAGGCTGGC	TGCTAGTGA	GCAGCTTAC	CAAGTTTGA	180
TAAAGATCAT	GATGTAATGT	TATTTTTGAA	GATGTATGAT	CCCAAAACGC	GGACTTTGAA	240
TTACTGTGGG	CATATCTACA	CACCAATATC	CTGTAAAATA	CTGACTTGC	TCCAGTTAT	300

CTGTAAATAA	CTACGATTTA	TTCAAGATAC	TAGCCTTTAT	CTCTTATATA	AAAGTTAAAA
CCGAATTTAA	CAGAGAGAAT	TCCAGGACTA	TGACGTGTCT	CTTTGATAAA	GGGCTTGGAT
GAACTA					

361
400
426

Name: 190

Len: 6428 Check: 1EC4

GCTAGTGGAA	GTTACTGCGG	CGCCACCGAG	TCCGGACCGG	AGACTTTGGG	GCTAACTAG	60
TGAATGGTAG	TGTCTAGAAA	GGGTATGTCC	CTTCAAGAGA	GAGGTGGCAA	TGTCCAAACG	120
GCTAAATAAC	AATCCAGGGG	GGTCACTGCG	ACGTTCCACG	AGGAACACTG	CTGGGGGDDA	180
ATCAAAAGAC	CACTCAATAG	GAGGAAGAA	CTGCAGTTCA	TCATCTGCTG	TGATAGTTCC	240
AATAAAGAG	GATCTAGACA	GAGGCAATA	TTGAGAAAGA	CAAAAAACGG	GGCAAGTGCC	300
TAAGAAAAC	AATTGTGAG	GAGTGAAGCG	CAGTGCTAGT	CCAGACTACA	ACAGGACCAA	360
TTCTCTTAGC	TCTGCAAAAA	AAACAAAAGC	ACTTCAGCAT	ACTGAATCTC	CTCAGAAAA	420
AAATAAGCCA	CATAGTAAGT	CAAGAAGAG	ACATTTAGAC	CAGGAGCAAC	AACTGAAATC	480
TGCAAAATCA	CCATCAACAA	GCAAGGCTCA	TACCAGGAAG	AGTGGGGCCA	CTGGCGGTTT	540
ACGGAGTCCG	AAAAGAAAAA	GGACAGAGAG	TTCTTGTGTA	AAGAGTGGCT	CCGGGTCTGA	600
ATCAAGTGGT	GCAGAAGAGA	GATCTGCGAA	ACCTACCAAG	CTGGCTTCAA	AATCAGCCAC	660
CTCAGCCAAA	GCTGGGTGTA	GCACCATCAC	TGATTCTTCT	TCTGCTGCTT	CTACTTCTCT	720
CTGCTCTTCT	GCTGTAGCCT	CGGCCCTCCT	CAGTGTACCA	CCAGGTGCCA	GAGTGAACAA	780
AGAAAAATAT	CAGAAACAAG	CCAGGCTTTC	CCGTTCAAGG	TCCAGTCCCA	GGCCAGAAAG	840
AAGTAGCAGG	GAAAAAGAAC	AGASTAAAC	TGGTGGCTCT	TCAAAATTTG	ATTGGGCTGC	900
TGCTTTCCAGC	CTTAAAGTTA	GCCTTCCTAA	AAACAAACTG	TCTCTTCCAG	GCTCTTCTAA	960
CTCAGAGACA	TCAAAACCTG	GACCTTCTGG	ATTACAGGCC	AAATTAGCAA	GTTTAAAGAA	1020
ATCTACGAAG	AAACGCAGTG	AGTCTCCACC	TGCTGAGCTC	CCAGTTTGA	GGCGGAGCAC	1080
ACGCCAAAAAG	ACCAAGGGCT	CCTGTGCTAG	TACCAGTCCG	CGAGGCTCTG	GCCTGGGCAA	1140
AAAGAGAGCA	GCTGAAGCTC	GTCGACAGGA	GAAATGGCA	GACCTGAAA	GCAACCAGGA	1200
GGCAGTAAAT	TCTTCAGCTG	CTCGGACAGA	TGAAGCTCCC	CAAGGAGCTG	CAAGGGCTGT	1260
TGGCATGACC	ACCTCTGGGG	AGAGTGAATC	AGATGATTC	AGATGAGGAC	GTTTGCAGAG	1320
TTTGTTAGAG	GCAAGGGGTC	TTGCCCTTCA	CCATTTGGT	CCCTTTGGTC	CTCGATGTC	1380
ACAGCTTTTC	CATAGAACAA	TTGGAAGTGG	AGCTAGTTCT	AAGGCCAGAC	AGCTACTACA	1440
AGGATTGCAA	GCCAGTGATG	AAAGTCAACA	GCTTCAGGCA	GTTATTGAGA	TGTGTAGTT	1500
ACTGGTCAAG	GGAAATGAGG	AGACACTGGG	AGGGTTTCTT	GTCAGAGAGT	TTGTTCCAGC	1560
TTTGATTACG	TTACTTCAGA	TGGAGCACAA	TTTTGATATT	ATGAACCATG	CTTGTCCAGC	1620
CTTAACATAC	ATGATGGAAG	CACCTCCTCG	ATCTTCTGCT	GTTGTAGTAG	ATGCTATTCC	1680
TGTCTTTTTA	GAAAAAGTGC	AAGTTATTCA	GTGTATTGAT	GTGGCAGAGC	AGGCCTTGAC	1740
TGCCCTGGAG	ATGTTGTAC	GGAGACATAG	TAAAGCCATT	CTACAGGCGG	GTGGTTTGGC	1800
AGACTGCTTG	CTGTACCTAG	AATTCTTCAG	CATAAATGCC	CAAAGAAATG	CATTAGCAAT	1860
TGCAGCTAAT	TGCTGCCAGA	GTATCACGCC	AGATGAATTT	CATTTTGTGG	CAGATTCACT	1920
CCCATTTGCTA	ACCCAAAGGC	TAAACACATCA	GGATAAAAAG	TCAGTAGAAA	GCACTTGCTT	1980
TTGTTTTGCA	CGCCTAGTGG	ACAACCTTCA	GCAAGAGGAG	AATTTACTCC	AGCAGGTTGC	2040
CTGCAAGAT	CTGCTTACAA	ATGTTCAACA	GCTGTTGGTA	GTGACTCCAC	CCATTTTAAAG	2100
CTGGGATG	TTTATAATGG	TGGTTCGCAT	GTTTCTCTG	ATGTGTTCCA	ACTGTCACAC	2160
CTAGCTGTT	CAACTTATGA	AACAAAACAT	TGCAGAAACG	CTTCACTTTC	TCCTGTGTGG	2220
CTGCTCCAT	GGAAAGTTGTC	AGGAACAGAT	TGATCTTGT	CCAGGAAGCC	CTCAAGAGTT	2280
GTATGAAGTG	ACATCTCTGA	TTTGTGAAT	TATGCCATGT	TTACCAAAAG	AAGGCATTTT	2340
TGCAGTTGAT	ACCATGTTGA	AGAAGGGAAA	TGCACAGAAC	ACAGATGGTG	CGATATGGCA	2400
GTGGGCTGAT	GATCGGGGCT	TCTGGCATCC	ATATAACAGG	ATTGACAGCC	GGATCATTGA	2460
GCAAATCAAT	GAGGACACGG	GAACAGCACG	TGCCATTTCAG	AGAAAAACCTA	ACCCGTTAGC	2520
CAATAGTAAC	ACTAGTGGAT	ATTGAGAGTC	AAAGAAGGAT	GATGCTCGAG	CACAGCTTAT	2580
GAAAGAGGAT	CCGGAAGTGG	CTAAGTCTTT	TATTAAGACA	TTATTTGGTG	TTCTTTATGA	2640
AGTGATAGT	TCTTCAGCAG	GACCTGCGGT	CAGACATAAG	TGCTTTAGAG	CAATTCTTAG	2700
GATAATTTAT	TTTGGCGATG	CTGAACTTCT	GAAGGATGTT	CTGAAAAATC	ATGCTGTTTT	2760
AGTACACAT	GCTTCCATGC	TGTCAAGCCA	AGACCTGAAG	ATAGTAGTGG	GAGCACTTCA	2820
GATGGCAGAA	ATTTTAATGC	AGAAGTTACC	TGATATTTT	AGTGTTTACT	TCAGAAAGAG	2880
AGGTGTAATG	CATCAAGTAA	AACACTTAGC	AGAATCAGAG	TCTTTGTTGA	CAAGTCCACC	2940
AAAGGCATGT	ACCAATGGAT	CGGATCCAT	GGATCCACA	ACTTCAGTCA	GCAGTGGGAC	3000
AGCAGCAGCT	GCCACTCATG	CTGCAGCTGA	CTTGGGATCA	CCAGCTTGGC	AGCAGGCGAG	3060
GGATGATTCT	TTAGATCTCA	GCCCTCAAGG	TGATTTAAGT	GATGTTCTAA	AGAGAAAAAG	3120
ACTGCCAAAA	CGAGGGCCAA	GAAGGCCAAA	GTACTCACCT	CCAAGAGATG	ATGACAAAGT	3180
AGACAATCAA	GCTAAAAGCC	CCACCACTAC	TCAGTCACTT	AAATCTTCTT	TCCTGGCAAG	3240
CTTGAATCCA	AAAACATGGG	GAAGGTTAAG	TACACAGTCC	AACAGCAACA	ACATTGAGCC	3300
AGCAGGGAAT	GCGGGAGGTA	GTGGGCTTGC	CAGGGCTGCC	TCAAAGGATA	CCATCTCCAA	3360
TAATAGAGAA	AAAATTAAG	GTTGGATTAA	GGAGCAGGCA	CATAAATTTG	TAGAAAGTTA	3420
TTTCAGTTCT	GAGAATATGG	ATGGAAGCAA	CCCTGCATTG	AATGTCTTTC	AGAGACTTTG	3480
TGCTGCAACC	GAACAACCTCA	ACCTCCAGGT	GGATGGTGGG	GCTGAGTGCC	TTGTAGAAAT	3540

CTGTAGCATA	CTCTCAGAGT	CAGATGTTTC	ATCATTTTAA	ATCCAAACATA	CTCATTTTCT	3600
GAAACAGAGT	TTGCTTTTATT	TGACATCTAA	AAGTGAAAAG	GATGCTCTGA	GCAGAGAGAT	3660
CAGATTAAAG	CGATTTCTTC	ATGTATTTTT	TTCTTCTCCA	CTTCTCTGAG	AAGAGCCCAT	3720
TGGAAGAGTG	GAACCAAGTG	GTAATTCACC	TTTGTTCGCA	TTAGTTTACA	AGATGAACAA	3780
CTGCTCAGTG	CAGATGGAAC	AATTTCCAGT	CAAAATACAT	GATTTCCCTA	GTGAAATGAG	3840
TACAGGAGGC	AATCTTTTCTC	TCAACAGAGG	ATCACAGGCT	TTAAAAATTT	TCAACACACA	3900
TCAATTAAAA	TGCCAGTTAC	AAAGGCATCC	AGACTGTGCA	AATGTGAAGC	AGTGAAGGCG	3960
TGGACCTGTG	AAGATTGACC	CTCTGGCTTT	GGTACAAAGC	ATCGAGAGAT	ACCTTGTAGT	4020
TAGAGGSTAT	GGAAGAGTAA	GAGAAGATGA	TGAAGACAGC	GATGACGATG	GATCAGATGA	4080
GGAATAGAT	GATCTCTGTG	CTGCTCAGTT	CTTAAATTTA	GGAATGTAA	GACACAGGCT	4140
GCAATTTTAT	ATTGGAGAAC	ATTTGCTGCC	GTATAACATG	ACTGTGTATC	AGGCAGTACG	4200
GCASTTTTAT	ATACAGGCTG	AAGATGAAAG	AGAAATCCCA	GATGATGAGA	GCAATCCTCT	4260
AGGCAGAGCT	GATATTTTGA	CAAAGACTCA	TACAATATGG	TATAAACCTG	TGAGAGAGGA	4320
TGAAGAAAT	AATAAAGATT	GTGTTGGTGG	TAAAAGAGGA	AGAGCCCAAA	CAGCTCCAAAC	4380
GAAAACTTCC	CTTAGAAATG	CAAAAAAGCA	TGATGAGTTA	TGGCAAGATG	GATGTGCCCC	4440
ATCAGTATCA	AATCCTTTAG	AAGTTTACCT	CATTCCACCA	CCACCTGAAA	ATATAACATT	4500
TGAAGACCCG	TCATTAGATG	TGATCCTTCT	TTTAAGAGTT	TTACATGCTA	TCAGTCGATA	4560
CTGGTATTAC	TTGTATGATA	ATGCAATGTG	CAAGGAAATT	ATTCCAACTA	GTGAATTTAT	4620
TAACAGTAAG	TTAACAGCAA	AAGCAAATAG	GCAACTTCAA	GATCCTTTAG	TAATCATGAC	4680
AGGAAACATC	CCAACATGGC	TTACTGAGCT	AGGAAAAAOC	TGCCCATTTT	TCTTTCTCTT	4740
TGATACCCGG	CAATGTCTTT	TTTATGTAAC	TGCATTTGAT	CGGGACCGAG	CAATGCAAAAG	4800
ATTACTTGAT	ADCAACCCAG	AAATCAACCA	GTCTGATTCT	CAAGATAGCA	GAATTGCAAC	4860
TAGATTGGAT	AGAAAAAAAC	GTACTGTGAA	CCGAGAGGGAG	CTGCTGAAAC	AGGCGGAGTC	4920
TGTGATGCAG	GACCTCGGCA	GCTCACGGGC	CATGTTAGAA	ATCCAGTATG	AAAATGAGGT	4980
TGTTACAGGT	CTTGGGCCCTA	CACTGGAGTT	TTATGCCCTT	GTATCTCAGG	AACTACAGAG	5040
AGCTGACTTG	GCTCTTTTGA	GAGTGAAGA	AGTAACCTCT	AGCAATCCAA	AAAGGAGCCA	5100
AGAAGGGACC	AAGTATATTC	AAAACCTCCA	GGGCTCTTTT	GGCTTCCCTT	TTGTTAGGAC	5160
AGCAAAGCCA	GCTCATATCG	CAAAGGTTAA	GATGAAGTTT	CGCTTCTTAG	GAATAATTAAT	5220
GGCAAAGGCT	ATCATGGATT	TCAGATTGGT	GGACCTTCCC	CTTGGCTTAC	CTTTTATATA	5280
ATGGATGCTA	CGGCAAGAAA	CTTCACTGAC	ATCACACGAT	TTGTTTGACA	TCGACCCAGT	5340
TGTAGCCAGA	TCAGTTTATC	ACCTAGAAGA	CATTGTGAGA	CAGAAGAAAA	GACTTGAACA	5400
AGATAAATCC	CAGACCAAAG	AGAGTCTACA	GTATGCATTA	GAAACCTTGA	CTATGAATGG	5460
CTGCTCAGTT	GAAGATCTAG	GACTGGATTT	CACTCTGCCA	GGGTTTCCCA	ATATCGAACT	5520
GAAGAAAGGA	GGGAAGGATA	TACCAGTCAC	TATCCACAAT	TTAGAGGAGT	ATCTAAGACT	5580
GGTTATATTG	TGGGCACTAA	ATGAAGGCGT	TTCTAGGCCA	TTTGATTCTG	TCAGAGATTG	5640
ATTTGAATCA	GTCTTCCAC	TCAGTCATCT	TCAGTACTTC	TACCCGGAGG	AACTGGATCA	5700
GCTCCTTTGT	GGCAGTAAAG	CAGACACTTG	GGATGCAAAAG	ACACTGATGG	AATGCTGTAG	5760
GCTGATCAT	GTTTATACTC	ATGACAGTCG	GGCTGTGAAG	TTTTTGTGTT	AGATTCTCAG	5820
CTGTTTGTAT	AATGAGCAGC	AGAGGTTATT	TCTCCAGTTT	GTGACTGGTA	GCCCAAGATT	5880
CTGTTTGGGA	GGATTCCGGA	GTTTGAATCC	ACCTTTGACA	ATTGTCCGAA	AGACGTTTGA	5940
TCAACAGAA	AAACCAGATG	ACTTCTTGCC	CTCTGTAATG	ACTTGTGTGA	ACTATCTTAA	6000
TTTCCCGGAC	TATTCAAGCA	TTGAGATAAT	GGGTGAAAAA	CTGTTGATAG	CAGCAAGAGA	6060
AGGGCAGCAG	TGTTTCCATC	TTTCTGTATT	ATAGCAAGAA	ATGCAGTGTG	TGCTGTGTTAC	6120
AGCAAAAGAA	ACAAATCATG	ATTTCTTTTC	TAATGTTATC	ACCTGAGTCA	AGGAAACATG	6180
TTACGCCCTTC	TTGTTGTAGG	AAAAACGGCT	TGCAGATTAT	AAAGAGACAT	TTGTTTGATA	6240
TTCAATTAATG	GCCCCATGGA	CTTAAAGTGA	TCAGGCCCTA	AAACGTTGTT	GTGATGAGGT	6300
TTCTTTAGCA	AGTTCTTGTT	TAAATTATCA	TTTATTTGAT	GAGTGAAGTT	TTTAACATGC	6360
TTTGCTGTGT	GAAATTTAAA	AAAGGGATGT	TTTTCCAGGC	TGGAACAATA	AATGTGGCTG	6420
TGCAGTTT						6423

Name: 231

Len: 1266 Check: 1000

GCGGCTCGGA	GGGCTCCTAG	TGCGCCAGGT	TGTGGGAAGT	GAGGCTGGCG	GTGGCGACAA	60
CGAGGAGGA	GGGBCGGAC	GCTGGAGCAC	GGACCGGCTG	AGGCTCATGG	AGGCTCAGG	120
GAGCAGCGG	GGCCACAAAC	CACAGCATCC	CGGAGACCAAC	CGCATCCGGG	ACGGGCACTT	180
CGTGGTGCTG	AAACGTGAAG	ATGTGTTTAA	AGCAGTACAA	GTCCAGCAGA	GAAAAAAAGT	240
AACTTTGAGAA	AAACAGTGGT	TCTACCTGGA	TAACGTCTTT	GGCCATAGTT	ATGGAAGTGC	300
ATTGGAAGTG	ACCAGTGGAG	GAAGTCTACA	GCCCAAGAAAG	AAGAGGGAAAG	AGCCTACTGC	360
AGAGACTAAA	GAAGCGGGCA	CTGATAATCG	AAATATAGTT	GATGATGGGA	AATCTCAGAA	420
ACTTACTCAA	GATGACATAA	AAGCTTTGAA	GGACAAAGGGC	ATTAAAGGAG	AGGAAATAGT	480
PCAGCAGITA	ATTGAAAATA	GTACAACATT	CCGAGACAAAG	ACAGAATTTG	CCCAAGATAA	540
ATATATTAAA	AAGAAGAAAA	AAAAATATGA	AGCCATCATT	ACTGTTGTGA	AGCCATCCAC	600
CGTATTCTT	TCAATTATGT	ATTATGCAAG	AGAACCTGGA	AAAATTAACC	ACATGAGATA	660
CSATACACTA	GCCCAGATGT	TGACGTTGGG	AAATATCCGT	GCTGGCAACA	AAATGATTGT	720
GATGGAAACG	TGTGCAAGGT	TGGTGCTGGG	TGCAATGATG	GAACGAATGG	GAGGTTTTTG	780

CTCCATTATT	AGTTATAC	AGGAGGAGG	ACTGTTTCGG	AGAGCAAGAG	CATGTTTTCG	340
ATTTTCCTAA	TCTTTTCTCA	GTGTTTCTTA	TAAATTCCTT	CTCAACAAAG	TGACAGTCTT	360
TCTACATGGA	ACATTTTCTG	CTAAGATGTT	ATCTTCAGAG	CCAAAAGACA	GTGTTTTCGT	380
TGAAGAAAGT	AATGGCAGAC	TGGAGGAAAA	ATAGGCTTCT	GGGCAAGAGA	ATGAAGACAG	400
CATGGCAGAG	GCTTCAGAGA	GCAACCACTC	AGAAGACGAG	GGAAACAATG	GAAACAATTT	420
CTCAAGATCC	AGAACATAAG	GGGCTTAAAG	AGAGAGGAAG	CAAAAAAGAT	TATATTTCTG	440
GGAAAAACAG	AGGAGACAAA	GGAAGGAGCA	GTGGAAAAGA	CTTTTGGGCG	TGCGTTTCTG	460
CTTGAATTGA	AAGGAAACCG	TATGTTCTTT	ATTTGTTAGC	TTGTTCTTTT	CGAATTCCTT	480
TCTCTT						500

Name: 282

Len: 3962

Check:

E05

AGGAATTTCG	GTGAGCTGAG	CTCGGGGGCG	GGGGGGGGCG	GGGAGCGGCG	GCGCGGGGGG	520
CCTCAGCAAG	GAGGACGGCT	TCTCCAGCTA	CAGCAGCCTG	TACGACAGCT	CCTCGCTGCT	540
CCAGTTCTGC	AACGATGACA	GCGCTTCTGC	TGCAAGTAGC	ATGGAGGTGA	CAGACCGCAT	560
TGCTTCACTG	GAGCAGAGAG	TCCAGATGCA	AGAAGACGAC	ATCCAGCTGC	TCAATCAGCG	580
TCTAGCTGAT	GTGTTTCGGC	GGCTGAACAT	TACTGAGGAA	CAGCAGGCGG	TGCTTAACAG	600
GAAAGGACCT	ACCAAAGCAA	GACCACTGAT	GCAGACCCTG	CCTTTTAGAT	CCACGGTCAA	620
CAATGSCACT	GTGTTACCAA	AGATACTTAC	TGGCTCTCTA	CCATCCCTCT	CGGGTTTCAG	640
GAAAGATACT	CTTGTGCTAG	TAACCAAAAG	TAACATCAAG	AGGACCACTT	CTTCTGAACG	660
AGTGTCTCTT	GGGGGTGAGG	GGGAAAGCAA	TGGGATTCCG	AGAGGAAACG	GGATCGGACG	680
AGGTCCACCG	AGCAGCTCTT	CCAGTGGCAA	AAAAGAACAG	TGAAAGCAAA	CCCAAGGAGCT	700
CTGTATTGAG	TGCAGAAGAA	GGCTATGTAA	AATTGTTTCT	TGTTGGAGCG	CCTGTTACCA	720
ACATGCCG	CAAGATCAAA	GTGGATTCTT	ACAGCTTGGA	AGCAAAAGTA	GAATTCCTAA	740
CAGAGACT	CAAGCTGGAA	TGGGTCTATG	GGTACAGGGG	TGAGACTGCG	CGTAACAACG	760
ACTTTGCT	TCCGACGGGA	GAGACCGTCT	ACTTCATCGC	ATCCGTGGTG	GTGTTATACA	780
CTGTGGAGGA	CAAACTGCAG	AGGCATTACG	CTGGCCACAA	CGATGACGTG	AAGTGCCTAG	800
CAGTTTCATC	TGATCGGATC	ACGATAGCAA	CAGGACAAGT	TGCGGGCACA	TGCAAGGATG	820
GAAAACAATT	CCCGCCACAT	GTGCGCATCT	GGGATTCTGT	GACATTGAAT	ACTCTCCACG	840
TCATTGGAA	AGGTTTTTTT	GACCGAGCAG	TCACCTGTAT	TGCATTCTCA	AAATCTAATG	860
GAGGAACCAA	TCTCTGTGCT	GTGGATGATC	CCACACGACCA	TGTGCTCTCT	GTATGSGACT	880
GGCAGAAAC	AAAAACTA	GCAGATGTGA	AGTGCTCTAA	TGAAGCTGTG	TTTGCTGCGG	900
ATTTCT	CACGGACACC	AACATCATAG	TTACTTGTGG	AGAAATCACA	TCTCTACTTT	920
TGGACACT	AAGGAAGCTC	CCATTAATAA	GAAGCAAGGA	TTATTGAGAG	ACAAGAAAGG	940
CCAAAGTTGT	CCTCTGTGTG	ACTTTCTCTG	AAAACGGTGA	CACCATTACT	GGAGATTCAA	960
GTGGCAACAT	CTTAGTATGG	GGAAAAGGTA	CAATTCGAAT	AAGCTATGCA	GTTTCAGGGG	980
CCCATGAGGG	TGGCATTTCT	CCACTTTGTA	TGTTAAGAGA	TGGCACACTG	GTGTCGGGAG	1000
GTGGGAAAGA	CCGAAAGCTC	ATTTCTTGGA	GCGGAAACTA	TCAAAAACTT	CGTAAACCGG	1020
AGATTCCAGA	ACAGTTTGGT	CCAATACGGA	CAGTGGCCGA	GGGSAAGGCG	GATGTGATCT	1040
TGATTGGCAC	AACCTGAAAC	TTTGTCTCTG	AGGGCACTCT	GTCAGGGGAC	TTACACACCA	1060
TTACTCAGGG	TCACACTGAT	GAGCTCTGGG	GACTGGCCAT	CCATGCCTCA	AAACCTCAGT	1080
TCTTGACCTG	TGGGCATGAC	AAGCATGCGA	CTCTCTGGGA	CGCTGTGGGT	CACCGTCCCG	1100
TCTGGGACAA	AATAATAGAG	GATCCAGCTC	AGTCTTCTGG	TTTTCATCCT	TCAGGGTCTG	1120
TGTTTGCACT	CGGAACACTC	ACTGGGAGGT	GTTTGTGTGT	TGACACAGAA	ACAAAAGACT	1140
TGTTGACCGT	TCACACAGAT	GGAAACGAAC	AGCTCTCTGT	AATGCGATAC	TCACCAGATG	1160
GGAATTTCTT	AGCCATAGGC	TCACATGACA	ACTGCATCTA	TATATATGCG	GTTAGTGACA	1180
ACGGGAGGAA	GTACACGCGA	GTGGGCAAGT	GTCGGGTCTA	TTCCAGCTTC	ATTACTCAGC	1200
TGSACTGGCT	TGTAAACTCA	CAGTTCCTGG	TGTCAAAATC	CGGAGACTAC	GAAATCCTCT	1220
ACTGGGTTCG	CTCTGCTGCT	AAGCAAGTGG	TAAGTGTGGA	AACTACAAGA	GACATTGAAT	1240
GGGCTACCTA	TACCTGCACT	TGGGGATTCC	ATGTTTTTGG	AGTGTGGGCA	GAAGGCTCTG	1260
ACGSAACCGA	CATCAATGCC	GTCTGTGCGG	CCCATGAGAA	GAAACTCCTG	TCACACGGCG	1280
ACGACTTTGG	CAAAAGTGAC	CTCTTCTCAT	ACCCCTGCTC	GCAATTCAGG	GCTCCAAAGC	1300
ACATCTACCG	TGGGCACAGC	AGCCATGCTA	CCAATGTGCA	TTTCTCTGCT	GAGACACAGC	1320
ACCTGATCTC	CACGGGGGCG	AAAGACACAA	GCATCATGCA	GTGGCGCGTC	ATTTAGTACC	1340
CACCGAGAGC	TGTGGGAGCG	AGCATGGGCA	AGGAAGACAC	AGACTCGGAT	TACCTTGGCT	1360
CACCTGTGAT	TCTGTTTTGT	TAAAAAATT	CTTACAAACC	TCAAGAAACG	TGTGGGCTCT	1380
GCGGGCTACC	TTAGCTTAGC	GTSTCAGCGG	GCGCCACAGC	GGAATCAGCG	GTTCCGTGTT	1400
CACTTTTGTT	GTACAAATATA	TGACACAGTG	CACATTGAAT	ACCAACAAGG	TTGCAACGTT	1420
TACATTATAG	CAACATCAAC	AGAAGTAACT	GGGTATATTC	TTAGTAACTT	TTCTATGCAA	1440
CTCTTCAAAA	ATGGGTGACA	GGATGGTCTT	TAAAAACATT	GTATATTATC	TTCACTGTTT	1460
TCACCTTTTA	GGTTGTGTAAG	TTCAATATTT	GTGATGATAA	TGAGGTACTG	AACCAACGAT	1480
GCTGTTGAGG	AATTGGTCTT	AAAAGGACAG	ATCACTTCAG	AAGAGTGAAT	AACTGATTTG	1500
CACAGCTGAA	TCAGGAGACA	CAAAAGATGAG	ACTGTGTTTG	GTTACATTTT	CCAAAGTTTC	1520
ATTGCACTCT	CCTTTGGGGA	GGCTGTGAGA	GAGGGCTTGT	ATCCCTCTTG	TGCTAAGCAG	1540
ACTCTACTCC	TAACCTGACTT	CAATATTTCA	GCAGGGTACA	CAGGCCTTTC	CAAGTTTCAG	1560

TCACACCTTC	CTGCGTAACG	AGATGCGGT	AGCCTCTTCA	CACCCACCT	GCTTGCATCT	3240
CCCATCTTTT	GTGACATCT	CCTGATTCAC	GGTGAGACAT	TTTGCCACCT	TCTTGTGTAT	3300
ATTACTTTCG	ATGAGATGAT	ATTCTACTTG	TATAGGATTC	TAGCAATTCA	TAATAAATAT	3360
GTAAGATTCG	GCTTTACTGT	CTTATGCTTA	TGGACATTGT	ATAITTTSTAT	TTTATGACCA	3420
ASTAGACCAA	GTGAGAAAGA	TCTCTCTCGA	GCGCACCAT	AACCTGCAGA	GAGAAGTCTC	3480
GAAAGGCTTC	ACCAAGGTAC	CAAGGGCAGC	TGCTTTTCTT	GTCTTTTGTG	CATGGGGGAC	3540
CCATTACAT	ATGAGATAAG	ATTGAGTTCT	GATGCGTTAA	ACGGAGGTGG	CAGAAATTGG	3600
TCAAGAAAGC	TTTATGCTAT	TCGATTGTCT	ACAGATTGTA	AATTTATTGT	TTACATTGGG	3660
GAATGTATCT	CAAAATTTTA	AATAGAAAGG	TAATAAACAG	ACTTTAAAGC	AAATATTAA	3720
ATTTTATCT	ATTCAAGGCA	AGTAAATGAA	TGSAATTATC	TCAGCTCTAT	GGCACTGGTT	3780
GTTTATCTG	ACTGATGAAG	TGCACCTTTC	AAAAACATTT	TTGATGCGAT	CACCAAGCTA	3840
CTGCAGAGCT	GCAGGGCACA	GTAACACCCA	TGTATTATTG	AAGATGATCT	GTTTTTSTAT	3900
TATCCTTCTG	AAATATATTC	TATAATGGAA	TAAAAAATCC	TGGAAAGTGG	GGGTTTCTTT	3960

AA
Name: 243 Len: 1637 Check: 82D

ATGATGCTAT	TTTATGACCA	GCAAGTGCCT	TACATGGTCA	CCAATAGTCA	GCGTGGGAGA	60
AATTGTAAAG	AGAAACCAAC	AAATGTGAGG	AAAAGAAAAT	TCATTAACAG	AGATCTGGCT	120
CATGATTTAG	AAGAATTTCT	TCAAGATCTA	AGTCAATTAC	AGGAAACATG	GCTTCTAGAA	180
GCTGAGCTAG	GTGACAATGA	TGAGCAGTTT	GTACCAGACT	ATCAGGCTGA	AAGTTTGGCT	240
TTTCATGCTG	TGCCACTGAA	AATCAAGAAA	GAACCCACAC	GTCCATGTTC	AGAAATCAGC	300
TCTGCTGCTG	GTCAAGAACA	GCCCTTTTAA	TTGAGCTATG	GAGAAAAGTC	CCTGTACAAT	360
TCAGTCTCT	ATGATCAGAA	CCCACAAGTG	GGAATGAGGC	CCTCCAACCC	CCCCACACCA	420
TCAGCTGCTG	CAGTGTCCCC	ACTGCATCAT	GCATCTCCAA	ACTCAACTCA	TACACCGAAA	480
CTGACTGCTG	CCTTCCCAGC	TCACCTCCCT	CCATCGCAGT	CCATACCAGA	TAGCAGCTAC	540
CCCATGCTAG	ACAGATTTGG	CCGCCAGCTT	TCTGAACCTT	GTAACCTCTT	TCTCCTTTTG	600
CCGACTGCTG	CAAGGGGAAGG	ACGTCTCTAT	TACCAAGGCT	AGATGTCTGA	GCCAAACATC	660
CCCTTCTCTG	TACAAGGCTT	TACGACGAGC	CAGTGTATGA	ACACACACAC	720	
ATGCTTCTGA	GTGCGGCTAG	CCAAAGCTTT	CCCCCTCTCT	TGATGATTAA	ACAAGAACCC	780
AGAGATTTTG	CATATGACTC	AGAAGTGTCT	AGCTGCCACT	CCATTTATAT	GAGGCAAGAA	840
GGCTTCTCTG	CTCATCCCAG	CAGAACAGAA	GGCTGTATGT	TTGAAAAGGG	CCCCAGGCAG	900
TTTTATGATG	ACACCTGTGT	TCTCCAGAAA	AAATTCGATG	GAGACATCAA	ACAAGAGCCA	960
GGAAATGTAT	GGGAAAGGAC	CACATACCAA	CGGCGAGGAT	CACTTCAGCT	CTGGCAGTTT	1020
TTGGTAGCTG	TTCTGGATGA	CCCTTCAAAAT	TCTCATTTTA	TTGCCTGGAC	TGGTCGAGGC	1080
ATGGAATTTA	AACTGATTGA	GCCTGAAGAG	GTGCCCCGAC	GTTGGGGCAT	TCAGAAAAAC	1140
AGGCCAGCTA	TGAACATATG	TAACTTAGCT	CGTTCACTCC	GCTATTACTA	TGAGAAAGGA	1200
ATTATCTAAA	AGGTGGCTGG	AGAGAGATAT	GTCTACAAGT	TTGTGTGTGA	TCCAGAAGCC	1260
CTTTTCTCTA	TGGCCTTTCC	AGATAATCAG	CGTCCACTGC	TGAAGACAGA	CATGGAACGT	1320
CACATCAAGG	AGGAGGACAC	AGTGCCTCTT	TCTCACTTTG	ATGAGAGCAT	GGCCTACATG	1380
CCGGAAAGGG	GCTGCTGCAA	CCCCACCCCC	TACAACGAAG	GCTACGTGTA	TTAACACAAG	1440
TGACAGTCAA	GCAGGGCGTT	TTTTGCGCTT	TTCTTTTTTT	CTGCAAGATA	CAGAGAAATT	1500
CTGAATCTTT	GTTTTATTTT	TGTTGTTGAT	ATTTATTTTT	AAATAATAAT	ACACAAAAAG	1560
GGGCTTTTTT	TGTTGCATTA	TTCTATGCTC	TGCCATGGAC	TGTGCACTTT	ATTTGAGGGT	1620
GGGTGGGAGT	AATCTAAACA	TTTATTCTGT	GTAACAGGAA	GCTAATGGGT	GAATGGGCAG	1680
AGGGATT						1637

Name: 134 Len: 3747 Check: 1213

GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGTCCCTTCT	GTGGGGGGGG	GGCTCCCGGC	CGGGGGGGGG	60
GGGGCTCTCT	TTGGCTTTGT	GTCCCGGGGG	CGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	TCTCAGCCCT	120
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	CGGGCTCCCG	CGGGGGGGGG	GCAGCCCGGG	CGGGCATTGT	180
GTGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GAGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	240
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	TGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	300
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	CAACATGGGG	360
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	TATGATGGAG	420
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGAAAGGGGA	480
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GTCCACACTG	540
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GAAACCACTG	600
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	CAGTGTGAA	660
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGAGCATGGC	720
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	CCCTGGGGGA	780
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGATGTGACA	840
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	CTATTACTAC	900
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	CACCGGAATG	960
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	AAACTACTGG	1020
GGGGCTCTCT	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	GGGGGGGGGG	CTGCTGGAAG	1080

AAAGTTTACA	CCGAGTTTGA	CATCGACTCT	GGGGGGGCTT	CTGGCTTCTA	CCAGCTTCTC	1140
AAAGGGGAGA	A3A3DTT3TA	TCTCATCAGG	CCGGCTTCTG	CTAACATCTC	CCTGTATGAG	1200
CGTTGGTGT	CTGCTTTTAA	CCACAGCGAG	ATGTTCTTTG	CTGACCACTT	CGACAAATGC	1260
TAAAGTTGTA	TCCTCAAGCA	GGGCCAGAGC	CTCTTCTATC	CCTCAGGCTG	GATCTADGCG	1320
ACATTJACCC	CTGTGGACTG	CCTGGCCTTC	GGGGGACATT	TCTTCCACAG	CCTGAGTGTG	1380
GAGATGACGA	TSAGAGCATA	CGAGGTGGAA	AGGAGGTTGA	AACTTGGGAG	CCTGACTCAG	1440
TTTCTTAAT	TTBAAATGCG	GTGCTGGTAT	ATGGGAAAGC	ACTATTGCA	GGGCTTCAAA	1500
GCTCTTACA	ASTCTGGGAA	GCAGTGGCTT	CCACATCTAG	TCCAGGAGCT	TAAAATTCTC	1560
AACTGTTCTT	TCTGATGCTG	GACGAAAGAA	CAGGCTTTCT	CAGAGCATTA	GGAGGAGCTC	1620
CCGAAATGCT	TCAAAAGCTT	ACAGCTAATC	AAGGAGCTGG	CCAAAGAGAT	CCGGCTCAGT	1680
GAAATGCTCT	CCAAAAGGCT	CCGACCGGAA	GTGAATACTG	TGGGCTCTCT	AGATGAGGCT	1740
TCTTACGGGG	ACCGGGGAGAA	GGAGGAGGCT	CGCTCTCCCA	TTGAGGGGAG	CCGGCTTCAA	1800
TGGCTCTCTG	AGAAAAGTGT	CAAAAAAAG	ACTCCCAAAA	CTGTGAAGAT	GGCCAAAGCCA	1860
TCCAAATATC	CCAAAGGCTC	GAAGCCCTCT	AAGCCCTCAA	GGCCCTCCCA	AACTGCTGAG	1920
CTCAAGAGAT	GAGGCAAGAA	GAAAGGGAGG	AAGTCCCGGG	AGTCAGGCTC	AGCCACCATC	1980
CCCAAGCTGG	ACCTGCTCTG	AGCCACACAC	AAGGAGGCAC	TSACCAAGAT	GGAGCCGCCC	2040
AAGAAAGGGA	AGGCCACAAA	GAGTGTCTCT	AGTGTGCCCA	ACAAAGATCT	GGTTCACATG	2100
CAGATGATG	TGGAGAGGCT	GGAAATTCGA	GAGCAAAACA	AGAGCAAGCT	AGAAAGGCAA	2160
TGGAAATACA	AGAAGAGGCA	ACCTGACTCG	TTACTGAAGA	TGGAGGAGGA	GGAGAGGCTG	2220
GAGAACTGGC	CCCTGGGCTG	GAACAAGGAG	AAGTTTCTCT	TTTCTTTCTC	CAACAGAAAA	2280
CTCTTGGGCT	CCAAGGCTCT	CAGGCCCTCG	AGCAGCCCTG	GTGTGTTCTG	CGCTTTGCAG	2340
AGCTTCAAGG	AGGACAAGGC	CAAGCCCTGT	CGCATGAGT	ATGAGTACCT	ATCAGATGAT	2400
GGGAGGCTGA	AGATAGAGCA	GTTTCCCATC	AGGAGGAAGA	AGAGCGCTCT	CAAAAGGGAC	2460
TGTTCTTTCT	TGTTAGACAA	GAAGGAGGCT	CTCCTCATGC	CCACCTCCAA	GGCAAGGCTG	2520
GATTCTGGGG	TGTACAAGAG	CGATGACTCC	TCTGACGAGG	GCTCTCTCTA	CATCGACACG	2580
GACAGCAAGC	CAGGCAGAAA	TGCCAAAGTG	AAGAAGGAGA	GTGGGAGGCT	CGCTGGGCTG	2640
ATCTTGGAGC	TGCTGAGGCG	CAGCGAGGAG	GTTGGCGCAC	TGAGTACAAA	GGCAACAGC	2700
CAGCCCTCTG	CCTCCCTCTG	CACACAGGAA	GCCATTGAGG	GAATGCTCTC	CATGGCCAAAT	2760
CTGAGGCTCT	CTGAGCTTTG	CCTGCAGACC	ACATGGGGCA	CGGGGCAGGC	CAAGGGTGGC	2820
TCACTGGGAG	CCCATGCTGC	CCGGAAGATT	GGTGGTGGCA	ACAAAGGCTC	AGGCAAGCGC	2880
CTGCTGAAGA	GGACTGGCAA	GAACAGTGTG	GATCTGGAGG	ACTACGAGGA	GCAGGATCAC	2940
CTGGATGCTT	GCTTCAAGGA	CTCAGACTAT	GTTTACCCCT	CACTGGAGTC	TGACGAAGAT	3000
AACTCCCTCT	TCAAGTCCCG	GTCAAAGAAG	AGGAAAGGCT	CAGACGATGC	TCCGTACAGC	3060
CCCACAGCCA	GGGTCTGGTC	ATCGGTGCCA	AGACAAGACA	GGCTGTGGG	TGAGGGGACC	3120
AGAGTGGCTT	CCATTGAGAC	GGGGCTGGCA	GCTGCTGCAG	CCAAGCTGTC	CCAGCAGGAG	3180
GAGCAGAAAA	ACAGGAAGAA	GAAGAACACC	AAAAGGAAGC	CGGCTCCTAA	CACTGCTCTC	3240
CCCTCCATCT	CCACCTCTGC	CTCCGCTCTC	ACGGGTACCA	CCTCGGCTCT	CACCACTCTC	3300
GCATCCACCA	CCCGGGCTCT	CACCACTCTC	GCATCCACCA	CCCGGGCTCT	CACCACTCTC	3360
GGCAGCAGCC	AGGCTCTACA	GGAGGGCAGC	TCACCTGAGC	CCCACTCTCA	ATCAGCAGC	3420
AGTAGCTCTG	CTGACCACGA	ATATACAGCA	GCCGGCACAT	TCTCGGGGTC	CCAGGCTGGC	3480
GTGCTTCTCC	AGCCCATGCG	CCCTGGAGTC	TTTCTCACAC	AGAGGGGCTC	TTCTGCATCA	3540
TCCCTCAAGA	ACACTGCTGC	CAAAGGAAAA	CGTACAAAAA	AGGGCATGGC	CACCTGCAAG	3600
CAAAAGCTTG	GAAAGATCTT	GAAGATCCAT	CGGAATGGGA	AACTGCTCTT	CTAAGGCTTG	3660
GAAAGGAGG	ATCTTTCTGA	TATGCTAAGG	ACCCCGGAG	CCCGGCTACA	TCAGGCTCTC	3720
CCAGGAGGCT	GGCTGTCTCG	CCTGGGCTCG	GGAGGGCTTG	CTTCAATCTG	ACCAATTTTC	3780
CAATCAA						3787

Name: 285 Len: 2886 Check: 12AD

AGGAGAGAAAG	AAATTGAAAA	GCAGGCACTT	GAGAAGTCTA	AGAGAAAGCTC	TAAGACGTTT	60
AAAGAAATGC	TGCAGGACAG	GGAAATCCAA	AATCAAAAGT	CTACAGTTCT	GTCAAGAAGG	120
AGAAATGAT	CTTTTCTATG	TGTGCTGGAG	GAAGGAAAGC	GACCCCTCTC	AATGACTGTG	180
TGAGAAAGCA	CTTACCTAG	TGAGAGAGTA	GAAGAGAAAG	GAGCAACTTA	TCCTTCAGAA	240
ATTCCTAAAG	AAGATTCTAC	CACTTTTCTG	AAAAGAGAGG	AGCCCTGTAA	CACTTGAAT	300
TCAGTTCTCT	TCTCAAGTCT	CTGTGGAAAG	ACAAAGGCTC	GGCTCTTTCT	CTCTCTGCG	360
TTTACGGAGC	ACACAAATGG	AATCAACTTG	TGTTTCAAGT	TCTCTCTCTA	GAACTTACCG	420
GAAGAACTGAT	ACAGTCTAGT	TAAGATCTCT	GGTCAACCCA	AGACCTCTTG	GCTCTCAGAC	480
AAGGGAATCT	TGATGATCTC	CCAGATCTTA	CACGATGGAT	GATGCTTCTG	AGTATAATGG	540
AGATATGAA	GACATTAAGA	GAACTCCAAA	CAATGTGGTC	AGCACCTCTG	CACTAAGGCT	600
GGAGGGAAGC	CAACTCTCTT	CAAGCTTATC	TAGCCAGAAA	GAGGTAAGAG	CAACAGAGAA	660
AGATGTGACA	AGGCTGCTCT	CTCCTACATC	CCCTTCTCTA	TCTCTTTCTC	AAAGCCAGGC	720
TGCAATTTCT	AAAGCTACAT	TGTCTTCCAC	ATCTGCTCTT	GATTTAATGT	CTCAATCTGG	780
AGAAAGGGGAA	ATCTCTCTAC	AAAGAGAAAT	CTCAAGATCC	CAGGATCAGT	TCACTGATAT	840
GAGAAATCAGC	ATAAGCTAGA	CGCTGGGAA	GAGTCTTGAC	TTTGGGTTTA	CAATAAAATG	900
GSATATTCTCT	GGGATCTTCT	TAGCATCAGT	TGAAGCAGGT	AGCCCAAGAG	AATTTTCTCA	960

ATACAACTA	CATGATGAAA	TTATTGCTAT	TAACAACAGC	AACTTTTAT	ATAAGGATTC	1020
AAAAGAGTGG	GAGGAAGCCA	TGGSTAAGGC	TCAAGAACT	GGACACCTAG	TGATGGATGT	1080
GAGGCGGTAT	GAAAAGGCTG	GTTACCTGA	AACAAAGTGG	ATTGATGCAA	CTTCTGGAAT	1140
TTACAACTCA	AAAAAATCTT	CAAACTCTATC	TGTAACAACCT	GATTTCTCCG	AAAGCCTTCA	1200
GAGTTCTAAT	ATTGAATCCA	AAGAAATCAA	TGGAATTCCAT	GATGAAAGCA	ATGCTTTTGA	1260
ATCAAAAGCA	TCTGAATCCA	TTCTTTTGAA	AAACTTAAAA	AGGCGATCAC	AATTTTTTGA	1320
ACAGGGAAGC	TCTGATTGGG	TGGTTCCTGA	TCTTCCAGTT	CCAACCATCA	GTGCCCCGAG	1380
TCCTTGGGTG	TGGGATCAAG	AGGAGGAGGG	GAAGCGGGAG	SAGAGSTGCC	AGAAGGAGCA	1440
GGAGTGGCTA	CTGCAGGAAA	AATATCAAGG	TGAGCAGGAG	AAACTGAGGG	AAGASTGGCA	1500
AAAGGCAAAA	CAGGAGGCTAG	AGAGAGAGAA	TTCCAAGTAC	TTGGATGAGG	AACTGATGCT	1560
CTTAAGGCTCA	AACAGCATGT	CTCTGACCCAC	ACGGGAGGCC	TCTCTTGCCA	CCTGGGAAGC	1620
TACTTGGAGT	GAAAGGTCCA	AGTCTTCAGA	CAGAGAAGGA	ACCCGAGCAG	GAGAAGAGGA	1680
GAGGAGAGAG	CCACAAGAGG	AAGTTGTTCA	TGAGGACCAA	GGAAAGAGGC	CGCAGGATCA	1740
GCTGTTTATT	SAGAGAGAGA	GGAAATGGGA	GCAACAGCTT	CAGGAAGAGC	AAGAGCAAAA	1800
GCCTGTTGAG	GCTGAGGCTG	AGGAGCAGAA	GCGTCTGCG	GAGGAGCAGA	AGCGCCAGGC	1860
AGAGATAGAG	CGGGAAACAT	CAGTCAGAAT	ATACCAGTAC	AGGAGGCCCTG	TTGATTCTTA	1920
TGATATACCA	AAGACAGAAG	AAGCATCTTC	AGGTTTTCTT	CCTGGTGACA	GGAAATAAATC	1980
CAGATCTACT	ACTGAACTGG	ATGATTACTC	TACAAATAAA	AATGGAAACA	ATAAATATTT	2040
ASAGTAAATT	GGGAACACGA	CCTCTTCACA	GAGGAGATCC	AAGAAAGAAC	AAGTACCATC	2100
AGGAGCAGAA	TTGGAGAGGC	AACAAATCCT	TCAGGAAATG	AGGAAGAGAA	CACCCCTTCA	2160
CAATGACAAAC	AGCTGGATCC	GACAGGCGAG	TGGCAGTGTG	AACAAAGAGC	CTGTTAGTCT	2220
TCTTGGGATC	ATGAGAAGAG	GCGAATCTTT	AGATAACCTG	GACTCCCGCC	GATCCAATTC	2280
TTGGAGACAG	CCTCCTTGCC	TCAATCAGCC	CACAGGATTC	TATGCTTCTT	CCTCTGTGCA	2340
AGACTTTAGT	CGCCCCACAC	CTCAGCTGGT	GTCACATCA	AACCGTGGCT	ACATGCGGAA	2400
CCCTTCTCTC	AGCGTGCCCC	CACCTTCAGC	TGGCTCCGTG	AAGACCTCCA	CCACAGGTGT	2460
GGCAGCCACA	CAGTCCCCCA	CCCGGAGAAG	CCATTCCCTT	TCAGCTTCACT	AGTCAGGCTC	2520
TGAGTGGCT	AACAGGTGAG	TCAGTGGGAA	GCGCATATGC	TCCTACTGCA	ATAACATTCT	2580
GGGCAAGGGA	GCCGCCATGA	TCATCGAGTC	CCTGGGTCTT	TGTTATCATT	TGCATTGTTT	2640
TAAGTGTGTT	GCTGTGTAGT	GTGACCTCGG	AGGCTCTTCC	TCAGGAGCTG	AAGTCAGGAT	2700
CAGAAACCCAC	CAACTGTACT	GCAACGACTG	CTATCTCAGA	TTCAAATCTG	GACGGCCAAC	2760
CGCCATGTGA	TGTAAGCCTC	CATACGAAAG	CACTGTTGCA	GATAGAAGAA	GAGGTGGTTG	2820
CTGCTCATGT	AGATCTATAA	ATATGTGTTG	TATGCTCTTT	TTGCTTTTTT	TTTTAAAAAA	2880
AGAATAACTT	TTTTTGCCCT	TTTAGATTAC	ATAGAAGCAT	TGTAGTCTTG	GTAGAACCAG	2940
TATTITTGTT	GTTTTATTTAT	AAGGTAATTG	TGTGTGGGGA	AAAGTGCAGT	ATTTACCTGT	3000
TGAATTGAGC	ATCTTGAGAG	CACAAGGGAA	AAAATAAGAA	CCTACGAATA	TTTTTGAGGC	3060
AGATAATGAT	CTAGTTTGAC	TTTCTAGTTA	GTGGTGTGTT	GAAGAGGGTA	TTTTATTGTT	3120
TTTTAAAAAA	AGGTTCTTAA	ACATTATTTG	AAATAGTTAA	TATAAATACA	TAATTGCATT	3180
TGCTCTGTTT	ATTGTAATGT	ATTCTAAATT	AATGCAGAAC	CATATGGAAA	ATTTCAATTA	3240
AATCTATCCC	CAAATGTGCT	TTCTGTATCC	TTCTTTCTAC	CTATTATTCT	GATTTTTTAA	3300
AATGCAGTTA	ATGTACCATT	TATTTGCTTG	ATGAAGGGAG	CTCTATTCTT	TTTACCAGAA	3360
ATGTTGCTAA	GTAATTCCTA	ATAGAAAGCT	GCTTATTTTC	ATTAATGAAA	AATAACCATG	3420
TTTTGTATAC	TAGAAGTCTT	CTTCAGAAAC	TGTTGAGCCT	TTCTGTTCAA	TTGCATTTGT	3480
AAATAAACTT	GCTGATGCAT	TTAACGAGTG	GGTGGTCTTT	TTCTTAGGTT	TATGTGTCTG	3540
ACCTCAGGCC	TTTTAGCCAT	ATTTTCAGTAT	GTGGCCTTTT	TTGATGTTAT	GTTTTATCCA	3600
GTAGCTTTAC	TAAGGTATAA	TTGATGTAAT	AAACTGCATA	TATTTAAGT	GTATACTTTG	3660
ATAAATTTTG	ACATGGGTGA	TACCTTCGAA	ACTATGCCAC	AGTCTGGATG	TGTTTACTGA	3720
AACATTTTAA	TAAGGAAGTT	TATTTTTGAT	AAASTTATGT	TTTTGGATAC	AATATATTTG	3780
TATGTTGAGA	GTGATGAATT	GTTGGATCAT	TTGAATAAAA	TCTTTTACTA	ACCCCATGAT	3840
AAAAGGAGAA	GACAACAGTG	AGCTTAGAAT	ATCTATAAAG	CAAAAA		3896

Name: 236

Len: 3198

Check:

40E

APCTTGAATA	TCCAGGTGGA	GGACATTCGG	ATTGAGCTCA	TCTCTCCAGC	CTACCGCAAG	60
TCTACTCCAG	TGATGGAAGG	CTACGTGGAG	GTGAGGAGGG	GCAAGACCTG	SAGGCAGATC	120
TGTCACCAAGC	ACTGGACGGC	CAAGAATTCC	CGCGTGGTCT	GCGGCATGTT	TGGCTTCCCT	180
GCGGAGAGGA	CATACAATAC	CAAAGTGTAC	AAAATGTTTG	CCTCACGAGG	GAAGCAGCGC	240
TACTGGGCAT	TCTCCATGGA	CTGCACCGGC	ACAGAGGCCC	ACATCTCCAG	CTGCAAGCTG	300
GGCCGCCAGG	TGTCACCTGA	CCCCATGAAG	AATGTCACTT	GCGAGAAATGG	GCAGCCGGCC	360
GTGGTGAGTT	GTGTGCTCTG	GCAGGTCTTC	AGCCTGTGAG	GACCTCTGAG	ATTCCGGAAA	420
GCATACAAAGC	CAGAGCAAGC	CCTGCTGGGA	CTGAGAGGCG	GTGCTACAT	CGGGGAGGGC	480
CGCGTGGAGG	TGCTCAAAAA	TGGAGAGTGG	GGGACCGTCT	GCGAGGACAA	GTGGGACCTG	540
GTGTGGGCGA	GTGTGGTCTG	CAGAGAGCTG	GGCTTTGGGA	GTGCCAAAGA	GGCAGTCACT	600
GGCTCCCGAC	TGGGGCAAGG	GATCGGAACC	ATCCACCTCA	ACGAGATCCA	GTGCACAGGC	660
AATGAGAAGT	CCATTATAGA	CTGCAAGTTC	AATGCCGAGT	CTCAGGGCTG	CAACCAAGAG	720
SAGSATGCTG	GTGTGAGATG	CAACACCCCT	GCCATGGGCT	TGCAGAA3AA	GCTGGCGCTG	780

AAATGAGGAG	CAATGAGGAG	CGAGGAGGAG	GTGGAGGAG	TGGTGGAGAG	AAAGGAGGAG	312
CTGTGTGGG	GATGGTGTG	TGGTCAAAAC	TGGGGGATCG	TGGAGGGCCAT	GTGGGTGTGC	313
GGGAGGCTGG	GGCTGGGATT	GGCTAGAAAC	GGCTTCCAGG	AGACCTGGTA	TGGGCAAGGA	314
GATGTCAACA	GCAACAAAGT	GCTCATGAGT	GGAGTGAAGT	GCTCGGGAAC	GGAGCTGTGC	1017
CTGGGCGCACT	GGCGCCACGA	CGGGGAGGAC	GTGGGCTGGC	CCGAGGGGCG	AGTGCAGTAC	1030
GGGGGCGGAG	TTGGCTGTCT	AGAAACCGGC	CTTGACCTGG	TCTCAATGC	GGAGATGGTG	1140
CAGTGAACCA	CTTACCTGGA	GGACCGGGCC	ATGTTTATGC	TGCAGTGTGC	CATGGAGGAG	1230
AACTGGCTCT	GGGGTCAAGC	GGGGCAGATC	GACCCCAACA	CGGGGTACCG	CGGGCTCTCT	1240
GGCTTCTGCT	CTCAGATCCA	CAACAATGGC	CAGTCTGACT	TCTGGGCAAA	GAACGGGCGC	1311
CAGGCTGGGA	TCTGGGACGA	CTGTCAAGG	CAGTCTGACT	GCATGGAGGT	GTTCACCCAC	1330
TATGACTGTG	TAAACCTCAA	TGGGACCAAG	GTGGCAGAGG	GGGAAAAGGT	CAGCTTCTGC	1440
TTGGAAGGAA	CACAATGTGA	AGGAGACATC	CAGAAGAAAT	ACGAGTGTGC	CAACTTCTGC	1530
GATCAGGCGA	TCAACCATGGG	CTGCTGGGAC	ATGTACCGGC	ATGACATCGA	CTGCCAGTGG	1560
GTTCAGATCA	CTGACGTGGC	CCCTGGAGAC	TACCTGTTTC	AGGTTGTTAT	TAACCCCAAC	1620
TTGAGGTTTG	CAGAATCCGA	TTACTCCAAC	AACATCATGA	AATGCAGGAG	TGGCTATGAC	1630
GGGCACTTCA	TCTGGATGTA	CAACTCCCAAC	ATAGGTGGTT	CCTTCAGCGA	AGAGACGGAA	1740
AAAAAGTTTG	AGCACTTCAG	CGGGCTCTTA	AACAACCGGC	TGTCCCCCGC	AGTAAAGAAG	1800
GGCTGGTCTG	CAACTCTCTG	CTTCAGGCGA	CAGCACATCT	TGCATGGGAC	TTCTCCCGAA	1840
CAACTGAGTC	TGAAGGAATG	CCACGTGGCC	TCAACCGAGC	CGGCCCCCGC	CTGTCTCAGA	1920
CCCTACAGGC	TGTGTCTAAG	CTCAGGAGGA	AAGGGACCTT	CCCATCATTC	ATGGGGGGCT	1930
GGTACCTGAC	CTTTGGGGCC	TGAGAAGGCG	TTGGGGGGGT	GGGGTTTGTG	CACAGAGCTG	2040
CTGGAGCGAG	ACCAAGAGCC	AGTCTTGACC	GGGATGAAGC	CCACAGACAG	GTGTCTATCA	2100
GGTTGTGCGA	TTCAAGCCAC	CGAGCTCACC	ACAGACACAG	TGGAGCCCGC	CTCTTCTCCA	2160
GTGACAGGTG	GACAAATGCG	GGCTCATCAG	CCCCCCCCGA	GAGGGTCAGG	CGGAACCCCA	2220
TTTCTCTCTC	TCTTACCTCA	TTTTCAGCAA	ACTTGAATAT	CTAGACCTCT	CTTCCAATGA	2230
AACTCTCTAG	TCTATTATAG	TCAATATAGT	AATGGTGCCA	CGTGTCTTCT	GATTTGGTGA	2240
GTTCAGACTT	GGTCTTCTCC	TATCCACAGC	CCCCACCCCT	TGTTTTTCAA	GATACTATTA	2400
TTATATTTTC	ACAGACTTTT	GAAGCACAAA	TTTATTGGCA	TTTAATAATG	GACATCTGGG	2460
CCCTTGGGAG	TACAAATCTA	AGGAAAAACC	AACCCACTGT	GTAAGTGAAT	CATCTTCTCT	2520
TTGTTCCAAAT	TCTGTGGGTT	TTTGATTCAA	CGGTGCTATA	ACCAGGGTCC	TGGGTGACAG	2530
GGAGATACAT	GAGCACCATG	TGTCATCACA	GACACTTACA	CATACTTGAA	ACTTGGGAATA	2640
AAAGAAAGAT	TTATGAAACG	TGTCTGTGTT	TCCTTTGACC	CACAGCACCT	GGGCCCTGAG	2700
CAGCAGGCTT	CCTATGTTCA	GTGGCCAGAA	GCAGAGCTTC	AGGTACATTC	GTGGTTTTCT	2760
CCGGTGGACA	TGGGTCTCTA	GATCCCCCTC	AGCCCAGTGT	GGCCACCAGG	GCACCTCCTT	2820
CAATAGACTC	CAAAAGGGGC	AGCTCCTACC	ATCTGGGAGA	AGCAATCTAA	GGAGATCACA	2830
AAAAGTAACG	GAACAGGAGT	CATAATCTTT	CTTGAACCTC	TGTGGTTTTT	ACTGAAACTT	2940
GTCAGAAAGG	ATAGGAGTTG	TGCGAGGGCT	GGATGGGAAG	TCTAGATTTA	AACAGCCACC	3000
AGCCAGCTTA	TCAAAGCAAG	AGGGCATCCG	TTACAGGAC	AGGGGCTCCC	AGCAATTCCC	3060
AGTGGCAGTG	GGGGGTGGCT	GGCCCAAGCC	CCAAGTCAAC	CAGACACAGG	GGACTTCCCC	3120
TTGTGTCAAC	AGCATGCTAG	GGCCAGCAAA	ACTAGAGGCT	AGGTAGGACC	ACCTTGGCAC	3130
CAACTCCACT	CAAAACCAC					3193

Name: 287

Len: 4231

Check:

177A

GGACAGGGGT	GGCGGCGGGA	GGCCAGCAT	CGCTGCTTGA	GGTCCAGGAG	CGGAGCCCGC	60
GGCCAGGGCC	GGCTGATCAG	GGCGACCCCG	GGCGGCGGCC	GGCCCGCCCG	GCAAGATGCT	120
GGCGGTGTAC	CAGGAGGTGA	AGCCCAAGCC	GCTGCAGGAC	GCGAACATCT	GCTCAGCGCT	130
GTTCTTCTGG	TGGCTCAATC	CCTTGTTTTAA	AATTGGCCAT	AAACGGAGAT	TAGAGGAAGA	240
TGATATGTAT	TCAGTGTCTG	CAGAAGACCG	CTCACAGCAC	CTTGGAGAGG	AGTTGCAAGG	260
GTTCTGGGAT	AAAGAAGTTT	TAAGAGCTGA	GAATGACGCA	CAGAAGCCTT	CTTTAACAAG	360
AGCAATCATA	AAAGTGTACT	GGAAATCTTA	TTTAGTTTTG	GGAAATTTTA	CTTTAATTGA	410
GGAAAGTGCC	AAAGTAATCC	AGCCCATATT	TTTGGGAAAA	ATTATTAAAT	ATTTTGAAAA	430
TTATGATCCC	ATGATTTCTG	TGGCTTTTAA	CACAGCGTAC	GGCTATGCTA	TGGTGTGAC	540
TTTTTGGACG	CTCATTTTGG	CTATCTGCTA	TCATTTATAT	TTTTATCAGG	TTGAGTGTGC	600
TGGGATGAGG	TTACGAGTAG	CCATGTGCTA	TATGATTTAT	CGGAAGGCAC	TTGCTCTTAG	660
TAACTTGCCC	ATGGGGAAGA	CAACCAAGAG	CCAGATAGTC	AATCTGCTGT	TCAATGATGT	720
GAACAAAGTTT	GATCAGGTGA	CAGTGTCTCT	ACACTTCTCT	TGGGCAGGAC	CAGTGCAGGC	780
GATCGGATGT	ACTGGCCTAC	TCTGGATGGA	GATAGGAATA	TGGTGCCTTG	CTGGGATGGC	840
AGTTCTAATC	ATTCTCTCTG	CCTTGCAAAG	CTGTTTTGGG	AAGTTGTTCT	CATCACTGAG	900
GAGTAAAGCT	GCAACTTTCA	CGGATGGCAG	GATCAGGACC	ATGAATGAAG	TTATAACTGG	960
TATAAGGATA	ATAAAAAATGT	AGGCTTGGGA	AAAGTCATTT	TCAAAATCTTA	TTACCAATTT	1020
GAGAAAGAAG	GAGATTTCCA	AGATTCTGAG	AAGTTCTCTG	CTCAGGGGGA	TGAATTTGGC	1080
TTGTTTTTTC	AGTGAAAGCA	AAATCATGCT	GTGTTGTAAC	TTCAACATCT	AGTGTCTCTT	1140
CGGCAGTGTG	ATCACAGCCA	GGCGGTGTT	CGGCGAGTG	AGCTGTATG	GGGCTGTGGC	1200
GCTGAGGGTT	ACCCTCTTCT	TGCTCTCAGC	CATTGAGAGG	GTGTCAGAGG	CAATCGTCAAG	1260

ATCTGAGAGA	ATCTGAGAGCT	TTTTTCTACT	TCATGAGATA	TCACAGCTGA	ACCTGAGCT	1320
GGCGTCAGAT	GTAAAAAGA	TGCTGCTGT	GCAGGATTTT	ACTGCTTTTT	GGGATAAGGC	1340
ATCAGAGAGC	CGAAGCTAC	AAGGCCTTTT	CTTTACTGTC	AGACCTGGCG	AATTGTTAAT	1440
TCTGGTGGGG	CGCTGGGGAG	CAGGGAAGTC	ATCACTGTTA	AGTGGCGTGC	TCGGGGAATT	1540
GGCCCCAAGT	CAGGGGCTGG	TCAGGCTGCA	TGGAAGAATT	GGCTATGTGT	CTTAGCAGGC	1560
CTGGGTGTTC	TCGGGAAGTC	TSAGGAGTAA	TATTTTATTT	GGGAAGAAAT	ATGAAGAAGA	1620
ACGATATGAA	AAAGTCATAA	AGGCTTGTGC	TCTGAAAAAG	GATTTACAGC	TGTTGGAGGA	1630
TGCTGATCTG	ACTGTGATAG	GAGATGGGG	AAACAGGCTG	AGTGGAGGGC	AGAAAGCAGC	1740
GTAAAGCTTT	GGAAGAGAG	TCTATCAAGA	TGCTGAGATC	TATCTCTCTG	ACGATCTCTT	1810
CAGTGCAGTA	GATGCGGAAG	TTAGTAGACA	CTTGTTCGAA	CTGTGTATTT	GTCAAAATTTT	1860
GTATGAGAG	ATCAGAAATTT	TAGTACTCA	TCAGTTGCAG	TACCTCAAG	CTGCAAGTCA	1880
GATTCTGATA	TTGAAGGATG	GTAAATGGT	GCAGAAAGGG	ACTTACACTG	AGTTCTTAAA	1890
ATCTGGTATA	GATTTTGGCT	CGCTTTTAAA	GAAGGATAAT	GAGGAAAGTG	AAAGAGCTTC	2040
AGTTCCAGGA	ACTCCACAC	TAAGGAATCG	TACCTTCTCA	GAGTCTTCGG	TTTGGTCTCA	2100
ACAATCTTCT	AGACCTCTCT	TGAAAGATGG	TGCTCTGGAG	AGCCAAGATA	CAGAGAATGT	2160
CCCAGTTACA	CTATCAGAGG	AGAAAGGTTT	TGAAGGAAAA	GTTGGTTTTT	AGGCTTATAA	2220
GAATTACTTC	AGAGCTGGTG	CTCACTGGAT	TGTCTTCATT	TTCCTTATTC	TCCTAAACAC	2230
TGCAGCTGAG	GTTCCTATG	TGCTTCAAGA	TTGGTGGCTT	TCATACTGG	CACACAAACA	2340
AAGTATGCTA	AATGCTACTG	TAAATGGAGG	AGGAAATGTA	ACCGAGAAGC	TAGATCTTAA	2400
CTGGTACTTA	GGAAATTTAT	CAGGTTTAA	TGTAGCTACC	GTTCTTTTTT	GCATAGCAAG	2460
ATCTCTATTG	GTATTCTACG	TGCTTGTAA	CTCTTCACAA	ACTTTGCACA	ACAAATGTT	2520
TGAGTCAATT	CTGAAAGCTC	CGGTATTATT	CTTTGATAGA	AATCCAATAG	GAAGAATTTT	2530
AAATCGTTTC	TCGAAAGACA	TTGGACACTT	GGATGATTTG	CTGCCGCTGA	CGTTTTTAGA	2640
TTTCATCCAG	ACATTGCTAC	AAGTGGTTGG	TGTGCTCTCT	GTGGCTGTGG	CGGTGATTC	2700
TTGGATCGCA	ATACCTTTGG	TTCCCTTTGG	AATCATTTTC	ATTTTTCTTC	GGCGATATTT	2760
TTTGGAAAGC	TCAGAGATG	TGAAGGGGCT	GGAATCTACA	ACTCGGAGTC	CAGTGTTTTT	2820
CGACTGCTCA	TGCTCTCTCT	AGGCTCTCTG	GACCATCCGG	GCATACAAAG	CAGAAGAGAG	2880
GTGTGAGGAA	CTGTTTGATG	CACACCCAGGA	TTTACATTCA	GAGGCTTGGT	TCTTGTTTTT	2940
GACAAAGTCC	CGCTGGTTGG	CGCTCCGTCT	GGATGCCATC	TGTGCCATGT	TTGTCTCAT	3000
CGTTGCTTTT	GGGTCTCTGA	TTCTGGCAAA	AACTCTGGAT	GCCGGGCAGG	TTGGTTTTGGC	3060
ACTGTCTTAT	GCCCTCACGC	TCATGGGGAT	GTTTCAGTGG	TGTGTTTCGAC	AAAGTGCTGA	3120
AGTTGAGAAT	ATGATGATCT	CAGTAGAAAG	GGTCATTGAA	TACACAGACC	TTGAAAAAGA	3180
AGCACCTTGG	GAATATCAGA	AACGCCCCACC	ACCAGCTGG	CCCCATGAAG	GAGTGATAAT	3240
CTTTGACAAT	GTGAAGTTCA	TGTACAGTCC	AGGTGGGCTT	CTGGTACTGA	AGCATCTGAC	3300
AGCATCTCATT	AAATCACAAG	AAAAGGTTGG	CATTGTGGGA	AGAACCAGGAG	CTGGAAAAAG	3360
TTCCCTCATC	TCAGCCTTTT	TTAGATTGTC	AGAACCCGAA	GGTAAAATTT	GGATTGATAA	3420
GATCTTGACA	ACTGPAATTG	GACTTCACGA	TTTAAGGAAG	AAAATGTCAA	TCATACCTCA	3480
GGAACTGTGT	TTGTTCACTG	GAACAATGAG	GAAAAACCTG	GATCCCTTTA	AGGAGCACAC	3540
GGATGAGGAA	CTGTGGAATG	CCTTACAAGA	GGTACAACTT	AAAGAAACCA	TTGAAGATCT	3600
TCCTGGTAAA	ATGATACTG	AATTAGCAGA	ATCAGGATCC	AATTTTAGTG	TTGGACAAAG	3660
ACAAGTGGTG	TGCTTTGCCA	GGGCAATTCT	CAGGAAAAAT	CAGATATTGA	TTATTGATGA	3720
AGCGACGGCA	AATGTGGATC	CAAGAACTGA	TGAGTTAATA	CAAAAAAATA	TCGGGGAGAA	3780
ATTTGCCCAT	TGCAAGGTC	TAAGCAATGC	ACACAGATTG	AACACCATTA	TTGACAGCGA	3840
CAAGATAATG	GTTTTAGATT	CAGGAAGACT	GAAAGAATAT	GATGAGCGGT	ATGTTTTGCT	3900
GCAAAAATAA	GAGAGCTTAT	TTTACAAGAT	GGTSCAACAA	CTGGGCAAGG	CAGAAGCCGC	3960
TGCTCTCACT	GAACAGCAAA	AACAGGTATA	CTTCAAAAGA	AATTATCCAC	ATATTGGTCA	4020
CACTGACCAAC	ATGTTTACAA	ACAATTCCAA	TGACAGCCGC	TCGACCTTAA	CTATTTTTCGA	4080
GACAGCACTG	TGAATCCAAC	CAAAATGTCA	AGTCCGTTCC	GAAGGCATTT	TCACTAGTTT	4140
TTTGGACTAT	GTAAACCAAC	TTGTAATTTT	TTTTACTTTT	GCAACAAATA	TTTATACATA	4200
CAAGATGCTA	GTTCATTTGA	ATATTTCTCC				4260

Name: 388 Len: 4337 Check: EBC

GGCTGTGACA	CTAATACTTA	ACATGCTGCT	TGTGTCTCTT	TATGCTGAC	TCAATCACTT	60
GAATGCAAAA	AGTAAGTTCT	TCCTTGATTT	ACCTGCCAAG	ACCTGAGTTC	AGGCTCTCAG	120
GCTGCTGAGG	TTTTCTTTTG	TGGGAGAAAA	TGCCACGAGA	TGGCGGTTTA	GGATTGCGAG	180
TCGTTTGAAG	GGGCGGCCCC	CGCTCCCGAA	CCCGCGGCGA	CCACCCGCTA	ACAACCCGCC	240
CACATCGGGA	ATAACACACC	GGAGACTTTT	GGGGGGAAAC	TAGGTCGATG	GTGCGCGGCG	300
CGGATGGGG	AGCTGAGGAT	TGCTTTTGAG	GTATTTTAA	AAGTTTGTAG	TTGTACAGCA	360
TTGATTTAT	TTGCTGCATT	GTGAAAGGAC	CTCTCCAGCA	ATGATTACTT	CAGAATTACC	420
AGTGTACAG	GATTCAACTA	ATGAAACTAC	TGCCCCATTCC	GATGCTGCA	GCGAGCTTGA	480
AGAAACAGAG	GTCAAGGAA	AAAGAAAAAG	GGGTCTCTCT	GGCGGCGCTC	CATCTACAAA	540
TAAGAAACCT	CGAAATCTC	CAGGTGAGAA	GAGCAGAATT	GAAGCTGGAA	TTAGAGGAGC	600
AGGCGGTGGA	AGAGCTAATG	GACACCTCA	ACAGAAATGG	GAAGGGGAGC	CTGTCACTAT	660
ATTTGAGGTG	GTGAAACTGG	GGAAAGTGC	AATGCACTCC	GTGGTGGATG	ACTGGATTGA	720

ATGATATATAA AAGAGAGAGG ACATGGCACT TGTGATTGA ATCAAGCTTTT TTATCCAGTG 1380
 TTCAAGATGT CGAGTACTT TGAAATAGA GATSTTTTCA AATATGCASA ATGAGAGAAAT 1400
 GATCAGAAAA ATGACTGAAG AATTTGATGA GGACAGT3BT GATTATCCTC TTACUATGCC 1500
 TGGAGTTCAG TGGAAAAAAT TTGGTTCAAA CTGTTTGTGA TTTATTGGAG TCGTGAATCG 1600
 AAGATGTCAG TATAGCATAA TTTATGATGA GTATATGATG GACACAGTAA TCTCCCTTTT 1700
 GAG3BTGTTG TCAGACTCCT AGGTGAGAGC TTTTAT3CAT ACAAAGTACCC TGGGTGCCAT 1800
 GAAGTTCATG ACTGCTCTCG TGAATGTTGC CTTAACCTC AGTATTCTAT AGGATAATAC 1900
 CTAGAAGAAA TATGAAGCCT ASAGAAATRA AATGATTGGG AAGAGAGTCA ATGAAAGGTT 2000
 GGAGTTACTA CTTGAGAAA GCAAGAGAGCT GCAAGAAAT CAGGATGAAA TCGAAAAATAT 2100
 GATTAATCTT ATTTTAAAG GTATATTTGT TCATAGATAC CGTGAATGTA TTGDTGAGAT 2200
 TATAGTCAAT TGTATTGAAG AAATGAGAGT ATGATGAAA ATGTATAATG ATGCTTCTCT 2300
 AATATGAGCT TACCTAAAAT ATGTTGGGCTG GACTCTTCAT GACAGGCAAG GGGAGGTCAG 2400
 GCTCAAT3BT TTGAAAGCTC TGCAGAGTCT ATATACCAAT AGAGAATTAT TCCCAAAATT 2500
 GBACTATTTC ACTAACCGAT TCAAGGATCG CATTGTATCA ATGACACTG ATAAAGAATA 2600
 TGAATGTTGCT GTGGAAGCTA TTGATTTGTT TACTGTGATA CTTTAT3BA GTGAAGAAGC 2700
 TCTTTTCAAT GAAGACTGTG AAAATGTTTA CCACCTGGTG TACTCGGAC ATCGCCCTGT 2800
 TGCCTGTTGCA GCTGGAGAGT TCCCTCACAA AAAGCTATTT AGCAGACATG ACCCACAAGC 2900
 AAGAGAACTA TTAGCAAGAG GGA333GAAG AAACAGCCCG AATGGAATCT TCATTAGGAT 3000
 GCTGCTTCTT TTCTTTCTTG AAAATGAGTT ACATGAACAT GCAGCTTAT TGGTGGACAG 3100
 TTTAT33GAG AGCTCTCAAG AACTGTTGAA AGACTGGGAA GTCTGATCGT CAAGAGATG CTCTTATAGA 3200
 AAGAGAACTT GTTCAAGGAG AGGAAGCAAT GTCTGATCGT CAAGAGATG CTCTTATAGA 3300
 GCTAATGGTT TGTACAATTC GTCAAGCTGC TGAGGCACAT CCTCCAGT3G GAAGGGGTAC 3400
 CGGCAAGAGA GTGCTAACTG CCAAGAGAAAG GAAAACCTCA ATTGATGATA GAAACAAATT 3500
 GACTGAACAT TTTATTATTA CACTTCCTAT GTTACTGTCA AAGTATCTG CAGATGCAGA 3600
 GAAGGTAGCA AACTTGCTAC AAATCCCACA GTATTTT3AT TTAGAAATCT ACAGCACAGG 3700
 TAGAATGGTA AAGCATCTGG ATGCTTTTAT AAAATAGATT AAGTTT3T3 TGGAGAAACA 3800
 GGTAGAATCA GATGTTCTAG AAGCTGTGAG TAAACCTAT AGTATCTTAT GCAATGAAGA 3900
 ATATACCATC CAGAACAGAG TTGACATAGC TCGAAGCCAG CTGATTGATG AGTTTGTAGA 4000
 TCGATTCAAT CATTCTGTGG AAGACCTATT GCAA3AGGGA GAAGAAGCTG ATGATGATGA 4100
 CATTTAACAT GTTCTTTCTA CATTAAAGCG GTTAACTTCT TTTGAGATG CACATGATCT 4200
 CACAAAT3G GATCTCTTTG GTAATTGCTA CAGATTATTG AAGACTGGAA TTGAACATGG 4300
 AGCCATGCCA GAACAGATAG TCGTGCAAGC ACTGCAGT3T TCCCATTAT CGATTCTTTG 4400
 GCAGTTGGTG AAAATTACTG ATGGCTCTCC TTCCAAAGAG GATTTGTT3G TATTGAGGAA 4500
 AACG3TGAAG TCCTTTTTTG CTGTTTGCCA GCAGTGCTCG TCTAATGTTA ATACTCCAGT 4600
 GAAAGAACAG GCTTTTCATG TACTCTGTGA TCTTCTGATG ATTTTCAGCC ACCAATTAAT 4700
 GACAG3T3G AGAGAGGGCC TTCAGCCTTT GGTGTTCAAT CCAGATACTG GACTCCAATC 4800
 TGAACCTCTC AGTTTTGTGA TGGATCACGT TTTTATTGAC CAAGACGAGG AGAACCAGAG 4900
 CATGCAAGGT GATGAAGAAG ATGAAGCTAA TAAATTTGAG GCCTTACATA AAAGAAGGAA 5000
 TCTACTT3CT GCTTTTCAGCA AACTTATCAT TTATGACATT GTTGACATGC AT3CAGCTGC 3060
 AGACATCTTC AAACACTACA TGAAGTATTA CAATGACTAT GGTGATATTA TTAAGGAAAC 3120
 ACTGA3TAA ACCAGGCAGA TTGATAAAAT TCAGTGTGCC AAGACTCTCA TTCTCAGTTT 3180
 GCAAG3TGA TTTAATTGAAC TTGTTCAAGA GCAAG3TCCC AACCTAGATA GGACATCTGC 3240
 CCAT3TCAGT GGCATTAAAG AACT3GCAG TCGTTTTGCC CTACATTTG GATTGGACCA 3300
 GATTAAGACA CGAGAAGCAG TTGCCACACT TCACAAGGAT GGCATAGAGT TTGCATTTAA 3360
 ATACAAAAT CAGAAAGGAC AAGAGTATCC AACTCCTAAT CTGGCTTTTC TTGAAGTACT 3420
 AAGTGAATTT TCTTCTAAAC TTCTTCGACA GGACAAAAG ACAGTTCATT CATACCTAGA 3480
 GAAATTCCTT ACCGAGCAGA TGATGGAAAG GAG3GAGGAT GTATGGCTTC CACTCATCTC 3540
 CTATAGAAAT TCATTAGTCA CTGGGGGTGA AGATGATAGA ATGTCTGTGA ACA3TGGAAG 3600
 TASCAGCAGC AAAACCTCAT CAGTAAGGAA TAAGAAAGGA CGACCTCCAC TTCATAAAAA 3660
 ACGATAGAA GATGAGAGTC TGGATAACAC ATGGCTAAAC AGGACTGADA CCATGATTCA 3720
 GACTCTGGC CTTCTGCCAG CAGTCAACT CACATCCACT GTACTGCG3G AGAACAGTCG 3780
 GCTCATG3GA GAGCAGATTC AAGAACCTGA GTCTGAACAT GGTTCTGAAC CAGACTTTTT 3840
 ACACATCT CAGATGCCAGA TCTCTTGTT AGGCAG3CG AAGTTAGAAG ACTTAAATCG 3900
 GAAG3ACAGA ACAGGAATGA ACTACATGAA AGTGA3AAT GGAGTGAG3C ATGCTGTTCG 3960
 GGGTCTAATG GAG3AAGATG CTGAGCCCAT CTTT3AAGT GTGATGATGT CATCCCGAAG 4020
 CCA3TTAGAA GATATGAATG AAGAATTTGA GGACACCATG GTTATTGATC TGCCTCCATC 4080
 AAGAATCGG CAGAGAGAG CTGAGCTAAG GCCACACTTC TTTGACTCTG CAGCTATCAT 4140
 AGAAT3AT TCA3GATTTG GAATGCTAT TGTCTGAAGT CTGAAGAAAA TTTACAAATC 4200
 TGGAACTCTA TTATTTAGAG CTAGAGGCCT ATATACTGTG ATAGCTT3TA TGGGGAAAAA 4260
 CAACTTTGA TGT3ATCTGA TTTGTTTTTT AATCAAATGA TTAAG3TCAA TCCCTTTTTG 4320
 CAGT3ACAGA A3AG3AG

Name: 139 Len: 1090 Check: 02
 GCTC33GAG ACTTCCG3CA GGGCGGGCGC GGGGTCTTGG CGAAGGCTCT TCGGAAGCGG 60

CGGCGG	ATGACCGCGG	TACGGGGCCTT	TACCTGCGAC	GAGCTTTT	GTTTAAACA	120
CATTAAATG	GATCCACTTA	CAGAAACTTA	TGGGATTCCCT	TTCTACCTAC	AATACCTGG	130
CCACTGACCA	GASTATTTCA	TTSTTGCAGA	GGCACCTGGT	GGAGAATTAA	TGGSTTATAF	240
TATGGGAAAA	GCAGAAAGGT	CAGTAGCTAG	GGAGAATGG	CACGGGCGAC	TGACAGCTTT	300
GTCTGTTGGG	CCAGAAATTC	GACGCTTTGG	TTTGGCTGCT	AAACTTATGG	AGTTACTAGA	360
GGAGATTTCA	GAAGAGAAAG	GTGGATTTTT	TGTGGATCTC	TTTGTAAAG	TATCTAACCA	420
AGTTGCACTT	AACATGTACA	AGCAGTTGGG	CTACAGTGT	TATAGGACGG	TCATAGAGTA	480
CTATTCGCG	AGCAADGGG	AGCCTGATGA	GGACGCTTAT	GATATGACCA	AAGCACTTTC	540
CAGGATACT	GAGAAAGAAAT	CCATCATACC	ATTACCTCAT	CCTGTGAGCG	CTGAAGACAT	600
TGAATACCG	TGGGCACTGG	TTCTTAGGCA	ATACTCTAG	ATGCTTTATG	GACCAATATTA	660
TTTTCAATGG	ATGATTTCTG	AGCTCTATTA	GGAGAAAAGT	AATCATTTTA	GGTCTTAAAG	720
ACTTCAAGAA	AATACAGGTT	ATCAATTTAT	TTTAAATCTC	ATTGTTCCTA	GTTAGCAATA	780
TCATACCTAT	TAAAGCTGTT	CATTGTAACA	AAATTCATTC	AAAAAGGCGG	CTAGGTCASA	840
AGGAAACATA	CCACTCTCAT	GGTTCATAGT	ATTCAGTGT	TGTATGCTAG	GGAAAAGACT	900
TGCTCCAGTC	TTCTCCTCAG	TTCTGTGCTT	GAGAACCACT	GCTGCATATA	TTTGTTTTTTA	960
AATTTTGTAT	TGAAGTGTTA	ATTGAAGCTT	TAAAAGCATA	TATGAAATTT	ATAAATCTAA	1020
GATGTATAAT	ACATTATTGA	CTCTAAAAAA	AAAAAAAATA	AAAAAAAATA	AAAAAAAATA	1080
AAAAAAAATA						1090

Name: 29 Len: 558 Check: 1348

GAGTGUGNCG	GNGGTGGGCG	CTGCGGACCT	AACTAGCTCC	AGGTTAGGDT	GAGCTTTGNG	60
GGAAAGCAGC	GGACTTGAAA	ATACTGGAAA	TCTGTCCGGA	TCCAAATTAT	TTTGCAGGCG	120
AGATGAGTAA	CCAGAGGGCA	TGAAAGGTTG	AGAACATTTG	ACTTCCCTTC	AAACCTTGGT	180
ATAGATCACT	TCTTTTCTG	TAGGAAAGGA	AAGGCACCAA	AGAGCACCAAT	GAGTACAAGA	240
AAGCGTCTG	GTGGAGCAAT	AAATTTCTAG	CAAGCTCAGA	AGCGAACTCG	GGAGCAAGCC	300
TCCACCCCGG	AGATCTCCTT	GSAAGCAGAA	CCCATAGAAC	TCGTGGAPAC	TGCTGGAGAT	360
GAAATTGTGG	ACCTCACTTG	TGAATCTTTA	GAGCCTGTGG	TGTTTGTATCT	GACTCACCAAT	420
GACTCTGTGG	TGATTTGTGA	CSAAAGAAGA	AGACCAAGGA	GGAATGCTAG	GAGGCTGCTC	480
CAGGACCATG	CTGACAGCTG	TGTGGTGAGC	AGTGACGATG	AGGAGTTGTC	CAGGGACAGA	540
GACGTATATG	TGACTAGC					558

Name: 290 Len: 2150 Check: 2140

CTCGAGGCGC	GAAGGCGCGG	CTGTCTGTGC	TAGCAGATAC	TTGCACGGTT	TACAGAAATT	60
CGGTCCCTGG	GTCTGTGTGAG	GAAACTGGAA	AAAAGGTCAT	AAGCATGAAG	CGCAGTTCAG	120
TTTCCAGCGG	TGCTGTCTGGC	CGCCTCTCCA	TGCAGGAGTT	AAGATCCCAG	GATGTAAATA	180
AACAAGGCGT	CTATACCCCT	CAAACCAAAG	AGAAACCAAC	CTTTGGAAG	TTGAGTATAA	240
ACAAAGCGAC	ATCTGAAAGA	AAAGTCTCGC	TATTTGGCAA	AAGAACTAGT	GGACATGGAT	300
CCCGGAATAG	TCAACTTGGT	ATATTTTCCA	GTTCTGAGAA	AATCAAGGAC	CCGAGACCAC	360
TTAATGACAA	AGCATTTCAT	CAGCAGTGTA	TTGACAACT	CTGTGAGTTT	CTTACAGAAA	420
ATGGTTATGC	ACATAATGTG	TCCATGAAAT	CTCTACAAGC	TCCCTCTCTT	AAAGACTTCC	480
TGAAGATCTT	CACATTTCTT	TATGGCTTCC	TGTGCCCTTC	ATACGAACTT	CCTGACACAA	540
AGTTTGAAAG	AGAGGTTCCA	AGAATCTTTA	AAGACTTTGG	GTATCCTTTT	GCACTATCCA	600
AAAGCTCCAT	GTACACAGTG	GGGGCTCCTC	ATACATGGCC	TCACATTGTG	GCAGCCTTAG	660
TTTGGCTAAT	AGACTGCTATC	AAGATACATA	CTGCCATGAA	AGAAAGCTCA	CCTTTATTTG	720
ATGATGGGCA	GCCTTGGGGA	GAAGAAACTG	AAGATGGAAT	TATGCATAAT	AAGTTGTTTT	780
TGGACTACAC	CATAAAATGC	TATGAGAGTT	TTATGAGTGG	TGCCGACAGC	TTTGATGAGA	840
TGAATGCGCA	GTTGCACTCA	AAACTGAAGG	ATTTATTTAA	TGTGGATGCT	TTTAACTGG	900
AATCATTAAG	AGCAAAAAC	AGAGCATTGA	ATGAACAGAT	TGCAAGATTG	GAACAAGAAA	960
GAGAAAAAGA	ACCGAATCGT	CTAGAGTCGT	TGAGAAAAC	GAAGGCTTCC	TTACAAGGAG	1020
ATGTTCAAAA	GTATCAGGCA	TACATGAGCA	ATTTGGAGTC	TCATTGAGCC	ATTCTTGACC	1080
AGAAATTAAA	TGCTCTCAAT	GAGGAAATTG	CTAGAGTAGA	ACTAGAATGT	GAACAATAAA	1140
AACAAGAGAA	CACCTGACTA	CAGAATATCA	TTGACAACCA	GAAGTACTCA	GTTGCAGATA	1200
TTGAGCTAAT	AAATCATGAA	AGAAATGAAT	TGCAGCAGAC	TATTAATPAA	TTAACCAAGG	1260
ACCTGCAAGC	TGAACACAG	AAGTTGTGGA	ATGAGGAGTT	AAAATATGCC	AGAGGCAAGG	1320
AAGCGATTGA	AACACATTA	GCAGAGTATC	ACAAATTGGC	TAGAAAATTA	AAACTTATTC	1380
CTAAAGGTGC	TGAGAATTCC	AAAGGTTATG	ACTTTGAAAT	TAAGTTTAAAT	CCCGAGGCTG	1440
GTGCCAACTG	CCTTGTCAAA	TACAGGCTTC	AAGTTTATGT	ACCTCTTAAG	GAACTCCTGA	1500
ATGAAGCTGA	AGAAGAAATT	AATAAGCCCC	TAAATAAAAA	AATGGGTTTG	GAGGATACTT	1560
TAGAACCAAT	GAATGCAATG	ATAACAGAAA	GCAAGAGAGA	TGTGAGACT	CTGAAAGAG	1620
AAGTTCAAAA	CTTGGATGAT	CTTTACCAAC	AAAAAATTAA	GGAAGCAGAG	GAAGAGCATG	1680
AAAAATGTGC	CAGTGAGCTT	GAGTCCTTGG	AGAAACACAA	GCACTGTCTA	GAAAGTACTG	1740
TTAAGCAGGG	GCTCACTGAA	GCTATGAATG	AATTAGATGC	TGTTCACTGG	GAATACCAAC	1800
TAGTTTCTCA	AACCATCACT	GAAGAAAGAC	GAAAAGTGGG	AAATAACTTG	CAACGTCTCT	1860
TAGAGATGGT	TGCTACACAT	GTGGGTCTG	TAGAGAAACA	TCTTGAGGAG	CAGATTGCTA	1920
AAGTTGATAG	AGAATATGAA	GAATGCATGT	CAGAAGATCT	CTCGGAAAT	ATTAAAGAGA	1980

TTAGAGATAA GTATGAGAG AAAGCTACTC TAATTAAGTC TTGCAAGAA TGAAGATAAA 334
 ATGTGATCA TGTAATATA TCCATAGTGA ATAAATTTGT TGAATAAA AAAAAAAA 2100
 AAAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA 2100
 Name: 001 Len: 3800 Check: 2389
 GTGGAAGCA GAGGCGGCTGG CGGCAGGCGG GGAGCAAGAG GGCAGGGCGA CTGCGCGCGG 40
 TGCGGAAGGA GACAATGGGC CGGCCTGCA GGGGCCATCT CGGAGGCGAC CGCTGGCGGA 120
 CAGTTTSTAD GAGGAAGAGG ACGACGACGA GGGGAGGAG GAGGAAGAGG CGGCGCGCGG 180
 GCGATTTGGG TACCGAGATA ACCTTCTSTT CCGTATGAA ATTATCACTA ATGTTTTTCA 240
 TTCTTTGAA AGTATATAG AGGATAGAGC CTCACATGCA AGTTTCTACT ACTGGACTCC 300
 AAGATACCG ATAGGTCCAT ATACTTTTGT TCAGCAACAT CTATGATTTG GCACAGATCC 360
 TCGAATACCT CTTAAAGATT TATTGCCGGA AACAATACCT CCACCTGAGT TCGATGATAT 420
 GAGATTTGGG CAGATTGTTA TTAATATCCT TTCAGAAACA CCAAAAAGGA AAAAAAGAA 480
 AGATATTAAT ACAATTGAG ATGCCGTGAA ATTACTGCAA GAGTGC AAAA AAATTATAGT 540
 TCTAACTGGA GCTGGGGTGT CTGTTTCATG TGGGAATACCT GACTTCAGST CAAGGGATGG 600
 TATTATAGCT CGCCTTGCTG TAGACTTCCC AGATCTTCCA GATCCTCAAG CGATGTTTGA 660
 TATTGAATAT TTCAGAAAAG ATCCAAGACC ATTCCTCAAG TTTGCAAAGG AAATATATCC 720
 TGGACAATTC CAGCCATCTC TCTGTCACAA ATTCATAGCC TTGTCAGATA AGGAAGGAAA 780
 ACTACTTCCG AACTATATCC AGAACATAGA CACGCTGGAA CAGGTTGCGG GAATCCAAAG 840
 GATAATTCAG TGTCATGGTT CCTTTGCAAC AGCATCTTGC CTGATTTGTA AATACAAAGT 900
 TGACTGTGAA GCTGTACGAG GAGATATTTT TAATCAGGTA GTTCTCGAT GTCTAGGTG 960
 CCCAGCTGAT GAACCGCTTG CTATCATGAA ACCAGAGATT GTTTTTTTTG GTBAAAATTT 1020
 ACCAGAACAG TTTTCATAGAG CCATGAAGTA TGACAAAGAT GAAGTTGACC TCCTCATTTG 1080
 TATTGGGTCT TCCCTCAAAG TAAGACCAGT AGCATAATT CCAAGTTCCA TACCCCATGA 1140
 AGTGCTCTAG ATATTAATTA ATAGAGAACC TTTGCCCTCAT CTGCATTTTG ATGTAGAGCT 1200
 TCTTGAGAC TGTGATGTCA TAATTAATGA ATTTGTGTCAT AGGTTAGGTG GTGAATATGC 1260
 CAACTTTTCC TGTAACTCTG TAAAGCTTTC AGAAATTACT GAATAACCTC CAGGAACACA 1320
 AAGAGATTG GCTTATTTGT CAGAGTTGCC AACCACACCT CTTCATGTTT CAGGAAGACTC 1380
 AAGTTCAACA GAAAGAACTT CACCACCAGA TTCTTCAGTG ATTTGTCACAC TTTTAGACCA 1440
 AGCAGCTAAG AGTAATGATG ATTTAGATGT GTCTGAATCA AAAGGTTGTA TGGAGAAAA 1500
 ACCACAGGAA GTACAAACTT CTAGGAATGT TGAAAGTATT GCTGAACAGA TGGAAATCC 1560
 GGATTTGAAG AATGTTGTTT CTAGTACTGG GGAGAAAAAT GAAAGAACTT CAGTGGCTGG 1620
 AAGAGTGAGA AAATGCTGGC CTAATAGAGT GGCAAGAGAG CAGATTAGTA GGCGGCTTGA 1680
 TGGTAATCAG TATCTGTTTT TGCCACCAAA TCCTTACATT TTCCATGGCG CTGAGGTATA 1740
 TTCAGACTCT GAAGATGAGC TCTTATCCTC TAGTTCTTGT GGCAGTAACA GTGATAGTGG 1800
 GATATGCCAG AGTCCAAGTT TAGAAGAACC CATGGAGGAT GAAAGTGAAA TTGAAGAATT 1860
 CTACAATGGC TTAGAAGATG AGCCTGATGT TCCAGAGAGA GCTGGAGSAG CTGGATTTGG 1920
 GATGATGGA GATGATCAAG AGGCAATTAA TGAAGCTATA TCTGTGAAAC AGGAAGTAAC 1980
 AGACATGAAC TATCCATCAA ACAATCATA GTGTAATAAT TGTGCAGSTA CAGGAATTGT 2040
 TCCACCAACA TTAGGAACCT TAGCATGTCA AAATGAATGT TTAATTGTGA ACTCGATAGA 2100
 GCAAGGAAGC CAGAAAGGTG TAATATTTAT AGGTTGGTAA AATAGATTGT TTTTCATGGA 2160
 TAATTTTTAA CTTCATTATT TCTGTACTTG TACAAACTCA AACTAACTT TTTTTTTTTT 2220
 AAAAAAAA AGTACTAAG TATCTTCAAT CAGCTGTTGG GTCAAGACTA ACTTTCTTTT 2280
 AAAGGTTGAT TTGTATGATA AATTCATATG TGTATATATA ATTTTTTTTG TTTTGTCTAG 2340
 TGAGTTTCAA CATTTTAAAA GTTTTCAAAA AGCCATCGGA ATGTTAAATT AATGTAAAGG 2400
 GACAGCTAAT CTAGACCAAA GAATGGTATT TTCACTTTTC TTTGTAACAT TGAATGGTTT 2460
 GAACTACTCA AAATCTGTTA CGCTAAACTT TTGATTCTTT AACACAATTA TTTTAAACA 2520
 CTGGCATTTT TCAAAACTGT GGCAGCTAAC TTTTAAAAAT CTCAAATGAC ATGCAGTGTG 2580
 AGTAAAGGA AGTCAACCAAT ATGTGGGGAG AGCACTCGGT TCTCTTTACT TTTAAAAGTA 2640
 ATACTTGTG CTAGAATTT CAGGATTATT GTATTTACGT TCAATGAAG ATGGCTTTTG 2700
 TACTTCTGT GACATGTAG TAATGTCTAT ATTGGCTCAT AAAACTAACC TGAAAAACAA 2760
 ATAAATGCTT TGAATATTT TCAGTTGCTT TAGAAACATT AGTGGCTGCC TCGATCCCTT 2820
 TACTTTTAA ATATTTTCCA TTGTTGTTTA AATACCTATC ACTGTGTAG AGCTTGCAAT 2880
 GATTTTTTCC ACAAATATTA AACTGCCAAA ATGTGAATAT GCAAGGCTT TCTGAATCTA 2940
 TAATAATGT ACTTCTACTG GGGAGAGTGT AATATTTTGG ACTGCTGTTT TCCATTAATG 3000
 AGGAGAGCAA CAGGCCCCCTG ATTATACAGT TCCAAAATAA TAAGATGTTA ATTGTAATTC 3060
 AGGAGAGAA GACATGTCTC CCATTGGGAG GATTTGGTGT TAAATACCAA ACTGCTAGCC 3120
 CTAGTATTAT GGAGATGAAC ATGATGATGT AACTGTAAAT AGCAGAATAG TTAATGAATG 3180
 AACTAATTC TTATAATTTA TCTTTATTTA AAAGCTTAGC CTGCTTAAA ACTAGAGATC 3240
 AACTTTCTCA GCTGCAAAAAG CTTCTAGTCT TTCAAGAAGT TCATACTTTA TGAAATTGCA 3300
 TAGTAAGCAT TTATTTTTC GACCATTTTT GAACATCACT CCAATTAATA TAAAGTATTC 3360
 CTCTGTTGCT TTATATTTA TTACAATAAA AAGGTTTGA AATATAGCTG TTTTATGTC 3420
 ATAAACACC CAGCTAGGAC CATTACTGCC AGAGAAAAAA ATGCTATTGA ATGGCCATT 3480
 CCTACTTAT AAGATGTCTC AATCTGAATT TATTTGGCTA CACTAAAGAA TGCAGTATAT 3540

TTATTTTAAAT ATTGTCATTA TGTGTTTGTG CTATGATGGA TATTTTAAAT TGAAAAAGTTT 3600
 GTTTTAAATTT ATTTTAAAGT TGAAGACGT TTTTAAAGTCT TTTTATATTG TACATAGTCT 3660
 TTTATGTAAT TTAATGCTAT ATGTTTTGTA GATGTTTTAA TGACTGGATA TCTTCTTTCA 3720
 ACTTTTGAAA TACAAAAACA GTGTTTTTTA CTGTACACT GTTTTAAAST CTATTTAAAT 3780
 TGTGATTTGA CTTTTTTCTG 3800

Name: 292

Len: 1731 Check: 2078

GGGGGAGGTT	GTGATGGGTT	GACAGGTGCG	TGACAGTGGG	AGCTGCTCTC	GGCAGAGCA	60
TGTATGGGAA	AGGGAAGGAT	AACAGCAAGC	CGGTCCCGTC	TGACAGGCGG	GGCTGGGAGA	120
AGTGAAGGAT	GTAGGTATAT	GAATATCTGC	TCCATGTAGG	AGTTGAGAAA	TCAGCTTAAA	180
CATTTTTATG	AGATATAAGA	TGGGAAAAAA	ACATCACATT	GGGGGAAGCA	TCAGGATCTC	240
TACATCTTTG	GTGTTTGTGA	TTTGGGATC	TCTACTGTGT	AGCTGAGAG	AGATGTGAAA	300
CATGTGAACA	CTCAAGTGA	GCAAAAAGCT	TCCATGATTA	CAGTGTCTCA	GCAGGTGCGA	360
GTGAGTGTGT	AGGAACATT	CCCCCAGGAG	ATGGCATGCG	AGTAGGTGCT	GTACCAAGAG	420
GGTTCTTTTC	GGCTTTTATG	TCACCTCGGT	ACCTGAGAG	TCCAAGGCGC	GCATTGAGGA	480
TACCTAATCA	GGCACTTGGG	GGTGTCCGAG	GAAAGTCAGC	ATTACTCCCG	AGAGGAATGG	540
ATCCAACTCG	ACACAAAGGA	CATCCAAATA	TGGGTGGGCG	AATGCAAGAG	ATGACTCTCT	600
CAAGAGGAAT	GGTGCCCTTA	GGACCACAGA	ACTATGGAGG	TGCAATGAGA	CCCCCACTGA	660
ATGCTTTAGG	TGGCTCTGGA	ATGCTTGGAA	TGAACATGGG	TCCAGGTGCT	GGTAGATCTT	720
GGGCAAAAGC	AACAAATGCG	AATTCAATAC	CATACTCTCT	AGCATCTCTC	GGGAATTATG	780
TAGGTCTCTC	AGGAGGTGGA	GGGCCACAGG	GAACACCCAT	CATGCTTAGT	CCAGCAGATT	840
CAACCAACTCG	TGGTGATAAC	ATGTATACTT	TAATGAATGC	AGTACCTCTC	GGACCTAACA	900
GACCTAATTT	TCCAATGGGC	CCTGGGTGAG	ATGGTCCCAT	GGGTGGATTA	GGAGGAATGG	960
AGTCACATCA	CATGAATGGC	TCTTTAGGCT	CAGGAGATAT	GGACAGTATT	TCCAAGAATT	1020
CTCCCAATAA	TATGAGGCTG	AGTAATCAAC	CGGGCACTCC	AAGGGATGAT	GGCGAATGG	1080
GGGGAATTTT	CTTAAATGCT	TTTCAGAGTG	AGAGTTACTC	CCCTAGCATG	ACAATGAGCG	1140
TGTGATGAT	TAGCAAGTCT	CCTCATGAAA	ACCACAGTGA	GTGAGGCTTT	CACAGAACTA	1200
CTACGGAAGA	AAATTATTCA	TCACASTGTA	CAGTTAAACA	AAGGAATCTC	AGTCACACCA	1260
AACCAAGCTT	TTCAATTTCT	GCTCTCTCTC	CTCTTTTGTG	AAGAAAGCGG	GTCCAGATGT	1320
GATTCAAAAC	ACTGTAGGGA	GTGGCATATT	AGAATTGCCC	TAACTGAAC	TGCAAAATAAT	1380
TATGTGTGTA	TGTATATGTG	TGGGAAAGAG	AATGTACTGT	ATATGTGTAT	GTTATACAGA	1440
CATATACACA	TACATACATT	GACCCACAGG	ACATTGTAAA	ATATTATCAC	ATGACATCTT	1500
AAGTAGAAAT	AAGTAGGGAG	TTTTATTCCA	TCCTTTTTTT	CACGTTTACA	TTTAAATTAT	1560
TACAAGTTGC	TCCTGCCCCC	TCCTGAACT	ATTTTGTGCT	GTGTATATCA	CTGCTTTATA	1620
TAAGTTATTT	TTTAAGGTGA	ACTCAGATGT	TATGGTTTTG	TATATGTCTG	CAATCATGGA	1680
TAGGAATAAA	ATCGCTTATT	TGAGAGCTTT	CAAAAAAAA	AAAAAAAAC	C	1731

Name: 293

Len: 3416 Check: 2559

GGTTTACACG	TAOCTCCGCG	TCATCGTGGA	CCACCATGGG	ACTGCCAGC	TCCAGGCCCT	60
GGGACAGAG	GAAGTAGACT	TCTGCATCTC	ACTGCTTCGG	GAAGCGTTCA	TGGAATGTCT	120
GATGATTGGT	CGGGATCTCG	TAAGACTACT	TCAGAATGTT	GCTAGGATAC	CAGAATTTGA	180
ACTGCTTTTG	AAAGATATTA	TCCATAATCC	TCAGGCCCTG	AGTCTCTCAGT	TCACAGGTAT	240
CCTACAGCTT	CTTCAGTCAA	GAACATCCCG	AAAATTCCTA	GCATGTCTGT	TAACCCCGGA	300
CATGGAGACT	AAACTCTCTC	TCATGACATC	CGGGGTGCGA	TTTGGTCAAC	AAAAGCGATA	360
CCAAAGATTGG	TTCCAGCGCG	AGTACCTGTC	AACTCCAGAT	AGTCAGTCTC	TGCGCTGTGA	420
CCTCATTCGC	TACATCTCTG	GGGTASTCCA	CCCTTCTAAT	GAAGTACTGA	GTTTCAATAT	480
CTTGGCCCGG	TGGGCTATCA	TTGGTTGGCT	CCTGACAAAG	TGCACGTCAA	ATGTGCTGTC	540
CTCCAAATGCC	AAGCTGGCTT	TGTTTTATGA	CTGGCTGTTC	TTTAGTCCAG	ACAAGGATAG	600
CATTATGAAC	ATAGAAGTAG	CCATCTCTGT	CATGCACCCAC	TCCATGAAGC	CCCACCCAGC	660
CATCACTGCC	ACACTCTCTG	ACTTCATCTG	CCGCATCATT	CCCAACTTCT	ATCCACTATT	720
GGAGGCGCAC	GTGGCGGAGG	GTGTCTTTTC	CTCCCTCAAC	CACATTGTGG	AGAAAGCGGT	780
TTTGGCTGTG	AAAAAGTATT	GGCTCTACTT	CAGACTGCTG	GGCATATGTC	TTCTTGGCTC	840
TTAGAGGAAT	TTCTCTCTCT	CCATCTTATT	ACAAAGACAC	CTAGCTCCCG	TGTTTGACAA	900
CCCTAAGTTG	GATAAGGAGC	TGCGGCAAT	GCTGAGAGAG	AAGTTTCTGT	AGTTCTGTAG	960
CTCACCTCTC	CCACTCTCTG	AAGTCAAAAT	TGAGGAGGCA	GTTCCTATGG	AGATGCAATA	1020
CCATATGTCG	GATAAGGATG	AGAGTTGCTA	TGACAATGCA	GAGGCGAGCT	TCAGTGAAGA	1080
TGAAGAGGAT	CTCAAGAGCA	AAGGAAAGAA	GAGGGAGTTT	CGCTTCCACC	CTATCAAGGA	1140
GACAGTTGTG	GAGGAGGAGG	TTGATATCAC	CCCTTACCTT	GACCAAGTTG	ATGAGTCCCT	1200
GAGGGAACAA	GTACTCTAGC	TATAGAGGGG	GAGTGATACG	GAGGCCAGT	GTGAGTCTAT	1260
GCAGGAAATT	GTGGAGAGAG	TCCTGGAGGA	ASACTTTGAC	TGCGAGCAGC	TGTCTGTCTT	1320
TGCTTCTCTG	CTACAGGAGC	TCTTCAAGGC	CCACTTTGCA	GGGAGGTTCC	TGCTTGAAGA	1380
GATTACTGAG	GAATCTCTCT	AGGAGTCTGT	AGGAAAGGCT	CTGTACCTAA	TATTTAGGAA	1440
CCTATCTCAG	ATGCAGGAGG	ACAAAGAGAG	CTTCTCTCTA	CTTCTAGACC	TTCTTCTCTA	1500
GCTATATCAG	AAGCAGGCCA	AGATTGGGTA	CCACTGTCTC	TACTACCTGA	GGGCCAGCAA	1560
AGCGGCCGCA	GGGAAGATGA	ACCTGTACGA	GTCAATTTGCT	CAGGCTACCC	AGCTGGGCGA	1620

TCTTTTAAATG	TCTCTGTGTGA	TCTATATGAA	GGCTTGGCAG	GAGGAGGATG	TGCTGCTGCT	1680
GTGCTTACCTG	ACGCCCCCTCA	TCTATACAJA	GTCTTCCAGAT	GAAACCTTGA	GGAGCGGAGA	1740
GCTTCTTAAAG	ATGATGCTGG	CTGTCTATTJA	CTCTTCCAGAG	CTCCAGGAGG	TGCTCTGCGCA	1800
GGTATGATG	GTAATCTCTGG	TTATGTTTTGG	AAAAGACTCA	GTCTTCAACA	TACTCATTTCA	1860
GAGCTTAGAG	TGGGAGACCT	TTGAGTAGTA	TTGTGCTGGG	CAGCTCTTTG	TGGCCACAAA	1920
TATTTCCCTG	GAGACCATAA	TCCCTATCTT	GCAGCACCTG	AAATACAAGG	AGCACCCAGA	1980
GGCTTTGCTG	TGGCTACTGG	TTGACTCTGG	AAGAGAAAAA	CCCAGCGAGG	AGATGCTGAA	2040
GATGCTGCTG	AAGGCTGCTG	GGATGCTGGA	CGACCACTTG	ACCACCGAGC	TCTTGCGGCA	2100
CTGCTGCTG	AAATATGAGG	AGCTTCTGGG	CGAGCACATG	AACTTCTCTG	TGATCAAGAA	2160
AAACAGCTTG	CTTGGCAAGA	GATAGAGCTT	GAGGAGCTCT	AGCAGCAAGG	TGGCCAGGCT	2220
GACTCTGAGG	CAGATCTCTGG	AGCACTTGGG	CAATCTGCTG	CTCAACCTGA	CCACACCCAA	2280
GCAGAACTTT	TTTAGCCAGA	CGCAATTTCT	CCAGGCTCTG	CAGCATGCTG	AAGCGAGCTG	2340
TGACCAAGGCT	CACAAGATGA	AATTTAGTGA	TCTCTTCTCT	CTGGCGGAGG	AATATGAGGA	2400
CTCTTCCAGG	AGGCTCAGCC	AGAGCTGGGG	AAAAGCAGCT	CTGTCCAGCG	CTCGAAGTGG	2460
AAAGAACTGG	ACACAGCCCG	CCAATGCGGA	AGAAGAGTGG	GGCTCCAGCA	GTGCTTCAGA	2520
AGAGCAAGGAC	ATGAAACCGA	AGCTTACCAA	CGGGAAGGGA	AAAGGGTCTT	CTGCAGTGGG	2580
CTCTTACAGT	GACTGAGGCT	CTGCTTCTCT	CATCCCAAGG	CCGGCTGGAC	TGCTCTCTCT	2640
TTCTTCTGGA	TTGAAAGGTT	AATAAGGCTT	GAGGAGATTG	CAGGGGAAAG	ACCTTTGCTG	2700
GATGCTGAGG	CTGCTGCTGG	GGAAGGAGGA	GCTTTCTCTT	CTGGCTGAGT	TTGAGAAGCT	2760
GCCATGCGAG	CCCTAGCCCG	TTCTTCTCTT	CTGGGGCTCT	CAGCCCTCTA	CACTGCTGTT	2820
CCCACTGATA	TTTGGGATCT	GACTTAAAGG	AGAGGCTCTG	TAAAATCAGA	CCATAGTGGA	2880
AGTCTCTAGG	CTCTGCTGCT	CTTCTGCAAT	CTCTCTCTCT	AGTCTCCCAA	AGAGCCATTT	2940
CAACAGAGGAA	GGAAGATGAC	AAAGGGGCGG	CTGGCCAGAT	AAGCTAGGAT	GAGAGCAGAG	3000
ACTCACTGCT	TGGGTGCTCC	TTCTTCTCTT	CCCTTCAGCT	CTTGGTTTGT	TCTGAAGGGA	3060
CGTTTTATAG	TGCTATCTCA	CATGCTAGTG	TGAAATGGGG	ATCTATGACG	TGGTCAGGGT	3120
GTCTTCTGCT	ATGCTAGGGG	CAGATGCTCA	AAGCACTTCA	AAAGGAGTCT	GAAAGGGTGG	3180
CCAGAGCTCT	AGCTGCTGCT	CCCTTGGAGG	TTAGGTTGCT	CTGAGGTTGG	CACCTCAATC	3240
TACACAGAGG	CCCAAGGGAGT	CCCAAGGGCA	AGTTTCAACG	AATTGTCAAA	TGATCCCATT	3300
TCCTTGAAGT	TTTTTTTTTT	TTTTTTTTTT	TTTTTTTTTT	TTTTTGGCAG	AGATAATCGT	3360
GTCTTAAAGG	TTGTTTTTAA	ATGACAATAA	AACAAGCCAG	AATGTCAAAA	AAAAAA	3416
Name: 294 Len: 1927 Check: 12B5						
GTAAACCAGG	CGGAGCGGGG	CGGAGCGGGG	AGGACCGCGG	TGGCGCCTAG	AGTAGCGACC	60
CGGGGGGAGG	GCGGGGCGAC	GCTGGCTGCA	GGGACCCGGT	GACAGCGTGA	GAGGTTGCGA	120
GAGTACTAGG	TTTTGACAAG	CTTGCATCAT	CGGTGAGTAT	AAGCTAGTCG	TTCTTGGCTC	180
AGGAGGCTTT	GSAAGTCTG	CTTTGACTGT	ACAATTTGTT	CAAGGAATTT	TTGTAGAAAA	240
ATACATCTCT	ACGATAGAAG	ATTCTTATAG	AAAGCAAGTT	GAAGTAGATG	CACAACAGTG	300
TATGCTTGA	ATCTTGGATA	CTGCGAGGAC	GGAGCAATTT	ACAGCAATGA	GGGATTTATA	360
CATGAPAAAT	GGACAAGGAT	TTGCTATTAGT	TTATTCCATC	ACAGCACAGT	CCACATTTAA	420
CGATTTTACAA	GACCTGAGAG	AACAGATTCT	TGAGTTTAAA	GACACTGATG	ATGTTCCAAAT	480
GATTTCTTGT	GGTAATAAGT	GTGACTTGGA	AGATGAAAGA	GTTGTAGGGA	AGGAACAAGG	540
TCAAAATCTA	GCAAGACAAT	GGAACTACTG	TGCATTCTTA	GAATCTTCTG	CAAAATCAAA	600
AATAAATGTT	AATGAGATCT	TTTATGACCT	AGTGCGGCAA	ATTAACAGAA	AAACTCCAGT	660
GCCTGGGAAG	GCTGGCAAAA	AGTCATCATG	TCAGCTGCTT	TAATATACTA	AATGCATTGT	720
AGCTCTGAGC	CAGTCTGAAA	GAAGTGTGCT	CCAATTTCAAC	AGTGCCAGCA	TTCCAACCTT	780
GTTAAACCTA	CCCAATCTTT	AAATGACTTT	TCCTGTGGTG	GTACCTTTTA	AGAGGCGGAT	840
GAAAGCTACT	ATATCAGTTT	GCACATTCTA	ATCACTTTCT	AGTATCACAA	GAGAGATTTT	900
TACTTTATATA	ATAGTCTCTAG	AGTTTGCAGG	TGGTAAAGCC	AGAGGCTACA	TCCAGTATTA	960
CTGCTAAGAG	ACATTTCTTCA	TCCACCAATG	TGCTACATGT	ATGAAATGGG	TGTACTGTAT	1020
ACTTTTAACT	GCCCCATACT	TTGTATTGGA	GAGTACATA	ATGTAAATCC	TAAAGGCACC	1080
ACTATTTTAG	CATAATAAAA	GAAAGTCCAA	AGAGCTCCTA	TATAGACTAC	TCCAGATAAC	1140
TTGCTTTTCT	TGTAATCTGT	AGCTTATGCT	AATTTTTTTT	AAGAAATTTA	AGGTCATTAT	1200
TATTTTACAA	AATAAGGCTG	TTGATTAACA	CAGCTATATA	TTTTTTTTTA	TTTTTAAAAA	1260
ACCTGCTGAG	AGGCTGATCT	TGCTTTTAAA	ACATGATAGT	CTTTTCAGTA	TAATGTCTTA	1320
GATTAAGGAC	GTGCTCTTTA	ATATCTGTTG	GGAAGGAAAT	GTCCAGACTT	TTCAAACTCT	1380
TTATTATATG	TTTCTTTTTT	TTGTTTACAT	AGGGAACAAT	TTTTTATAGT	GTGTGTACAG	1440
TGGGGGCTTA	CAACAAGAAG	TGTAATTTTT	CAAAACAATTT	TTTAATGATT	TAACAATTTT	1500
TGTAATTCAT	TTTTAGGCTT	CTGCTAGCTG	AGATTTCTAC	TGTGAATCCC	TTGCTTGCTC	1560
ATGCATAAGT	GTATTTTCAA	TACCAATAT	ACAGGTTTAG	TATTTTTTCC	TGTTAGTGAT	1620
TGTTTTACAT	GTGTAACGTT	TTGTTTGAGA	TGTTAAATGG	TGGACGAGTA	CTGTGGATGT	1680
GAATGTGGGA	AGTAATTTTA	ATCATATGTA	ATTGCTCACA	AGGCTTAATT	TGCAGTAACT	1740
ATTGCTGTTT	TATTTAAACAA	TGCTTTGTTG	CTTTGTATGC	ATTAATGTTT	GGATGTAAAG	1800
ATGCTGCTCT	TATCCCAACAG	GGAGCCACAG	TATTTAAATT	GACCAACCTA	ATGTTACAAC	1860
TACTTTTAGG	TGGCCAAATG	TAAACTAAAA	GCCTTAATTA	AAGTGGTGCA	ATTTTGTAAA	1920

AAAAAA

Name: 295

Len: 1453 Check:

4EC

GGCTGTTTTC	GGCGGTTGGC	TGCGCGCGGG	AGTGGGCTGC	ACGTGCGGCG	GGGCGCGATG	100
CGTCACTCAT	CTGAGGAACG	AGAATGAATA	TGACTCAAGC	CGGGGTTTTC	GTGGGCTGCAG	110
TGGTGGGTTT	GTTGGCTGTC	CTGCTCTAGC	CCTCCATCCA	CAAGATTGAG	GAGGGGCTATC	120
TGGCTGCTGA	CTACAGGGGA	GGAGCTTTAC	TAAGTAGGCG	CAGTGGACCA	GGCTATCATA	240
TTATGTTTTC	TTTCACTACT	ACGTTTCAGAT	CTGTGCAGAC	AACTACTATA	ACTGATGAAG	300
TTAAATATTC	GTTTGTGGGA	ACAAGTGGTG	GGGTGATGAT	CTATATTGAC	CTAATAGAAG	360
TTGTTAAATC	GTTGGCTGCT	TATGCACTGT	TTGATATGCT	GAGGAAGTAT	ATTGCAATAT	420
ATGACAAAGC	CTTAATCTTC	AATAAAATCC	ACCATGAGCT	GAACTAGTTC	TTCAGTGGCC	480
ACACATTTTA	GGAGTTTAC	ATTGAATTGT	TTGATCAAAAT	AGATGAAATC	CTGAAGCAAG	540
CTCTGCAGAA	AGCTTAAAC	CTCATGGCCC	CAGGTCTCAC	TATACAGGCT	GTGGGTGTTA	600
CAAAATCTAA	ATGCGCAGAA	GCCATAAGAA	GAAATTTTGA	GTTAATGGAG	GTGAGAGAAG	660
CAAAATCTCT	TATAGCTGCA	CAGAAACAAA	AGGTTGTGGA	AAAAGAAAGCT	GAGACAGAGA	720
GGAAAAAGGC	AGTTATAGAA	GCAGAGAAGA	TTGCACAAGT	GGCAAAATTT	CGGTTTCAGC	780
AGAAATGAT	GGAAAAAGAA	ACTGAAAAGC	GCATTTCTGA	AATCGAAGAT	GCTGCATTCC	840
TGGCCCGAGA	GAAAGCGAAA	GCAGATGCTG	AATATTATGC	TGCACACAAA	TATGCCACCT	900
CAAAATCTTA	CAATTTGACC	CGGGAATATC	TGGAGCTCAA	AAAGTACGAG	GGCATTGCTT	960
CTAACTATTA	GATCTATTTT	GGCAGCAACA	TCCCTAACAT	GTTGCTGGAC	TCTCATGTG	1020
CTTTGAAATA	TTGAGATATT	AGGACTGGAA	GAGAAAGCTC	ACTGCTCTCT	AAGGAGGCTC	1080
TTGAACTCTC	TGAGAGAAAC	GTCTATCCAA	ACAAAGAGAG	CACAGGTTGA	TGCAAGAGGT	1140
GGAAATGTTT	CTCATATCAA	GATGTGGCCC	AAGGGGTTAA	GTGGGAACAA	TCATTATACG	1200
GACTCTTTAG	ATTTACAGAG	AACTTACACT	TCATCTGTTT	CACCTCTCTT	GCGATAGTCC	1260
TGGGTGCTCC	ACTGATTGGA	GGATAGAGCC	AGCTGTCTGA	CACACAAATG	GTCTTTTCAG	1320
CCACAGTCTT	ATCAAGTATC	CTATATGTAT	TCCTTTCTAA	ACTGCTACTC	ATGAATGAGG	1380
AAATGCTGAT	GCTAAGATAC	TGCTGCACT	GGAATGTTAA	ACACTAATA	TATAACAAGC	1440
TGTGTTTTCG	TAA					1453

Name: 296

Len: 3120 Check:

678

CGGCGAGGGG	CGGCGGCTAC	GGGCGAGCCC	CGGGCGATGA	GGGGCGGGGG	TTGACCGGGA	60
AGAGCGGGGA	CGGCGGCGAGT	GGCTCCGAGG	GGACCCGCGA	TGGCAGCGGG	CTGAGAGGAG	120
GTGCGAGGGA	GGGCGGGGCTG	CGCTGGCAGC	GGCCGCTGAG	GTGCTGGGGG	GGCGGCTGGC	180
TGGCGAGCGG	GGCAGAAGCG	ACGAGAGGCG	CGCTCGGCAC	CGGCACCCCG	GTGCCCCCGC	240
CTCAGTTGTC	TAAACTTCGG	GCTCTCTTCC	ACCGTCTGCG	CGCCCGAGAGT	CAACAACCTC	300
TTACCCCCCG	TCCGCCCCCG	CCCTTCCCTC	CGTCAGCCCC	GGGAGCTCGC	CGCGGCCCCG	360
GGAGCAGGAA	CCTCCAGCGC	TGAGATGTGG	CCGTGAGGCG	TTGGCGGGGG	CGGAGGAGAA	420
GCTCGGCGGC	GTCCCGGGGC	CGGAGGGCGG	TGGGGCCGCG	CGGCAGGGGG	GGGAGCACCC	480
CGGCGCTCTC	CGGCGCTTCC	TCCTGCCGTC	TCCGCGGCTG	CCCGTGCTTT	GCAAGCAGCA	540
GGGCGAGGTC	CGGAGCGTCA	GGGCGCGGGA	GATGTCGTGG	TGCTCGCGGT	CGGCGGGGGC	600
TGCGAGCGGC	GGCATCTCGG	CCTCGGAGAA	AGTGGACGGC	TTACCCCGGA	AATCGGTCCG	660
CAAGGCGCAG	AGGCGAAGC	GCTCCAGGG	CTCGTCGCAG	TTTCGCAGGC	AGGCGAGCCA	720
GGCAGAGCTG	CAGGCGCTGC	CCCAGCTCAA	AGATGCCACT	TCAAATGAAC	AAACAAGAGCT	780
TTTCTGTCAG	AAGTTGCAGC	AGTGTGTGAT	ACTGTTTGAT	TTGATGGACT	CTGTTTCAGA	840
CTTGAAGAGC	AAAGAAATTA	AAAGAGCAAC	ACTGAATGAA	CTGGTTGAGT	ATGTTTCAAC	900
TAATGCTGGT	GTAATTGTTG	AATCAGCGTA	TTCTGATATA	GTAAAAATGA	TCAGTGCTAA	960
CATCTTGGGT	ACAATTCTCT	CAAGTGATAA	TCCAGATTTT	GATCCAGAAG	AGGATGAACC	1020
CAGCTTGGAG	GGCTCTTGGC	CTCACATACA	GTTGGTATAT	GAATTCTTCT	TGAGATTTTT	1080
GGAGAGGCTT	GATTTCCAGC	CTAGCATTGC	AAAACGATAC	ATTGATCAGA	AATTCGTACA	1140
ACAGCTCTTG	GAGTTTCTTG	ATAGTGAAGA	TCCCAGAGAA	CGTGACTTCC	TGAAGACTGT	1200
TGTGCAAGGA	ATTTATGGGA	AATTTCTTGG	ATTAAGAGCA	TTGATCAGAA	AACAAATTAA	1260
CAAGATTTTC	CTCAGGTTTA	TATATGAAAC	AGAACATTTT	AATGGTGTGG	CTGAACCTCT	1320
TAAATATTTA	GGAGATATTA	TCAATGGCTT	TGCATTGCCA	CTGAAAGCAG	AACATAAACA	1380
ATTTGTAATG	AAGTTCTTTA	TTCTATGCA	TACTGCAAAA	GGATTAGCTT	TGTTTCATGC	1440
TCAGCTAGGA	TATGTTGTTG	TACAGTTCCT	GGAGAAAGAT	ACAACAATAA	TAGAGCCAGT	1500
GATCAGAGGA	CTGCTGAAAT	TTTGGCCAAA	AACCTGCAGT	CAGAAAGAGG	TGATGTTTTT	1560
AGGAGAAATT	GAAGAAATCT	TAGATGTGAT	TGAACCAACA	CAGTTCAAAA	AAATTGAAGA	1620
GGTACTTTTT	AAGGAGATAT	CCAAGTGTGT	ATCCAGTTCT	CATTTTTCAG	TTGCAGAAAG	1680
GGCATTGTAC	TTCTGGAAATA	ACGAATATAT	TCTTAGTTTG	ATTGAGGAGA	ACATTGATAA	1740
AAATCTGCTA	ATTATGTTTG	CCAGTTTGTG	CAAAATTTCC	AAAGAAACTT	GGAAATCCGAC	1800
CATTGTAGCA	CTGGTATACA	ATGTGCTGAA	AACCCATAATG	GAAATGAATG	GCAAGCTTTT	1860
CTATGACCTT	ACTAGCTCAT	ACAAAGCTGA	AAGACAGAGA	GAGAAAAAGA	AGGAATTGGA	1920
ACGTGAAGAA	TTATGAAAAA	AATTAGAGGA	GCTAAAGCTA	AAGAAAGCTC	TAGAAAAACA	1980
GAATAGTGCT	TACAACATGC	ACAGTATTCT	CAGCAATACA	AGTGCCGAAT	AAAAAAAAGG	2040
CCTCCCACTT	CTGCCGGATA	GGCAGAGTTT	TGTATGCTTT	TTTGAAATAT	GTAAAAATTA	2100

AAAAAAGAAAT TCCATCAGTA TAATATAAAT AAAA GCGGAT TTTTCTCTTG CAACTCTTAA 2160
TGGGAGAAATA TATGGAGTAA ACSTAGGCTT GTCTCTGTAT ATGGGATAT TATATTGTAA 2220
CCTTTTCTTA ATCATTGAT TTATTCTGTC ACTTCTGAA TTTCCAGAA ATGAATGAAT 2280
TTTATATAT ATATATAG TGAGATAAT ATGGGATG TAAGAATTAT GACTTGAATT 2340
CTTCTTTTGT TGTCTTGCAC ATAGATATG TAGTCTGCT TGTATATTT TCCCTTTTAT 2400
AATGTCTTT TCCACTGCT TACCCCTT TTACCCCTT CTCTCTCTCA CCGAGAAATA TGAATGGGG 2460
ATATAATTA GGTATCATC CTTCAATAA ATACATTACT GTACTCTGGA ATTTAGGCA 2520
AATTATTTG CTTAAGCTT CTTCAATAA ATACATTACT GTACTCTGGA ATTTAGGCA 2580
AACCTTAAAT TTTAGGCTT TTTAAAGCA AAAATATAA TAAAGCTTG GAAAGTAAAC 2640
CAAAATTTT CAGATTCTT CTCATGAATA TCCCTCTTC TCTGCAATT ICCAGAGTGG 2700
TAACCAATAG TTAGAGGCG CTCAGGTGAA TTACCCAGCT TCCCTCTCA TCTATCTCT 2760
CTCTCTCTT CAAAGGCTG AGGCAGGGCC TTTCCAGT TCACAACCTG TCTTCACTT 2820
AGTCTCTCT GACCCAGGGA TGGAGGCTT GAGTCTCACA GTGTGCTGAT ACAGAGCACT 2880
AGTTCTCACT GCTCTGCTT ATTTAAAGGA ACTGCACTG GCTCTCTCT TAGAGCTCTG 2940
AAAACTTTA CTATATAGAG GTCTGTATG TTTTACTTG GTCAAGTAT TCTCATATCT 3000
TTTGTATCA GAGTACCAT CCAATCTCT AACTTGCAG TGTGTGAAA ACTGTTTTG 3060
AATGAAAGAT CTTCACTGGG GGATTGAGCA GCATTTAATA AAGTCTATGT TTGTATTTG 3120

Name: 297

Len: 1753 Check:

127B

CACTCTTGA GGGAGGCGC CTGCGTTCT TCTCTCTTC TCCCGGCTC CAGCTGCCGG 60
CAGGAGCTTT CTCTGCTGC CGCTGGGACC CCGTCTCAT GCGCAGGCC AGCAGGATGC 120
CCCCTAAAA GGGAGGTGAT GGAATTAAC CACCCCAAT CATTGGAAGA TTTGGAACCT 180
CACTGAAAT TGGTATTGT GGATTGCCA ATGTTGGGA ATCTACTTC TTCAATGTGT 240
TAACCAATAG TCAGGCTTCA GCAGAAACT TCCCGTCTG CACTATTGAT CCTAATGAGA 300
GCAGAGTACC TGTGCCAGAT GAAAGGTTG ACTTCTCTG TCAATACCAC AAACCAACCA 360
GCAAAATTC TGCCTTTCTA AATGTGGTGG ATATTGCTGG CTTGTGAAA GGAGCTCACA 420
ATGGGAGGG CTTGGGGAAT GCTTTTTTAT CTCATATTAG TGCCTGTGT GGCATCTTTC 480
ATCTAACAG TGTCTTTGAA GATGATGATA TCAGGCACT TGAAGGAAT GTAGATCTTA 540
TTGGAGATAT AGAAATAATA CATGAAGAGG TTCAGCTTA AGATGAGGAA ATGATTGGGC 600
CCATTATAGA TAACTAGAA AAGGTGGCTG TGAGAGGAG AGATAAAAA CTAAACCTG 660
AATATGATAT AATGTGCAA GTAAAATCCT GGGTTATAGA TCAAAAGAAA CCTGTTGCT 720
TCTATCATGA TTGGAATGAC AAAGAGATTG AAGTGTGAA TAAACACTT TTTTGTACT 780
CAAAACCAAT GGTCTACTTG GTTAATCTTT CTGAAAAGA CTACATTAGA AAGAAAAACA 840
AATGTTTAT AAAAATTAAG GAGTGGGTGG ACAAGTATGA CCCAGGTGCT TTGGTCATTC 900
CTTTTAGTG GGCCTTGAA CTCAAGTTGC AAGAATTGAG TGCTGAGGAG AGACAGAAGT 960
ATCTGGAAG GAACATGACA CAAAGTGCT TGCCAAAGAT CATTAGGCT GGTTTGCAG 1020
CACTCCAAT AGAATACTTT TTTACTGCG CAGGCTGCG GAAAGATTCA CACAGATTTT GAAAAGGGAT 1080
GGAAAGGGAC TAAGGCTCCT CAGGCTGCG GAAAGATTCA CACAGATTTT GAAAAGGGAT 1140
TCATTATGG TGAAGTAATG AAATACGAAG ATTTTAAAGA GGAAGGTTCT GAAAATGCAG 1200
TCAGGCTGC TGGAAAGTAC AGACAACAAG GCAGAAATTA TATTGTTGAA GATGGAGATA 1260
TTATCTTCT CAAATTTAAC ACACCTCAAC AACCAGAGAA GAAATAAAT TTAGTTATTG 1320
CTCAGATAAA CATACAACT CCAAAAGGCA TCTGATTTT AAAAATTAAT AATTTCTGAA 1380
AACCAATGCT ACAAATAAAG TTGGGGAGAT GGAATCTTT GACAAACAA TTATTTTTAT 1440
TTGTTTTTAA ATTAATAAT TGTGTACCC CCCCCCCCC TGAATGCA GTTCACTAAA 1500
TGTGAACAG TTTGCTTTTC ACGTGATTAA GACCTACTC CAAATTGTAG AAGCTTTTCA 1560
GGAACCATAT TACTCTCAT ATACTTCATT AATCTCCAT ATGTATGCCA AGCCTGACAT 1620
ATTTGACAGT GAGGACAATG TGGCTTGCTC CTTTTGAAT CTACAGATA TGCATGTTTT 1680
ACAGTACTCC AGATGTCTAC ACTCAATAA ACATTTGACA AAACCAAAAA AAAAAAATA 1740
AAAAAATAAA AAAAAAATA

Name: 298

Len: 2374 Check:

1C94

GTCTATGCACT GGGGCGGAGA ACTGTGCTCT TTGAGGCGGA CGGTAGGGGC CCGGAAGGAA 60
ACTGCGAGGC GAAGGTGACC GGGGACCGAG CATTCTAGAT CTGCTCGTA GACCTGCTGC 120
AGGAGCATTA TGTCTGCTGC AAGGCTGCTG TGTCTCGGA CACTACCTTC TAGGTTTTT 180
TACCGAGCTT TCACCAAGGC CTCCCTGTT GTGAAGAAT CCATCAGGA GAATCAATGG 240
CTTTTAAAC CAGCAGGGA ATATGCCACC AAAACAAGAA TTGGGATCCG CCGTGGGAGA 300
ACTGCGCAAG AACTCAAAGA GGCAGCATG GAACCATCGA TGGAAAAAT ATTTAAAT 360
CATCAGATGG GAAGATGGTT TGTGCTGGA GGGCTGCTG TTGCTCTGG AGCATTGTGC 420
TACTATGCT TGGGACTGTC TAATGAGATT GGAGCTATTG AAAAGGCTGT AATTTGGCT 480
CAGTATGCTA AGGATAGAAT TCATTCCACC TATATGACT TAGCAGGGAG TATTGGTTA 540
ACAGCTTTT CTGCCATAGC AATCAGCAGA ACGCTGTTT TCATGAACCT CATGATGAGA 600
GGCTCTTGG TGAACAATTG TGTGACCTT GCAGGCTGTT TTGGAGCTGG AATGCTGGTA 660
CGATCAATAC CATATGACCA GAGCCAGGC CCAAGCATC TTGCTTGGTT GCTACATTCT 720
GGTGTGATGG GTGCASTGGT GGCTCCTCTG ACAATATTAG GGGGTCTCT TCTCATCAGA 780
GCTCATGCT ACACAGCTGG CATTGTGGGA GGCCTCTCCA CTGTGGCCAT GTGTGCGCCC 840

AGTGAAAAGT TTCTGAACAT GGGTGCACCG GTGGGASTGG GCGTGGCTTT TGTCTTTCTG 200
 TCCTCATTTG GATCTATGTT TCTTCCACCT ACCACCGTGG CTGCTGCCAC TCTTTACTCA 200
 GTGGAAATGT ACGGTGGATT AGTCTTTTTC AGCATGTTCC TTCTGTATGA TACCCASAAA 1020
 GTATCAAGGG TGCAGAAGTA TCACCAATGT ATGASATTCA AAAATATGAT CCCATTAACT 1080
 CGATGCTGAG TATCTACATG GATACATTAA ATATATTAT GCGAGTTGCA ACTATGCTGG 1140
 CAACTGGAGG CAACAGAAAAG AAATGAAGTG ACTCAGCTTC TGGCTTCTCT GCTACATCAA 1200
 ATATCTTGTT TAATGGGCGA GATATGCATT AAATAGTTTG TACAAGCAGC TTCTGTTGAA 1260
 GTTTAGAAAG TAAGAAACAT GTCATCATAT TTAATGTTG CGSTAATGTG ATGCTCTGAG 1320
 TCTGCTTTT TTTCTGGAGA ATAAATGCAG TAATCTCTC CCAATAAGC ACACACATTT 1380
 TCAATTCTCA TGTTCGAGT ATTTTAAAT GTTTTGGTGA ATGTGAAAAC TAAAGTTTGT 1440
 GTCATGAGAA TGTAACTTCT TTTTCTACTT TAAATTTAG TAGGTTCACT GAGTAATCAA 1500
 AAATTAGGAA ACCTGTCTTT GCATATTTTT TTGGASTGCA GAATATTGTA ATTAATGTCA 1560
 TAAAGTATTT GGAGCTTTTG TAAAGGGACC AGAGAGAAAG AGTCACCTGC AGTCTTTTGT 1620
 TTTTTTAAAT ACTTAAAGT TAGCACTTGT GTTATTGATT AGTGAGGAGC CAGTAAGAAA 1680
 CATCTGGGTA TTTGGAAACA AGTGGTCATT GTTACATTCA TCTGCTGAAC TTAACAAAAC 1740
 TGTTCATCTT SAAACAGGCA CAGGTGATGC ATTCTCTCTG TGTGCTTCT CAGTGTCTCT 1800
 TTTCCAATAT AGATGTGTC ATGTTTGACT TGTACAGAAT GTTAATCATA CAGAGAATCC 1860
 TTGATGGAAT TATATATGTG TGTTTTACTT TGAATTTTA CAAGAGGAAA TAACCTTAAA 1920
 ACTATTCTCA AGAGAAAATA TTCAAAGCAT GAAATATGTT GCTTTTCTCA GAATACAAAAC 1980
 AGTATACTCA TGAATTGCTA AGTGTTTTTT TATTTTCTCA TATTTATTGA ACTGTCTAAT 2040
 TGAATACAGC TTGCTCTTGT CACCTCTTCA AGCTTTCAAG CCTTTATAGA AAAGCTTCTT 2100
 TGTGGCTTAC ACTGGAAATT ATGAAAGCAG TTTTCTCTCT AAGACTTTTG GTTTCTCGCA 2160
 TTGCTCTCTA GACTAAGCAC TAAAAAGCAA AGCAAAACAG AACTAGTTCT GTCTTAATGA 2220
 AATATATCAA CCCAAAAGTG TAATGAGGAA AATGCTTCAT TAGTTTCCCC TAGCAGACTT 2280
 TTACTTCTCT TACACTGCTA CACCATTACT TTCTTGAGAC ATTTGTAAGT CCTTTGATAC 2340
 AGAAGASTTA TATTTAGGAG GCTTTAATGA AGGG 2374

Name: 299 Len: 5112 Check: 15A6
 GTAGCTGGGG TGAGGCCGTC GTCGCCGCAC GGGGTGGTTG GGGCTGTGTC TGTGGGAGGC 60
 GCGGGGGTGA TGGCGGTGGA GACTCTGTCC CCGGACTGGG AGTTTGACCG CGTTGACGAC 120
 GGCTCGCAGA AAATTCATGC CGAAGTCCAA CTTAAGAATT ATGGGAAATT TCTTGAGGAG 180
 TATACCTCTC AACTGAGAAG AATTGAGGAC GCTCTGGATG ACTCAATTGS AGATSTTTGG 240
 GATTTCAATC TTGATCTAT AGCATTAAAG CTTTTGCCTT ATGAACAGTC CTCTCTTTTG 300
 GAACTCATAA AGACTGAAAA CAAGGTCTTA AACAAAGTCA TCACTGTTTA TGCTGCACTT 360
 TGTGTGAAAA TCAAGAAATT AAAATATGAG GCTGAAACTA AATTTTACAA TGGTCTCTTG 420
 TTTTATGGAG AAGGAGCTAC AGATGCCAGC ATGGTGGAAG GTGATTGCCA AATTCAAATG 480
 GGGAGATTTA TTTCTTCTT ACAGGAAGTC TCTTCTTTTG TTACGAGSTG CTATGAAGTG 540
 GTGATGAACG TAGTCCACCA GTTGGCTGCC CTCTATATCA GTAACAAGAT TGCACCCAAA 600
 ATTATAGAGA CAACTGGAGT TCATTTTTCAG ACTATGTATG AGCACTTGGG AGAAGTCTGA 660
 ACAGTTTTTG TCACCCCTGGA TGAAATTATT GATAATCATA TCACACTGAA AGACCACTGS 720
 ACTATGTACA AAAGGTTACT GAAATCTGTC CATCACAATC CTTCAAAATT TGGAATTGAS 780
 GAAGAAAAAT TAAAGCCATT TGAAAAGTTC TTGCTGAAGC TAGAAGGGCA ATTACTGGAT 840
 GGAATGATAT TCCAGGCTCT TATAGAACAA TTTGACATA GTATTGCGTC AATTTTGTGA 900
 GTGTCAAAAA ATAGTACTTT TGCTGAGGAA TTTGACATA GTATTGCGTC AATTTTGTGA 960
 AATGTAGAAG CCAACTTGG AGAACCTTCT GAAATTGACC AGAGAGACAA GTATGTTGGA 1020
 ATTTGTGGAC TCTTTGATTT TAAGAAGGTA CCAGCCATCA CTCTAACTGC TAATATTATT 1080
 AAGTCTTTAT TGGACATTTG GACTTTTCAG ATTTTTCGAA CTATTGATAA AAAGTTTTAT 1140
 TGGTTTCTCT ATAATTTTCT GATCCAGAAA ATACCAGCAG CTGCCCCAACT GCTAGACAGA 1200
 AAAAGTCTTC AAGCCATTAA AATACACAGG GATACTTTTC TACAACAGAA AGCTCAATCA 1260
 CTTACGAAAG ATGTACAGTC TTACTACGTC TTTGTGAGCT CATGGATGAT GAAAATGGAA 1320
 TCTATTTTGT CTAAAGAGCA GAGAATGGAT AAATTTGCTG AAGATCTCAC CAATAGATGT 1380
 AATGTTTTTA TACAGGCTT CTGTATGCA TATAGTATTA GTACCATTA TAAACCCACA 1440
 ATGAATCTCT ACATGCTCAT GCAAAAGCCA ATGACCAAAA CCTCAGTTAA GGCATTGTG 1500
 AGGCTTGTGG AACTTCTCAA GGCAATAGAG CATATGTTCT ACAGGAGAAAG CATGGTTGTG 1560
 CTGATTTCAG TTTGACATAT AACACAGCAT CTTCAACATC AGGCTCTTCA TTCTATTTCT 1620
 GTGGCCAAAG AAAGAGTGAT TTCTGACAAA AAATACAGCG AACAGCGTCT TGATGTGCT 1680
 TCTGCTCTAG TTTTGGCTGA AAACACTCTA AATGACCAA GCACAAAGCA ACGGCGACTT 1740
 ATTGTTTCTT TGGCACTAAG TGTGGGCACA CAAATGAAAA CATTAAAGA TGAAGAACTC 1800
 TTTCACTTTC AAGTAGTCAT GAAAAAACTG GATCTTATTA GTGAACCTAG AGAAGGACTC 1860
 CAAACACAAAT GTGACTGTTG TTTTATATC TGGCATCGAG CTGTCTTCCC AATTTATTTA 1920
 GATGATGTAT ATGAAAATGC TGTGATGCA GCCAGATTAC ATTACATGTT CAGTGTCTTG 1980
 CGGCACTGTG TACTTCTAT GATGCATGCA AGGCATTTAG AGTCTATGA GATACTTCTG 2040
 GATTCTATG ACAGGAAAT TATGGAAAT TTAATGAGC ATTTGCTGGA CAAATTATGC 2100
 AAAGAAATAG AGAAAGATCT GCGACTTCT GTGCATACTC ATTTAAAGCT GGATGACCGA 2160

AACCCTTTCA AASTTSSCAT GAAAGACCTG GCTTTTTTTT TCTCTCTBAR TCAATTCGG 2221
TTTTTCAATC GTTTCATTGA CATTGSGGCT TACGTAACTC ACTACCTABA CAAGACTTTC 2281
TACAATCTAA CAACTSTAGC CTTTCATGAT TGGGCACTT ATAGTSAGAT GASAACCTTA 2341
GCTACTCAGC GTTATGGACT GGTATGACA BAGGCACATC TTCCCAGTCA GACTTTGGAA 2401
CAGGCGCTTG ATGTTTTAGA AATTATGAGA AACATTCATA TATTTGTCTC CCSATACCTC 2461
TATAATCTCA ACAATCAGAT TTTTATTGAA CGAACAGCA ATAACAAGCA TTTGAATACT 2521
ATTAATATTC GGCATATTGC TAATTCATT CGAATACATG GTCAGGGAAT TATGAATACA 2581
TATGATGAAT ACATCAAAAT CAGATTGATT AAGAAGTTCT ATATATTAG CCAATTTATG 2641
GACCAAAATC ATCATAAGTA TCTTTTGTAT AGAGCAGAAA AATTCATTCG AGGCATCAGA 2701
AAACTTTGGAA TAACACCTGA TCGGACAGAGC TACCTTATC AATTCAGGCA ACTCATCAGC 2761
CAGATTGGTA ATGCTATGCG CTATGTACCA ATGATAAGAT CTGGTGGTCT TCATTGTAGC 2821
AGCAATGCCA TTAGATTGT TCTGTATCTT GAAGATATTG TAAATTTTGA AGAAGTAGTA 2881
AAAGAAGAA3 GTCTTGCGAG AGAAACATTA AAAGCAGCAA GGCATTTGGA TTCAGTCTCT 2941
AGTGATCACA CACGAAATTC TGCCGAAGGC GCCAAAGAAT ACACATCTCC GAAATTTCTA TATAATTGTT 3001
TTTGCTCCAG AATTTTGAAG GCCAAAGAAT TCCATTAGTT GCAAGGAPAA ATTAATAAAA 3061
CCCCCTCTGA CCTTCAACTT TGTAGAGCAT TCCATTAGTT CCATGGGTCT GGCTTACATT 3121
AAAAATAAAA TTGGAGCTGC CTTTACTGAT GATGGCTTTG ACTGGTTTCA GTCTGTAGA 3181
CTAAAGCTTT TGGATCAGTA TCGGAGTTT GATTCACCTC ACTGGTTTCA GTCTGTAGA 3241
GAGAAATACG TGAAGGAGAT AAGAGCAGTT GCTAAGCAAC AGAATGTACA GTGAGCCAGT 3301
CAAGATGAAA AACTCTTACA AACCATGAAT CTCACTCAGA AGCGACTGGA TGTCTATCTA 3361
CAGGAATTTG AATTGCTGTA TTTCTCACTG AGCAGTGCAA GAATTTTCTT CAGAGCAGAC 3421
AAGACTGCG3 CTGAAGAAA CCAAGAAA3 GCTGATCCTG TTGTGAATG ATACGGATGG 3481
AATGGAGACC TGTCTGACAG CACTGTGTCT AATTGTTAAA ACTTTTGCCA GTGGAATGGA 3541
TATTCAGTGC ACATATGATG AAATCATCAG CATCTCTGGA AAATAGATGT TACAGTTCTT 3601
TAAACTATT3 ATGAATTGTT TCTGGGTCA CATCTCTGGA AAATAGATGT TACAGTTCTT 3661
AAAGSCAGTG CTTTAAAGTG AAGTTCATTC TGTTCCTAAA GGCTCTAGTT TCAAAGTTA 3721
AGAATGAGAT TTTAAATTT3 GATTTTGGC TGGACTTGAG GGTACAAGAT GTTTCTATTT 3781
GAAGTGAAT3 TATAAAAGG3 CAAATCCAGA TTCATAAACT ATCAGCTGGG ATTTCTTGTA 3841
ATCTACATGT TTGTAATTTG TATTTGCATA GATCTTTGAT CTATAGTTAT TTCAAGTCAT 3901
GGGAAATTCA ATGCATATAC TATATACAGC CAGTAAATAC ATGCTTAACA AAAGGAATGA 3961
GCCTGAAGTT CATAAAGAAT ACATATCAAT ATTCTTATAA AAGGAATATA TGAAGATGGC 4021
TTTGATACTA GAGGTGAGGC ACAAGTGTTC TATGTACTCT CAGTGTACAG CTTTGATGAG 4081
GATCCTTCTT TCATTGTTAA TTTCATGTGA CTCACAAGAG CTGCTGATGT CTTTGATGAG 4141
ACATTTTATA ACTAGTTTAC ATTGCTTTGA GAACATTTAA CCTCCAACAG CTGCTTAAA 4201
TTTAAGATTT ACTTAATACT CAGAAAATTC AGATAAAGCC ATAGAGTCTT GTTTGAAGCT 4261
TCATTTCTAT TTTGGTTGAA GGCATGATGT ATGATGTCAG AAAAAAAT GAATGAATTA 4321
TTTCTACATC CAAACTCAG3 TTTCTCTAC ATTAGATTGA ATTGAAATTT TGGTGTGGT 4381
TTGGGTAGAC TTTTTTTT3 TATCAAGTAT AATTTAAAC ATCAGATTAA ATAATTACAC 4441
TGTTGAGGCT TTTAAAAA3 TACCACTGTG AGAATAAAGC GCTAGTAAGA TACATCACTT 4501
ACTGATTTTA AAAATACAGA AAGATTTTGA GTAAATTTT3 TGCCCAGCAA GCTGTTAGTT 4561
TTATTTTGT3 AAAGGTATGT AAGTTATTAA ATGGTAAATC TTCTAATACA AACACCATTT 4621
TAAAGTGATA CCTTTACAAT GAAGACAAA GTTTAAAACT TTCTAATACA AACACCATTT 4681
TGGGAAATGC TTGATTTTTT TCTATTGCAT TTGCTGCTA AACATTTCTT TGGATAAATC 4741
CTGCAAAATC TTCTAACATT ATTCTTTGAT TCCAGCTTTT AGAATGGGTG TACAATGCC 4801
TGTTTTTACT TAATGGTTAG GCTCAGGTA ACTTGCCAGC CCAAGATAAA TACTTTAATC 4861
GTTAAAGTC AGAAGAGACA GAATATGTAG GAAATGTTTT TTGTTTTATTA TGTAACATG 4921
GCTTACAGAA TTATGAACAG TGGATAGATT AAAGGCATTT AATATTGTA ATTCATAATA 4981
ACTGTAGAAA TGGCCCTAAA GCATGCTGCA TAATTAATAA TTTATATTTT CATTATTATA 5041
AGTGTTTATA TT

Name: 3 Len: 380 Check: 1BBA
GGCAGGAGGC ATAGGSGCTC3 GOSTGGTTT ACAGGTGGTT TCTTGGGCAA GATGGGCCA 46
CCTTCAAGTA TTCTGGGATC AAGTTACGT GCTTTGAATT TGTATTGTTG CAATTTCTG 120
AGCTCCTCAG COTCCAGCTC TGTCTACTT TTGAGGTCA CAGCCCGT3C ACGSTGTTG 130
GTTT3CAGTA CAGGAGTCTG TGGGTCTCT3 CAAATCTTGG TCACAGAAGA TTTGGAGGST 140
AAGAGSTTAA TATCATCTT CTTGGTCTCT CAAATGATAT CTGTTAGGGG TTCGTTTATG 150
GAAGTCTTCA ACTTGCTG3G CAAGGTGGGT ACATNATGTA GAAACTGTTT CANCAATGT 160
Name: 30 Len: 477 Check: 1EA7
CCAGTGTCT AGTTACATTA ATGASAACAG AAACATAAAC TATGACCTAG GGGTTTCTGT 60
TGGATAGCTT GTAATTAA3A AC3GAGAAAG AAACAACAAG ACATATTTTC CAGTTTTTTT 120
TTTCTTTACT TAAACTCT3A AAACAACAGA AACTTTGTCT TCCTACTCTT ACATCTAAA 160
CCGATGAAAT CTTTAAACAG TACACTTTA AATATCTACT CATCATTTTC TCTCTCAGAG 240
TCTAGCTTG AGTTGCACTG CATGTATCNT GTGCATCTTG TTCTCTTCAT TTAATGCTGT 300

ACTTTTCTG TTAGTCTCTGA GGAAGTATCT TGAGAGATGT AATGGAAATGA AAGGCTGCTG 761
 TTAATTTGGG TACTTTTAA GACAGTANTT CCATAATCAA TGATGGGCTC ATAGAGAAAC 400
 TAAGTATAT GAAGCTGACC TCCTTTATG3 CTAATAAGAG TAAGCAAGAA TNGAGGG 477
 Name: 100 Len: 4834 Check: F35

GATGTGAGC	TGGGCTCCCT	GCAAGTCATG	AACAAAACGA	GAAAGATTAT	GGAACATGGG	60
GGGGCTACCT	TCATCAATGC	CTTTGTGACT	ACACCCATGT	GCTGCCCCGC	ACGGTCCCTC	120
ATGCTTACTG	GGAAGTATGT	GCACAATCAC	AATGTCTACA	CCACAACGCA	GAAGTCTCTT	180
TCCTTTCTCT	GGAGGCTCAT	GCATGAGGCT	CGGACTTTTG	CTGTATATCT	TCACAACACT	240
GGCTACAGAA	CAGGCTTTCT	TGAAAATAC	CTCAATGAAT	ATAAGGCGAG	CTACATGCTC	300
CCTGCTGCTG	GAGAATGCGT	TGAAATTAAT	AAGAATTCTC	GTTTCTATAA	TTACACTGTT	360
TGTGCAATG	GCATCAAGCA	AAAGCATGGA	TTTGATTATG	CAGAAGGACTA	CTTCACAGAC	420
TTAATCACTA	AGGAGAGCAT	TAATTACTTC	AAAATCTCTA	AGAGAATGTA	TGCTATAGG	480
CCCGTTATGA	TGCTGATCAG	CCAGGCTGCG	CCCCACGGCC	CGAGGACTCT	AGCCCCACAG	540
TTTTCTAAAC	TGTACCCCAA	TGCTTCCCAA	CACATAACTC	CTAGTTATTA	CTATGCACCA	600
AATATGGATA	AACACTGGAT	TGTGCAGTAC	ACAGGACCAA	TGCTGCCCAT	CCACATGGAA	660
TTTACAAACA	TTCTACAACG	CAAAAGGCTC	CAGACTTTGA	TGTCAGTGGG	TGATTCTGTG	720
GAGAGCTCTG	ATAACATGCT	CGTGGAGACG	GGGGAGCTGG	AGAATACTTA	CATCATTTAC	780
AGGCTGAGCT	ATGGTTACCA	TATTGGGCGG	TTTGGACTGG	TCAAGGGGGA	ATCATGCGCA	840
TATGACTTTG	ATATTCTGCT	GCCTTTTTTT	ATTGCTGGTG	CAAGTGTAAG	ACGAGGATCA	900
ATAGTCCCAAC	AGATGCTGCT	CAACATTGAC	TTGGCCCCCA	CGATCCTGGA	TATTGCTGGG	960
CTGACACACAC	CTCCTGATGT	GGAGGGCAAG	TCTGTCTCTA	AACCTCTGGA	CCAGAAAAG	1020
CCAGGTAACA	GCTTTCTGAA	AAACAAGAAG	GCCAAAATTT	GGCTGTATAC	ATTCTAGTG	1080
GAAAGAGGCA	AATTTCTACG	TAAGAAGGAA	GAATCCAGCA	AGAATATCCA	ACAGTCAAAAT	1140
CACCTGCCCCA	AATATGAACG	GGTCAAAGAA	CTATGCCAGC	AGGCCAGGTA	CCAGACAGCC	1200
TGTGACACAC	CGGGGACAGAA	GTGCAATGCT	ATTGAGGATA	CATCTGGCAA	GCTTGAATTT	1260
CACAGGCTGA	AAGGACCCAG	TGACTGTGCT	ACAGTCCGGC	AGAGCACGCG	GAAGCTCTAC	1320
GCTGCTGGCT	TCCATGACAA	AGACAAGAG	TGCAGTTGTA	GGGAGTCTGG	TTACCTGCGC	1380
AGCAGAAGCC	AAAGAAAAGG	TCAACGGCAA	TTCTTGAGAA	ACCAGGGGAC	TCCAAAGTAC	1440
AAGGCTGAGT	TTGTCCATAC	TCGGCAGACA	CGTTTCTTGT	CCCTGCAATT	TGAAGGTGAA	1500
ATATATGACA	TAAATCTGGA	AGAAGAAGAA	GAATTGCAAG	TGTTGCAACC	AAGAAACATT	1560
GCTAAGGCTC	ATGATGAAGG	CCACAAGGGG	CCAAGAGATC	TCCAGGCTTC	CAGTGGTGCG	1620
AACAGGGGCA	GGATGCTGGC	AGATAGCAGC	AACGCCGTGG	GCCCCACTAC	CACTGTCCGA	1680
GTGACACACA	AGTGTTTTAT	TCTTCCCAAT	GACTCTATCC	ATTGTGAGAG	AGAAGTGTAC	1740
CAATGCGCCA	GAGCGTGGAA	GGACCATAAG	GCATACATTG	ACAAAGAGAT	TGAAGCTCTG	1800
CAAGATAAAA	TTAAGAATTT	AAGAGAAGTG	AGAGGACATC	TGAAGAGAAG	GAAGCCTGAG	1860
GAATGTAGCT	GCAGTAACCA	AAGCTATTAC	AATAAAGAGA	AAGGTGTAAA	AAAGCAAGAG	1920
AAATTAAAGA	GCATCTTCA	CCCATTCAAG	GAGGCTGCTC	AGGAAGTAGA	TAGCAAACCTG	1980
CAACTTTTCA	AGGAGAACAA	CCGTAAGGAG	AAGAAGGAGA	GGAAGGAGAA	GAGACGGCAG	2040
AGGAAGGGGG	AAGAGTGCAG	CCTGCCCTGGC	CTCACTTGCT	TCAAGCATGA	CAACAACAC	2100
TGGCAGACAG	CCCGCTTCTG	GAAGCTGGGA	TCTTTCTGTG	CTTGCACGAG	TTCTAACAAAT	2160
AACACCTACT	GCTGTTTGGG	TACAGTTAAT	GAGACGCATA	ATTTTCTTTT	CTGTGAGTTT	2220
GCTACTGGCT	TTTTGGAGTA	TTTTGATATG	AATACAGATC	CTTATCAGCT	CACAAATACA	2280
GTGCATACGG	TAGAAAGAGG	CATTTTGAAT	CAGCTACACG	TACAACTAAT	GGAGCTCAGA	2340
AGCTGTCAAG	GATATAAGCA	GTGCAACCCA	AGACCTAAGA	ATCTTGATGT	TGGAAATAAA	2400
GATGAGGAAA	GTTATGAGCT	ACAGAGAGGA	CAGTTATGGG	ATGATGGGA	AGGTTAATCA	2460
GCCCGCTCTC	ACTGCAGACA	TCAACTGGCA	AGGCCTAGAG	GAGCTACACA	GTGTGAATGA	2520
AAACATCTAT	GATACAGAC	AAACTACAG	ACTTAGTCTG	GTGACTGGA	CTAATTACTT	2580
GAAGGATTTA	GATAGAGTAT	TTGCACTGCT	GAAGAGTCAC	TATGAGCAAA	ATAAAACAAA	2640
TAGAGCTTAA	ACTGCTCAAA	GTGACGGGTT	CTTGCTTCTC	TCTGCTGAGC	ACGCTGTGTC	2700
AATGAGATG	GCTCTGCTG	ACTGAGATGA	AGACCCAAGG	CATAAGGTTG	GGAAAACACC	2760
TCATTTTACT	TTGCAAGCTG	ACCTTCAAAAC	CCTGCATTTG	ACCTGACCCA	CATTAGTCC	2820
AGAGATGAAA	TTTGAATGGA	ATAACGACAT	TCCAGAAGTT	AATCATTTGA	ATTCTTAAAC	2880
CTGGAGAAAA	AGGAAAAAT	GGAGGGGGCA	TGAAGAGACT	AATCATCTGG	AAAGGATTTT	2940
GAGTGGTGAAT	GCAATGACAG	AGCTAGAGCT	CGGGCCCCAGC	CCGAGGCTGC	AGCCCCATTG	3000
CAGGCACTCG	AAAGAACTTC	CCAGTATGCG	TGCTCCTGGA	AAGGACATTT	TTGAAGATCA	3060
ACTATATCTT	CTGTGCTGAT	CCGATGGAAT	TTCACTTCAT	CAGATGTTCA	CCATGGCCAC	3120
CGCAGAACAC	TGAAGTAAAT	CCAGCATAGC	GGGGAAGATG	TTGACCAAGG	TGGAGAAGAA	3180
TCAAGAAAAAG	GAGAGTCAAC	AGCACCTAGA	AGGCAGCGCC	TCTTTTCTAC	TCTCCTCTGA	3240
TTAGATGAAA	TTGTTAATTT	ATCCTAAACA	CAGTATTTCT	TTTTAACTTT	TTTATTTGTA	3300
AACTAATAAA	TTGTTAATTT	ATCCTAAACA	TTCCAAGCTA	CCCTGGGTAC	CTTTGTGCAG	3360
TAGAGCTAG	GAGCATGCTG	AGCAAGCGGT	GTGCACACGG	AGACTCATCG	TTATAATTTA	3420
CTATCTGCTA	AGAGTAGAAA	GAAAGGCTGG	GGATATTTGG	GTTGGCTTGG	TTTTGATTTT	3480
TTGCTTGTCT	TTTGTTTTGG	TACTAAACA	GTATTATCTT	TTGAATATCG	TAGGGACATA	3540

ATTATATACA	GGTTATCCAA	TCAAGATGGC	TAGAATGGTG	CGTTTCTGAG	TGTCTAAAAC	3601
TTGACACCCG	TGGTAAATYT	TTCAACACAN	TTGACTGGC	TGCCTAATGA	AGTTTTGATT	3660
CATTTTTAAAC	CACTGGAATT	TTTCAATGGC	GTCAATTTTCA	GTTAGATGAT	TTTSCACTTT	3720
GAGATTAAAA	TGGTAATGTCT	ATTTGATTAG	TCTTATTTTT	TTATTTTTTAC	AGGCTTATCA	3780
GTCTCACTGT	TGGCTGTCTAT	TGTGACAAAG	TCAAATAAAC	CCGCAAGGAC	GACACACAGT	3840
ATGGATCACA	TATTGTTTGA	CATTAAAGCTT	TTGCCAGAAA	ATGTTGCATG	TGTTTTACCT	3900
CGACTTGCTA	AAATCGATTA	GCAGAAAGGC	ATGGCTAATA	ATGTTGGTGG	TGAAAAATAA	3960
TAAATAAGTA	AACAAAATGA	AGATTGCCTG	CTCTCTCTGT	SCCTAGCTTC	AAAGCGTTCA	4020
TTATAATACA	TACTTTTAAG	ATTGCTATAT	TTTGGGTTAT	TTTCTTGACA	GGAGAAAAAG	4080
ATCTAAAGAT	CTTTTATTTT	CATCTTTTTT	GGTTTTCTTG	GCATGACTAA	GAAAGCTTAA	4140
TTCTGATATA	ATATGACTAG	TTTTGAATTT	ACACCAAGAA	TTTCTCAATA	AAAGAAAAAT	4200
ATGAATGCTC	CACAATTTCA	ACATACCACA	AGAGAAGTTA	ATTCTTTAAC	ATTGTGTTCT	4260
ATGATTATTT	STAAGACCTT	CACCAAGTTC	TGATATCTTT	TAAAGACATA	GTTCAAAAAT	4320
GTTTTTGAAA	ATCTGTATTC	TTGAAAATAT	CCTTGTGTGT	TATTAGGTTT	TTAAATACCA	4380
GCTAAAGGAT	TACCTCACTG	AGTCATCAGT	ACCTTCCCTAT	TCAGCTCCCC	AAGATGATGT	4440
GTTTTTGCTT	ACCTTAAGAG	AGGTTTTCTT	CTTATTTTTA	GATAATTCAA	GTGCTTAGAT	4500
AAATTATGTT	TTCTTTAAGT	GTTTATGGTA	AACTCTTTTA	AAGAAAATTT	AATATGTTAT	4560
AGCTGAATCT	TTTTGTAAC	TTTAAATCTT	TATCATAGAC	TCTGTACATA	TGTTCAAAAT	4620
AGCTGCTTGC	CTGATGTGTG	TATCATCGGT	GGGATGACAG	AACAAACATA	TTTATGATCA	4680
TGAATAATGT	BCTTTGTAAG	AAGATTTCAG	GTTATTAGGA	AGCATACTCT	GTTTTTTAAT	4740
CATGTATAAT	ATTCCATGAT	ACTTTTATAG	AACAATTCTG	GCTTCAGGAA	AGTCTAGAGG	4800
CAATATTTCT	TCAAATAAAA	GGTGTTTAAA	CTTT			4860

Name: 301

Len: 4112 Check: 13B5

CAAGGCGGCT	CGGACTCGGT	CCCAGGTGGG	CGGCGGGCGC	CGGCGGGGCT	CGGCGGGGGG	60
CCCGGGGGCG	CGGGGGCGCG	CAGTACGCG	CGCGCGGACC	CAGGCCACGG	CCAGGAGCCC	120
AGAGCAGGCG	GGGACACATG	CCCAGGGGTC	GGGCTCGGC	CCCGGGGCTC	GGAGCGGGGC	180
GGCTGCTTGG	GGTTTAAATGG	CTGCTCGGCG	GAGCAGCGGC	TAGGGCTGGA	AGGCGGGTGC	240
GGCTCAGGAA	GTCACCGGAG	CAAGCCTCCT	TCGGGGCGCG	CGGACCCGCG	CGGGGGCGGC	300
TCCATGGGGG	CGGCTTCCCG	CGGGGGCGGC	CGCTGACCCG	GGAGCGCGGG	GGGCGCTCGC	360
TGCGGGGGCG	CGCGTCCCGG	CCATGAAGTG	AGCCCGCGGG	CCAGCCCCGC	GGCTGCTCGG	420
CCCGGGGCTT	TCTTCTCGCG	CCTCCTCCGC	CGGCGCGCGG	CGGGCGCGGC	TCCCGGGGGG	480
CTGGGGGGCG	CGGGGCTCGG	CGGCGCGCGG	GCCCGGGGSC	CGGGGGCGGC	GGGCGCGGGG	540
GGCGCGCGGC	TCCGGGGCGG	GCGCCTGCAC	CATGAAGTAC	CAGCAGCAGC	TGGCCAACTC	600
GGCTGCCATG	CGGGGGCGGA	TCCAGCGCTT	CGAGTGGGTC	CACCCCAACA	TCTACTCCAT	660
CTAGGAGCTG	CTGGAGCGCG	TGGAGGAGCC	GGTGCTGCAG	AACCAGATCC	GGGAGCACGT	720
CATCGGCATC	GAAGATGCCT	TCGTGAACAG	CCAGGAATGG	ACGCTGAGTC	GATCTGTCCC	780
GGAGCTCAAA	GTGGGAATTG	TGGGTAAGTT	GGCCAGCGGC	AAGTCTGCCC	TGGTGCACCG	840
GTACCTGAGG	GGCAGATATG	TCCAGGAGGA	GTCTCCGGAA	GGTGGCAGGT	TCAAGAAAGA	900
GAATGTGGTT	GATGGACAGA	GCTATCTGCT	GCTGATCAGA	GATGAAGGGG	GCCCCCGGA	960
GGCGGAGTTT	GCCATGTGGG	TGGACGCTGT	TATATTTGTC	TTCAGCTTGG	AGGATGAAAT	1020
AAGTTTCCAG	ACCGTTTACC	ACTACTACAG	TCGAATGGCC	AACATTCGGA	ACACGAGCGA	1080
GATTCCTCTG	GTCTGGTGG	GAACCCAGGA	TGCCATAAGT	TCTGCTAACC	CGAGGGTCAT	1140
CGATGACGCG	AGGGCGAGGA	AGCTCTCCAA	CGACCTGAAA	CGGTGCACGT	ACTACGAGAC	1200
GTGTGCTACA	TACGGGCTGA	ATGTGGAGAG	GGTCTTCCAG	GACGTGCCCC	AGAAGATTGT	1260
TGGCACAAGG	AAGAAGTAGC	AGCTGTCCAT	AGGACCCCTG	AAGTCGCTAC	CTAATTCTCC	1320
TAGGCATTCC	TCCGTCTGTT	CCGCGCAGGT	GTCTGCCGTG	CACATCAGCC	AGACAAGTAA	1380
TGGAGGTGGG	AGTTTAAAGG	ACTATTCCCT	CTCCGTTCCA	TCCACTCCCA	GCATCAGCCA	1440
GAAGGAAGTT	CGGATCGATG	TTCCICCCAC	TGCCAACACG	CCACGCGCCG	TTCCGAAGCA	1500
GTCTAAGGCG	CGGTCCAAAC	TGTTCACTCT	TCCGAAAGGG	AGGADCCAG	ACAAGAGAGAA	1560
GAAGGGGCTG	GAGAGTGGTG	CGGACAGCAT	TGGGAGCGGC	CGAGGCATCC	CAATTAAACA	1620
GGGCTGTGCT	TTGAAGGAAA	GTGGCAAAAT	GTTGAATAAA	GAGTGGAAAA	AGAAATATGT	1680
AGCTCTGTGT	GACAATGGCG	TGCTGACCTA	TCATCCCACT	TTACATGATT	ACATGCAGAA	1740
TCTTCATGCT	AAGGAGATTG	ACCTTCTGAG	AACCACTGTG	AAAATCCCGG	GGAGAGGGCC	1800
ATCCCGAGCC	AGCTCAGGCT	GCGCACCCAT	CTCCAGCCCT	AAAACCAATG	GCCTATCCAA	1860
GGACATGAGC	AGTTTACACA	TCTCACCCAA	TTGAGACACA	GGGCTGGGTG	ACTCCGTATG	1920
CTCCAGGCCC	AGTATCTCCA	GCACACCCAG	CCCAAGCTTC	GACCCGCCCC	CTCCGCTCCA	1980
CGCCAAACAGA	AAGAAGCACC	GAAGGAAGAA	AAGCACTAGC	AACTTCAAAAG	CGGACGGGCT	2040
GTCCGGCACT	CTGAAGAAGC	AAAGAAGAAA	TTTTGAGTTT	ATCATTGTGT	CCCTCACTGG	2100
CCAAAGCATG	CACCTTTGAA	CCACGACGTA	TGAGGAGCGG	GACGCTGGGG	TCCAAGCCAT	2160
CGAGAGCCAG	ATCCTGGCCA	GCCTGCACTC	GTGCGAGAGC	AGCAAGAAAC	AGTCCCGGCT	2220
GAGGAGGCTG	AGCGAGGCCA	TGGCCCTGCA	GTGATCCGGG	AACATGCGCG	GGAACTCCCA	2280
CTGTGTGGAC	TGCGAGACCC	AGAATCCCAA	CTGGGCGCAGT	TTGAAGTTGG	GAGCCCTCAT	2340
GTGCATCGAA	TGCTCAGGGA	TCCACCGGAA	TCTTGGCACC	CACCTTTCCC	GAGTCCGATC	2400

CTGCGAGCTG	GATTACTGGC	CAATCGAGCT	CATCAAGCTG	ATGTCATCCA	TCGGCAATGA	2480
CTGCGAGCTG	AJGCTCTGAG	AAGAGAGCGG	CCA JGGGCH	ACGAAACCAT	CGGTAGAATC	2520
CAGCAAGGAA	GAGAAAGAAC	GGTGGATCCG	TGCCAAGTAC	GAGCAGAAAC	TCTTCTTJGC	2580
CGTATTGCA	TGCACGGAGC	TGTCCCTGCG	CCAGCACCTG	TTGCGGGTGA	CGGCCGADGA	2640
GGATCTGCG	ACGGCCATCC	TGCTGCTGGC	ACACGGCTTC	CGGGACGSAAG	TGAAAGAAAC	2700
CTGCGGGAG	GGAGACGGCC	GCACGGCGCT	GCATCTGGCC	TGCGGCAAGG	GGAATGTGGT	2760
CCTGGGGAG	CTCTGATCT	GGTACGGAGT	GGACSTCACT	GGCCGAGATG	CCCAAGGGAA	2820
CAGATCTCT	GCTATGCCC	GGCAGGCCCT	CAGCCAGAGG	TGCATCGATG	TGCTGCTGCA	2880
GTAATCTCT	CGGACGAGC	GCTTCTGCT	CATGGCTACG	CTTAATCTCT	CCAGGAGAAA	2940
CAATAACTCG	AAGAACAGCA	GTGGGAGGGT	GGCCACCATC	ATCTGAGGAA	CAGCCGTGCT	3000
CGTCTGCTG	CGGACCTGG	GACGGGGGAG	CCTCGGGGCA	TTCTGCTTGA	GAAGTGGGAG	3060
CACTGAGTC	CGCTGGCATC	CCCTCCCTCT	TGCTGCTGGC	CACTTCTCTT	CGCCCGCCCT	3120
ACTTTCACCT	CAAAACAAAT	CACAAACCT	GGACATCCCT	CAAGGGGGCA	AGAGGGCGGC	3180
GGGACACTGC	AGAAGTGGCT	CCTTTTCATA	AACTCCCTTA	AACCAACAC	AGGAGAGAGC	3240
GACGGGGCTC	GGCCCTTTGA	TGATAGCACA	TGGCGCAGGA	CCCTTGTCTT	GGTGGCACAA	3300
GGGATGGGGG	CGTGGGGGGG	AGGGGAGGGG	AGGAACAAGG	AGAAGGGGCA	ACTTTCCTTA	3360
ACTGGGAGTT	GAGCACATAG	TACATTTCCC	CTCTACCAAA	CGGAACACTT	GGATTCCATC	3420
TCTTCTCTGA	GGAGCTCGAC	GGCATAAATC	AGAAGCAAGC	ACAGAGTTTG	TCAGGTTTGA	3480
AGCCCTCTAT	ATGCTGTGTG	TCAAATCAGT	TGTAGCTAAT	CTGTCCAGGG	AGAATACTGG	3540
CTTCATTACA	CTTGTACAGC	CGAGTTCTTC	CCGCATTACT	GCTGTTTAAT	AGAACGTGAT	3600
TACTCATGCG	CGAGAAGAAA	GCATATTAGC	CGAGGAGGTA	GTCACGGGGC	ACGCGCCGGT	3660
GATTGCCAAG	ATGTGATTGC	AATACTCTTA	GAAGCACCAT	ATTATCCGAG	ACATGTTCTT	3720
TCAAGCCCTT	GGAGCCCTCT	CTAAATTCAC	TGTCTCATTT	TAGTATCTGT	TTAATTTTTT	3780
ASTCCAAAGA	GAGGAAATCA	GTCGCTGAGT	ATTATTTGAC	TCCGGTCTCC	TTGGTGCAAA	3840
AACAAATATG	GAATAATAAA	TAAGAATAAC	TCAGAAACTC	AAAAGGAAAC	CACAAATTC	3900
GCTAATAATA	GCTATTTGAG	TATATTTGCT	AAACTAAGGA	ATAACACAAA	AGGCTGTTTT	3960
TTTCCGACTG	TAGAGATAT	TTGATGTCTT	TTTCCGAGG	TGGATGTGTT	AGTCTCAGGC	4020
CCTCTGGGAC	CAGTTGGCCC	AAGTCACACA	GGCTTCTGTG	TTATGTATTT	AGATAAGATG	4080
TGTGAAAATA	TATTTGAATA	AAAGAAGTTT	AT			4112

Name: 302 Len: 1096 Check: 238D

GCGGGAGCAC	TAGCAGCAGC	CGGAGTCGGC	GGAAAGCACC	CGGGCGCAGC	CGGAGCCGGT	60
GCGGCAGCTG	CGATGGCCGT	GGCCGTGGGG	AGACCTCTTA	ATGAAGAGCT	TCGAAACTTG	120
TCTTTGTCTG	GCCATGTGGG	ATTTGACAGC	CTCCCTGACC	AGCTGGTCAA	CAAGTCTACT	180
TCTCAAGSAT	TCTGTTTCAA	CATCCTTTGT	GTTGGTGAGA	CAGGCATTGG	CAATCCACG	240
TTAATGGACA	CTTTGTTCAA	CACCAAATTT	GAAAGTGACC	CAGCTACTCA	CAATGAACCA	300
GCTGTTCCGT	TAAAAGCCAG	AAGTTATGAG	CTTCAGGAAA	GCAATGTACG	GCTGAAGTTA	360
ACCATTGTTG	ACACCGTGGG	ATTTGGAGAC	CAGATAAATA	AAGATGACAG	CTATAAGCCG	420
ATAGTAGAAT	ATATTGATGC	CCAGTTCGAG	GCTACCTGCT	AAGAGGAATT	GAAGATTAAA	480
CGTTCTCTCT	TCAACCACCA	TGACACGAGG	ATCCATGCTT	GCTCTACTTT	TATTGCCOCT	540
ACTGGACATT	CACTAAAGTC	CCTGGATCTG	GTCACCATGA	AAAAGCTGGA	CAGTAAGGTG	600
AACATCATT	CAATAATTGC	AAAAGCTGAC	ACCATTGCCA	AGAATGAATC	GCACAAATTC	660
AAGAGTAAGA	TGATGAGTGA	ACTGGTCAGC	AATGGGGTCT	AGATATATCA	GTTTCCCACT	720
GATGAAGAAA	CGGTGGCAGA	GATTAACGCA	ACAATGAGTG	TGCATCTGCT	ATTTGCAGTG	780
GTTGGCAGCA	CGGAAGAGGT	GAAGATTGGC	AACAAGATGG	CAAAGGCCAG	GCAGTACCCC	840
TGGGTGTGG	TGCAGGTTGA	GAATGAAAT	CATTGGGATT	TTGTGAAACT	TCGAGAGATG	900
CTGATCCGGC	TGAACATGGA	GGACTTSCGA	GAGCAGACTC	ACACCGGCA	CTATGAATTG	960
TACGACGCTG	TAAGCTTGAA	GAGATGGGGT	TCAAGGACAC	TGACCTTGAC	AGCAAACCTT	1020
TCACTCTTCA	GGGACATAT	GAAGCAAAAA	GGAATGAATT	CCTGGGAGAA	CTGCAGAAAA	1080
AAAAAATAAA	AAAAAA					1096

Name: 303 Len: 4373 Check: 160D

GAAGGGAATG	TGATCTCTCC	CCAGAAACCA	AAGCTTTGCC	TCAACTCTCT	AGGCGGAGGA	60
CTGCTTCTCC	ATCATCCGCA	GAGCTCAACA	ACAACTGTCT	TACCTCTTAC	AGAGAAAGAA	120
GGGGGTGAGA	ATCATCAGTT	GATCAGAAAA	CTGTGGCTCG	GACTCTCTCG	GGGCGAGAGAA	180
CTGTTTGGG	ATCTCTTCAA	GAACCTGATG	TGAAACCCAG	TGATCTCTCT	CAGGAAAGAA	240
CTGAGTGA	CTCTTCTCCA	GATTCTAAAG	CCAAGACACG	AACTCTCTCT	CGGCAGAGGA	300
CTGCTCTG	ATCATCTCCA	GAGGTTGACA	GCAATCTCTG	ACTATCTCTT	CGGCGCAGTA	360
GCTCTGCTTC	CTCCCTTGAA	GTGAAAGATA	AGCCAGAGAG	AGCAGCCAGG	GCAACAGAGT	420
CTTTCTGATC	CTCTCTTGAA	CCTAAAGCTC	CAGCCCTCTG	GCTCTCTCTT	AGAGGAAGCA	480
GATCAGGTTT	ATCAAGCAAA	GGCAGAGGCC	CTTCTCTCTG	AGGAAGCAGC	AGTACCGAGT	540
CCTCTCTCTG	ACATCCGCCC	AAATCCAGAA	CTGCTCTCTG	AGGTTCTCAG	TCATCACCAG	600
AGCTCAAGAC	CAAGTCTCTG	ACACCACCTC	GAGCTCTCTG	CTCTCTCTCA	TCTCCGGAGC	660
TAAACAAGGAA	GGCCAGACTG	TCCCGTAGAA	GCCCTCTCTG	CTCTCTCTCA	CCAGAAACTC	720
GCTCTAGAAC	TCCCCCAAGG	CACCGGAGAA	GTCCTCTCTG	CTCTCTCTCT	GAGCCAGCCG	780

AAAAAAGGAG	ATTTTACGAC	CGACGGGGGT	AGTTTTCATC	TCCAGGCAAT	AGGACAACTT	340
CAAGGAGG	CGGCTTTT	CGGCAAGG	CTGGTGGACT	CGAGAGGT	CGTTCCCTTT	300
CAATTAAGA	GAATAAATA	ACAAACCGAG	GTCCAGATAG	GTCTGGAT	TCTCACTTAA	900
CGTTTTCGG	AAATAGGGG	AGCTTCTCAA	GTTTTCGGGT	TACTCGGC	CGGAGGGGAG	1020
GTTTTCGTTA	TGCTTCAAGG	TCAGCTGCCC	GGCAGSAAAG	TTCCCGGAGC	TCTCTCTGAC	1030
GTTTTCGAGG	CGCTTCTGGG	ACACCCCCAA	CCAATCGGAA	GCCTTCTCGC	TCACGCACAT	1140
CGCTTTCGCG	GTGAAAGGCG	TCTAGATCTC	GACCTCTCTC	AGGCACTCAC	CGGCGATCCA	1200
GTTTTCGAAAC	CGCTTCTGATA	AGCCGACGTA	GGTTCAGATC	TCGAATTTTA	CGAGTCAATC	1260
GTAGATCTTC	AACTTCTAGG	ACTTCAGTGA	CTTACGAAAG	ATCCCGGTTA	AGAGCATCTC	1310
CAGTTCATAG	AACTTCTAGG	AGATCCAGAA	CGCTACCGAG	AACTTCTCTT	CGTTCAAGGT	1360
CTAGATCTTC	AACTTCTAGG	CGCTTCTGCG	GTTTTCAGAA	TCCACGAGTG	ACTTCGAGAA	1440
GTTTTCGATC	CACTTCTGTA	CGAGTAACTA	GGAGGCGATC	TCGAAGGAGA	ACTTCGAGTA	1500
TCAGTCTGAG	AACTTCTAGG	TCAGAAACAT	CTCTTCTGTC	CCGAAGGAGA	TCTCGATCTC	1560
GCACATCTTC	AGTACTCTGA	AGAAGGTCCC	GCTCTCGAAG	CTCAGGAGTG	ACAGGCGGCG	1620
GCTTTCAGTC	CGGACACCTT	CCAGCTATTC	GGGCGCGCTC	TAGATCTCTA	ACGCCACTGT	1680
TAGATCTCAA	AGCTTCTGGA	AGTCTGCTAC	CAGTTGCTAT	CCGCCCGCTC	TCCAGATCCC	1740
GTAGTCTCAG	AACAGCTCGG	GGTAAACGGT	CTTAAACAAG	ATCTCTCTCA	GCCATCCGCA	1800
CGCTTCTGCG	ATCTTGAAGT	AGTTCTGATC	GTTCAGGATC	TGCTACTCTT	CGAGCAACAA	1860
CAATTCATTC	TGCTTCAAGG	ACACCTCCAG	TAGCACTCAA	CAGTTCCAGA	ATGAGCTGCT	1920
TCAGTCTGTC	TAGCATGTCC	CCAACACCTC	TTGATCGCTG	CAGATCACTT	GGATGCTTTG	1980
AACTTCTGCG	CAGCTCTAGA	ACACCTCATG	CTGCTCTGCA	GCAAGCGGCG	GGCTCCATCA	2040
TGATGCTTC	AGCTTCTGGA	ATACCTGACC	ACCAGAGAAC	ATCTGTGCGA	GAAATCATATG	2100
CTAGTCTCAG	GATTGCACTT	GCCCTGACAG	CTATCAGTCT	TGGCACCGCT	CGGCTCTCTC	2160
CGTCTCAGTC	TGCTGCTGGC	CTTGTCTGCA	GAATGTCCCA	GGTTCCAGCG	CGGCTGCTCT	2220
TGATGAGTCT	CAGAACCGCA	CCAGCGGCGA	ACCTTGCCAG	CAGGATCTCT	GCAGCTCTCT	2280
TGCTGAGTCT	GAATCTAGCG	AGCGGCGAGG	CAGCTGCGAT	TCCAGAGGCA	GTGAATCTGG	2340
TTGATCTGCG	AACTTCTAGG	GCAGCGGCGG	CCATGAACTT	GGCGAGCGCG	AGAGAGGCGG	2400
TGCTGAGTCT	GGCTGCTGAA	CTGGCTGACC	CTGCGACTCT	CACAGCGGCA	GCTGTGAACC	2460
TGCTGAGTCT	CAGAACCGCA	GCTGCTTGGG	CAGCTCTGAG	TCTCACAGCG	TCTGGCAGAC	2520
CAGCAACTGC	TGCAAACTAT	CCCTCCAGCT	CCAGAACACC	ACAGGCTCTA	GCCTCTGCAA	2580
ACCTGCTGGG	TGCTGCTGCT	GCACATGCCA	CAGCTCTCTG	GAATATTGCG	GGCTCCAGAA	2640
CGGCGGCGAG	CTTGGCGCCC	GCGAGCTCTA	CCAGTCTCTG	GATGGCTCCA	GCATTGTCTG	2700
GTGCAAACTT	CAGCAGCGCG	AGGGTGCGCC	TTTCTGCTTA	CGAGCGTCTC	AGTGGCAGAA	2760
CTCACCACCC	GCTCTTTCAG	CGAGCTAGGT	CCAGAACACC	ACCGTCTGCC	CCAAGCCAAT	2820
CTAGGATGAC	CTCTGAAACG	GCTCCCTCCC	CTTCTCTAG	AATGGGCGAG	GCTCCTTCAC	2880
AGTCTCTTCT	CCCTCCAGCA	CAGGATCAGC	CGAGGTCTCC	TGTGCTTCTT	GCTTTTTTCAG	2940
ACCAATCCCG	TTGTTTGATT	GCCAGACCA	CCCTGTAGC	AGGGTCTCAG	TCCCTTTCTT	3000
CTGGGGGAGT	GGCAACGACC	AGCTCTCTCT	CTGGTGATCA	CAATGGCATG	CTCTCTGCTC	3060
CTGGGGGAGT	GGTGGGGGAC	TCTGATGTGG	GGGAGCCACC	TGCTCTACTT	GGGGGCGAGC	3120
AGCTTCTGTC	ATTAAGCGCG	CTGCAGCCAG	CAAGGAGCGG	GCGGAGTTCC	TCCTCGTCTG	3180
CTGCTCTGTC	TAGCTCTCTC	TCTCTTCTAT	CATCTCTGTC	GTCGTCTCTC	TCTCTCTCTG	3240
CTGCTCTGTC	TAGTCTCTCA	GAGGGCTCTA	GCTTCTCTGT	GCAACCTGAG	GTGGCACTGA	3300
AGAGGGTCCC	CAGGGGCGAC	CCAGCCCCAA	AGGAGGCTGT	TCGAGAGGGA	CGTCTCTCGG	3360
AGGCAAGCCC	AGGCAAGCGG	AAGAGGCGCT	CTAGCAGTTC	CAGTTCCAGC	TCTCTCTCTT	3420
CACTTCTGTC	CTCTCTCTCT	TCTCTCTCTT	CTTCTCTCTC	CTCTTCTCTT	TCTTCTCTTT	3480
CTCTCTCTAT	TTCTCTCTCT	TCTCTCTCTT	CCTCTCTCTT	CCCTGCTAAG	CTTGGGCTCT	3540
AGGCTCTGCG	CAAGCTCTGA	AGGCTCTGGA	AGGCTCTGCG	TGGCGAGGCG	AGGCTCTGCG	3600
GGGCTCTGCG	GGCAATAGAG	TCTCTCAGGG	ACTCTCGGTC	CCTCAGCTAC	TCTCTCTGCG	3660
AGGCTCTGCG	TCTCTGCGCG	CAGGCTCTAC	CAGGCGGACCA	GCAGAGCAGC	AGCAGTGAAG	3720
GGGCTCTGCG	GAGAGGCGAG	GCTGGGGGAC	GCTCTCTCTC	CAGGCGGAGC	CGCAGGAGGG	3780
AGGCTCTGCG	GGTGGGGGAC	ATGAGACAGC	GCTCTCTCTC	GTCTCTCTAA	ATTGCTCTCT	3840
AGGCTCTGCG	GGTGGGGGAC	TCTCTGAGAG	CCACAAGGAG	TCTCTCTCTT	TCTCTCTCTT	3900
GAGGCTCTGCG	GGTGGGGGAC	CTGCTCTCTT	TTGAACCTTG	GCAAGCTCTT	GATGGAGGCG	3960
TCTCTCTGCG	TCTCTCTCTT	TTTTCTCTTG	TCTCTGAGAA	ATGTTAATCT	CGTGAAGTCT	4020
TTCTCTGCTC	ATGTTGCTCT	GGGCTCTTG	GCTGGGAGGG	AATGAGAGTG	GGAGTTGGGG	4080
GAGGCTCTGCG	TACAGTCTAG	GATACCCAGG	CCTGAGTCTA	GGGCGAGGGA	GGCATGGGCG	4140
CAGTCTGATC	CAGAGGCTCT	CAGGCTGATG	TCTGATGGTG	GTTGGGAGTG	GAGGTTGTAT	4200
AGGCTCTGCT	TGGAAGGAGG	GGGCGAGGAG	TGGAATTAGT	TGGTCTCTAC	TCTCTCTCTT	4260
GAGGCTCTGCT	AGGCTCTCTT	CCAACTTTTC	ATGTTTCTTA	AAGGCTCTTT	GGTTTTTTAA	4320
AATCTCTACA	GCAAGAGCAA	CTTTTTCTGT	CAATAAAAAA	TGAGAAATGC	AGG	4373

Name: 304

Len: 3027 Check: 18E4

CGGCGGCGAGG	CGGCGGCGAG	GTGGGCGAGT	CGGAGCGCGT	TGCGGCGCGCT	GAGGAGGCGA	60
GGAGGCGGTCG	GGGCGGCGTG	AGGCGGCGCG	ACGCGCGAGG	CGAGGCGGCG	GCGCGAGGCG	120

299
 CGAGGAGCTC CGGAGCTCGA GCAGCGCTGG CGGCAAGAGC TCTCCCGCTC GAGGGGCGCG 140
 GGTAGAGGCG CGGAGAGCGG TGGTACGCGG CGGAGGAGCG GGGGCGATGA AACCGGAGTC 140
 GCGGAGCGCG GCGGAGCGCG GAGCGGAGCG AAAGGCTACG TCCAGCGCAA CCTGTGCTGT 140
 GTGAGGCGCG GCGGAGCGCG GCGGAGCGCG TAAAGGAGCG AGGAGGAGAT GCGGAGCGCG 140
 GAGGAGCGCG TGGTGAAGCG GCGTAACTCT GAGTCTCTGT ACCAGGAGCG CAAGCGGCGCG 140
 GTGAGGCTGC GATGCTCTGA GCTGGAGGAG ATGATGGAAG AGCAGGCGTA CGAGGAGTAC 140
 CAAATTGAGG AAAAAGTGGC GACCTTTTGA AGGCGAGAGG CGAGGCTTA CGGAGACTTA CAGTGTGGCA 140
 GCGGAGAGCG AGGAGAGCGG TGAAGAGCTC GGTGCTCTTT TTGGATCAG TGAATCTTAC 140
 GAATTAGATG AGAAGAGAGG TGAAGAGCTC GGTGCTCTTT TTGGATCAG TGAATCTTAC 140
 GTAGAGGCGA GCTCTTTTGA TCTCTAGGCT GGTGCGCGAG AAGCTAAACA ACCAGCTCTT 140
 GAGCTCTTCA AACCTTACAG CTTTCTTGGG GAGTCTAGTA GTTCTGCTCT ACCAAGCGCA 140
 AAGTGAAGAG AAGAGAAAAA GAAGAAAGAT AGAGGAGCGA GGTGAGAGAG TGAATCTTAC 140
 CGAGGCGGAG GAAAGAAAAA CTCAAGAGAG AAGAGAGCGA GGTGAGAGAG TGAATCTTAC 140
 AAAGCTAAGC ATAGCTCTCC CACTTCAAGG AGCAAGAGTA AATCTAAGAG CAAAGAGCGA 140
 AAGCGGCTCT GAAGTACAAC ACCAGCGCGG AAGAGCGCGC GGGCGGAGCG TTCAACTTCT 140
 GCTGAGCTCT CTTCTCTCTC CGATACTTCC CGCAGTCTGT CTCGAGTCTC TGCAGCTAAA 140
 ACTCATACAA CTGCTTTGGC TGGGCGAAGT CTTTCCCTGT CTTGAGGCTG ACCCGGGGAG 140
 GAGATGCTGC CTTTCTAGTA ACCAGGTAAT ACCAGGAGAG AACGCGCTAG TAGCGCGGAG 140
 ACTGCTAGGA AACAGCTTAG CAGCGCTTAT GAAGAGAGAG ATAAAGAGCA GAAGGAGAGA 140
 TCTGCAACTC GACCTAGCCC CTCTCCGGAA AGGAGCAGCA CAGGCGGAG ACCACCTGCT 140
 CCGACTCTGC TCTTGTCTGA GCGACATGCG GGCTCCCGAC AACGCTTCTC AACCGCGG 140
 TTAAGCGAGG AGCGAGTGAA CCGCGCATCT GAGGCTCTCT CAACTCGGGA CCGTTTACCA 140
 CCTAAGTCTC CCGAGAAACT TCCCGAGTCT TCTTCTCAG AGAGCAGCGC ACCATCCCTT 140
 CAACCTACCA AAGTTTCTCG GCATGCGAGC TCTTCCCGAG AAAGTCTTAA ACCTGCTTCA 140
 GCTCCAGGCT CCGCGGAGAG GATTCTTCT TCTCCGAGAT CTAAGAATCG CTCACATGGC 140
 CGAGCGAAGC GCGGAGAGAT ACATTCTCAT ACCCGCTCTC GTAGGATGCG GAGGCTCGCT 140
 AGCGCTGCGA CCGCTAAGAG AGGCGGATCT CCGTCTCGAA CCGCTACCGA GAGAGTCTAT 140
 TCTGATGCGC GATCTGCGCA GTGGGCTAGG TCCAGGCTCT CACAGAGGTC GGGAGAGTCT 140
 AGAAGCGCGC AGCGAGCTGG CCGCTCTAGG TCTCTCAGC GACCAGGCTG GTCTAGGAGC 140
 AGAAGTACCG AGAGAGAGAG CAGGTCTAGG TCAGCAAGGC GAGGAGGTC CCACTCTAGA 140
 TCCCGAGCGA CTAGGGGTAG ATCTCGTTCT AGAAGAGGAG CCGCGGCGG CAGGTCCCGC 140
 TCTAGAACAC CTGCGAGGCG GAGATCAGCA TCCAGCAACT CCACAGGCG TAGGTCTCGC 140
 TCTAGAACAC CAGCGCGGAG GGGCAGGCTC CCGTCTAGAA CAAGTCTAGG GCGCAGATCT 140
 AGGAGCGGAT CACAGGATCG ACGCAGGCTC CGTAGTAGAT CACAGGCGAG GAGAAGTGGC 140
 AGGTACGCT CTAGAACCCC AGCTAGAGCT GGCGGCTCAC GCTCCAGAAC CCCAGCCAGA 140
 CGTGGCGGCT CAGGCTCTAG AACCGCAGCT AGACGAGTG GTGCTCAGC CTCCAGAACCA 140
 CCAGCCAGGA GAGGGAGGTC TCGGTCTAGG ACACCAAGAG GAGGAAGATC CCGCAGTAGA 140
 AGCTTAGTTA GAGGTGGAAG ATCTCACTCT AGAACACCTC AAAGAAGAGG CAGATCTGCG 140
 TCATCTTCTG AGCGGAAAAA CAAATCCAGA ACATCTCAAA GAAGAAGCAG GTCCAATTCA 140
 AGCGCGAGAA TGAAGAAATC TCGCATTTCT TCAAGGCGGA GCAGGTCTCT CTCTTACCCA 140
 CGGTCCAAAG CAAATCTCTG CTTGTCTTTG AGGCGCAGCC TTTGAGGTC TTCCCATGCG 140
 CCTAAGCAAA AGTCAAGAGC ACCACCCAGG CCGCTCAGTT CTTCTCGCGC ACCTAAACAG 140
 GCTAAATCTA GAAGGCGACC CAGACGAGT CCGCTCAGTT CTTCTCGCGC ACCTAAACAG 140
 AAATCTAAGA CACCATCAAG ACAAAGTCTT TCCAGTTCTT CTTCTCATCC TAAAGTGAAA 140
 TCTGGAAGAC CACCGAGGCA AGGCTCCATA ACAAAGTCTT TCCAGTTCTT CTTCTCATCC TAAAGTGAAA 140
 ACGGCGAGAG GACGAGGCTG TTTTGAATCA TCACCTGACC CTGAGTTGAA ATCTAGGACC 140
 CTTTCTAGAG ATAGCTGCTC AGGCTCTCTT CTTCTTAGAG TGAATCTTAG CACACCTCCC 140
 AGACAGAGGC CATCTAGGTC ATCATCTCCA CAACCCAAAG GTAGGGTGAC GTCGAGAACA 140
 AGACAAAGAA CCGATTCTGG CTTCTCTTCT CCAAGTCTTA GTAGGGTGAC GTCGAGAACA 140
 ACTCCAGGCG SAAGCAGATC AGTATCTCCC TGCTCCATG TGGAAATCAG ATTGTTGCGA 140
 AGATACAGTC ATTCTGGGTC CTCTCAACCA GATACCAAG TGAACCTGA AACACCGGCA 140
 AGACAAAGTC ACTCAGGCTC TATTTCAACA TACCTCAAG TAAAGGCGCA AACTCCAGCG 140
 GCGGCAAGTC TTTCTGATC AAAGTCAACA TGTGCTCAAG AGAAGTCTAA AGACTCACTA 140
 GTTCAAGATT GCGCTGATC CTTCTCTCTC TGTGAGGAG TAAATCTTAG CACACCAACA 140
 GCGGAGAGCT ATTTTGTGT CTCATCTCTG CAAGTGAAG GACATCTCA AACTTCAACA 140
 GACGAGAGAT CTGATACTTC AAGTCCAGAA GTGAGAGAGA GTCATTGAGA ATCACCATCT 140
 CTGAGAGGCA AATCTCAAC ATCAGCTAAG GAGGCTGCGT CCAGGTCTTC ATCTCCAGTC 140
 ACTGAGCTG CATCCAGATC TCCAATAAGA CAAGATAGAG GTGAGTTCTC AGCGAGTCTT 140
 ATGTTGAAAT CTGGAATGTC TCTTGGGAG AGCAGGTTCC AGTCTGAGTC TTCTTCAAT 140
 CTTACAGTGG ACTCGAATTC TCTTGGGAG CAGAGTAGAT TGGAGACTGC TGAATCAAAA 140
 GAGAAAATG TTTTACCCCC TCAGGAGGAT GCTACTGCAT CAGCTCTAG ACAAAGAGAC 140
 AAATTTAGTC CTTTTCAGT ACAGGATAGG CTTGAGTCTT CACTGGTAT TCAAAGAGACA 140
 CTTAGAACCC GCGCAAGAGA AAGAAGTGGT GCTGGGTCAT CTCCAGAAAC AAAAGAGCAA 140

AATAGTGTAT TGGCTACGTC AAGCCAAAGAT GAAGAGTTAA TGGAGGTGCT AGAGAAAGTCT 3860
GAAGAACCCG CAGGCCCCAAT CCTCTCTCAT TTGCTTTTCAG AACCTTAAAGA AATGTCCACA 4020
AGTAATTTTG AATCATTTTC TGAAGTAGAA GAAAGGCGTG CTGTGTCTIT GACTCTTAT 4040
CAGATTCAGT CACAGGCTTC TTGGAAGCA GTAGAAGTCC CTTCATSGG CTGATCTGG 4140
GGTGGGCCCC ATTTTTCTCC AGAACATAAA GAATGTCTA ACTCTCCACT CAGGAGAAAC 4200
AGCTTTGGAT CACCTTTAGA ATTTAGAAAC TCAGGCCAC TTGTACAGA AATGAATACT 4240
GGATTTTCTT CTGAGGTTAA AGAAGATTG AATGGACCGT TTCTTAATCA GCTGAAACA 4320
GATTCATCTT TACACATGAA AGAACATCG ACAAGATCT CTGACACAG CAGTTCTGAG 4340
TTATTTCCAG ATGCACTGGA AAAGGCCAGG ATGTCTTCAA ATCAAGCAT CTCTTCACT 4440
GTCTTTGATG CTGTACCCAG AACACCTCTG AGAGAAAGAA GTAGTTCTCT ATCTTCTCT 4500
GAATCAAGG ATGGTTTACG CAGAACTCCA TCAAGSAGAA GTAGGTCTGG GTCTTCTCCA 4560
GCACTTAGAG ATGGTCTGG GACTCCCTCG AGGCACAGCC TGTCTGGGTC CTCTTCTGGA 4620
ATGAAGGATA TACCTAGAAC GCCATTTAGA GGGAGAAGCG AATGTGATTC TTCCCCAGAA 4680
CCGAAAGGTT TGGCTCAGAC TCCTAGGCCG AGGAGTCGTT CTCCATCATC CCCAGAGCTC 4740
AACAAACAAGT GTCTTACCCC CCAGAGAGAA AGAAGCGGGT CAGAACTCAT AGTTGATCAG 4800
AAACTGTGG CTCCGACTCC CCTGGGGCAG AGAAGTCGTT CCGGATCTCT TCAAGAACTT 4860
GATGTGAAGC CCAGTGCAAT CCTCAGGAA AGAAGTCGTT CTGGATCATC TCCAGAGGTT 4920
AAAGCTAAGC CAGCAACCCC ACTTCGGCAG AGGAGTCGTT CTGGATCATC TCCAGAGGTT 4980
GACAGCAAAAT CTGACTATC CCTCGGCGC AGTAGGTCTG GTTCTCTCTC TGAAGTGAAA 5040
GATAAGCCAA GAGCAGCAAC CAGGGCACAG AGTAGGTCTG ATCTCTCTC TGAACCTAAA 5100
GCTCCAGGCC CTGCGGCTCT TCCAGAGCA AGCAGATCAG GTTCTCTCAAG CAAAGCCAGA 5160
GGCTTTCTCT CTGAAGGAAG CAGCAGTACC GAGTCTCTCT CTGAACATCC GCCCAATCC 5220
AGAACTGCTC GCAGAGGTTT CAGGTCTCTC CCAGAGCCCC AGACCAAGTC TCGTACACCA 5280
CCTCGAGCTC GCAGCTCTCG ATCATCTCCG GAGCTAACAA GAAAGGCCAG ACTGTCCCGT 5340
AGAAAGCGCT CTGCTCTCAT CTCACCAGAA ACTGCTCTA GAAGTCCCTC AAGGCACCGG 5400
AGAACTGCTC CAGTGTCTTC TCCGGAGCCA GCGCAAAAT CAGAGTCTTC ACGCCGAGCG 5460
CCTCGAGCTC CAGTGTCTTC TCCGGAGCCA GCGCAAAAT CAGAGTCTTC ACGCCGAGCG 5520
AAGCCTCGTG GACTCCAGAG GTCCCGTTCC CGCTCAAGGA GAGAGAAAAC AAGAACAACC 5580
CGACGTGAG ATAGGTCTGG ATCTTCTCAG TCAACCTCTC GCGAAGACA GCGAGCCCG 5640
TCAAGGTCTC GGGTTACTCG GCGGCGGAGG GGAGGCTCTG GTTATCACTC AAGGTCACT 5700
GCGCGGCGAG AAAGTTCCCG GACCTCTCTC CGACGCCGAA GAGGCGGCTC TCGGACACCC 5760
CCAAACAGTC GGAAGCGTTC TCGCTCAGC ACATCACCAG CCGCGTGGA ACGCTCTAGA 5820
TCTCGAGCT CTCCAGCCAC TCACCGGCGA TCCAGGTCCA GAAACCCCTC GATAAGCCGA 5880
CGTAGGTCCA GATCTCGAAG TTCACCAATC AGCCGGAGAC GGTCAAGGTC CAGGACTTCA 5940
GTGACTCGAC GAAGATCCCG GTCAAGAGCA TCCCCAGTGA GCAGAAGGG ATCCAGATCC 6000
AGAAAGCCAC CAGTAACCCG CCGTCTGTTA AGGTCTAGAA CCGCAACAAC ACGCCGCCGC 6060
TCCGTTCTA GAAGTCCACC AGTGAAGTCC ASAAGGTCCA GATCCAGGAC TCCACCAGTA 6120
ACCAGGAGGC GATCTCGAAG CAGAAGTTTC CCTATCACTC GCAGAAGATC AAGATCCAGA 6180
ACATCTCCCG TCACCGGAAG GAGATCTCGA TCTCGCACAT CTCCAGTAAC TCGAAGAAGG 6240
TCCGCTCTC GAACCTCACC AGTGACACGC CGCGCTCTA GCTCCCGGAC ACCTCCAGCT 6300
ATTCCGCGCC GCTCTAGATC TCGAACGCCA CTGTTACCAC GCAAGCTTC TCGAAGTCGC 6360
TCAACACTTC CTATCCGCGC CCGCTCCAGA TCCCCTACTC CAGCAACAGC TCGGGGTAAA 6420
CGCTCTTAA CAAGATCTCC TCCAGCCATC CCGCAGCGTT CTGATCTGG AAGTAGTTCT 6480
GATGCTCAC GATCTCTAC TCTCCAGCA ACAAGAAATC ATTCTGTTT ACGGACACCT 6540
CCAGTAGCAC TCACAGTTC CAGAATGAGT TCTTTCAGTC GTCTAGCAT GTCCCCAACA 6600
CCTCTGATC GCTGCAATC ACCTGGAATG CTGGAACCCC TTGGCAGCTC TAGAACACCC 6660
ATGCTCTCTC TCCAGCAAGC CCGCGGCTCC ATGATGGATG GTCCAGGTCC CCGAATACCT 6720
GACCAACAGA GAACATCTGT GCAGAAAAAT CATGCTCAGT CCAGGATTGC ACTTCCCTG 6780
ACAGCTATCA GTCTTCCGAC CCGTCCGCTC CCTCCGTTCA TGTCTCTGC TGGCTTGTCT 6840
GCAAGAAATG CCGAGGTTCC AGCCCGGTTG CCTCTCATGA GTCTCAGAA CCGCAGGCTC 6900
GCCAAGCTTC CAGAGGAT TCTGCGAGC TCTGCGGAG CCATGAACCT AGCCAGGCTC 6960
AGGACAGCTC CCAATTCAC AGCAGTGAAC CTGGCTGACT CTGGAAGGCT AGCTGAGCA 7020
GCGCCATCA ACTTGGCCAG CCGCAGAAAC GCGGTGGCAG CTTCGGGTGT GAACTTGGCT 7080
GACCTCTCA CTCCACAGC CCGAGCTGTG AACCTAGCAG GCGCCAGAAC CCGAGGTGCT 7140
TTGGCAGCTT TGAATCTCAC AGGCTCTGGC ACACCAACAA CTGCTGCAAA CTATCTCTC 7200
AGCTCCAGAA CACCAAGGCT TCCAGCTCTT GCGCGGCTCC AGAAGCGCGG CAGCCTTGG 7260
GCCACAGCTC CTGTGAATAT TCGCGGCTCC TCTGGTGCAA ACTCACAG AGCCAGGGTG 7320
CTCAGAGTCT CTAGATGAG TGTCAAGTGGC AGAACCTCAC CAGCCTCTCT TGACCGAGCT 7380
CCCTTTCTCT CCTACAGGCT TCGCCCAAGC CAATCTAGGA TCACTCTGTA ACGGGCTCCC 7440
AGGTCAGAA CACCAAGGCT TCGAGGCTCT TCAAGTCTC TTCTGCTTCT AGCAGAGGAT 7500
TCTCTTCTCT CTAGAATGGG TCTGCTTTT TCAGACCAAT CCGGTTGTTT GATTGCCAG 7560
CAGGCGAGGT CTCTCTGCTT TCTGCTTTT TCAGACCAAT CCGGTTGTTT GATTGCCAG 7620
ACCAACCTCT TAGCAGGGCT TCAGTCCCTT TCTCTGGGG CAGTGGAAC GACCAAGTCT 7680

TTTGGTGGT	ATCACAATGG	CATGCTCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7740
CTGGGGGAGG	CACCTGCTCT	TACTGGGGGG	TAGTAGCTTT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7745
CTAGCAAAAG	ATGGGGGGAG	TTCTCTCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7750
TTATCATGCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7755
TTTAGCTCTT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7760
CTAAAGGAGG	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7765
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7770
TTTCTCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7775
TTTCTCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7780
AAAGAGGAGG	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7785
AGGAGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7790
TTAGCAAGGG	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7795
GAAGGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7800
CACGCTCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7805
GGAGGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7810
TTCTTTGAAC	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7815
TTTGTTCCTG	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7820
TTTGTTCCTG	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7825
CTAGGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7830
GAATTTGTAT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7835
GAGTTGGAAT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7840
TTTCTATGTT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7845
CTGTCAATAA	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	7850

Name: 305	Len: 2330	Check: 3AC		
TTTCTGCTCT	CAGTGCTGCT	TAGAGGTGCT	CTGCTGCTCT	60
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	120
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	180
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	240
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	300
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	360
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	420
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	480
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	540
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	600
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	660
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	720
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	780
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	840
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	900
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	960
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1020
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1080
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1140
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1200
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1260
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1320
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1380
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1440
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1500
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1560
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1620
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1680
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1740
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1800
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1860
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1920
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	1980
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	2040
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	2100
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	2160
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	2220
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	2280
CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	CTGCTGCTCT	2340

DCTGATTTTA CCCCCACAAT TAAAGTTGAA BGAATCCTGA 2372
 Name: 306 Len: 2020 Check: 1B22
 GGTATCGATG ACSTGGACAT TGACCTCCAC ATCAACATCA GCTTCTCGA TGAGGAAGTC 50
 TCTACAGCCT GGAAGGTCTT CCGGACAGAA CCTATTGTGT TGAGGCTGGG ATTTTCTCTC 120
 TCCCACTACC TAGATGGACC AGAACCATCC ATTGAGGTTT TCCAGCCATC AAATAAGGAA 130
 GGATTTGGGC TGGGTCTTCA GTTGAAAAAG ATCCTGGGTA TGTTTACATC CCAACAATGG 240
 AAACATCTGA GCAATGATTT CTTGAAGACC CAGCAGGAGA AGAGGACACG TTGTTCAAG 300
 GCAAGTGGTA CCATCAAGAA GTTCCGAGCT GGCTCAGCA TCTTTTCAAC CATCCCCAAG 360
 TCTCCCACTT TCCCTATCAT ACAGGACTCC ATGCTGAAAAG GCAAAATAGG TGTACCAGAG 420
 CTTCCGGTTG GCGCCTCAT GAACCGCTCC ATCTCCTGTA CCATGAAGAA CCCCAGAGTG 480
 GAACTGTTT GCTACCTCC CAGCCTCCAG GCAGGTCTCC TGTGCTCTCA GCACGTGGGC 540
 CTCCCTCCCC CAGCAGGAC CTCTCCTTTT GTCAGTGGTC ACTGCAAGAA CATCCCCACT 600
 CTGGAGTATG GATTCCTCGT TCAGATCATG AAGTATGCAG AACAGAGGAT TCCACATTG 660
 AATGAGTACT GTGTGGTGTG TGATGAGCAG CATGTCTTCC AAAATGGATC TATGCTGAAG 720
 CCAGCTGTCT GACTCGTGA ACTATGCGTT TTCTCCTTCT ACACACTGGG CGTCATGTCT 780
 GAGCTGCAG AGGAGGTGGC CACTGGAGCA GAGGTGGTGG ATCTGCTGGT GGCCATGTGT 840
 AGGGCAGCTT TAGAGTCCCC TAGAAAGAGC ATCATCTTTG AGCCTTATCC CTCTGTGGTG 900
 GACCCCACTT ATCCCAAGAC TCTGGCCTTT AACCTAAGA ASAAGAAATTA TGAAGGCTT 960
 CAGAAAGCTC TGGATAGTGT GATGTCTATT CCGGAGATGA CCCAGGGCTC ATATTTGGAA 1020
 ATCAAGAAAC AGATGGACAA GTTGGATCCC CTGGCCCATC CTCTCCTGCA GTGGATCATC 1080
 TCTAGCAACA GGTCACACAT TGTCAAACTA CCTCTCAGCA GGCTGAAGTT CATGCACACC 1140
 TCACACCAGT TCTCCTGCT GAGCAGCCCT CCTGCCAAGG AGGCTCGGTT CCGGACCGCC 1200
 AAGAAGCTCT ATGGCAGCAC CTTTGCCTTC CATGGGTCCC ACATTGAGAA CTGGCATTCG 1260
 ATCCTGCGCA ATGGGCTGGT CAATGCATCC TACACCAAAC TGCAGCTGCA TGGAGCAGCC 1320
 TATGGCAAG GCACTACCT GAGCCCCATC TCCAGTATTT CCTTTGGATA CTCAGGAATG 1380
 GGAAPAGGAC AGCAGAGGAT GGCCTCCAAG GATGAGCTGG TCCAGAGATA CAACAGGATG 1440
 AATACCATCC CCCAGACCCG ATCCATTCA TCAAGGTTCC TGCAGAGTGG GAATCTAAAC 1500
 TGTATAGCAC TTTGTGAAGT GATTACATCT AAGGACCTCC AGAAGCATGG GAACATCTGG 1560
 GTGTGCGCTG TGTCCGACCA TGTCTGCACA AGATTCTTCT TTGTATATGA GGATGGTCAG 1620
 GTGGGCGATG CCAACATTAA TACTCAGGAC CCCAAGATAC AGAAGGAAAT CATGCGTGTG 1680
 ATCGGAATC AGGTTTACAC AAACTGAGGG GGGCCCGAGC CTGTAACCAC CCCTGTTACC 1740
 CCAGGATCCA TCTGCCCTCA TAAAAGTGTT CAGGTACAGC AGCTGAGGCT GGCCTGAGGA 1800
 ATCAAGGGGC CATTACCAAG GGGCAGGAAA AGGATATGTA AGAGGTGGCC TTCATGGTAG 1860
 AGCTTGACCC AAGAAGTACT CCACATTCCG ATGGCCAGCA CTGACTCCAT CCCCTGACTT 1920
 TCCCTTTGAC TTCACCTGT TTGTAAATAA AACAATAAAA TGAAGGTGC TGTGGACTGG 1980
 AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA 2000

Name: 307 Len: 2268 Check: 12EC
 ATGGCTAGCG TCCACGAGAG CTTCTACTTC AATCCCATGA TGACCAATGG GGTTGTGCAC 60
 GCCAATGTGT TAGGCATCAA GGACTGGGTG ACGCCGTACA AGATCGCGGT GCTGGTGCTG 120
 CTGAACGAGA TGAGCCGCAC AGGCGAGGGC GCCGTACGCC TCATGGAGCG GCGGAGGCTC 180
 AACCACTGTC TCTGCCCCCT GCTGCAGGGC CCAGATATTA CACTGTCAA ACTTTACAAG 240
 TTAATTGAAG AGTCTTGTC ACAGCTGGCA AATTCAGTGC AGATCAGAAT CAAACTGATG 300
 GCTGAAGGCG AGTTGAAGGA TATGAAACAG TTTTGTGATG AACTTTTCTCT TTTTCTCTCT 360
 GGAAGTGAAC CAGAGGTTCA CAAAAAAGT GTAGTAGGTT TGTCTCTGCG TCACATGATC 420
 TTGGCTTACA GTAAGCTTTC TTTAGCCCAA GTGTTTAAAC TGTACACTGC CTTTACGACG 480
 TACTTCCAGA ATGGTGAGAA AAAGACAGTG GAGGATGCTG ATATGGAAGT GACCACTAGA 540
 GATGAGGCTG AAAGAAAAAT GGAAAAAGAA GAAGTTGATG TATCTGTAAG AGAAGAGGAG 600
 GTATCTTGCA GTGGGCTCT GTCCCAAAAA CAAGCAGAAT TTTTCTTTTC TCAACAGGCT 660
 TCTTTGCTAA AGAATGATGA GACTAAGGCG CTCACTCCAG CTCTCTGCA GAAGGAATTA 720
 AACAAATTTG TGAATTTTAA TCTGATTTT GCTGAAGCGC ATTATCTCAG CTACTTAAAC 780
 AACCTCGTG TCCAAGATGT TTTCACTTCA ACACACAGTC TCTTCCATTA TTTTATCGT 840
 CTGATCTTCA CCGGAGCGCA AAGCAAAAGT AATGGGGAAG AGGGCTATGG CCGGAGCTTG 900
 AGATACCGCG CTCTGAATCT TGCCGCTCTG CACTGCGGCT TCGGTCACTA TCAACAGGCA 960
 GAGCTCGCCC TGCAGGAGGC AATTAGGATT GCCCAGGAGT CCAACGATCA CGTGTGTCTC 1020
 CAGCACTGTT TGAGCTGGCT TTATGTGCTG GGGCAGAAGA GATCCGATAG CTATGTTCTG 1080
 CTGGAGCAT CTGTGAAGAA GGCAGTACAT TTTGGTTAC CGTACCTCG CTCCCTGGGA 1140
 ATACAGTCCC TTGTTCAACA GAGAGCTTTT GCTGGGAAGA CCGCAAAACA GCTGATGGAT 1200
 GCGCTAAAGG ACTCCGACCT CTTGCACTGG AAAACACAGCC TGTCAAGGCT CATCGATATC 1260
 AGCATCGCAC AGAAAAACGGC CATCTGGAGG CTGTATGGCC GCAGCACCAT GGCAGTGCAA 1320
 CAGGCCCCAGA TGTGCTGAG CATGAACAGC CTGGAGCGCG TGAATGCGGG TGTGAGCAG 1380
 AACAAACAG AGTCTTTTGC TGTGCACTC TGCCACCTCG CAGAGCTACA CGCGGAGCAG 1440
 GGTGTTTTTG CTGCACTTC TGAAGTGTTA AAGCACTTGA AGGAACGATT TCCGCTAAT 1500
 AGTCAGCACG CCGAGTTATG GATGCTATGT GATCAAAAAA TACAGTTTGA CAGAGCAATG 1560

AATGATGGCA	AAATATCATTT	GGGTGATPCA	CTTGGTTACAG	GAATCACAGC	TCTCAATAGC	1620
ATAGAGGGTG	TTTATAGGAA	AGGGTTGTGTA	TTACAAGCTC	AGAAACAAAT	GTGAGAGGDA	1630
CATAAGCTTT	TACAAAAAT?	GTTGTTTCAT	TGTGAGAAAC	TGAAGAACAC	AGAAATGGT?	1740
ATCAGTBTCC	TACTGTTCGT	GGCAGAGCTG	TACTGGCGAT	CTTCCTCCDC	TACCATGGC?	1810
CTGCCCATGC	TCTGTGAGGC	TCTGGCCTTC	TCCAAGGAGT	ACCGGTTACA	GTACTTGGCC	1860
TCTGAAACAG	TGCTGAACCT	GGCTTTTGCG	CAGCTCATTG	TTGGAATCCC	AGAACAGGCC	1920
TTAAFTCTTC	TCCACATGGC	CATCGAGCCC	ATCTTGGCTG	ACGGGGCTAT	CCTGGACAAA	1980
GGTCTGTCCA	TGTTCTTAGT	GGCCTACTGC	CAGGTGGCTT	CAGCAGCTTC	CTACGATCAG	2040
CCGAAGAAAG	CAGAAGTCT	GGAGGCTGCC	ATCGAGAAC	TCAATGAAGC	CAAGAACTAT	2100
TTTGCAAGG	TTGACTGCAA	AGAGCGCATC	AGGGACGTGC	TTTACTTCCA	GGCCAGACTC	2160
TACCATACCC	TGGGGAAGAC	CCAGGAGAGG	AACCGGTGTG	CGATGCTCTT	CCGGCAGCTG	2220
CATCAGGAGC	TGCCCTCTCA	TGGGGTACCC	TTGATAAAC	ATCTCTAG		2280

Name: 308

Len: 3176 Check: 1B22

GGTGTGGCG	GGGGC3CAAG	GGTGAGGGCG	GCCCCAGAAC	CCCAGGTA3G	TAGAGCAAGA	60
AGATGGTGTT	TCTGCCCCTC	AAATGGTCCC	TTGCAATCAT	GTCATTTCTA	CTTTCCTCAC	120
TGTTGGCTCT	CTTAACTGTG	TCCACTCCTT	CATGGTGTCA	GAGCACTGAA	GCATCTCCAA	180
AACGTAGTGA	TGGGACACCA	TTTCCTT3GA	ATAAAATACG	ACTTCCTGAG	TACGTCATCC	240
CAGTTCTATTA	TGATCTCTT3	ATCCATGCAA	ACCTTACCAC	GCTGACCTTC	TGGGGAACCA	300
CGAAAGTAGA	AATCAGAGCC	AGTCAGGCCA	CCAGCACCAT	CATCCTGCAT	AGTCACCACC	360
TGCAGATATC	TAGG3CCACC	CTCAGGAAGG	GAGCTGGAGA	GAGGCTATCG	GAAGAACCCC	420
TGCAGGTCTC	GGAAACACCC	CCTCAGGAGC	AAATTGCACT	GCTGGCTCCC	GAGCCCCTCC	480
TTGTGGGGCT	CCCGTACACA	GTTGTCTATC	ACTATGCTGG	CAATCTTTCG	GAGACTTTTC	540
ACGGATTTTA	CAAAAGCACC	TACAGAACCA	AGGAAGGGGA	ACTGAGGATA	CTAGCATCAA	600
CACAATTTGA	ACCCACTGCA	GCTAGAATGG	CCTTTCCCTG	CTTTGATGAA	CCTGCCTTCA	660
AAGCAAGTTT	CTCAATCAAA	ATTAGAAGAG	AGCCAAGGCA	CCTAGCCATC	TCCAATATGC	720
CATTGGTGAA	ATCTGTGACT	GTTGCTGAAG	GACTCATAGA	AGACCATTTT	GATGTCACGT	780
TGAAGATGAG	CACCTATCTG	GTGGCCTTCA	TCATTTTACA	TTTTGAGTCT	GTGAGCAAGA	840
TAACCAAGAG	TGGAGTCAAG	GTTTCTGTTT	ATGCTGTGCC	AGACAAGATA	AATCAAGCAG	900
ATTATGCACT	GGATGCTGCG	GTGACTCTTC	TAGAATTTTA	TGAGGATTAT	TTCAGCATAC	960
CGTATCCCCCT	ACCCAAACAA	GATCTTGCTG	CTATTCCCGA	CTTTCAGTCT	GGTGCTATGG	1020
AAAACCTGGGG	ACTGACAACA	TATAGAGAAT	CTGCTCTGTT	GTTTGATGCA	GAAAAGTCTT	1080
CTGCATCAAG	TAAGCTTGGC	ATCACAATGA	CTGTGGCCCA	TGAACCTGGC	CACCAGTGGT	1140
TTGGGAACCT	GGTCACTATG	GAATGCTGGA	ATGATCTTTG	GCTAAATGAA	GGATTTGCCA	1200
AATTTATGGA	GTTTGTGTCT	GTCAGTGTGA	CCCATCCTGA	ACTGAAAGTT	GGAGATTATT	1260
TCTTTGGCAA	ATGTTTTGAC	GCAATGGAGG	TAGATGCTTT	AAATTCCCTCA	CATCCTGTGT	1320
CTACACCTGT	GGAAATCCTT	GCTCAGATCC	GGGAGATGTT	TGATGATGTT	TCTTATGATA	1380
AGGGAGCTTG	TATTCTGAAT	ATGCTAAGGG	AGTATCTTAG	TGCTGACGCA	TTTAAAGTG	1440
GTATTGTACA	GTATCTCCAG	AAGCATAGCT	ATAAAAATAC	AAAAAACGAG	GACCTGTGGG	1500
ATAGTATGGC	AAGTATTTGC	CCTACAGATG	GTGTAAGAGG	GATGGATGGC	TTTTGCTCTA	1560
GAAGTCAACA	TTCATCTTCA	TCCTCACATT	GGCATCAGGA	AGGGGTGGAT	GTGAAAACCA	1620
TGATGAACAC	TTGGACACTG	CAGAAGGGTT	TTCCCTTAAT	AACCATCACA	GTGAGGGGGA	1680
GGAAATGTACA	CATGAAGCAA	GAGCACTACA	TGAAGGGCTC	TGACGGCGCC	CCGGACACTG	1740
GGTACCTGTG	GCATGTTCCA	TTGACATTCA	TCACCAGCAA	ATCCGACATG	GTCCATCGAT	1800
TTTTGCTAAA	AACAAAAACA	GATGTGCTCA	TCTTCCCGA	AGAGGTGGAA	TGGATCAAA	1860
TTAATGTGGG	CATGAATG3C	TATTACATTG	TGCATTACGA	GGATGATGGA	TGGGACTCTT	1920
TGACTGGCCT	TTTAAAAGGA	ACACACACAG	CAGTCAGCAG	TAATGATCGG	GCGAGTCTCA	1980
TTAACAATGC	ATTTTCAGCTC	GTGAGCATTG	GGAAGCTGTC	CATTGAAAAG	GCCTTGGATT	2040
TATCCCTGTA	CTTGAAACAT	GAAACTGAAA	TTATGCCCGT	GTTTCAAGGT	TTGAATGAGC	2100
TGATTCCTAT	GTATAAGTTA	ATGGAGAAAA	GAGATATGAA	TGAAGTGGAA	ACTCAATTCA	2160
AGGCTTCTCT	CATCAGGCTG	CTAAGGGGAC	TCATTGATAA	GCAGACATGG	ACAGACGAGG	2220
GTCTASTCTC	AGAGCGAATG	CTGCGGAGTC	AACTACTACT	CCTCGCCTGT	GTGCACTAAT	2280
ATCAGCCTGT	CGTACAGAGG	GCAGAAAGCT	ATTTGAGAAA	GTGGAAGSAA	TCCAATGGAA	2340
ACTTGAGCCT	GGCTGTG3AC	GTGACCTTGG	CAGTGTCTTC	TGTGGGGGGC	CAGAGCACAG	2400
AAGGCTGGGA	TTTTCTTTAT	AGTAAATATC	AGTTTTCTTT	GTCCAGTACT	GAGAAAAGCC	2460
AAATTGAATT	TGCCCTCTGC	AGAACC3CAA	ATAAGSAAAA	GCTTCAATGG	CTACTAGATG	2520
AAAGCTTTTAA	GGGAGATAAA	ATAAAAACTC	AGGAGTTTTC	ACAAATTCTT	ACACTCATTG	2580
GCAGGAACCC	AGTAGGATAC	CCACTGGCCT	GGCAATTTCT	GAGGAAAAAC	TGGAACAAAC	2640
TTGTACAAAA	GTTTGAACCT	GGCTCATCTT	CCATAGCCCA	CATGGTAATG	GGTACAACAA	2700
ATCAATTCTC	CACAAGAACAA	CGGCTTGAAG	AGGTAAAAGG	ATTCTTCAGC	TCTTTGAAAG	2760
AAAATGGTTC	TCAGCTCCCT	TGTGTCCAA	AGACAATTGA	AACCATT3AA	GAAAACATCG	2820
GTGATGAAAA	ATTCTCTCCT	TGCCAGGTTT	CTGTTATCTC	TAATCAACCA	CATTTTGTGG	2880
AGTGTATTTT	CAAACTAGAG	ATGGCTGTTT	TGGCTCCAAC	TGGAGATACT	TTTTTCTCTT	2940

GAATTCATTT	TTTAAATATC	CCCTGTAAAA	GAATAGCTGT	TAGTTTTTCA	TGAATGGGCT	3140
TTTTCATGAA	TGGGCTATCG	CTACCATGTG	TTTTGPTCAT	CACAGGTGTT	GCCTGTGCAAC	3141
GTAAA TCAAA	GTGTTGGGTT	CCCTGTCAACA	GAAGAATAAA	GTACCTTATT	CTTCTC	3176

Name: 109 Len: 2059 Check: 1013

GGGGGGGCA	AGCGATCCT	GCTCCGGCG	ACACTGCGTG	CCCCTGGCAG	CAGAGAGGCG	50
GTGAGGCACT	TTACGGCGCG	ACGTAAGTGC	GTGACGCTCG	TGAGTGGCTT	CAGTTCCACAS	100
GTGGGCGCGG	SASGFGGTT	GCTGTGTTTG	TGCTTCCTTC	TACAGCCAAT	ATGAAAAGGC	150
CTAATTTAAA	GAATTCAGT	AAACGCTATG	CCTGCCATAA	GCGGTATAAA	ATCCAPAAAA	200
AGGTTTGAGA	ACATCATCGA	AAATTAAGAA	AGGAGGCTAA	AAAACAGGGT	CACAAGAAGC	250
CTAGGAAAGA	CCCAAGAGTT	CCAAACAGTG	CTCCCTTTAA	GGAGGCTCTT	CTTAGGSAAG	300
CTGAGCTAAG	GAATTAGAGG	CTTGAAGAAC	TAAACACAGC	GCAGAAACTT	GACAGGCAGA	350
AGTAAGTAGA	AAAGAAAAGA	AAACTTGAAA	CTAATCCTGA	TATTAAGCCA	TCAAATGTGG	400
AGGCTATGGA	AAAGAGTATT	GGGCTTTTGA	AAACTGAGAA	CAAGGCAAG	TGGGGCAAC	450
AGGATTCAAA	GAAGCTGTAC	TGCCAAGAAC	TTAAAAAGGT	GATTGAAGCC	TCCGATGTTG	500
TGCTAGAGGT	GTGGGATGCC	AGAGATCCTC	TTGGTTGCAG	ATGTCTCAG	GTAGAAGAGG	550
CCATTGTCCA	GAGTGGACAG	AAAAAGCTGG	TACTTATATT	AAATAAATCA	GATCTGGTAC	600
CAAAGGAGAA	TTTGAGAGC	TGGCTAAATT	ATTGAAGAA	AGAATTGCCA	ACAGTGGTGT	650
TGAGAGGCTC	AACTAAGCCA	AAGGATAAAG	GGAAGATAAC	CAAGGCTGTG	AAGGCAAGAA	700
AGGATGCTGC	TCCATTGAGA	AGTGAATCTC	GCTTTGGGAA	AGAGGGCCTT	TGGAAACTTC	750
TTGGAGGTTT	TCAGGAAACT	TGCAGCAAAG	CCATTGCGGT	TGGAGTAATT	GGTTTCCCAA	800
ATGTGGGGAA	AAGTAGCATT	ATCAATAGCT	TAAACAAGA	ACAGATGTGT	AATGTTGGTG	850
TATCCATGGG	GCTTATCAAG	AGCATGCAAG	TTGTCCCCTT	GGACAAACAG	ATCACAATCA	900
TGATAGTCC	GAGCTTCATC	GTATCTCCAC	TTAATTCCTC	CTCTGCGCTT	GCTCTGCGAA	950
GTCCAGCAAG	TATTAAGTA	GTAAACCGA	TGGAGGCTGC	CAGTCCCATC	CTTTCCAGG	1000
CTGATGCTCG	ACAGGTAGTA	CTGAAATATA	CTGTCCCAGG	CTACAGGAAT	TCTCTGGAAT	1050
TTTTTACTAT	GCTTCTCAG	AGAAGAGGTA	TGCACCAAAA	AGGTGGAATC	CCAAATGTTG	1100
AAAGTCTGCG	CAAACTGGTG	TGGTCTGAGT	GGACAGGTGC	CTCATTAGCT	TACTATTGCC	1150
ATGCGCGTAC	ATCTTGGACT	CCTCCTCCAT	ATTTTAATGA	GAGTATTGTG	GTAGACATGA	1200
AAAGCGGCTT	CAATCTGGAA	GAAGTGGAAA	AGAACAATGC	ACAGAGCATA	AGAGCCATCA	1250
AGGCGGCTCA	TTTGCGCAAT	AGCATCCTTT	TCCAGTCTTC	CGGTCTGACA	AATGGAATAA	1300
TAGAAGAAAA	GGACATACAT	GAAGAATTGC	CAAAACGGAA	AGAAAGGAAG	CAGGAGGAGA	1350
GGGAGGATGA	CAAGACAGT	GACCAGGAAA	CTGTTGATGA	AGAAGTTGAT	GAAGACAGCT	1400
CAGGCGATGT	TGCTGCGAGAA	GAGACAGGGG	AGGCACCTCT	GAGGAGACTA	CAGCAGGTGA	1450
ACAGTCTACA	AGGTCTTTTA	TCTTGATAA	AATCATTGAA	GAGGATGATG	CTTATGACTT	1500
CAGTACAGAT	TATGTCTAAC	AGAACAATGG	CTTTTATGA	TTTTTTTTTT	TAACATTTTA	1550
AGCAGACTGC	TAAAGTGTTC	TCTGTATAAG	TTATGGTATG	CATGAGCTGT	GTAAATTTTG	1600
TGATATATGA	TTATATTAAA	ACCAGGCAAC	TTGGAATCCC	TAAATCTGT	AAAAAGACAA	1650
TTATCTCAT	TGTGAGTGA	AGTAGTTATC	TGGAATAAAA	AAAGAAGATA	CCTATTGAAA	1700
AAAAAATAAA	AAAAAATAAA					2059

Name: 31 Len: 550 Check: 2010

TCAGACTCTC	CTGTTGGCG	CAGTCAGCTC	GGTCCCTTCC	AGCAACCATG	TCTGACAAAC	50
CCGATATGGC	TGAGATGAG	AAATTCGATA	AGTCGAAGTT	GAAGAAAAA	GAAGAAACA	100
AGAAAAATCC	TCTGCTTCA	AAAGAAACAA	TTGAACAAGA	GAAGCAAGCT	GGCGAATCGT	150
AATGAGGCGA	GCGGCTAAT	ATGCACTGTA	CATTCCACGA	GCATTGCTTT	CTTATTTTAC	200
TCTTTTATGC	TGTTTAACTT	TGTAAGATGC	AAAGAGGTTG	GATCAAGTTT	AAATCGACTG	250
TGCTGCGGCT	TTCACATCAA	AGAATCAGAA	CTACTGAGCA	GGAGGCGCTC	CCCTGCTCTT	300
CCGACCCATC	TGATGCTCTG	GCTAGCAGAG	AGGGAAGAGA	ACTTGCACTG	TGGTGAAGGA	350
AAAAAGCTGG	TGGGAGATGA	TGAATNGAGA	GGAAAAATTC	AAGATGGTCC	AAGATGCTCT	400
GGGAGGATGT	AAATGCGAGT	TTTAATCAGA	GTGGCATTTC	TTTTTTGGTT	CAAAACAATT	450
CAATTATGGG						550

Name: 310 Len: 2238 Check: 1154

GGTGGGGG	TGGGAGTCC	CGCCAGTGCG	AGCGCAACGG	AGGTGGAAGG	GTTTCAGACT	50
CTTAGTTGAA	CGCGGAGCTG	CGCGGGCTAT	GCTGTGGAGC	GGGTGCGGCG	GTTTCGGGCG	100
GGGCTGCGGC	TGCTTGGCG	GCGGTCTCGC	GGTCTCTGTC	CAGAGCGGCG	ACCGGAGGTT	150
GAGCTGCTGC	ATCGAGGCTT	CCATGGGACT	TAATGAAGAG	CAGAAAGAA	TTCAAAAGT	200
TGCTTTTAC	TTTGTTGGCG	GAGAGATGGC	TCCAAATATG	GCAGAGTGGG	ACCGAAGGGA	250
GCTGTTGGCA	GTGGATGTGA	TGCGGAAGGC	AGCCAGCTA	GGGTTGGGAG	GGGTCTACAT	300
ACAAACAGAT	GTGGGCTGGT	CTGGGCTGTC	ACGTCTTGAT	ACCTCTGTCA	TTTTTGAAGC	350
CTTGGCTACA	GGCTTACCCA	GCACACAGC	CTATATAAGC	ATCCACAACA	TGTTGCTCTG	400
GATGATTGAT	AGCTTGGGAA	ATGAGGAACA	GAGGCACAAA	TTTTTGGTAC	CGCTCTGTAC	450
CATGGAGAAG	TTTGCTTCTC	ACTGCTCAC	TGAACAGGA	AGTGGGAGTG	ATGCTGCTCT	500
TCTTCTGACC	TGCGCTAAGA	AACAGGGAGA	TCATTACATC	CTCAATGGCT	CCAGGCGCTT	550
CATCAGTGST	GCTGGTGAAT	CAGACATCTA	TGTGGTCTATG	TGCGGAACAG	GAGGACAGG	600

CCCCAAGGGG ATCTCATGCA TAGTTSTTGA GAAGGGGACC GCTGGGCTTA GCTTTGGCAA 780
GAAGGAGAAA AAGGTSSGGT GGAATCTCCA GCCAACACGA GCTGTGATCT TCGAAGACTG 840
TGCTGTCCCT GTGCTTAACA GAATTGG3AG CGA3GGGCAG GGCTTCCTCA TTGCCGT3AG 900
AGGACTSAAC GGAGGGAGGA TCAATATTGC TTCTGTCTCC TTGGGGGCTG CCGAGGGCTT 960
TCTCATCCTC ACCGAGAGAC ACCTCAATGT CCGGAAGCAG TTGGGAGAGC CTCTGGGCCAG 1020
TAACCASTAC TTGCAATTCA CACTGGCTGA TATGGCAACA AGGCTGCTGG CCGGGGGGCT 1080
GATGCTCCG3 AAT3CAG3AG TGGCTCTGCA GGAGGAGAGG AAGGAT3CAG TGGCTT3TG 1140
CTTCATGGG3 AAGCTCTTT3 CTACAGATGA ATGCTTTGCC ATCTGCAACC AGGCTT3GA 1200
GAT3CAG3G3 GGCTAGGGCT ACCTGAAGGA TTAGGCTGTT CAGGAGTACG TGGGGGACTT 1260
CAGG3T3CAG CAGATTCTAG AAGGTAGCAA TGAAGT3ATG AGGATACTGA TCTCTAGAA3 1320
CCTGCTT3AG GASTAGAACC CACACTTGT TTGGGCTGCT GTTCAGTGG3 ACTGCACTCA 1380
GTSTT3AGT3 TCTCATGTG GGCGGCTGTA TTCCAAAGGA ATCATGGAIT AGACCCAAAG 1440
ACTGGGGCAG AATCCCGAST GGAACCGGAA GAGCTGGACT GATGAGAAAC ATCAGAAGAA 1500
TACATACTAC CTTGTTTTTC TAATGCCAGA AGGCTGACCA GTGAAGATTG ACGTCAAA 1620
CATGAAAGTC CTTTCTTGGG TCCACTTTAT CTTGATTAGT CTGCATTTTA CTAGTTCACT 1680
GGATCCCTCC TCTAGGGGCC TGGGGACTTT CACTGATGCT CTTCTGTATT CTAGAGCAA 1740
GCTGTGGGAA GG3AAT3G AGGAATGCC TCTGTCTGT GTGCTTCTCT GTGGCAGAG 1800
TACAGATGCA GAAGGTTTCT CTGGATAGCA CACCTCTGAA TGTAATCAT GATAAATGG 1860
ATATTGGAA ACTTACTCT AAGCTGTGAT GTAGGGTGTA TTTCTACTTC TGGACTGCCT 1920
CAATATCAAG GGCTGAGACT TTTGAATGTT GAATATTCTG TGGGTTTCAT GTTAAGACGC 1980
CTGTGGTCCA GGAGTGCTAT TCAGTGTTC TGTTCTGAT AAACACTTTG AATATTTTTT 2040
TGTGTTTTTG TTTCTTTTC TGAAGCTGTT CCTCCTTTTA AATATTTTTA ATCATTGA 2100
TAAATCTAT CTTTCATCCA CCTCTGGTTC TACTATAGTT GATTTTTATT TTAAATGTTT 2160
AATTGATTTT GATTAAACAC TTAAGTGAT TTTGGAATAA TAAACTCTC GTCCAATTTG 2220
GTTTTTAAAA AAAAAAAA 2233

Name: 311 Len: 3334 Check: 1CA
CGGAGGAGGC CCAGAGACCG GAGCGCGAG ACCTCAGCCA GCGGCGTACG CCGAGGGCCTT 60
TCTCCACCGG AGGACCCAGG AACCGCAGTC TTCATCACAG AGGTACCGTG CTCCGGGCTC 120
CCCGCCTGAC CCGGCCAGC CCGCTGCGGC GGTGCCTCCT TCCTTCCTCC TTCCCTGGCG 180
CTCTCTCTTT CGCCCGGCCG CCGCTTCCCT GCGCGCCTGC GTCACCGCGG CCGCCATGGC 240
TGAGAATGGC GAGAGCAGCG GCGCCCGCG CCGCTCCCGC GGCCCTGCTG CCGCCCAAGG 300
CTCGGCTGCT GCGCCGGCTG AGCCTAAAAT CATCAAAGTC ACGGTGAAGA CTCCCAAAGA 360
GAAAGAGGAG TTCGCGGTGC CCGAGAACAG CTCGGTTTCA CAGTTTAAGG AAGCGATTTC 420
GAAACGCTTC AAATCCCAAA CCGATCAGCT AGTGTGATT TTTGCCGGAA AAATCTTAAA 480
AGATCAAGAT ACCTTGATCC AGCATGGCAT CCGATGAGG CTGACTGTTT ACCTTGTCAT 540
CAAAAGCCAG AACCGACCTC AGGGCCAGTC CACGCAGCCT AGCAATGCCG CCGGAACATA 600
CACTACCTCG GCGTCGACTC CCGAGGATTA CTCCACACT ATTTCCACAA ATAGCAACCC 660
GTTTGGGTTG GGGAGCCTGG GAGGACTTGC AGGCTTAGC AGCCTGGGCT TGAGCTCGAC 720
CAACTTCTCT GAGCTCCAGA GCGAGATGCA GCAGCAGCTT ATGGCCAGCC CTGAGATGAT 780
GATCCAAATA ATGGAAATC CCGATGATGA GCAATTGATT CAGAGAAACC CAGAAATCAG 840
TCAGCTGCTC AACAAACCCAG ACATAATGAG CGCAGACTC GAGAAATGCCA GGAATCCAGC 900
CATGATGCAA GAGATGATGA GAGATCAAGA CCGGCTCTT AGCAATCTAG AAAGCATCC 1020
AGGTGGCTAT AATGCTTTAC GCGCATGTA CACTGACATT CAAGAGCCGA TGCTGAATGC 1080
CGCACAAGAG CAGTTTGGGG GTAATCCATT TCGCTCCGTG GGGAGTAGTT CCTCTCTG 1140
GSAAGGTACG CAGCTTCCC GCACAGAAAA TCGCATCCA CTACCAATC CATGGGCACC 1200
ACCGCCAGCT ACCAGAGTT CTGCAACTAC CAGCAGACC ACAAGCACTG GTAGTGGGTC 1260
TGGCAATAGT TCCAGCAATG CTACTGGGAA CACCGTTGCT GCGGCTAATT ATGTGGCCAG 1320
CATCTTTAGT ACCCGAGGCA TCGAGAGCCT GCTGCAACAG ATAACTGAAA ACPCCGAGCT 1380
GATTCAGAAT ATGCTGTGG CCGCTTACAT GAGAAGCATG ATGCAGTCGC TGAGCCAGAA 1440
TCCAGATTTG GCTGACAGGA TGAATGAGAA TAGCCGCTG TTTACTGCAA ATCTCTAGCT 1500
GCAGGAGCAG ATGGGGCCAC AGCTCCAGC CTTCTGTCAG CAGATGCAGA ATCCAGACAC 1560
ACTATCAGOC ATGTCAAAAC CAAGAGCAAT GCAGGCTTTA ATGCAGATCC AGCAGGGGCT 1620
ACAGACATTA GCGACTGAAG CACCTGGCCT GATTCGAGC TTAAGTCCAG GTGTGGGGGT 1680
GGGGGT3CTG GGAACCGCTA TAGGCGCTGT AGGCGCAGTC ACCCGCATAG GCGCCATAGG 1740
CCCTATAGTC CTTTTTACCC CCGATAGGCC CATTGGGCCC ATAGGACCCA CTGGGCTGTC 1800
AGCGCGCGCT GGCTCCACCG GTCTGCTGG CCGCACGGGG CTTACTGTGT CAGGCTGTC 1860
ACCTAGAGAA ACCAGAGTC CTACATCAGA ATCTGGACCC AACGAGCAGT TCATTGAGCA 1920
AATGCTGAG GCGCTGGCTG GAGCAAATGC TCCAGAGCTG CCGAATCCAG AAGTCAGATT 1980
TCAGCAACAA CTGGAACAGC TCAACGCAAT GGGGTTCTTA AACCGTGAAG CAAACTTGCA 2040
GGCCCTAATA GCAACAGGAG GCGACATCAA TGCAGCCATT GAAAGGCTGC TGGGCTCCCA 2100
GCCATCGTAA TCACATTTCT GTACCTGGAA AAAAAATGTA TCTTATTTTT GATAATGGCT 2160

CTTAAATTTT	TAAACACACA	CACAAAATCG	TTCTTTACTT	TCATTTTGT	TCTTTTAART	2321
CTGTCTAGTT	GTAAGTCTAA	TATGATGCAT	TTTAAGATGG	AGTCCCTCCC	TCCTACTTCC	2340
CTCACTCCCT	TTCTCCITTT	CTTATTTTTT	CTACCTTCCC	TTCCCTCTTT	CTCCCCACTC	2341
CCTCCCTCTT	TGTTTTCTTC	CTTCTTTATT	TCCTTTAGTT	TCCTTCCTTA	GGCGTTTTTA	2400
GTGCTGGGAA	TCAATGCTG	TTTCACTCAA	AAGTGTTCGA	TGCAAAACCT	TCTCTTTATT	2450
CTGCATTAT	TGTGATTTTT	GGAAACAGGT	ATCAACCTTC	ACAGGTTCGG	TGCAACAAGT	2520
GTTTCTCTAC	AGATGTCCAA	TTTATTTGCA	TTTTTAAACA	TTAGCCTATG	ATAGTAATTT	2580
AATGTAGART	GAAGATATTA	AAACCAGAAG	CAAAATTATT	GAAGCCTCT	AATTTGTGGT	2641
ACGATATTGG	CTTATTSTGA	CTTTGGCAKG	TAITTTTGT	AGCAAAATTC	TGTAAGATTT	2700
ATACCAITGA	TCTTTTTTGC	TATATTTSTA	TACAGTACAG	TAAACCAART	TGGCCCTGTA	2760
CATCTAATAA	TATTACAGTA	GAATCTGAGT	GTAATATSTG	TAACCAART	GAGAAAGAAT	2820
ACAAGAAATG	TTTCTGGAGC	TAGTTATGTC	TCACAATTTT	GTAGAATCTT	ACAGCATCTT	2880
TGATAAACTT	CTCAGTGAAA	ATGTTGGCTA	GGCAAGTTCA	GTAAAAACAT	AGTACAAATG	2940
ITTATCCTGG	CATCTCTAAG	TACACATTTA	ATTGCACAGA	AAATTTACAG	TGTAACATTG	3000
CCTCAACATT	TGCAGATTGA	CTGCATATGA	CCTTAATCTT	TGTGCAGCCT	GAAGGATCAG	3060
TGTAGTAATG	CCAGGAAAGT	GCTTTTTTACC	TAAGACTTCC	TTCTCAGCTT	CTCCCATAAA	3120
CAGACCCTAA	TATGCATTTT	GATTTGTAAT	TGGAAATSTA	ACTTTCTCTG	AAAGTGTGAT	3180
GTGATGTTTT	CATTACTTTT	AACTGCTATG	TATAAAGGAA	AGTGTGTCTT	TTGACTTCAT	3240
CAGTTATTTT	TCTTGCGCCC	ACAGAAAAAT	GCATTAAAAA	TGACTAAAAA	AAATAAAAAA	3300
TTAAAAARTG	GAAAAAATAA	AAAAAATAAA	AAAA			3334

Name: 311 Len: 1701 Check: 1755

GGAAACAAG	CTGGAGCTCC	ACCGCGGTGG	CGGCGCTCT	AGAAGTAGTG	GATCCCCCGG	60
GCTGCAGGAA	TTCCGGCACGA	GCAGAAGAGG	GGGCTAGCTA	GCTGTCTCTG	CGGACCAGGG	120
GAGACCCCGC	GCCCCCCCCG	TGTGAGGCGG	CCTCACAGGG	CCGGGTGGGC	TGGCGAGCCG	180
ACGGGGCGGC	GGAGGAGGCT	GTGAGGAGTG	TGTGGAACAG	GACCCGGGAC	AGAGGAACCA	240
TGGCTCCGCA	GAACCTGAGC	ACCTTTTGGC	TCTTCTGCT	ATACCTCATC	GGGGCGGTGA	300
TTCCCGGACG	AGATTTCTAT	AAGATCTTGG	GGGTGCTCTG	AAGTGCCTCT	ATAAAGGATA	360
TTAAAAAGGC	CTATAGGAAA	CTAGCCCTGC	AGCTTCATCC	CGACCGGAAC	CCTGATGATC	420
CACAAGGCCA	GSAGAAATTC	CAGGATCTGG	GTGCTGCTTA	TGAGGTCTCT	TCAGATAGTG	480
AGAAACGGAA	ACAGTACGAT	ACTTATGGTG	AAGAAGGATT	AAAAGATGGT	CATCAGAGCT	540
CCCATGGAGA	CATTTTTTCA	CACTTCTTTG	GGGATTTTGG	TTTCATGTTT	GGAGGAACCC	600
CTGCTCAGCA	AGACAGAAAT	ATTCCAAGAG	GAAGTGATAT	TATTGTAGAT	CTAGAAGTCA	660
CTTTGGAAGA	AGTATATGCA	GGAAATTTTG	TGGAAGTAGT	TAGAAACAAA	CCTGTGGCAA	720
GGCAGGCTCC	TGGCAAACGG	AAGTGCAATT	GTCGGCAAGA	GATGCGGACC	ACCCAGCTGG	780
GGCCTGGGGC	CTTCCAAATG	ACCCAGGAGG	TGGTCTGCGA	CGAATGCTCT	AATGTCAAAC	840
TAGTGAATGA	AGAACGAACG	CTGGAAGTAG	AAATAGAGCC	TGGGGTGAGA	GACGGCATGG	900
AGTACCCCTT	TATTGGAGAA	GGTGAGCCTC	ACGTGGATGG	GGAGCCTGGA	GATTTACGGT	960
TCCGAATCAA	AGTTGTCAAG	CACCCAATAT	TTGAAAGGAG	AGGAGATGAT	TTGTACACAA	1020
ATGTGACAAT	CTCATTAGTT	GAGTCACTGG	TTGGCTTTGA	GATGGATATT	ACTCACTTGG	1080
ATGGTCACAA	GGTACATATT	TCCCAGGATA	AGATCACCAG	GCCAGGAGCG	AAGCTATGGA	1140
AGAAAGGGGA	AGGGCTCCCC	AACTTTTGACA	ACAACAATAT	CAAGGGCTCT	TTGATAATCA	1200
CTTTTGAATG	GGATTTTCCA	AAAGAACAGT	TAACAGAGGA	AGCGAGAGAA	GGTATCAAAC	1260
AGCTACTGAA	ACAAGGGTCA	GTGCAGAAAG	TATACAATGG	ACTGCAAGGA	TATTGAGAGT	1320
GAATAGAAAT	GGACTTTGTT	TAAAATAAGT	GAATAAGCGA	TATTTATTAT	CTGCAAGGTT	1380
TTTTTGTGTC	TCTTTTGTG	TTTATTTTCA	ATATGCAAGT	TAGGCTTAAT	TTTTTTATCT	1440
AATGATCATC	ATGAAATGAA	TAAGAGGGCT	TAAGAATTTG	TCCATTTGCA	TTCGGAAAAG	1500
AATGACCAGC	AAAAGGTTTA	CTAATACGTC	TCCCTTTGGG	GATTTAATGT	CTGGTGCTGC	1560
CGCTGAGTT	TCAAGAATTA	AAGCTGCAAG	AGGACTCCAG	GAGCAAAAGA	AACACAATAT	1620
AGAGGTTTGG	AGTTGTTAGC	AATTTGATTC	AAAATGCCAA	CTGGAGAAAT	CTGTTTTTTAA	1680
ATACATTTTG	TTGTTATTTT	T				1701

Name: 313 Len: 5956 Check: 1313

GGGAGAGACA	CTTCTTTGTC	TGGGATTCCA	ACCAGCTCTG	TCCTTAGCTT	GTCTCTGCTT	60
AGCAGTSTTG	CCCAAAGTAA	TTTTCCACAA	GGTCTGCTGG	CTTCCGAAAT	GGTTTCTAAT	120
CAGCTCTCTA	ATTTGCTGGT	TCAACCAACA	TCCAGGCGAG	TTCCAGAGAA	CTTGGTTCCA	180
GAAGTCAAAA	AGGATCGTAA	GGCAGGAAGT	GCTCTTCCCG	GATTTGCTAA	TAGCCCTGCT	240
GGAGGACAAA	GTGTGGTGT	AGTTCCACCT	GCACACGGCA	CCCTGCTGCT	TGATGGTAAT	300
AAGGCAAAAC	ATTCCAGTCA	TCAGGAAGAC	ACTTACGGAG	CCCTAGATTT	TGCCTTAAGC	360
AGGACTTTGG	AAAATCCTGT	AAACGTGTAC	AACCGTCTCC	ATTCTGACAG	CCTCGCTTCT	420
CAGCAAAAGT	TTGCCAGTCA	TCCCAGACAA	TCTGGGCTTG	GGGGGCTTAA	CCTTGACCGT	480
TTTTATCAGC	AGGTCAAGAA	AGATGCCCCAG	GGCGAGCTTG	GGCTCGAAAG	AGCCCAGCAG	540
GAGCTGGGCG	CACCCAGCAG	ACAGGCTTCT	CCCCAGAAAC	TACCCAAAGC	CATGTTTTTC	600
GAGCTGTCAA	ATCCAGAAAG	TCTGCCCGCA	CAGGACAGG	CCCAGAACTC	AGCACAGTCA	660
CCAGCAAGTC	TGGTTCTGGT	CGACGCGGGT	CAGCAGCTGC	CCCTCGGGCC	TCCTCAGTCC	720

CTTAGCGTGT	CTCTGCTGT	CAGTGGATCC	GGCAGGCGAG	CTCTGCTGT	AGAGCAGCGG	731
TGBCDADA	CAGTGGCTGC	ACTTGGCTGC	GGCAGGCGAG	CTCAGGAT	GGCAGGCTAG	841
TACTACTA	GGCCTTTGTA	CGATGGCTAC	CAGGCTCAGT	CTCTTTTGG	GTATCCAGCG	901
GAGCCTGGCG	CAGCCTCCCT	CTATTACCA	GATGTCTACA	CTCTCTATTA	GCTTCGATAC	961
AGGCTCTATG	ATGGTGTCTG	GTCTGCTTAC	GGCAGGAACT	AGCCTATAG	CGAGCCCGAG	1021
CGGCTCCAGT	CCCGAGCCAG	CCACTCCCTG	GAAAGGCGAG	CTCCAGGCA	AGGATATCCT	1081
GAAGGATACT	ATAGTTCCAA	AAGTGGATGG	AGCAGTCAGA	CTGATTAATA	TGCAAGCTAT	1141
TACTCCAGCG	ASTACGATTA	TGGAGATCA	GGTACTGGG	ATGCTTACCA	CTACAGTCT	1201
AGASTCAGGG	ACCCCGCGAC	CTATGACTGG	AGGTATTGG	CTGATGCAGA	GTATGAGGCA	1261
TACAGGAGAG	AGCACTCTGC	CTTGGGGGAG	AGGCTCCAGG	AACTGATTA	CAACTGGAGG	1321
TACGATCTCT	GCTTCCAGGG	GAGTTTTGAC	GATGACCCCG	ATGCTCAGAG	AGACCTTTAT	1381
GGGGAAGAGG	TGGAGCGGG	CAGCGTCCAC	AGCAGCACT	CGGCTCAGAG	CTGCTCAGAG	1441
GCACACAGCG	TGGCCAGCCG	CGGAGGAGAG	CTCAGCTCCG	ATGCTCAGAG	GAGTCAGATT	1501
TACAGAAGCG	ACAATGTGGC	TGGCGGTTCC	TACGAGGCGG	CGCTTCTCTG	AGGCTCCTTT	1561
CACGGCGATT	TTGCTTACGG	CACCTACCGC	AGCATTTTCA	CGAGTGGGCG	CGGCTTCCCA	1621
GAGTATGGCT	ACCCTGCGCA	CACCGTCTGG	CTTCCCATGG	AGCAAGTTTC	ATCAAGACCA	1681
ACTTCTCTCT	AAAAATTTTC	AGTGCCTCAT	GTCTGTGCCA	GGTTTGGGCG	TGGCGGTCAG	1741
CTTATCAAA	TGATTTCCAA	TCTGCTTTTA	GAAAGACAGC	TGGCTTGGT	GGAGGTCCAC	1801
AGCATGGAGG	CCTTGCTGCA	CCACAGCTGT	GAGCAGGAGG	AGATGGGCGC	GTTCGGGGGA	1861
CCCTTGGGCA	AAGACGACAC	CCATAAGGTT	GATGTCTATTA	ATTTTGCACA	GAAACAAAGCT	1921
ATGAAATGTT	TGCAGAAATGA	AAACTTAATT	GACAAAGAGT	CTGCAAGTCT	TCTTTGGAAT	1981
TTTATTGTTT	TCTTATGCAG	ACAAAATGGG	ACCCTGGTAG	GGACCGACAT	TGGCGAGCTT	2041
CTGTTACGAG	ACCACAGAAC	AGTGTGGCTT	CTGCGGAAGT	TGCCCCAATGA	AGCAACCTTG	2101
ATTGATTTTA	CGAATGAGGC	AGTGGAGCAG	GTGGAAGAGG	AGGAGTCTGG	TGAGGCCCGAG	2161
CTCTCTTTCC	TCACTGGTGG	TCCGCGCGCT	GGCCTCAGCT	CGCTCGAGAG	AGAGACCGAG	2221
AGGTTACAGG	AGCTGTTGCT	GTATGGCGCT	AAGAAGGATG	CTTTGGAGTC	TGCAATGAAG	2281
AATGGCCTGT	GGGGTCACGC	TCTGCTACTT	GCAAGTAAGA	TGGACAGCGG	GACACAGCGC	2341
CGAGTCATGA	CCAGGTTTGC	TAACAGCGCT	CCAATCAACG	ACCTCTGCA	GACAGTCTAC	2401
CAGCTCATGT	CCGAGCGGAT	GCCTGCGCGG	TCCAGCTGCT	GTGGAGAGCA	GAAATGGGGA	2461
GATTGGAGGG	CGCACTCCGC	CATGGTCTTG	TCCAACCTGA	ACAACAACAT	GGACGTCCAG	2521
TCCAGGAGCA	TGGCTACCAT	GGGCGACACT	CTGGCTTCAA	GGGCGCTCTT	GGATGCGGCG	2581
CACTTCTGCT	ACCTCATGGC	CCAGGCGGGA	TTTGGTGTTC	ACACGAAGAA	AACTACAAAG	2641
CTTGCTTTAA	TGGATCCAA	TCACAGTTTG	CCATTCTTAA	AGTTCCGAAC	CAACGAAGCA	2701
ATCCAGAGGA	CGGAAGCCTA	TGAGTACGCG	CAGTCCCTGG	GTGCGGAGAG	CTGCCCCCTG	2761
CCTAGTTTCC	AGGTGTTTTAA	GTTCATCTAC	TCCTGCGCGC	TGGCGGAAAT	GGGGCTGGCC	2821
ACGCAAGCTT	TCCACTACTG	TGAGGCCATC	GCGAAGAGCA	TGCTGACGCA	GGCGCAGCTG	2881
TATTCCCCGG	TGTTGATCAG	CCAGCTTGTG	CAGATGGCTT	CCAGTTAGG	ACTCTTCGAT	2941
CCCCAGCTGA	AAGAGAAGCC	AGAAGAGGAG	TGCTTGGCGG	CAACCCAGCTG	GCTGGTTTCA	3001
CTGCAGCAGG	TGGAGCGGCA	GATTAAGGAG	GGGGCTGGAG	TATGGCATCA	GGATGGAGCC	3061
CTCCCGCAGC	AGTGTCTGCG	CACTCCGAGT	TCCGAGATGG	AGCAGTTGGA	CAGGCCAGGA	3121
CTCAGTCAGC	CAGGAGCCCT	GGGGATCGCC	AACCTCTGCG	TGGCGGTGCG	TGCACCGAGC	3181
CCTGAGCACT	CGAGCCCGAG	CTTGGCGGCT	CTGCGCTCAG	CTGCGCAGAG	GCTCCCTGAG	3241
GGCCCATTTG	CCAGTCTCTG	CAGAGTGGCG	ATGTTCCCGAG	TGCTCACTGCG	CCCGGGGGCG	3301
CTGGAGCGCG	GTCTCTGGCT	TGTGACCCCA	GGGCTGTCAC	CTGGCTTCTT	GGAGCCCTCC	3361
GGGCTTGGCG	TCCACCTGCG	TGTGCCACCT	CTGCAGGAAA	GGAGACACTT	GCTCCAGGAA	3421
GCCAGGAGCG	CAGACCCAGG	GATAGTGGCG	CAGGAGGCGC	CTGTTGGAAA	CTCACTTTCC	3481
GAGCTAAGTG	AAGAAAATTT	TGATGGAAAA	TTTGTCTAAT	TGACCCCTCC	GAGGACGGTG	3541
CTAGACTGGG	AGGCCCCCGC	AGGCTGGGAT	CGTGGCGACT	TGGGTCCCA	GCAGCCACTT	3601
CTGTCTCTCT	CACCCGCTCC	CGAAACAAAG	AGAGTCGGAG	AGGCTAGCCAA	GAAAGAAAGG	3661
AAGGAACCTA	AGAAGGGTGA	ATCTGTGTTT	TTTGTGTTGG	TACCTGGGAA	GAAAAAGACA	3721
GAAGCTTATT	TGCCAGATTA	CAAGAACAAA	TGATTTGTTT	GGGATGAAAA	GAAAAACCA	3781
TGGGTGAATT	TAAATGAGCG	AGAAGAGGAG	AAGAAAGGCC	TGCCCCCAGC	TCCAACTCTG	3841
ATGCCCAAGA	CTGTGCAAGC	TGCTCTGGCT	GCCCTCCCGAG	GGCTCTCTGG	AGCCCCCTGG	3901
AACATGTACT	CTAGAAGAGC	AGCAGGAAGC	AGAGCTGGCT	AGTTTGACGT	CTGAAACCCA	3961
AGCGGGAAGC	AGCGGAGGCA	GCTGGCTCTC	GCTCTGCGG	ACTTTTCTGC	TCCACTCGCG	4021
CCACTCCCAA	TTCTTTCTAA	CTTCTTCTGG	CCAACTCCCG	ATGCTAGAAG	ACCACAGCTT	4081
CCAGAGGCGA	CTGGCAGGGA	AGGCTCTGCA	GCAGCTAGGG	GCTTGCCCAA	TCCAGAGGCT	4141
GGCCCGAGAG	CCAAAGGCTTC	TGGGCACTTC	CCTCTCTGAG	TGGGCTCTCC	CAGCGGGGGC	4201
ATGCCCTTCT	ACAACCTCTG	TGAGCTGGCA	CAGGCTCTGG	CCACCTCCCG	GAGCTCAAGG	4261
CTAGGGAGGA	TTGGCCAGAG	GAAGCAGCTG	GTGCTGAAGT	AGGCTTGGCC	TGCTGTGAAC	4321
TTGCACTTGG	AGCCCTGAGC	CTCTCTTTCT	CCCGGAAGAA	TGCACTGAGC	CTCCGCGATC	4381
TCCGTCCCGC	CCCGAGGGAG	ACACAGCAGT	GACTCAGAGC	TGGTGGCACA	CTGTGCTCTC	4441
CTCCTCAGCG	CCCATCGTAA	TGAATTATTT	TGAAAATTAA	TTCCACCATC	CTTTCAGATT	4501

TTGATGAAA AGACTGAATC TTTGACTCAG AATTGTTTGC CGAAAAGAAAT GATGTGACTT 4560
 TCTTAGTCAT TTAGGATGAT TTAAAGATAT AGTATTCTTG GTGATTTAAG AATGTTCATT 4620
 CATTGAAGCC GGAGCTGTCT CTGACACGGG AGAGCCACAT GGTGGGTACT AACGAGGGCC 4680
 TCTCCAAAGCC CAGCTGTGAG TCACTGCCCA GTGAGTCCCG CCGTTCTTTT AAGGTGCTGG 4740
 GAGCAAAGAG ABGGTGAATG AGGCAGACCC CAACCCCTGC TGTGCACCAT CTGGGGCCCTC 4800
 GCGGTGTTTG AACCTGGGCTG AATGAGTSSA GGGCGCTGTG TTCTCAATCA CGGCTCTCGA 4860
 GGAGTGGTGG GGTTCCTTGG GCATTAGTTC ACGTTTTTTG AGAGAGGGCC TACTTACTGC 4920
 AGTGAATTTG TTTCTGTGTT CAGASACGCT TCCAGCCTCA CTTTACTTTC TGTGCTGCA 4980
 TGAGGACCAT GGGTGAATTT GTGTACCCAA AGGCTGGGG ACTGTCCACT GTGTGGCCCA 5040
 GTCACTGGGA AGGAGCCCA CAGAGCCGGC TGTGTGACAT GATGCTCAAG GGTGTGCTC 5100
 CAGCTTGAAA ACTGACCTGT TGATGTTTGA TTTGGGCTTC ATTTGTGTG TAGGAGCACG 5160
 GTTAGACTCA CTGTAAAGGA AGCTGGATGC ACTTCTCTAA AAGGTGTGAG TTTCCGTGAG 5220
 CACTTTTCTG GGTACAACTC ACATGACCCA CTTTCTCCCC TGGGGGAGGT TGGTTCAGAG 5280
 GTTGCTAGCA CTTGGGGGAGA GTATCTTAAC ACAGTTTCTT GACAGCAGCT CTGGAACCTA 5340
 GTATTTCTGC CCGGAGTTTT GGCACACTGA GACTTTGAGT AGCTCTGCT GCACTCAACC 5400
 CTGTTCAACT CAGAGACGGG CCTCCTCTCA CTGATGCAAA GCTTTAAGGC TTCTCTGACT 5460
 GTTCTGAAAC TCTTGTGATT CTTGTCAAGT CTAAGAGAGC TGAAGAAAAG ATTTAAATAC 5520
 TAATAAATAT CACTAGATAA TTTCTGTAGG TTCTGCTGGA GGAATACAAA CTGTTTGTGT 5580
 TTTTAAATTT AAGTGTAGAA ATTGTAGAAT GTGGAATTAG CACAGATCTT TCTGTGCTTT 5640
 CTGTTTCACT TGATCAATTA GCCCAGACCA CCCAGGATGT TTTCCAAAAT GTTCCACAGG 5700
 CGTGTCCCGG TGGATCCATT TGTCTTGTG ACTTGGAGAA AGGCCAGTCC CTGTGACGGG 5760
 GCAGCCCTCT CTGTCCCTCG GTGAGCTCGT GTGAATCCTG GGACCTCTTC CGGTGCGCTC 5820
 TGCCCGCTGT TCTGGGGTGG ACTGCCACGA CTTTGTGATT AAGAAGCTTC CTCCAGGGCG 5880
 GAGCGGCTAT TTTTCTTAAA TGAGAATTGT TACATTGCAA ATTGTGGAAT AAAATATTTT 5940
 GCGCTCTCTC AAGCAC

Name: 314 Len: 4073 Check: 1BED
 GGTGGGCACT GGGCATGCTG GGATGTGCTG CTGCTGTGGC TGCTGCGCGC TGTGCGCCCA 60
 CCTAGAGCAG GGTGCACTTC GAGAGAGGAC CCGGGAAGAG GAGAAGATGA AGGAAGCCAA 120
 GGATGCGCGG TATACCAATG GGCACCTCTT CACCACCATT TCAGTTTCAG GCATGACCAT 130
 GTGCTATGCC TGTAAACAAGA GCATCACAGC CAAGGAAGCC CTCATCTGCC CAACCTGCAA 240
 TGTGAATATC CACAACCGCT GTAAAGACAC CCTCGCCAAC TGTACCAAGG TCAAGCAGAA 300
 GCAACAGAAA GCGGCCCTGC TGAAGAACAA CACCGCCTTG CAGTCCGTTT CTCTTCGAAG 360
 TAAGACAACC ATCCGGGAGC GGCCAAGCTC GGCCATCTAC CCTCCGACA GCTTCCGGCA 420
 GTCCCTCCTG GGCTCCCGCC GTGGCCGCTC CTCCTTGTCT TTAGCCAAGA GTGTTTCTAC 480
 CACCAACATT GCTGGACATT TCAATGATGA GTCTCCCTG GGGCTGCGCC GGATCCTCTC 540
 ACAGTCCACA GACTCCCTCA ACATGCGGAA CCGAACCCCTA TCCGTGGAAT CCTCATTGA 600
 CGAAGCAGAG GTAATCTACA GTGAGCTGAT GAGTGACTTT GAGATGGATG AGAAGGACTT 660
 TGCAGCTGAC TCTTGGAGTC TTGCTGTGGA CAGCAGCTTC CTGCAGCAGC ATAAAAAGSA 720
 GGTGATGAAG CAGCAAGATG TCATCTATGA GCTAATCCAG ACAGAGCTGC ACCATGTGAG 780
 GACACTGAAG ATCATGACCC GCCTCTTCCG CACGGGGATG CTGGAAGAGC TACACTTGSA 840
 GCCAGGAGTG GTCCAGGGCC GTTCCCTG CGTGGACGAG CTCAGTGACA TCCATACAGC 900
 CTTCTTCAGC CAGCTATTAG AACGCCGACG CCAGGCCCTG TGCCCTGGCA GTACCCGGAA 960
 CTTTGTGATC CATGCTTGG GTGATCTGCT CATCAGCCAG TTCTCAGGTC CTAGTGCGGA 1020
 TCAGATGTGT AAGACCTACT CGGAGTTCTG CAGCCGCCAC AGCAAGGCTT TAAAGCTCTA 1080
 TAAGGAGCTG TACGCCCGAG ACAAACGCTT CCAGCAATTC ATCCGGAAG TACCCCGGCC 1140
 TGCCGTGCTG AAGCGGCACG GGGTACAGGA GTGCATCCTG CTGCTGACTC AGCGCATCAC 1200
 CAAGTACCCG TTAATCATCA GCGCATCCT GCAGCATTCC CAAGGGATCG AGGAGGAGCG 1260
 CCAGGACCTG ACCACAGCAC TGGGGCTAGT GAAGGAGCTG CTGTCCAATG TGGACGAGGG 1320
 TATTTATCAG CTGGAGAAAG GGGCCCGTCT GCAGGAGATC TACAACCCCA TGGACCCCTG 1380
 GGGGCAAAAC TCACTGCTTG GCAAGGGGCC CTTTGGCCGA GAGGAACCTC TGAGGCGCAA 1440
 ACTCATCCAC CATGCTTGGC TGCTCTGGAA GACAGCGACG GGGCGCTTCA AAGATGTGTT 1500
 AGTGTGCTG ATGACAGATG TACTGGGTGT TCTCCAGGAA AAGGACGAGA AGTACATTT 1560
 TCTTACCTG CACAAGCCTT CACTGGTATC GCTGCAGAAT CTAATCTTAC GAGACATTTG 1620
 CAACGAGGAG AAGGGGATGT TTCTGATCAG CGCAGCCCCA CCTGAGATGT ACGAGGTGCA 1680
 CACAGCATCT CCGGATGACC GAGCACCTG GATCCGGGTC ATTGAGCAGA GCGTGCGCAC 1740
 ATGCCCATCC AGGGAGGACT TCCCCCTGAT TGAGACAGAG GATGAGGCTT AACTGCGGGC 1800
 AATTAAGATG GAGTTGAGC AGAAGGACCG GGCAGTGGTG GAGCTGCTGC GAGAGAAGGT 1860
 CGGGCTGTTT GCTGAGATGA CCTATTTTCA GGGCGAAGAG GATGGTGGCA GTGGGATGGC 1920
 CCGGCCAGC CTGCCAGGG GCTTTTTTGG CTCTGAGTCC CTTGAGTCCC CTCTGGGCGA 1980
 GCGGCTGCTG CAGGATGCTA TCCCTGAGGT GGAGGGTCTG AAAGACCTGC TGGTGGGGCC 2040
 AGGAGTGGAA TTGCTCTTGA CACCCGAGA GCCAGTCTG CCTTTGGAAC CAGACAGCGG 2100
 TGGTAACAGC ACTCTGCGG TCACTGCCAA TGGTGAGGCC AGAACCTTCA ATGGCTCCAT 2160
 TGAATCTGCA AGAGCTGACT CAGACTCTAG CCAGAGGGAT CGAAATGGAA ATCAGCTGAG 2220

ATACCCGAA GAGGAGGCGT TACAGCGATT GGTCAATCTC TATGGACTTC TACATGGGCT 2280
 AAGGCGAGCT GTGCGCCAGC AGGACACTCT GATGGGAAGCC CGGTTCCTTG AGGGCCCTGA 2310
 GCGCGCGGAG AAGCTGTGDC GAGCGAACTC TCGGATGCGG GAGGCTGSCA GGGCTGGGSC 2410
 TCGCCTGTGT GCGCTTAAAA AGCAGGGCAC GGAAGTGGCA TTAAGTGGAG GGCACCATGC 2460
 GGTGCTGCAG GAGGAGCTAC GCGGCTGCGG GCGGCTAGGT GAAGAAGCGG CAACCGAAGC 2520
 TGGCAGGCTG GAGGCGCGGC TCGGGGAGAG TGAGCAGGCG CGGGCACTGC TGGAGCGTGA 2580
 GGTGAAAGAG GCTCGAAGGC AGCTGGCGCG CCGGGCCAG ACGAGGCGAC TCGAGCTGA 2640
 GGTGCGGTG GCGCGCAGAC CTGTGGATCC TCGCGGCGCG AGCTCGCGCG TGGATCTAGC 2700
 CCGTACTCTG AGTTTCAAGC CCGCACAGCG TGAGGACCGA GAGAGGCGAG AACTGGGAG 2820
 TCTCACTACT CGCTGTGTCC ATCGAACTT TGAGGACCGA GAGAGGCGAG AACTGGGAG 2880
 CCGTGAAGAG CGGCTGCAAG ACAGCACTGA CCGTGAAGAG GAGAGGCGAG AACTGGGAG 2940
 GAGCGCTCTG TCTCGCGCGC ACAGTCCAG AGACTTTAGC AGAATGCGAG ACATCGCGAG 3000
 GGAGACGGAG AGCGCGAGCG GGGAGGCTGT AGCTTCGAG AGCTAAGGGG GCGCGTCCCG 3060
 CCGTGGCGGT GCGCGCACTGA AGAACATTAC TGAGGGGGCT AACCTTGGGG ACTCGAATT 3120
 GCGCATGATG AGGGAACATT TGAAAGAAGT GCAATTGTCT CTTGCGAGCT CTTGGGATCC 3180
 TTGGATACCT GGGGCGAATT AAGAAGCTAG GGGGATTAGG CCACAACACC CCGTGGGACA 3240
 TCGGAAAGCT ACACCACAGA TGCCAGTGGT TCATGCGCTT TCCCGCAAC TTTAGGAAAA 3300
 TTTATTTATT TATTGTTTAT TAGTTATGGG GGGGAGGGG AGATTTAAAG GACGAGGAG 3360
 ATGGGAACCA AGCCATAGGG ATCAGAGGGC CTTGTCTTGG AACACTACTG GGGTATATTC 3420
 AGGCTCATCC ACGCAGCTGC TGGGTTCTTG CCTAACGGC CCTCCCTGCG AACATCGCTC 3480
 TTGGAGGAGA GGCTGCAGCC ACAGCACCTT ACTGCCCTTT AAATAAAGGA GGGCTGTGGG 3540
 CAGGGCCATG TCCCTTTCTC CTCTCCCTTC AACCTCTTAC TGCTGTTCTC CTTTCTCCG 3600
 TCCTTCATGG AAGCCCTGGG AGATAACCTG GCTTCCTGGA GTTGATGGAA TAAAGGTTGG 3660
 GGTGCGCAAT ATGGTTTGTG GGGGGTGAGG GAAAAAACC ACAGGGACCA GAATGTTTGG 3720
 TTGTTCTTTT GTTTTCTTTT TTGTACCAA GTCAACTGCA CGTGTTTTAT ATTTTAAAGA 3780
 GATCGTAGGC AATTAGAGAT CGAAGCCTCC TATCTCCACA TCTCTGAAGA AGTTGAGGGG 3840
 TGGGGGAGAG AATGACTTCT GCCTTCATCT GCAGTAACGG GGGGACCTAT ACTGACCTCT 3900
 TCGCCAGCCA TTTAGAAACA AGTTCTAGGG TGGGTTGGAA AATCTCCAAG AGCCCTGACC 3960
 TCATCTTCCA CCTCAGCAAC CATGACCTGA AACCTCAGCG TGAATTTGGG GGATTTTTC 4020
 GTGGAACCTT TGCCCCCAA TGTCGACCAG CCCCCAATG TCGAAGAATT TTCTTCTTGC 4080
 CAATTTTGTT GTTTAAAAA AAAATTCAGG GAAATTTAA AACCTGGAAC TCC 4140

Name: 315

Len: 6948

Check:

E69

GGGGCTGAAA GACACACAGA AGTCTTCATG GATATAGTTG ATACATTTAA TCATTTAATT 60
 CCTACTGAAC ACTTAGATGA TGCCCTATTT CTAGGATCCA ACCTGGAGAA TGAAGTCTGT 120
 GAGGATTTTA GTGCAAGTCA AAATGTCTTA GAGGACTCGC TGAAGAACAT GCTCAGCGAT 180
 AAGGATCCTA TGCTAGGATC TGCAAGTAAC CAGTTCTGTT TGCGTGTGTT GGATAGCAAT 240
 GATCCCAATT TCCAGATGCC TTGTTCAACA GTTGTGGTTC TTGACGATAT TATGGATGAA 300
 GGAGTTGTTA AAGAAAGTGG CAATGATACC ATTGATGAAG AAGAAGTAT TTTACCTAAC 360
 AGGAACCTAA GGGACAAGGT AGAAGAAAAT TCAGTGAGAT CTCCAAGAAA ATCACCTCGT 420
 TTAATGGCAC AAGAACAAGT AAGAAGTTTG CGACAGAGCA CTATTGCCAA GCGTTCAAAT 480
 GCAGCACCAT TAAGTAACAC AAAAAAAGCA TCTGGGAAGA CTGTATCTAC TGCTAAAGCA 540
 GGAGTGAAAC AACCAGAAAG GAGTCAGGTT AAAGAAGAAG TATGTATGTC ACTGAAACCT 600
 GAGTACCATA AGGAGAATAG AAGGTGCAGC CGAATATAGC GACAAATTGA AGTGGTACCT 660
 GAAATATCAG TGTCTTCAAG TCATTCTTCA GTGTCATCTT GTCTTGAAAT GAAGGATGAA 720
 GAATTAATTT GTTCACTTCT TTCAGAGACT TGTGTTACTA TTGGAGAAAA GAAAAATGAA 780
 GCTTTGATGG AATGTAAAGC CAAGCCTGTT GGTAGTCCAT TGTTTAAGTT TTCAGATAAA 840
 GAAAGACATG AAAAAAATGA TTCCATTTCA GGTAAAAACG GTGAGACTGT TGTTGAAGAA 900
 ATGATAGCAA CAAGAAAAGT TGAACAAGAT TCAAGGAGA CAGTAAATTT ATCCCATGAA 960
 GATGACATA TTCTTGAGGA CGCTGGATCT TCTGATATTT CTAGTGATGC TGCTTGTAAC 1020
 AATCCAAATA AGACAGAAAA CAGCCTTGTA GGTGTTGCTA GTTGTGTAGA TGAAGTGAAT 1080
 GAATGTAAAT TGGAAATTGAA GGATACCATG GGTATTGCTG ATAAAACTGA GAACACCTTT 1140
 GAAAGAAATA AAATTTGAACC GTTGGGTTAT TGTGAAGATG CGGAGTCTAA TAGGCAATTT 1200
 GAGAGCACTG AGTTTAATAA ATCAAACTTA GAGTGTGTTG ATACTAGTAC TTTTGAAGCG 1260
 GAAAGTAATA TCTTGGAAAA TGCTATTGTT GATGTGCTCG ACCAAAAATC AAAACASTTG 1320
 AATGCTATAG AAAGTACTAA AATAGAGTCC CATGAAACAG CAAACCTTCA GGATGACAGA 1380
 AACAGCCAGT CAAGTAGCCT TTCTTACTTA GAGTCAAAAA GTGTAAAAAT CAAACATACA 1440
 AAACCTGTAA TTCATTCTAA GCAAAACATG ACCACAGATG CTCCGAAGAA AATTGTTGCA 1500
 GCAAGGTATG AAGTAATACA TAGCAAAACT AAAGTTAATG TCAAAAGTGT GAAACGAAAT 1560
 ACTGATGTAC CAGAAATCTCA GCAAAATTTT CATAGGCCAG TCAAAAGTGT GAAACGAAAT 1620
 ATGATAAGG AGCCAAAGAT TCAGAGTTGC AATTCTGGGG TTAATCTGT GAAAAACCAA 1680
 GCTCATTCTG TACTGAAAAA AACATTACAG GATCAAACTT TAGTACAAAT TTTCAAGGCC 1740
 TTAATCTATT CTTTGAGTGA TAAGTCACAC GCTCATCCTG GTTGCTTGAA AGAACCTCAT 1800

CATCTTCTAA	AAACTGAGACA	TGATCTCAAT	TCTAGCAGAA	AACAGTCTTA	TAAAGCTCAG	1981
CAACAGGCCC	CAGCAATGAA	AACCAATAST	CAGCTGAAGG	AAGAGCTTAA	ACACCCAGGC	1982
GTTGAGCAT	TTAAGGAAGA	GGATAAACTG	AAACTGAAAA	AACCTGAGAA	GAACCTACAA	2040
CCCCGCCAAA	GAAGAAAGCAG	CAAAAAGTTTT	TCTTTAGATG	AGCCACCAAT	GTTTCATTCCA	2100
GATAACATAG	CTACCATAAG	AAGAGAAGGC	TCTGATCATA	GCTCTTCATT	TGAAAGCAAA	2160
TATATGTGGA	CTCCCAGCAA	GCAGTGTGGG	TTTTGCAAAA	AACCACATGG	CAACAGGTTT	2220
ATGGTGGGCT	GTGGAGATG	TGATGACTGG	TTTCATGGTG	ATTGTGTTGG	GTTAAGTCTT	2280
TCTCAGGCA	AGCAGATGGG	CGAGGAAGAC	AAAGAATATG	TCTGTGTAAA	ATGTTGTGCT	2340
GAAGAGACA	AAAAAGCTGA	AATACTATAT	CCAGATACTT	TGAAAGCAAA	AGCTACAGTT	2400
GAATTCGATA	GTGGAGATAA	AACAATGAGG	TGTGAAAAGC	TTGGATTATC	AAAACACACA	2460
ACAAATGATA	GAACCAATAA	TATAGATGAT	ACAGTGAAGC	ACAAGGTGAA	AATTTTAAAA	2520
CGGAGTCTG	GTGAAGGCAG	AAATTCATCA	GACTGTAGAG	ATAATGAAAT	TAAAAAATGG	2580
CAGCTAGCTC	CTCTTCGTAA	GATGGGACAA	CCAGTTTTAC	CTCGGAGATC	CTCAGAAGAA	2640
AAAAGTGAAA	AAATACCGAA	AGAGTCTACA	ACTGTTACTT	GCACAGGAGA	AAAAGCTTCA	2700
AAACAGGTA	CTCATGAGAA	GCAAGAGATG	AAAAAGAAGA	AAGTTGAAAA	AGGAGTGTCT	2760
AATGTACATC	CTGCTGCTTC	TGCTTCCAA	CGTTCTGCAG	ATCAGATCAG	GCAAGGTGTC	2820
AGCATTTCTC	TCAAAGACAT	TCTTATGAAG	AGACTTACAG	ACTCAAATTT	GAAGGTACCA	2880
GAGGAAAGG	CAGCAAAAGT	TGCCACAAA	ATTGAGAAAG	AGCTTTTCTC	TTTTTTTGGG	2940
GACACAGATG	CTAAATATAA	GAACAAATAT	AGAAGTTTGA	TGTTTAATTT	GAAGATCTCT	3000
AAAAACAATA	TATTATTTAA	AAAAGTACTG	AAAGGAGAA	TAACTCCTGA	TCATCTTATC	3060
AGAATGAGTC	CAGAAGAACT	AGCTTCTAAA	GAGTTAGCTG	CTTGGAGACG	AAGAGAAAAAC	3120
AGACATACCA	TAGAAATGAT	TGAGAAAGAG	CAGAGAGAA	TGGAACGACG	GCATATCACC	3180
AAAATAACTC	ATAAAGGTGA	AATAGAAATT	GAGAGTGATG	CCCCAATGAA	AGAACAGGAA	3240
GCAGGCATGG	AGATTCAAGG	ACCAGCCGCG	AATAAGTCAT	TGGAGAAAGC	AGAAGGATCT	3300
GAAAAACAAA	AAGAGGAGGT	TGACTCTATG	TCTAAAGATA	CCACTAGTCA	ACACAGACAG	3360
CATCTTTTGG	ATCTCAACTG	CAAAATCTCC	ATAGGTGAA	TGGCACCAAC	TGTAGATGAT	3420
CTTCTCTCAA	AAAAAGTAAA	AGTTGTTGTA	GGAGTAGCTC	GCAAAACATC	AGACAATGAA	3480
GCAGAAAGTA	TAGCAGATGC	ATTATCTTCA	ACCTCAAATA	TTTTGGCTTC	TGAATTCTTT	3540
GAGGAGGAGA	AACAGGAGTC	TCCAAAGTCA	ACGTTCTCTC	CTGCTCCACG	TCCAGAGATG	3600
CCTGGAACTG	TTGAAGTTGA	GTCTACCTTT	CTGGCTCGAT	TGAACCTCAT	CTGGAAAGGT	3660
TTTATCAACA	TGCCTTCTGT	GGCAAAATTT	GTTACCAAG	CCTATCCAGT	ATCTGGCTCC	3720
CCAGAAATAC	TGACAGAGGA	CCTACCAGAT	AGTATTCAAG	TAGGTGGCAG	GATATCACCT	3780
CAGACAGTTT	GGGATTATGT	GGAAAAATA	AAAGCATCAG	GAACCAAGGA	AATTTGTGTG	3840
GTTGGCTTCA	CACCAGTAAC	TGAAGAAGAT	CAAAATTTCT	ATACTTTGCT	CTTTGCATAC	3900
TTCACTAGCA	GAAAGCGCTA	TGGAGTAGCT	GCTAACACAA	TGAAGCAGGT	TAAAGATATG	3960
TACCTTATTC	CTTTGGGTGC	CACAGATAAA	ATTCCACACC	CTCTTGTGCT	TTTTGATGGA	4020
CCTGGGCTTG	AACTGCATAG	ACCTAATCTA	TTGTTGGGCT	TAATTATTGG	TCAGAAACTG	4080
AAGGACAGGC	ACAGTGCCTG	TGCTAGTACT	AGTCATATAG	CTGAGACTCC	TGAAAGTGCA	4140
CCACCAATAG	CATTGCCACC	TGATAAAAAA	AGTAAATAG	AAGTTTCTAC	AGAAGAAGCA	4200
CCAGAGGAAG	AAAATGACTT	TTTTAATTCT	TTTACAACCT	TATTACACAA	GCAGAGAAAT	4260
AAACCTCAGC	AGAATCTTCA	GGAAGACCTT	CCAACAGCAG	TTGAACCTTT	AATGGAAGTC	4320
ACCAAAACAG	AGCCACCAAA	ACCTTTAAGA	TTTCTTCTCT	GCGTGTGAT	TGGCTGGGAG	4380
AATCAACCTA	CTACTCTGGA	ATTAGCAAA	AAACCTCTTC	CTGTGGATGA	TATACTTCAA	4440
AGCCTTTTGG	GCACCACTGG	TCAAGTATAT	GACCAGCCCG	AGTCAGTGAT	GGAACAAAAC	4500
ACTGTTAAAG	AAATTCGATT	TTTTAATGAG	CAGACCAACT	CAAAAATAGA	GAAAAACAGAT	4560
AATGTGGAAG	TAACTGATGG	TGAAAACAAG	GAGATAAAAG	TTAAAGTAGA	TAATATTTCA	4620
GAATCTACAG	ATAAGTCAGC	AGAAATAGAA	ACATCAGTAG	TAGGCTCCTC	TTCCATTTCT	4680
GCAGGCTCTT	TGACGAGTCT	TAGTCTCAGA	GGTAAGCCAC	CAGATGTTTC	TACAGAAGCA	4740
TTTTTAACAA	ATTTATCAAT	TCAGTCAAAA	CAAGAGGAAA	CTGTGGAGAG	TAAAGAGAAA	4800
ACATTAAAAA	GACAGCTTCA	GGAAGATCAA	GAGAATAATT	TGCAAGATAA	CCAGACTTCA	4860
AATAGTTCTC	CATGCAGATC	TAATGTAGGA	AAAGGAAACA	TAGATGGTAA	TGTAGCTGAT	4920
AGTGAAGAAC	TTGTTGCTAA	TACAGCGAGG	TCTCCACAGT	TTATCAACCT	GAAGAGGAT	4980
CCTAGGTAAG	CAGCAGGATG	AAGTCAGCCT	GTAACACTTT	CAGAAAACAA	AGATGAGAT	5040
AGTTGCTGGA	ATGGAGAAAA	ACACATGCTG	CCTGGCTCTT	CACACAACAA	GGAGCACTTA	5100
ACAGAACAAA	TCAATGTAGA	GGAAAAGTTG	TGTTCTGCAG	AGAAAAACTC	GTGTGTTTCA	5160
CAGAGTGACA	ATTTAAAAGT	TGCACAAAAC	TCACCATCAG	TAGAAAACAT	ACAGACTTCT	5220
CAAGCAGAAC	AAGCAAAATC	CTTACAGGAG	GATATTTTAA	TGCAAAATAT	TGAAACTGTG	5280
CACCCATTTC	GAAGAGGATC	AGCAGTAGCG	ACATCTCATT	TTGAAGTTGG	AAACACATGT	5340
CCATCAGAAT	TTCTTTCTAA	AAGCATCAC	TTTACTTCCA	GAAGCACCAG	CCCCAGAAAC	5400
AGTACAAACT	TTTCACCAT	GAGGCCACAG	CAGCCCAACC	TTCCAGCATCT	CAAGTCTAGC	5460
CCACCTGAT	TTCCATTTCC	AGGGCCTCCT	AATTTTCCCC	CACAAAACAT	GTTTGGATTT	5520
CCACCATATT	TGCCACCTCC	ATTACTTCCC	CCTCCAGGCT	TTGGCTTTGC	TCAAAATCCC	5580
ATGTTTCCCT	GGCCACCTGT	TGTTTATCTC	CCAGGTCAGC	CACAGGCTAT	GATGGGCTCT	5640

CTCTCAAAAG CATCAAGGTA TATAGGCTT3 CAGAAATTTT ACCAGGTAA AAGATTCGG 5700
 AGGTCAGAAA GGGGCGCATAG TGACCCCTT33 GGTAGGCAAG ACCAACAGCA ACTGGATAGG 5700
 CCATTTAATA GGGGTAAAGG GGAACGCCAG AGATTTTATA GTGATTCACA CCATTTGAAA 5800
 AGAGAGC3AC ATGAAAAGGA ATGG3AGCAA GAATCTGAAA GGCATAGACG CAGAGACAGA 5800
 AGCTAAGACA AGGACAGAGA CAGAAAAAGC A3GGAG3AAG GGCACAAAGA TAAAGAGAGG 5900
 GCACGGTTAT CACATGGTGA TCGAGGAACA GATGGAAAAA CARGCAGAGA TASTAGGAAT 6000
 GTA3ACAAGA AGCCAGATAA ACTTAAAAAT GAAGACTAT3 AGAAGGACAA AGAAGGAGAG 6000
 AAAAGTAAAC ACAGAGAAAG AGAAAAAGAC A3GGATA3GT ACCACAA3A TAG3GACCA3 6100
 A3T3AGAGAA CTAAAAAG3AA AAG3TAA3AT T3GCAGGCT3 CTTCA33ATT ACATTTAAAT 6100
 AACTGT3TAA ATGTTGTATC TT3TAAACAA AAGAAAGATT GCCTGCTAG3 ATT3TGCCAT 6200
 CTTTAA3AT TTTACTATT3 GT3ATTGCA GAACAGTAAA TTCTGT3T3T T3GTACAGAG 6300
 TGCTCT3TAC CAGT3CT3AT CAGCCCTTCT TCATA3CAAC GGTCCCTA3T TATAG3AATT 6300
 TAATATTTT3 AAAAGTTTTA CATTGCTGTA TAITCAAAGA TT3T3TTTAT TAATATGCAA 6400
 TAAAGGCTTA GAAATTTTAG TTTTATTCTT TAATT3GTAA ATATGGTTAA CTATGGAATA 6400
 TATTTACTTC CTCTAGT3AA TGTCTTTAT ATAAT3ACTA ATTT3GGAGT AATGTGTGCT 6500
 CTGTAA3TTT GTTTTAAAT GCACGT3TTT TAAAGAAACT GTAGAGGAGC AAAAAAATC 6600
 CAGGCAACTT CATAATCAGA TTATGCTAAT CATTAGTTG AGCAGTTTTT GACCAAGAAT 6600
 CAGAA3C3CA AG3GGTACAT TTAITGCTT3 ATCT3CACT CATT3AAGTC ATTTATTACC 6700
 ATATACTACA GCTTTGTGGT AG3CCATTAT TETCATTTT ATTTTGGCT CTTCAGAAAC 6700
 TTGAATACTT AAGCTTGTAC ATGATCTTGT GTTTT3CTAT CCTTTTACT GTAAAATGTA 6800
 AATATTTTAA GGGATATTTT GATTCTAAAT ATGATAAAAT AATTTCTCAC CTATTTTGTG 6900
 TGTGTGACTT GAAATTCAGT AGTAAAGAA TTTCTTCTT AAAGCTTT 6943

Name: 316

Len: 3213 Check: 1F22

CCCCCAGCAG AAGGGCGCGA CGGCTGCAAC ATCAGCGGTT AAATTGTACA GCCTTTCATA 60
 GGCCGGTTCA ATGCATCCGT ACTAAGATT3 TTAAGGCTGA GGGTCCCTAG CCTGGGGAAA 120
 AACGAAAGGA GGCAGAGGGT AG3GAGAC33 GAAGGAAGAC AAG3AGGGTG TAGAAAAAGG 160
 GGAGAG3AG3 G33CGGGACA GCATGGGGAA G3CCTCAGGT TTAGTGGAGA GATCGTGGCG 240
 TTCCCATAGA AACGTATCCC TCCGCCCAT3 ACC3GCGTGT TAGTCTCTTC AGTTCCCTCC 300
 GCGTCGTTTC TT3GCT3TTT CC3CCCAGCT C3TTTGTGCC GCGCAGAACA ACGAGATGAC 360
 GCATGCGGAA AGCGCAGCGG CCGCATATAT AAACGCGAAC CCGGGCTCTT CCTCGTAGTG 420
 CCGCCGGGAC TCTTGGCGGG TGAAGGT3T3 T3TCAGCTTT TCGCTCACTC GAGCCCTGGG 480
 CGCTGCTTGC TAAAGAGCCG AGCACGCG33 T3TGTCACTA TGTGCGGTTA CGGGCGGTAC 540
 GGAGGAGGTA AGAAGCTGGA GTCCGGT3AG GGACGTTGGT GTGGGTGTAG TGAGCACTGC 600
 GAGGCCGTAG GGTGTGTCGG GAGGTTGGGA GACGTTATT CCGCGTGCCT AATGGCGGCT 660
 TAGGAGCACG CCAGACGAAG CCGGAGGCA3 C3GAGGCGGG GTGCTGAAGG GAGACGGGAT 720
 G3CGGGTGTA CATCTCTGCC GAGTTCCGTA CTCTTGGGCA TTTTGTGGC CCAATCCAGC 780
 CTAAAGCAGG GTTGAGATGA CGGTTTTCCG GTTGCCTTTC TCGGAGCTGC CCGCCGGCCC 840
 C3CATTTCCCT CCGCCCTCGG CCGCCGGCT3 CCATTTTGC3 CACATTGAGG ACCGTGGTGG 900
 CGTGCTTGTG TTTGAGATAG AACGAAATT3 GCAGCTGTGA GCT3CATGTT CTCGTCAAAC 1020
 AATCGGTTAA ATTGCGGAAT G3GAATGG33 AC3TAATCTG C3ACTGGCGG CTGGGTTTTT 1080
 TTTTAGTTAT TTCCAGCGCG GTTTATG33T CTGG33CGGG3 GAGCTGGAGT CTTGGGCGAG 1140
 CCTGTG3CTG G3ACGTTTGC CCG3GAG3AC GAGAGCCGGC GCAGCCCTGC TCTCTGGCC 1200
 C3G3333CTAC CGAG3333CT CCGCCGCC3A C3G3333333 CTGG333333 GCGCGCTCCC 1260
 G3T3G33333 G33CTG3333 GACTCAT333 T3G3333333 GT3333333 GT3333333 ATTATTTAGA 1320
 C3GTGTATCT TACCA333GT TTCTGCTT3T GTT333333 GT3333333 T3333333 ACCAGTTTTA 1440
 AC3TTAAGAA TTTTGT3AAA AGTCTAGTTT CT333333 TTA333333 TTAGAGGATG 1500
 C3ACTAAGTT TTGTCTT3GA TAGAGG33AT TAAATGTGCT TTAGCCCAATC TTAGAGGATG 1560
 C3CGTTT3TAA G3CAAGTAAG TAATTGAAAC TTGG333333 TTTTGCATAA C3T3CATCT 1620
 TCTATTTGCG TTTTAAACA GAAACCAAGG T3TAT3TT3G TAACCTG3GA ACT3333CTG 1680
 G3AAAGG33A GTTAGAAAGG GCTTT3333T ACTA33333 TTTAAGAACT GTAT3GATTG 1740
 C3AGAAATCC TCCAGGATTT G3CTTTGTGG AAT33333A T3CTAGAGAT GCAGAAAGATG 1800
 CAGTAC3AG3 ACTGGAT3GA AAGTAA3TAA GAT3TTAT3A ATCTCT3TT CATTAAAATA 1860
 TACTGT333T AGATAATGAA CTTAGT33TA AATT33GATT C33AAGT3TG GAAGAGACCT 1920
 TAAATAG3TG T3CATAGTGT TAAATGCTAA AGG33333A A33TTAA3A A3ATAGCGGA 1980
 GATG3AGTTA G33CTTGGTA AAGACCG3CA AAGTTTGTG G3G333333 AGTGGTTGGA 2040
 AAGATGAGT G3TTGGAAAG AGTTCTTTT AAATCTATA GTCTGAATA TATTTTAAAC 2100
 TTTAGAATTT T3TTAATTTG CTTTATTAG G3TGATTGT G33TCC3GAG TGAGGGTTGA 2160
 ACTAT33ACA G3CATG3CTC G3AGATCA3G TTTT3ATAGA C3333333 GACGTCCCTT 2220
 TGAT33CAAT GATAGATGCT ATGAGT3T33 C3AAAAG3GA CATTATGCTT ATGATTGTCA 2280
 TCGTTACAGC C3GCGAAGAA GAAGCAG3TA TTTATTTTAA TAAAGGAATG GTTGGTATTC 2340
 TAGTTAATCA AGTAATCTT TTATTAGCAA G3CAGAAACT AGT3TTTTT TATAAACTTG 2400
 AATGTTAATT GTACAGGTGT ATTTTACAAT TTGT3TTTAA TTA333333 GTTACTATAT

TAATAATCAA COTGGTCAAA ACCTTTCAGG TTTCTTCGTT TGAATCAGTC GCTTTCATTC 2451
 AGAATGTGAC GAGCCTTATG ATATDATGDT GAGGCGGCTT GCRAATCCGA CAATTAAGAT 2520
 COTGCTAGAC CTTGAGSTGA TCAGDATAAG AGGCCAGATC COTGCGAGTC ATCTACACCT 2580
 AGCTTCAOCT TATTCTTTAA AGGGCAGAAA ATTTGAGACG GTGATCGCCG TAACAJTAAA 2640
 TTTGGCTTAC AATTGGGGCC CCCCTCCGST TTAGAAAGAG GAACACCAGA TTGACCACAT 2700
 TCCCACTAG AAAAAATCTT TTGCGTCAAT CAAGCCTCAC CTGGCTCAT TGGCTGTGAG 2760
 TTTGATCCTC GTTAGATTEA AGAAAAATC TAGATGCAGC GATCGCTAT AGATCTTCT 2820
 AGATCTGTTA GATCTACTAG ACCATGCGCC AAAGABGGT GACCTGCAAA CTTCGAAAGT 2880
 TTATTTTAAA TACACATTAG AGTGTTTTAT ATTATGTAAT GCTAASTTGT AATTCAGCTT 2940
 TTAACAAATC TTTTITTAAG TAGTAAAAAA AAAAAIACD AACAACTAAT AGSCCCAGAG 3000
 TTTATTTTCA AATGAGACAC TAAATTTAAA TAGTTTTGAG ATTTGATTTT ASCAGAGGCA 3060
 CACAACTCT TAAAAACGAG TTATGTCTG ACATTTTGT TTTTCTCTAA CTGAAAAAT 3120
 AGGTCAAGGT CTAGATCAGA TTCTCGATCC AGAGGAAGGC GATACTCTCG CTCACGCAGC 3180
 AGGAGCAGGG GACGAAGGTG AGATCTTGT TAACTGAAGT CTTTCTGTAT TATTATTAAA 3240
 TTTACTGGTA GTCCAACACA GAAAAAGCTC ATTATTTTTT TTGGAGACAG GGTCTTGCTC 3300
 TGTCAACCCG GCTGGAGTAC AGGGGCATAA CCACGACTCA CTGCTGCCCT GATGATCTCT 3360
 TGGGTTTTAAG CAGTTCTCCT ACCTCAGCCT CCCGAGTAGC TGGGACTGTA GGCAGTGGCA 3420
 CCATACCCAG CTATTTTITA TTTTSTAGA AATGGTCTTG CACTGTTTTG CAGCTGGTC 3480
 TCAAGCTCCT GGGCTCAAC GATCCTCCCG CAGTGTCTGG ATTATGGGCA TGAGCCTG 3540
 CACCTTTCCC CAGTTGAAGT CTTAACAGGC ATCTCCTCGA CGATCAAGAT CTATCTCTCT 3600
 TAAAGTTCTT TATTTTAGGT CAAGSTCAGC ATCTCCTCGA CGATCAAGAT CTATCTCTCT 3660
 TCGTAGATCA AGATCAGCTT CACTCAGAAG ATCTAGGTCT GGTCTATAA AAGGATCGAG 3720
 GTATTTCCAG TATGTAACAC TTTTCTTCT TACTTGTGT TGGATTGTT ACATCTTATC 3780
 AGTAGAGTGT CTTAAGGACA TAATTCAAAT GGATTGCTTC AGGGAATATT TGAGATGTAA 3840
 AAGTTTGGAA TTTATGTGTA ACTTGTAACA TAAATATTAC CCTAGTTTCA CAGATGAAGA 3900
 AAAGGGCTAC TAGAGATTTT AAGGCTTGT AGGCCGTGTG GTAGACAAGG GTCCCAAGCA 3960
 ATACAGCTCT ACTCAACACT CTGGGTAGGC ATGTTGCTAT AAACTTTCT GCTTTCAGAT 4020
 TGGATGATAC TAGCTCTGAA AGATGGTAAT TGATTTTCCC GACAAAAAGG CCTATTAGCA 4080
 CCAGGAAAAG AGATCAGAAG CAAGTAGAAA CATTTCTCAT TTTTGGAAAT ATGGGTTGA 4140
 TTTGAGACAC TGGAAAGTTG ACTAGGGCAG TAGTGTGTAC ACAGAAATGA ATGTGGATTT 4200
 TTTTCTTAGA CCGTTTCAGA CCTGAAAAAA CTAAAGAACC AGAGCTTTAC TATTTGTAGA 4260
 AGGCCCTTAAA AGGAGATAGA ATGGAAAAAA TTGTAAAATA AGTATTGCAA CATGTAATTA 4320
 ACAATATTGT TATCTGTACC AACGATAAAA CCGTGGTACG GAATGCTACT GGGAGTTAAA 4380
 TTGCTGTTTA ATAGCACAAA ACCTTTAAAT GCAGGAATTC TGAATCTTGT GGTCTATTG 4440
 AGAAGCTAT GAACCATCTC TTTAGATAAA TTTAAAAGAT AGATATGTCA GTCTGATTTG 4500
 GTTTGTCTGA CAGATTGATG GCTCTCAAAC ATAACCTGAT ATCACTGAA TTAGTCTCAG TTCAGGGTC 4560
 TGGGGGGCGG CTTTCTTTTC GTCTGGCCTT AGTAGCTGGG ACTGCCATTG TGTACCACAG 4620
 TGGTTATTTT CATCCTGCTT TAGCCTCCTG AGTGTAGTTT TGCTTCCTTC ATACCAGTCT 4680
 TGCCCACTG AGGGATCTGT GCCTTAAGTG ATATTACACA GTGTTTGAGA ATGTTATACC 4740
 CATCAAAATGA AAACCATGTA TTTCCCTTGG ATATTACACA GTGTTTGAGA ATGTTATACC 4800
 TGTACAGAAA CTAAACCAAT GAGTGATAGA AACAACTAAT TGAATGGGG GTTCCTTATG 4860
 TCTGTAACA CTTTGTGTTA CAGTGTGTTA GACAGAATAA GGCAAGTGT GCATCTTGT 4920
 TAGTTTTAGC TTCTTTATGC CTGACCAACC TAATACAGTG TTGAGTAGTT AAGGAAATTC 4980
 CTTTGGACTG ATTGATATAA TTGTGTTTTT TCACTTTTT TATTAAGATC CCGTTCGAGG 5040
 TCAAGATCAA GATCCAGCTC TATTTACAGA CCAAGAAGCA GGTAGGGTAA AAATTTGATT 5100
 ATCCTTTTCT AGTTATATGG CACCAATATC CAAAGAGTTC AAAGTGTTTT TAATTSTTGA 5160
 AATTTTAAAT GTTAACTCTA AACCTAGGTT TTAGTGGGAA CACAGTACCT TATTTSTGTA 5220
 TGTCTATTTT ATTACTGCT GACTTTCCCT GAACAAGGGA ATGTAAAAC ATAGTGAGAA 5280
 AGAAGTTTAT GACTTGGGG ATTATATTAA AGAGGCCCTT GTTAGAAGT AAAAGATTAA TCATGATGTA 5340
 GGAGAAGCAT COTGAAATGG ATGTGCTTAA AGCAGAATGT AAAAGATTAA TCATGATGTA 5400
 GTAATGAGT CATTTTGTGA AAAATAGTTG TTGAAAGATT GGCTTTTGT AGCAACAAC 5460
 GGTAGGATGT TTTTCACTT AAGTGCAGTC TGACATTTTA AGCTTAGGAC ATTTGGGGGT 5520
 TTTAGGATAT TGGTGAATAC AAGAAAGGGA TTGCTTAGTA CTCTTTCTTT AATAGAATTT 5580
 TTTCTSTTTT GACAGCCTAT CAAAGTCCAG ATCTCCATCT CCAAAAAGAA GGTAAAGCTAA 5640
 ATGTTTTGTT TCCAAATCTT GCTGTCAAG TGTGGCCTCT GCAGAATTT TTTGCTTACT 5700
 TCTTTTCAGT CTTTGAGCTC TTTGAGAAAT TGGTGTCTATA TAGATTAAAA TACTATGCTA 5760
 AGTTTCTGAA ATACTTTTTT TTTTGTATTC AGTAACATTA GTTTTACTT TTTGCTGGAA 5820
 TACTTAGTCA TAAATSTTA GGTGATTTAT TAAGATGTGA TTGCTCCTGT GAGTACTTGG 5880
 TAGAAATTTT GGTAAGATAG ATGCTTTTTT CCCACATGTA CAATAGATAA AAAGTGTGGA 5940
 GAAAAGTCTT GGAAATAGTT ACCTGCTTAG TGCTTCTTTA TGACCAAGAA ACTTCAAATA 6000
 GTTGTCTAT TATCTAGTG CTCTTTAATG ACCAGAAGAC TTCAAATAGT TGTCTATTTT 6060
 AACTGCAGGT TGACCTTGCA ATTTTACAA GGAGGATAGC CTAATTTTTT TTTTTTCTG 6120
 GATGGAGTT TTTGCTCTGT CCCCAGGCTT GGAGTGCAGT GGCTCAATCT TGGCTCACTG 6180

TAGCTCTGGA	TTCCCGGGSTT	CAAGCAATTA	TCCTGTCTA	CCCTCTTGAG	CAGTTGGGAT	6240
TACAGGCAAT	CACCGGCAAG	CCTGCTAAT	TTTTTGTAT	TCTAGTAGAG	ACGGAGTTTC	6340
ATCATGTTAG	CGAGSTTGGT	CTTAAACTCC	TGATCTTAGG	TGATCACCTG	CCTCGGCCCTC	6380
TTCGAAAGTG	CTGGGGTTAC	AGGCGTGAGC	CACCGTGCCT	GGCCAGGGTA	GCCTAATCTT	6420
AAGTTAGGGA	CAAAAGATGA	ATATATGTAA	GTTTCATGTC	ATTITTAGGT	CCTTGCTATA	6460
GAATATTAGT	ACCTTAGGCC	ACCTTTGAAG	TTATTGAAAG	TTAGTACATG	TACATGASAG	6500
TTTTAATTGA	CACTAATTGG	ATCCAAACCT	AATGTTTTTC	TTTTTAGTCC	TTCCCCATCA	6540
GAATCTCTTC	GCAGAAGTGC	AAGTCTGAA	AGAATGSACT	GAAGCTCTCA	AGPTCACCCCT	6580
TTAGTCAAAA	GTATTTTTGT	TTACATTATT	ATAAGGGATT	TGTGATGTCT	GTAAAGTSTA	6620
AATAGGAAA	GATAATTCAA	CCATCTAATC	AAAATGGATC	TGGATTACTA	TGTAAATTCA	6660
CAGTACTAAG	GATAATATAA	ATTTTGTGGA	ATGTATGAAC	ATCATATGCT	CTGAAAATGT	6700
GGGCTTTTAT	TTGGCACATT	TAAATAACAT	GTTTCTAACT	AGATTTTTTA	TTTGTGTTCA	6740
ATATTACACG	TTCTTAATTT	GATATATTTG	AGAGTCAGAC	ATTATAATTG	TTAATCCTTA	6780
TTCATACATA	CCTACATTCA	GAATTGAAAG	GTGTTGGTTA	AGTCTTGAAC	ATCACTATTC	6820
TATGCATAAA	ACTTGCCAG	GATCTTAAGG	GACTTTGAAA	ATTCCATCTT	ACCCTTGTAG	6860
CTCTGGGTAA	GATGACCTGA	GTCCCTTATG	ATACAGCCTG	AATGCATCAT	GACAGATCCT	6900
TAGTTAGCTA	ATCCGTTTGA	AGTTGGTGT	AGTAGGTAIT	GTATGATCAG	TGGTGAAGCA	6940
AGTAGGCACTA	CTGATGTGTC	TAAATGAGCA	TGACAGGAAC	TAAAGCAAACT	TGATTAATAT	6980
TATGAGAAAT	AGAACTGAT	TTCTGGATGA	TCTTTTATACT	AATTGCAAGCT	TTGAGGCTAC	7020
TAGGTGGCAT	AGTGTAAAT	AGGACTCCCC	AAGATATGGG	GAGTTCTACT	CTCAATGGTC	7060
TTGTTTCTTT	GCTTTCTACA	TTAGTTAACC	AGTTTTTATC	CAAAAAATGC	ATGTTTGAGG	7100
AATTGTCTGA	AATTGGGACA	AAACACCTTC	ATGTAAACCA	GCTTTGCAAA	ATTTTCCAGC	7140
CCAGATACTC	TTCATCTATT	CAAATGGATT	GTCTTATTCT	GAGCAAAGAC	CTGTTGTTAA	7180
TCTTCAAGCT	AGSTTTTGCA	GTCCCAACC	ACAACATTCT	TCTATTTTGC	CAGGCTGGTG	7220
CAAAATAATT	AAAGATGTCA	ATCAGAAATG	TCAATGAGAC	TAAAGTGGTT	TTGTAAATCT	7260
CAGCTATATT	TACCAACACT	CCATGTAGCT	AATATTTTTT	GGTAGCATCT	GGTAGACCTT	7300
AGAATTTTAC	ATAGCCAGTA	GGTTCTTTAT	TCAAATTTTA	AGTATCTTAA	GAATAGTAGG	7340
CCAGTAACAG	TTACTTTTGA	GAGTTTCTG	GTCAGCTTTT	TACCAGGCAT	TCTCTAGCCT	7380
TGGTACAAAA	AAAAAATAAA	CCTGCTGGTT	GCGCAGATAC	CTAGGCTTGT	CCATTTTATG	7420
CATTTCAAGCA	AAGTCATTGG	AGACTATTGC	AACTTGGGAA	TACTGGTCTG	CATCAAGTTT	7460
AAATCGGTAG	TTTGACCGCT	AGTATGTTGG	AAGTTATTTG	GATTGTTTTT	GGAATTTTGA	7500
CTGGCTGAAT	TATGGTTGGT	ATAAAGTTAT	GTGTATAACT	GGCAGGCTTA	TTTATCTGTT	7540
CCACTTGGTT	AGCTTTAATT	GTTCTGTATT	ATTTAAAGAT	AAGTTTACTC	AACAATAAAT	7580
CTGCAGAGAT	TGAACAAATA	ATCCTGATAC	TTAATTTTTG	GAAGTGGGAG	CTC	7620

Name: 317

Len: 572

Check:

4C

CGCCGCAATTG	TGGTCCGCTT	CTCTGCACATA	TGTCGGGTGG	CCTCCTGAAG	GCGCTGCGCA	60
CGCACTCCTA	CGTGGAGCTG	AGCCAGTACC	GGGACCAGCA	CTTCCGGGGT	GACAATGAAG	120
AACAGAAAAA	ATTACTGAAG	AAAAGCTGTA	CGTTATATGT	TGGAAATCTT	TCTTTTTTACA	180
CAACTGAAAG	ACRAATCTAT	GAACCTCTCA	GCAAAAGTGG	TGACATAAAG	AAAATCATTA	240
TGGGTCTGSA	TAAAATGAAG	AAAACAGCAT	GTGGATTCTG	TTTTGTGGAA	TATTACTCAC	300
GCGCAGATGC	GGAAAACGCC	ATGCGGTACA	TAAATGGGAC	GCGTCTGGAT	GACCGAATCA	360
TTGCGACAGA	CTGGGACGCA	GGCTTTAAGG	AGGGCAGGCA	ATACGGCCGT	GGGCGATCTG	420
GGGGCCAGST	TCGGGATGAG	TATCGGCAGG	ACTACGATGC	TGGGAGAGGA	GGCTATGGAA	480
AACTGGCACA	GAACCACTGA	GTGGTGAGAG	CTCTGTCACT	GACAAACACT	CCTTTGGCCT	540
TTTGAATTTG	CTGAAGAAAC	TCACCTAAAG	TC			600

Name: 318

Len: 338

Check:

142F

CAATGCTTGA	AGTATAAAAA	GCTGAGAGTG	TTCTCGGGCA	GGGAGTCTCC	AGAACCAGGA	60
GAAGAGAAAT	TTGAGCGCTG	GATGTTTCAT	ACTACTCASA	TGATAAAGGC	GTGGCAGGTG	120
TAGATGTAGA	GAAGAGAAGG	CGATTGCTAG	AGAGCCTTCG	AGGCCAGCA	CTTGATGTTA	180
TTCCGTCTCC	TCAAGATAAA	CAATCCTTTA	ATTACTGTCC	GATGAATCTC	TGCAGGCTCT	240
TCAGGAGSTA	TTTGGGTTA	CAGATAATCC	TAGGGAATTG	CAGGTCAAAT	ATCTAACCAC	300
NTTACAGAA	GGATGAGGAA	AAGTTGTCCG	CTATGTC			360

Name: 319

Len: 451

Check:

A27

TNTTTTTGAC	TTTAAATGAT	AAACTTTTAT	TCTGAATATA	CTGTTTTTGC	ACAAGATTTA	60
ACACACATTT	TTCTGGGATT	ATAAATATTT	TATAACAGTA	TTATACAAAT	TTTTACAAAA	120
TSTTTTTTATC	AGGCTAGGTA	ATTTTCACAA	AAGTCTCAAG	AGAACAAAAT	AAAGGGGAGA	180
AAAGATTTAT	TGTTTCACAAA	AGCCAGTTGG	CCTTTTGCAT	GAATGCACAC	CATTTTAATA	240
AAATATTTCC	TAAAAGCATG	ATCCGACACT	CATACAACAC	AACAAAAAAG	ACAGCTTTTAC	300
TAGGTACAT	TATAAACTCA	ACTGGCATCT	ACACAAGACA	GTATCCCAT	AGTTTCAGTG	360
GAATTTTAGA	TAACTTGTGT	GAACAGAGAA	TAAAGTATAT	GAAGAGTTGT	CCAATTCTTC	420
NAAAAATTTG	AATTTTTTTT	CACACTCCAA	N			480

Name: 320

Len: 623

Check:

213F

GGCAGTAGCA	GAACACCTGC	TCTCATGAAC	TTCATGATGA	CAGGCTTTTG	GGTGACAATT	60
------------	------------	------------	------------	------------	------------	----

TGTGGGAGCT TTGCGAGCCT GATTGGAGCT GGAATGCTTG TACAGTCAAT ATCATATGAG 120
 CAGANCCAGG CCCAAAGCAT CTGGCTTGGA TGCTGCATTC TEGTGTGATG GGTGGAGTTG 180
 TGGCTCCTTT GAGGATCTTA GGGGSGCCTC TTCTCCTGAG AGCTGCATGG TACACGCTG 240
 GTAATTGTGG AGGCTCTCT ACTGTGGCCA TGTGTGSCC TAGTGAAG TTTCTGAA 300
 ATGSSAGGAC CCTGGGAGT GGGCTGGGT CTGTCTTTT GCGTCTTCTG TGGGTCTAT 360
 GTTPTCTCTG CCTACCTCTG TGGGCTGGTG CACTCTGTAC TCASTGGCAA TGTATGGTGG 420
 ATTAGTCTTT TCGAGCATGT TCTTCTGTG TGATACTCAG AAAATAATCA AACSTGCAGA 480
 AATAACATTC ATGTATGGAG CTCCAAAGTA TGATCCCATC AATTTCTGATG TTANATCTA 540
 CATNGATACA ATTAATATAT TTATGCGAGT TGCAATAATG CTATCAACTT GAAGCAACAG 600
 AAAGAAATTA GTACCGCTTT TTA

Name: 320 Len: 359 Check: 1280
 CCTACTGGA CCGCGAGCCA CAAGGTGAGC CCCAATCTCT TCGCTGGGT CTACAGGGAG 60
 ATCAATGATG ACGTGTCTTA CCAGATGGAG TGCCACGCGG TGNAGTGCGA GAGCAAGCTC 120
 GAGGCGAAGA AACTGGCCCC CGCATGTAG GAGGCTTCA GGAAGACTTT CCACAGTATG 180
 AAGAGCGAGG GCGGATCCA CAGCAACAGC TCCTCCGAAG AGGTTTCCCA GGAATTGGAA 240
 TCCGATGATG GCTGAATGAA CTTNAGACG CTTNAGCAA GGCAGCATTG GTCACGGGGT 300
 TCAAGGGAAT TAGATTGAGT AAGCAACGTT TCAAAATTTGG GATGAAAGAT TTCCAAATT 359

Name: 321 Len: 295 Check: 102E
 CCTCACTGCT ATGGGCGCGA ACAAGAAGAA GAAGCGAGAT GGTGACGAGC GCGGCGCGAG 60
 CCTCGTTCTT AGTTTCCAGG AGGAGAAGAG GCGGGAGTAC CTGACAGGCT TCCACAAGCG 120
 GAAGGTGAGG CGAAAGAAGG CAGCCATTGA GGAGATTAAG CAGCGGCTGA AAGAGGAGCA 180
 GAGGAAGCTT CCGGAGGAGC GCCACCAGGA ATACTTGAAG ATGCTGGCAG AGAGAGAAGA 240
 GGCTCTNAGG GAGGCAGATG AGCTGGACCG GTTGGTGACA GCAAGAGCGG AGTCG 295

Name: 322 Len: 406 Check: 233D
 CAAAAGGCTG GTNGCCTCCA GACCCGACTT TTTCAACCAG GAGCACCAGA CACGGGATGT 60
 GGAATGTGTC CTCACAACAG GAGAAGTTTT CAGTTTGTCTG GNGGNAGAGG GGGCTCGGGG 120
 GGCTACCTGG AGCAGCTGTT CCGGCACGCG GCCCGAGAGC TCTTTGGAAT CCATGTGGGT 180
 GAGGTTACTT ACAAACCCCT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGACACT NGAGAAGGAG 240
 GGCAGGCTGC TGCTGCACTT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGGTG 300
 CAGAGGCTCA AACGAGGGCG CTGCCCCCTAC CACTACGTGN AGGTCATGGC CTGCCCTCA 360
 GGCTGCCTGA ACGGCGGGGG GCCAGCTCCA GGTCCAGAC AAGGCC 406

Name: 323 Len: 489 Check: 149E
 TTTTTTTTAA CATTCTTAAG TTTCTTTATT CTTCATAGTT TTCTAATGAA CAAATAGTTA 60
 GTTTTCTTGA GTAAGATTAT AAAAAAGTTA ACCATTCTTC CAAAAGTATA AAGACAAATA 120
 AAATGTGCGAC TCATAATACA AATTTTTTAC ATAGCATTAA AGGTGCAGAT ATTGACTGCC 180
 CCTCTTCAAT ATGATTGGCC CACCCCTTAA AAAGACTGCA ACAGAGGATT CAATTGTCTA 240
 AAATACTTGG AAGTACAGAA ATTAAATGCT TTAGCCCATTA AACATATCCC TCATCTATTG 300
 TGTGTGTAAG GAACACATGA GCAAAATCTA TCATTGCGAC TTCTACTTCA GCAATCTCTT 360
 GGCAACCAAT GGAAGATGG TAGAAAACCT TTTCCAGTTG GGAAAGTACA TTTCCATTTA 420
 AATGTTCTCT TGACATGCTT TTCCACCCAT TGTCTTGCTC CAGATTTTCA ACTTTCAATG 480
 AAGTCTGAC

Name: 324 Len: 491 Check: 21BF
 TAAGGATTAA AAACGATTTT AATTATACAC ATATGGTCAC AATTTTGCCT TAAAAAGATT 60
 TTGGGGAAT GTACATAAGG CCGCTTGTA ATGTACATCG TGTACTGTT ATGTCTTATG 120
 TCCGAGGAA AAAATGTTAT CATAAGATT TGCTCTTACT TGGGAGTAA CTATTCAAAA 180
 ATACATCTT CTCTGTACA AAGAAAAAG TCCATCACA TTTAATAAGA TGAAGAAAGC 240
 ATTGGCTCTC ATGTAACCA AATATCTCAG TCCAATACTT TCTATTATGC ACAATACCCT 300
 GACTTCAATT GAAAGTGAT CAAATTCTAG CAGGTCCATA TTAACAGTCA ACAACTATGT 360
 TATAAAACAA AATGATCTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACTT CTGAAACCAT 420
 ATAAAGATAA AAAATTTTAA AAAAATCACT CTGATTTGG AGAAATAAAT TTACATTATA 480
 CAACACTATA T

Name: 325 Len: 546 Check: 101E
 CCGCAGGAGG GACAAAGCAG CDTGATAAAC AAGTGGACGA CTTTTCTTAA GGCAGACTG 60
 ATTTGCTCAA TTCTGGGAG TGATGGGGCA GATACTTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT 120
 TATCTACTCC CCACAAGAGA TGAAGAAAT CCGTAGTAT ATGGAATCTT TACTACAACC 180
 AGCTCCATCT TCAAAGGCTC TGCTGTTGT GTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT 240
 TTTAATGGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGGG 300
 AGAATTCTTT ATCCAGGCTC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CCTATGACCC ACTGATTAAG 360
 TCCAGCGAG ATTTTCCAGA TGATGTCATC AGTTTCATAA AGCGGCACTC TGTGATGTAT 420
 AAGTCCCTAT ACCCAATTTG AGGAGGACCA ACGTTCAAGA GAATCAATGT GATTAACAGA 480
 CTGACACAGA TAGTGGTGGT TCATGTCATT GCAGAAGATG GCCAGTACGA TGTAAATGTTT 540
 CTTGGA

Name: 326 Len: 456 Check: A6C

GCACGATGTT ATATCCAGAG GACCAAGAGC AIGTTCACGA GGACACGTA CAGGATGAG 60
ATGATTTACA AGCAGAATGA GCAGATGCAT GCCTGCTGG CCATTGCTCT CACGATGTRC 120
CCGATTCGTA TCGATGAGAG CATTACGCTC CAGCTGCGGG AGAAATATGG GGACAAGATG 180
TTGCGCATGG ABAAGGTTGA CCCCACAGTC TATGAAGAAC TTTTCAGTTA CTCTGCCCCC 240
AATTTCTGT CCGCTGTAGT GCCCAACTAT GATAATGTGC ACCCCAACTA CCACAAAGAG 300
CCCTTCTGT ASCAGCTGAA GGTGTTTTCT GATGAAGTAC AGCAGCAGGC CCAGCTTTCA 360
ACTATTCGCA GTTCTGTGAA GGTCTACACC ACCATGCTG TGGCCAGCT GGTGCTTTC 420
CTGACCTCA CAGACAGGA GTTCCGATC CAGCTT 480
Name: 127 Len: 442 Check: 1810
TTTACAGTA TCAATTTAA TATTTATTAT AIGCATTTTA TATACATTAT TTTCAACAG 60
CTGATGTTT GGTATGTTT AATATCTTAA AATTTGCTG ATTCATAGTT TGTAATAATA 120
AAACCTTACA AACTCTATCA AACTCTGCA ACTGATCAGA AAAGTTTCTC GGAAGACTAG 180
AAAAAATACT TTAATGTCTT AATCATGCAT TACACAAACA AAATCTTTAG TTACACATA 240
AAATTAAGCA CATCTAAAAA AATAAACAG GGATAACTAG TCAAAACACA GCAGATTCT 300
GTATCTGAT TCAACTATTT TTGTATCTTA TTTGTAATGC AAATAAACT TTACTCCAAA 360
TATTTTAAA TAAGTTAGTT TTGTTTGAA TCATGGTAAA CCAAGATATA TATCTTAGGG 420
GGAACTACT TGTGTTGTA TTTAACTAT AAAATACTCC AT 480
Name: 328 Len: 457 Check: 531
CAATTAAGGG GTTGGGCGG ATTGGCTCCG CGTTTGGGCT GGTCGGCTGC TCCCCACCTA 60
CCAGGGTCCG ATCCGGAGCC GTTCCCGGG CCGCGGGGAC CTCCAAACAA CCGACTCTCT 120
TCCAGCTGAA GAAACACTTA AATTTCTGAA ATAGCGACTC AGTATCATGG CCAGCAGCCT 180
TAATGAAGAT CCAGAAGGAA GCAGAATCAC TTATGTGAAA GGAGACCTTT TTGCATGCCC 240
GAAACAGAC TCTTTAGCCC ACTGATCAG TGAGGATTGT CGCATGGGCG CTGGGATAGC 300
TGTCTCTTT AAGAAGAAAT TTGGAGGGGT GCAAGAAGTT TTAATCAAC AAAAGAAATC 360
TGGAGAAGTG GTTCTCTGA AGAGAGATGG GCGATATATA TATTACTTGA TTACAAAGAA 420
AAGGGCTTGG CACAAGCCAA GTTATGAAA CTTACAG 480
Name: 329 Len: 448 Check: 770
TTTTTTTTT TTTATGATG CACTCCAGT GCCATATGTC TATTTTATTC TTCAGGAAAT 60
TATATTTTT TTTTACAAGA GCACAACAGG AAGCAAAGTA AAAGAGTAAT AGATACAGCA 120
CTCAGGATAA ATCATATCTT TAAAATAATA ATAAAAAAT TTACACCTTG TCCTATATCC 180
TSTTAGTATT TTCATAATAT GGCCATGATT GAAAAACAA AAAGCAAGCA TCTACAATTT 240
TTTTTGATAA AGACTTTTTA TGCCAGGAAT GGATTAATTA CCAACAAAT TTATACTAAT 300
CAGGCTGATG TCAATCTATT TTTGTAATGT ATCATTAACA AATTTATTTT GGAAAGATA 360
AAAATATTGC CCTTGATAA TAAATCTTT TTTCTTTGA TGCAACAGC TAGAACACCT 420
TTTTCTTTT CTTTTTGATA TTCTAAGA 480
Name: 33 Len: 464 Check: 1837
TATTCAGGC AACTTTTCCA GTATGCTTAC CTTGTTACGA CTTATCTCT CTCATAAAGC 60
GATGCTAGA AATTAATTAT GTTAAGTTTA ATTTAATTTG AGGAGGGTGA CCGGCGSTGT 120
GTGGCTACTT CATGCTCAA TTCAATTAAG CTCTCTATTC TTAATTTACT ACTAAATCCT 180
CCTTAGTCTT TTAGTTTCAT AAAGGGTATA GTAATGTTCT TTTATAAGAA AATGTAGCCC 240
ATTTCTCTCT ATTTGATTGG CTACACCTTG ACCTAACGTT TTTATGTTTG ATTCTTTTGG 300
TTACTTTAAT AACTTTTTAG GGTGTTGCTGA AGATGGCGGT ATATAGGCTG AATTAGCAAG 360
AGATGGTGA GTAGAGCGGG GTTTATCGA TTATAGAACA GGCTCTCTA GATGGATATA 420
AAGTACCGCT AAGTCTNTG AAGTTTTAAG CNATGGCTAG TACT 480
Name: 330 Len: 373 Check: A98
GTTGCACAT CCGTCGGCCA TGACTGTGTA TGTCTGTGTG GTGGTGTCTT ACTTCTCAT 60
CACCGGAGGA ATAATTIATG ATGTTATTGT TGAACCTCCA AGTGTGCTT CTATGACTGA 120
TGAACATGG CATCAGAGGC CAGTAGCTTT CTTGGCCTAC AGAGTAAATG GACAAATAT 180
TATGGAAGGA CTTGCTATCA GTTCTTATT TACAATGGGA GGATTAGGTT TCATAATCCT 240
GGACGATCG AATGCACCAA ATATCCCAA ACTCAATAGA TTCTTCTTC TTTTCATTGG 300
ATTGCTCTT GTCTATTGA GTTTTTTGAT GGCTAGASTA TTTATGAGAA TGAACCTGCC 360
GGCTATCTG ATG 480
Name: 231 Len: 306 Check: 2629
GGGGAAGAG AATAGGACTA TACATCACC CAGCTCCACC GAGGTCTGGA GGCCAGGCGG 60
GAGGTGCTTC TCCGCAATGA CTTGGCACC ACCATCATCC CGACACCCAT GTACCGTCT 120
CGGCGAGGCA AATCAGATGA AATCGGCAAC TTTATAATTG AGAAGCTGAA GCGGCTAAC 180
ACAGACCCCA CAGGCTCGGC CTACGACACC CTCTTGGTGT TCATATATGA GGGCAGCGGC 240
TCCGACGCT CTTCTCTGAG CTCTCTCAC TCCTCGCTT CCGACCAAGA CCAAGATTAC 300
GATTAT 360
Name: 332 Len: 626 Check: FF
TCACGTATCG CAAGGGGCTT TTATTGATT AGTTGCTGG GCGAATCAGT TCTTCCCGAG 60
AGCAGCAAGT GCAGGCATTA GTGTACAGAA TCCAGAGGAA GGGCAGGCTG CTTGGGTGAG 120
GCTACTCCT CTGGAGACAT GTGGAGTTCT CTAGGGGTCT GCAGCCACCT CCGGGAGCTG 180

AGAGATTTC	TCCGAGACAC	TCTACATAT	AGGAAGSTCA	TGCTTCTATC	TATTCGGA	240
CGGTTTTTC	TGCGSTATTC	CTGTAGCGGC	TTCTCGGTA	CTGTGTCCAT	AAACTTAGGG	300
TTATCCCTT	AGACTTTTC	TGTAACAC	ACTGTATCG	GGTCAGATC	AAATAGCTT	360
ACATACACT	CAATGACAC	GGAGGGGAC	TCTGATCAG	AGGAATGGGT	GGTACGGSTG	420
GAGATCCAA	GGTAAGTACT	TCTCTTCGTC	CTGTGTGAG	GTTAGCCAA	TGCGAAACCC	480
AGTTTGAAT	GGTGGTTCAG	CTTGTCTCCAG	CAGGGAATGA	GGTGTGAGC	ATCTTTGAC	540
TGGAGAGAT	GCAGCAGTTC	CCTGTANTGC	TCTGTNAGCC	TTTCGGGACCC	TGAGCGGAST	600
CCTTAAATTC	TGCGCAAGTT	AGCTGG				620
Name: 131 Len: 4398 Check: F00						
GAATTCCTTC	TCTGAGGGGC	GTCCGGTTAC	ATCCCGGCTT	TCTCTCTCTC	TGCTCGCGGG	60
ACCGGTTTT	CGCGACCGCA	GTTCGGGAAC	ATGTTGGCTT	CGAGCAGCTC	GATTCGGGCT	120
CGTTGGAATC	GGCGGCTGCT	GTTCGGGCTG	CTGCTGGCGG	GGGCTGTGGG	CTGCTGTAGC	180
CGTCAAGAGC	TCTTTTCCCTT	CGGCCCCGGA	CAGGGGGACC	TGGAGCTGGA	GGAGCGGGAT	240
CACTTCTGCT	CTCCTTCCCTT	GGAGCTGAGT	GGGGCGCTCC	GCTTCTACCA	CAGATCCGAC	300
ATCGAGCGAG	TCTACGTCAAC	CACAAATGGC	ATCATTGCTA	CGAGTGAAC	CGCGGCGAAA	360
GAATTCCTTC	CGGGGCTCTT	CCCACCAACA	TTCCGTGACG	TCGCCCCCTT	CCTGGCGGAC	420
TTGGACATGA	CCGATGGCTT	GGGGAAGGTT	TATTATCGAG	AAGACTTATC	CCCTCCATC	480
ATTGAGCGAG	CAGCAGAGTG	TCTCCACAGA	GGGTTCCCGG	AGATCTCTTT	CGAGCTAGT	540
AGCGCGCTGG	TTGTCACCTT	GGAAATCGTG	GGCCCCCTAC	AAGGGCCGAG	CAGCGGCTCA	600
GACGAGAAAG	GCAAGAGAAA	CACGTTCCAG	GCTGTTCTAG	CCTCCTCTGA	TTCCAGCTCC	660
TATGCGATTT	TCTTTATATC	TGAGGATGGT	CTGCAGTTCC	ATACGACAT	CTCAAGAGAG	720
GAAAACACCC	AAGTTCTCTG	CGTGGTTGCA	TTGAGTCAAG	GTTGAGTGGG	ATTCTTATGG	780
AAGAGCAAGC	GAGCTTATAA	CATATTTGCT	AATGACAGGG	AATCAATTGA	AAATTTGGGC	840
AAGAGTAGTA	ACTCTGGGCA	GCAGGGTGTG	TGGGTGTTTG	AGATTGGGAG	TCCAGCCACC	900
ACCAATGGGG	TGGTGCTGTC	AGACGTGATC	CTCGGAACCT	AAGATGGGGC	AGAGTATGAT	960
GATGAGGATG	AAGATTATGA	CCTGGCGACC	ACTGCTCTGG	GGCTGGAGGA	TCTGGGACCC	1020
ACCGCGCTTC	CCTAGAAAGG	TCTGAGAAAG	GGAGGTGCTG	ACACATACAG	TCTGGCGAGC	1080
GTCTCTCTCC	CGCGCGGGGC	AGCTACCGAA	AGGCCCCCTG	GACCTCCGAC	AGAGAGAAAC	1140
AGSTCTTTTC	AGTTGGCAGT	GGAGACTTTT	CACCAGCTAG	ACCTCTAGCT	CATAGATGTG	1200
GATGAAGTTG	AGGAAACAGG	AGTTGTTTTC	AGCTATAACA	CGGATTCCCG	CCAGAGCTGT	1260
GCTAACAAACA	GACACCACTG	CTCGGTGCAC	GCAGAGTGCA	GGGACTACGC	CACGGGCTTC	1320
TGCTGCAGCT	GTGTGCGCTG	CTATACGGGC	AATGGCAGGC	AATGTGTTTC	AGAAGGTTCC	1380
CCCCAGCGAG	TCAATGGCAA	GGTGAAAGGA	AGGATCTTTG	TGGGGAGCAG	CCAGGTCCCC	1440
ATTGTCTTTG	AGAACAATGA	CCTCCACTCT	TACGTAGTAA	TGAACACAGG	GGGCTCCTAC	1500
ACAGCCATCA	GCACCATTCC	CGAGACCGTT	GGATATTCTC	TGCTTCCACT	GGCCCCAGTT	1560
GGAGGCAATCA	TTGGATGGAT	GTGTCAGTGC	GAGCAGGACG	GATTCAAGAA	TGGGTTTCAGC	1620
ATCACCGGGG	GTGAGTTTAC	TCGCCAGGCT	GAGGTGACCT	TGCTGGGGCA	CCCGGGCAAT	1680
CTGGTCTATTA	AGCAGCGGTT	CAGCGGCATC	GATGAGCATG	GGCACTGAC	CATCGACACG	1740
GAGCTGAGAG	GGCGGCTGCC	GCAGATTCCG	TTCCGGCTCT	CCGTGCACAT	TGAGCCCTAC	1800
ACGGAGCTGT	ACCACTACTC	CACCTCAGTG	ATCACTTCTT	CCTCCACCCG	GGAGTACAGC	1860
GTGACTGAGC	CGGAGCGAGA	TGGGGCATCT	CCTTACAGCA	TCTACACTTA	CCAGTGGGCG	1920
CAGACCTATCA	CCTTCCAGGA	ATGCGTCCAC	GATGACTCCG	GGCCAGCCCT	GGCCAGCACC	1980
CAGCAGCTCT	CGGTGACAG	CTGTGTTCTG	CTGTACAAAC	AGGAGGAGAA	GATCTTGGGC	2040
TAGCTTTTGA	GCAACTCCAT	TGGGCCTGTG	AGGGAAGGCT	CCCTGATGTC	TCTTCAGAAAT	2100
CCCTGCTACA	TGGGCACTCA	TGGGTGTGAC	ACCAACGGCG	CCTGTGGCCC	TGCTCCCGAG	2160
ACACAGTTCA	CCTGGGAGTG	CTCCATCGGC	TTCCGAGGAG	ACGGGGCGAAC	CTGCTATGAT	2220
ATTGATGAAT	GTTCAGAAACA	ACCTCAGTGC	TGTGGGAGCC	ACACAATCTG	CAATAATGAC	2280
CCAGGAACCT	TCCGCTGCGA	GTGTGTGGAG	GGCTACCACT	TTTCAGATGA	GGGAACGTGT	2340
GTGGCTGTTC	TGGAACAGCG	CCCATCAAC	TACTGTGAAA	CTGGGCTTCA	TAACTGGGAC	2400
ATACCCCAAC	GGGCCCCAGT	TATCTACACA	GGAGGCTCCT	CCTACACCTG	TTCTTCTCTG	2460
CCAGGCTTTT	CTGGGGATGG	CGAAGCTGTC	CAAGATGTAG	ATGAATGCTA	GGCAAGCTGA	2520
TGTCACTTTC	AGCTCTTCTG	CTACAACTCT	CCAGGCTCTT	TCACTGTGTA	GTGCAAACTT	2580
GGTTATCAGG	GAGAGGGCTT	CGGTTGGCTG	CCCGGAGAGG	TGGAGAAAAA	CCGCTGCTCAG	2640
CACGAGCGAG	AACATCTTCT	CGGGGCAGCG	GGGCGGACAG	ACCCACAGCG	ACCCATCTCT	2700
CCGGGCTTGT	TGCTTCTGTA	GTGCGATGCG	CACGGGCACT	ACGGGCGGAC	CCAGTGGGAC	2760
GGCAGCAACG	GTACTGTGCT	GTGCGTGGAT	CGCGACGGCC	GGAGGTGGA	GGGCAACGAG	2820
ACCAGGCGCG	GGATGACGCC	CCCTGTGCTG	AGTACAGTGG	CTCCCCGGAT	TACCAAGGGA	2880
CCTGGGCTTC	CTACGCGCTT	GATCCCTTTC	CCTCCTGGGA	CCCATTTACT	CTTTGCTTAC	2940
ACTGGGAAGA	TTGAGCGGCT	CCCCCTGGAG	GGAAATACCA	TGAGGAAGAC	AGAAGCAAAA	3000
CGCTTCTTTC	ATGTCCCGGC	TAAAGTCATC	ATTGGAGTGG	CCTTTGACTG	CTGGGACAAA	3060
ATGCTTTTAC	GGAGCGACAT	CAGTGAAGCT	TCCATTGGGA	GAGCTAGTCT	ACATGGTGGG	3120
GAGGCAACCA	CTATCATTAG	ACAAGATCTT	GGAAGTCCAG	AAGGTATCGC	TCTTGATCAC	3180
CTTGGGCGCA	ACATCTTCTG	GACAGACTCT	AACCTGGATC	GAATAGAAGT	GGCGAAGCTG	3240

SACUS IACUS	ACGCGGG JT	GCTCTTTT	ACAGACTGG	ACAGAGATAA	AGGATTTSTA	3307
AUGGATTCCG	ACAGAGGGAR	CCTTTACTTG	ACAGACTGGA	ACAGAGATAA	CCGCAAGATT	3360
GAAACTTCCT	ACATGAC TG	CAAGAACCG	AGGATCCTTG	TGCAGGATGA	CCTGTCCTTG	3420
CCCAATGAC	TGCACTTCGA	TGCTTTCTCA	TCTCAGCTCT	GCTGGGTGGA	TGCAGGCAAC	3440
AATC33333	AATGCTTGAA	CCCCAGTCAG	CCGAGCAGAC	GCAAGGCTCT	CGAAGGCTCT	3440
CAGTATCCTT	TTGCTGTGAC	GAGCTACCG	AAGAATCTGT	ATTTACACAGA	CTGGAAGATG	3460
AATTCCTTG	TTGCTGTGAC	TCTTGCAAT	TCCAAGGAGA	CGGATGCTTT	CCAAACCCAC	3460
AAGCAACCT	GCTGTATGG	CATCAGCAG	GCTGTGCTCT	AGTGTGCGCA	AGGCAATAAC	3460
TACTCTTCAG	TGAACAATGG	CGCTTGCAAC	CATCTATGCT	TGCGCAACCC	AGGCAATCAG	3460
AGCTTCCTGT	GCTCTGACAA	CACCTTGGGA	GTTCAGTGT	TGGAACCGAA	ATGAAGACAA	3460
GAGTTCCTTA	TTCTCTTTCC	AAGTATTTCA	CAGCAACACT	CTACTTGAAG	CAACTTGGTC	3460
CAGATTGAAA	AGTGTCTCT	GGCTGAGTGG	CCACTAGGCC	CAGACCCAGC	CCAGCTTGAG	3460
CCCCAACAA	AAGTTTTCCT	TCACTGTTC	CCAAAACATG	CACCTTGGAC	TTCTCTAATA	4020
GAAAAGTCT	CACCTCTACA	CAAGGACAGA	AGCTCCACCC	CCTACCCCCA	AGCTCTAGAC	4080
AGACTTATAT	AGCTCTGAGT	GAGGATTACA	TGCTCTCTCT	AGTGTCTCT	GAGCTTTTCC	4140
CAATACTAG	CCCCCAGTGG	TGAACAGAAC	CTCCCAAATT	TGAGTTGCA	CCTTCTCTGT	4200
GGCTTATGA	GCTTCAGCCT	GCTTTGAGGT	CCGACCGTCT	CTGTCTAGCT	CTTGAACCTAT	4260
GAGTTCCTGT	CTGACTAGGA	AAAGTTGGA	CTTAAGGAGG	AAATTAGCAT	TCTTAAATGT	4320
TTTGTCTTG	TGCTCTGAAT	TTCTCTCTTA	TTATAGTCT	ATAGTTTCT	TCTCTAGTTC	4380
CTCAGCATTA	TCATCTTGTC	TAAGACCCCT	ATTATAATAT	TCATGCGCT	CTTTTTCTAT	4440
AAAACCTAAC	CTGTCTTAGA	GATCTATGG	CATTTGGTGG	ATGATAATGA	GCAGCCCTCT	4500
CCAGATAGAA	TGTCATATAT	TGAGCAGTAG	GATATTGGCA	TTTGTAGT	AAAGGCTTAA	4560
ATCAAAAGAA	TGTCATATGG	TAGGAATTT	AAGGTGTAGG	TCAGATATTT	GAGAATAGGG	4620
GATTTTTTT	ATGTGCTTAA	AATTATACCA	AAGATTACTA	ATTATCTCT	TTTGCCCAAA	4680
ATACTTGCA	CCAAGGTTCT	AGTCTCTCT	GCTGTCTCT	TCTTTAGCT	CACTGCTGGC	4740
ACTGATGCT	CTCTTTTCT	ACGGAGACCT	ATCTGAGGTA	CAGGATGCG	CTGGCAGCAG	4800
ATGATGCT	ACCACAGTCT	CTCACCTCT	GCTCCACAT	GACAGAACTA	ATTTACACTC	4860
AACCATGACC	TCACCCCTCT	TTGGTTTCT	CCTCCCCG			4920

Name: 334 Len: 429 Check: 74D

TGTTTCGGAG	GONAGCGGGG	CNNGNCNTGT	GACAACTGCC	NGTAGACCTG	GGGCTGCTGA	60
ACCCAGTCCC	GATGGCACCA	CCGGCCACAC	CTACAACCAG	TATACACAGA	GATACAATCA	120
GAGAACAAAC	ACTAACGTAA	ATTGCCCTAT	TGAGTGCTTC	ATGCCGCTAG	ATGTGCAAGC	180
TGACAGAGAC	GATTCTCGAG	AGTAATCTTT	CCAGCCCCAC	CGGTACAAAT	GTNTNCTAC	240
CAAGGTCAAT	CCACACCCCA	GTGATGTTAG	CAGACCTCTC	ATCTTTGAGT	GGTCTTTTCA	300
CCCTTAAAGC	TTTTGCTCTG	GAGCCATGTT	CTCAGCTTCA	GACAATTTAC	AGCTTCTCCA	360
AGCATCGCCC	GTGGATTGTT	TTGAGACTTC	TCTCCTCAAT	GGTGACAGTT	GGTCACTCTG	420
TCTGCTTCA						429

Name: 335 Len: 411 Check: 55

CCCCACGAGC	CATCTGCAAA	ATCCCGGAAG	AGCCAAAGGAG	GGGGACACAG	GCAGTACCAG	60
TGGCACCAGC	AGCCACCCAG	CCCCCTGCCG	CCTGTACCTT	TGTATCTCTC	TTTCCCCAGG	120
GCCTGTGCTT	GAACCTGAGG	CACTGCACAC	CCCCACACTC	ATGACACAC	CCTCCCTAAC	180
TCCTTTTCA	CCCAGCTG	TCTTCACCTA	CCCCAGCACT	CCTGAGCTTT	GTGCTTCAAG	240
TCATGCAAG	AGTAGCAGCA	GCAGCGGAAG	ACCATCCTC	TGACCCCTTT	GGCTCTCCAA	300
CCCTCTCTGC	TTTGTGAGGC	GCCTGAGGCC	TACTCCCTGC	AGATGCCACC	CTTAGCCAAT	360
GTCTCTCTGC	CTTCCCCCAC	CGGTCCAGCT	GGCTGGGACA	GTATCCAGAA	A	411

Name: 34 Len: 308 Check: 3A1

CCGCGAGAGC	TGGGTGAGGT	GGGACTGGT	ACTCTCAGAA	GCTCCTCGGT	GCAGTTTTGT	60
CTGGGCAGAC	TGGGAGGGAG	CAGGCGCTCG	CGGAANACCG	TCAGTTACTG	GGTTTGTTC	120
CCTGTTTCCA	GCAAGTTTTG	GTCTTTTGGG	CAGAAGCCTG	TTGACCAACT	GTGGGCCACC	180
ACAGTCTTGC	ACAGAAAGGT	GGCACCAGCA	GTGGTTTGTG	GCCCTCACTA	CCAAAGCCAC	240
GGGAAGCCCA	ATTTCCAGTA	GGATTGCCCG	TTTTGAATTC	TTTTCCCAAA	AGCTAAATNG	300
AGTTTNA						308

Name: 35 Len: 435 Check: 21E

AAAAAGCCAT	TAATATTCAA	ACAAAGGAAT	CACATTTTAA	AAACCCCTATA	CATAAGAAAC	60
AGCCTCCAGG	AACATTCAA	CAGCAGTCA	GAGGGAAAAA	TGTTTCAATA	GCCCAGTTTT	120
CTTCAAAGTA	TGCCAGAGAA	TACAATCCAA	TTCAGTCTA	CAATTCATAG	AATTTGTCAG	180
TGTTTTCTTG	AGACGCTGAG	GTTCACTCTT	GGCAGTTTCC	AAGTGCCCGC	ATGTGCTGCT	240
CAGAAAGGCC	AGCGNAGACN	AGCTGCCCGG	AAGAAGTTTC	ACTGCTGGAA	AACTGCTCCG	300
CTCCCAAGGA	AAGCCCAAGC	AAGGCTTGGG	CTGTTGGTCA	CAACTTCATC	CTTTCTCCAG	360
GGTCATCCAG	CTCCACGTCA	CTTGAAGTCA	ATGTCGTCT	CCACAGGGAA	GCTCACCATC	420
CTTTGCCATC	CCAGG					435

Name: 36 Len: 505 Check: 2510

CCGGCAACGT	ACACCTTTTT	TATTAAGGCG	CTTCTATTGT	GTTCTGAAGT	TCCATCTCTG	60
------------	------------	------------	------------	------------	------------	----

20

TTACAAAGATT	AATATACTTT	AAATACCTTG	TAATGCTGCT	GTACATACAA	TTATGATGTC	120
TGTGTGTGTA	TTATATATAC	TACTATATTA	TGAACACCTG	AGTCATGAAA	GTGCTTGCAA	180
AGTGTGCTTT	AAAATGCTCA	ACCTTTTTTA	CTTTTTTCAT	ACATGGAAT	CATATTCTT	240
ATGAAGGCTT	GCATATGAA	AAAAGTCACT	TTGCTGTGAG	AGGTGTGAGC	CATCATCATT	300
TTGAGGCTTT	TGCCATCTTT	TATTCTGGGA	ACGTTTTCTG	GGTTCAGTGA	CATCATTACT	360
TTGTAATAAG	TTTTGCTCGT	TGCTTAAAAA	GCTGCTCTGT	AGCAACAACT	GTCTCATCCC	420
TTCAAAAGCTT	TTCAAGGAG	TTTAGCTATT	TGAAAAGGGG	GCCTTCTAGC	TTTATCTTTT	480
CATAATAAAC	TGCTGGGCAT	GGCTT				540

Name: 37 Len: 451 Check: A27

TTTTCTTGAC	TTTAAATGAT	AACTTTTTAT	TGTGAATATA	CTGTTTTTTG	ACAGATTTTA	60
ACACAAAGATT	TTCTGGGATT	ATAAATATT	TATAACAGTA	TTATACAAAT	TTTTACAAAA	120
TCTTTCTATC	AGGCTAGGTA	ATTTTCACAA	AATGTCTCAAG	AGAACAAAT	AAAGGGGAGA	180
AAAGATCTAT	TGTTACACAA	AGCCAGTTGG	CTTTTTCAT	GAATGCACAC	CATTTTAATA	240
AAAGTATTTC	TAAAAGCATG	ATCCGACACT	CATACAAAC	AACAAAAAG	ACAGCTTTAC	300
TAGGTGACAT	TATAAACTCA	ACTGGCATCT	ACACAAGACA	GTATCCCAT	AGTTTCAGTG	360
GAATTTGAGA	TAACTTGTGT	GAAGTAGAAA	TAAGGTAGAT	GAAAGATTT	CCAATTCTTC	420
UAAAATCTTG	AATTTTTTTT	CACACTCCAA				451

Name: 38 Len: 245 Check: CDE

GATTTTGGCT	CTTGTACCTT	TAAGAGCTAC	AGGTAGAGAA	ACCTTCACCG	GGTGGAGAGA	60
GGATTCTAAG	GCCTTTCTAG	CGTGACCTTT	TTCACTAGTG	CTAGTCTCTT	TTTTACTTGA	120
TCTTAATGCT	AAGAAGGCCA	CAAAGGTACT	TTTCTTTTTT	TAGCTCAGGA	AATATGTCAG	180
GCTCAACCA	CTTCTCAGGC	AGTTAATGG	ACACTAGTCC	ATTGTACAT	GAGGTGATAG	240
ATAGC						245

Name: 39 Len: 403 Check: 185

AATTCAAAGG	TAAATACACT	GAGTAAAGAG	CTACATTGAG	AGTTCTCASA	AGTTATGAAT	60
GAAATCTGGG	CTAGTGATCA	AATCAGAAGT	GGCTCTCTTA	TCTCATCAAA	GGAGGCTGC	120
TTTATTGAG	GTGCTGATAT	CAACATGTTA	GGCTCTTGCA	AGAGCTTTCA	AGAGGTAACA	180
CAGCTATCAC	AAGAAGCACA	GAGAATAGTT	GAGAAACTTG	AAAAGTCCAC	AAAGCTATT	240
GTGGCTGCTA	TCAATGGATC	CTGCTGGGGA	GGAGCACTTG	AGTTTCTCAT	TTCTATGCCAA	300
TACAGAAATAG	CAACAAAAGA	CAGAAAAACA	GTATTAGGTA	CCCTGAAGTT	TTGCTGGGGG	360
CCTTACCCAG	AGCAGGAGGC	ACACAAAGGG	CTGCCCAAAA	TGG		403

Name: 4 Len: 433 Check: 1372

GACTCTTTCA	CGTCAGGCTC	AGGTTCCATG	GGAGGACGAA	GCASTGGAGC	CATTGTGGGC	60
TTTAGGGACA	GATGAGTTTT	CCAGATAGTG	TCAGCTTATT	TGAAGATTAA	TTTTCTTTGT	120
TAACTTAAAA	TAACTATTTT	AACCTTTGAG	TGGCTTCTTT	TTAAACCAAA	AACCGTCTTT	180
CTTTGCTTTT	TTATCACAGC	AGAATCAGGA	TCTCTTTCTC	ATTCAAGGCG	GGAAACCACC	240
CAGGGTCAGC	GCTGCGCCTG	CTGTGGCCGC	CGCGAGCCAC	GNCCTCTGCG	ATTCTTTTGG	300
TACCGTCACT	CTTGGCTTGT	GCCTTCCACA	ACTTCTCGGT	TGCAGATCCC	TATGGGGGGA	360
AGCTTGCCCT	AANGTICTCT	GGAACITGGT	CAGAAGCAAG	CGCTGGGCTN	GGGTGTTTNC	420
CTGGGGCCAA	TTT					433

Name: 40 Len: 527 Check: 26AF

GGACATGAG	GGCTCTCAGT	GTCTCTCTGC	ACACTGGACA	GAAGATGCTT	CTGATTGGTC	60
TGGGACATG	GAAGAGTGAG	CCTGGTCAGG	TGAAAGCAGC	CATTAAACAT	GGCTTAGCG	120
CAGGCTACCG	CCACATTGAT	TGTGCTTCTG	TATATGGCAA	TGAAACTGAG	ATTGGGGAGG	180
CCCTGAAGGA	GAGTGTGGGG	TCAGGCAAGG	CAGTCTCTCG	AGAGGAGCTG	TTTGTGACAT	240
CCAAAGCTGT	GAATACTAAG	CACCACCCTG	AGGATGTAGA	ACCTGCTCTG	CGGAAGACAC	300
TGGCTGATCT	GCAACTGGAG	TATTTGGACC	TCTATTTGAT	GCACTGGGCT	TTAATGCCCT	360
TGAAGCGGGG	GAGACAATCC	CCTTTTCCCA	AGAAATGCCG	AATGGGAAT	GTGAGATATG	420
ACTGCAACTC	ACTATTAAAG	AGACCTGGAA	GCTCTTTGGA	AGTACTGCTG	GTAAAGGGG	480
CTGCTGAAGG	CCCTGGGCTN	TGTCCAACCT	TCAACAGTGG	GCAAGAT		527

Name: 41 Len: 449 Check: 516

CATAATTGAG	AAACGACAC	TGGGAGAAGC	AGAGATTGAG	CGTGGGCGG	AGTATCTCTG	60
AGAGAGATCT	AGGAGTTGGA	AACCAACTTG	CAAGAAGTTG	TTTTTGATTA	TCTTCATGCG	120
ACAGCTATCA	AAATACTGCA	CTTGGACGGA	CAATTCTGGG	ACCAACTGAA	AATATCAAA	180
CTATAAATCG	TAAAGACCTA	GTGGATTACA	TAACACACAC	CTACAAAGGA	CCAAGAATTG	240
TACTGGCTGC	CGCGGGAGGT	GTGTGCCATA	ACGAAGTCTG	GGAGTTAGCA	AGTTTCCATT	300
TTGCTGACTC	TTTGTGCTCA	CACAAAGGGA	GCTATAACAG	CTCTGCTCTG	CTGGCAAGTT	360
CAGTGGAAAT	GAAJATTGCG	GGTGAAGGGA	TGACCAGGAT	GGCTNTTGGG	GAACTCTGGC	420
AATAACTGCT	TTGANCCAAT	TTGGTTGGG				449

Name: 42 Len: 411 Check: 13A6

TCTTCTGGC	CAATGGCTCT	CGGGGCGGCT	CAGAGCAGTT	CATCAACCTG	CGAGAGGTCA	60
GCACCTGGCT	CGGCTGCGA	CGGGGGAGT	ATGTGGTGGT	GGCTTCCACT	TTGAGCCCCA	120
ACAAGGAGGG	CGAGCTTCGT	GCTGCGCTTC	ATTCTCAGAG	AAGAGTGCTG	GGACTGTGGA	180

GCTGGATGAC CAGATCCAGG CCAATCTCCG CGATGAGCAA GTGCTCTCAG AAGAGGASAT 140
TGAGGAGAAAC TTCAAGGCCC TCTTCAGGCA GCTGGCAGGG GAGGACATGG AGATCAGGCT 307
GAAGGAGTTG CCGATAATCC TCAATAGSAT CATCAGCAAA CAGAAAGAGC TGCGGAGCAA 360
GGGCTTCAGG TAAGAGTGGT GCCGCAGCAT GGGTGAACCT CATGGATCCT T 411

Name: 43 Len: 455 Check: 1D9D
TTTCTATTAA CAACTCCAC 3GTGGGAAGA CAGTTTATCA CTTAGTCTTA TACTTTTGGG 60
CAGCTCACTT CTGCACAAAT GAGATACATT TGAAGAGTAG TCTGTTTGGC ATCTGTCTA 120
TTTTAATCCA CAAACAAAGG AACTCCCTA AATTGAACCT GTCTAAATCC AGCTTTCTCT 180
AACTTCCTTC CTAAAGACTA CACAAATAG TCATTGAGAG CATCTCTGA TTTAATGTTC 240
CCTAGAAGCA GAGCCTACAA CAGAGCTGGT GTCACCTGAA CAAGAATGG AGCTTCCAAA 300
GGGAATACTT TCGAGCTTCA TGCAAAGTCT AACTCAGGAG GGAACAGGCG TCCCTCTTGG 360
CTAAGAGAT GCTCTTATC CTGGACAGCA ATCAGCTGGC TCTCTTAAG AATGGGGTGG 420
GTCAAAGGGG NACATGAGCT CATGAAATGT TCAGT 455

Name: 44 Len: 312 Check: 7C1
CTCACHTGTG GNAGATATGG AGCGGAGAGA CGTTGACTTT GAGCTTATCA AASTAGAAGG 60
CAAGTGGGGC GGCAGGCTGG AGGACACTAA ACTGATTAAG GGCGTGATTG TGSACAAGGA 120
TTTCAGTCA CACAGATGC CAAAAAAGT GGAAGATGCG AAGATTGCAA TTCTCACATG 180
TCCATTTGAA CCAACCAAC CAAAAACAA GCATAAGCTG GATGTGACCT CTCTGAAGA 240
TTATAAAGCC CTTCAGAART ACCGAAAAGG AGAAATTTGA AGAGATGATT CAACAAATTA 300
AAGAGACTGG TT 312

Name: 45 Len: 600 Check: 1915
TCCGGAGCGC ACGTCGGCAG TCGGCTCCCT CGTTGACCGA ATCACCAGCC TCTCTCCCCA 60
GCTGTATTTC CAAATGTGCG CTTTCTAACA AGCTGACGCT GGACAAGCTG GACGTAAAG 120
GGAAGCGGGT CGTTATGAGA GTCGACTTCA ATGTTCTAT GAAGAACAAC CAGATAACAA 180
ACAACCAGAG GATTAAGGCT GCTGTCCCAA GCATCAAATT CTGCTTGGAC AATGGAGCCA 240
AGTGGGTAGT CTTATGAGC CACCTAGGCC GGCCTGATGG TGTGCCCATG CCTGACAAGT 300
ACTCCTTAGA GGCAGTTGCT GTAGAACTCA AATCTCTGCT GGGCAAGSAT GTTCTGTCT 360
TGAAAGACTG TGTAGGCCCA GAAGTGGAGA AAGCCTGTGC CAACCCAGCT GCTGGGTCTG 420
TCATCCTGCT GGAGAACCTC CGCTTTCTAT TGGAGGAAGA AGGGAAGGGA AAAGATGCTT 480
CTGGGAACAA GGTAAAGCC GAGCCAGCCA AAATAGAAGC TTTCCGAGCT TCACTTTCCA 540
AGCTAGGGGA TGTCTATGTC AATGATGCTT TTGCACTGTC ACAGAGCCAC AGCTCCATGG 600

Name: 46 Len: 598 Check: 154B
TTATGCCAAA AATGGAGAAC TACTTAAATA TATTGCGAAA ATCGGTTCTAT TCGATGAGAC 60
CTGTACCCGA TTTTACACGG CTGAGATTGT GTCTGCTTTA GAGTACTTGC ACGGCAAGGG 120
CATCATTCAN AGGGACCTTA AACC GGAAAA CATTTTGTTA AATGAAGATA TGCACATCCA 180
GATCACAGAT TTTGGAACAG CAAAAGTCTT ATCCCCAGAG AGCAAACAAG CCAGGGCCAA 240
CTCATTGCTG GGAACAGCGC AGTACGTTTC TCCAGAGCTG CTCACGGAGA AGTCCGCTG 300
TAAGAGTTCA GACCTTTGGG CTCTTGATG CATAATATAC CAGCTTGTGG CAGGACTCCC 360
ACCATTCOGA GCTGGAAACG AGTATCTTAT ATTTGAGAAG ATCATTAGT TGGAAATATGA 420
CTTTCAGAA AATTTCTTCC CTAAGGCAAG AGACCTCGTG GAGAACTTT TGGTTTTAGA 480
TGCCACANAG CGGTTAGGCT GTGAGGAAAT GGNAGGATAC GGACCTCTTA AAGCACNCCC 540
CTNCTTCGAG TCGTCACTG GGGAGANCTG CACCAGCGAC GCCTCCGAAG CTCACCGT 598

Name: 47 Len: 485 Check: 2256
AAATTTCAGAA AGGAGTATTT GAGGTGAART CCACAAATGG GGATACCTTC TTAGGTGGGG 60
AAGACTTTGA CAGGCTCTG CTACGGCACA TTGTGAAGGA GTTCAAGAGA GAGACAGGGG 120
TTGATTTGAC TAAAGACAA CAGGCACTTC AGAGGGTACG GGAAGCTGCT GAAAAGGCTA 180
AATGTGAAT CTCTCATCT GTGCAGACTG ACATCAATTT GCCCTATCTT ACAATGGATT 240
CTTCTGGACC CAAGCATTG AATATGAAGT TGACCCNGTG CTCAATTTGA AGGGATTGTC 300
ACTGATCTAA TCAGAAGGAC TATCGCTCCA TGCCAAAAAG CTATGCAAGA TGCAGAAGTC 360
AGCAAGAGTG ACATAGGAGA AGTGATTCTT GTGGGTGGCA TGACTAGGAT GCGCAAGGTT 420
CAGCAGACTG TACAGGATCT TTTTGGCAGA CCCCAGTAA AGCTGTCAAT CCTGATGANG 480
CTGNG 495

Name: 48 Len: 293 Check: 744
AAAAGAAATGA ATTGCAGCAG ACTATTAATA AATTAACCAA GGACCTCTGA AGCTGAACAA 60
CAGAAGTTGT GGAATGAGCA GTTAAAATAT GCCAGAGNAN NGAAGCGATT GAAACACAAT 120
TAGCAGAGTA TCACAAATG GCTAGAAAAT TAAACTTAT TCCCTAAAGG TGCTGAGAAT 180
TCCAAAAGGT ATGACTTTGA AATTAAGTTT AATCCCGAG GCTGGTGCAA CTGCTCTGT 240
CAAAATACAGG GGNCAAGNTT TATCTACCCG CTTAAGGAAC NCCCGAATGG AAA 293

Name: 49 Len: 632 Check: A95
GGCAGAGAAAT CAAAAGTTTC TGTGGGAATT TTAAATATAA AACTTGAAAT STATCCACCA 60
CTCAATCAAA CTTATCTCA AGAAGTAGTG AACACACAGC TTGCTTTGGA ACGTCAGAAA 120
ACTGCAGAGA AAGAGGAGT ATTTCTTGT TATGCTAAGC AGTGGTGGAG AGAATATTTG 180
CAAAATTCGAC CCTCAGACAA CTCAGGACTG GTTAAGATTT TTGCACAGGA TGAATATGGG 240

ATGAGAGAG CAGTGTGTTT CTATGTTAAA CCACTTCGAG CTGGAGGCTT TCTTGATACT 100
CCAGAGAAAG CAGCAAGATT TGTTAATGTC CTTGGTTATG AACGAGGCCC TGTATTGGA 160
GGAGAGGTA AACAGGAGCA GGGGTGCACT CTGCTGCTT TTTTGTGTA APACAAGGGT 120
GACTGTGAAG ATCAGGCTAA CTTTCTGTGC AGCTTCTTC TTGGATATG ATTAGAAGCC 480
TTTGTGTG TGGGGACCAA GGCAAAAGSA GTACCTCAT CATGGGTTAT GACTTGTGGA 540
ACTGATGGGG GCATCACTTT TGGAGAGTT TANAGGACC AGTACCTCC TAAACCTACN 600
AATCTGATG AACCTCCANT GTGAAACAGN CC 632

Name: 5 Len: 603 Check: 1078
AGGATGACCT CCACTTCATA NAAAACGAGT AGAAGATGAG AGCTTGGATA ACACATGGCT 60
AAATAGGANT GACATCATGA TTGAGACTCC TGCCGCTTG CAGGACCAAT AACTCACATC 120
CACTGTACTG CCGGAGAAAT GTGGGCTCAT GGGAGATCAG ATTCAAGAAC CTGAGTCTGA 180
ACATGTTCTT GAACAGAGCT TTTTACACAA TCTTCAGATG CAGATCTTCT GTTAGGCCA 240
GCGAGAGTTA GAAGACTTAA ATCGGAAGGA CAGAACAGGA ATGAATCTGA TGAAAGTGAG 300
AACTGAGTG AGGCATGCTG TTCGGGGTCT AATGGAGGNA GATGCTGAGC CCATCTTTGA 360
AGATGTGATG ATGTCATCCC GAAGCCAGTT AGAAGATATG AATGGAAGAA TTTGGAGGAC 420
ACCATGGGTT ATTGATCTGC CTCCCATCAA GAAATCGGGC AGANGAGAAT TGAGCTAAGG 480
CCGAGACTTC CTTTGACTCT GCCANTTATC CATNGGAGNT GGAATTCANGG ATTTGGGAAT 540
CCCTATGCTT TCTTGAAGTN CTGGGAGGAA ACTTTCCAAA CTTNGGAGCT CTATTAATTT 600
TGG 632

Name: 50 Len: 582 Check: 181
CCAGGCAATC CAAAATCCCC AAGCCCCGGA AGCCCCCTAA GCGCCCAAGG CCCCCCAAAA 60
CGCTGGAAGCT CAAAGATGGA GGCAAGAAGA AAGGGAAGAA GTCCCGGGAG TCAGCCTCAC 120
CCACCATCCC CAACCTGGAC CTGCTCGAAG CCCACACCAA GGAGGCACTG ACCAAGATGG 180
AGCGGCCCCA GAAGGGGCAAG GCCACAAAGA GTGTCTGAG TGTGCCCCAA AAAGATGTGG 240
TTACATGCA GAATGATGTG GAGAGGCTGG AAATTCGAGA GCAAAACCAAG AGCAAGTCAG 300
AGGCTAAGTG GAAGTACAG AACAGCAAACT CTGACTCTCT ACTGAAGATG GAAGAGGAGC 360
AGAACTAGA GAAGTCCCT CTAGCTGGA ACAAAGACAA TAAGTCTCT TTTTCTTTCT 420
CCAAACAAGAA ACTCCTGCGC TCAAGGGCTC TCAGGCCCCC GAGGAGGCTT GGTGTGTTCT 480
GGGCTTTGCA GAAGTTCAG GAGGACAAGC CCAAGCTCGT GCGGGATGAG TATGAGTACG 540
TGTCGGATGA CCGTGAGCTT CAGATCGAG AGTTTCCCAT CC 582

Name: 51 Len: 523 Check: 1E87
GGTGAGCTGC GACGTGACTG GCTAGCTGCG TGGGTACTGG AACAGCAAA CGAGGCAGCG 60
AGCGAAGGAC GGGAGCCGGA CCCTGGGCCC CGTGGAACCT CAGCCTGGGC CACCACGTCA 120
CGCACAGCT CGGCGCTGCG ATCCGCGCAT ATAACGATAT TTGGATTGGA CCGCATTTT 180
GGAATTTATC TACACTTAAA ATGCCACCAG CAGTTGGAGG TCCAGTTGGA TACACCCCC 240
CAGATGGAGG CTGGGGCTGG GCAGTGGTAA TTGAGCTTT CATTTCCATC GGCTTCTCT 300
ATGCATTTCC CAAATCAATT ACTGTCTTCT TCAAAGAGAT TGAAGGTATA TTCCATGCCA 360
CCACGAGCGA AGTGTGATG AATATCTCC ATAATGTTGG CTGTGATGTA TGGTGGAGGT 420
CCTATCAGCA GTATCTGCT GAATAAATAT GGAAGTCGTA TAGTCATGAT TGTGTTGGC 480
TGCTGTGAG CCTGTGGCTT GAATTGCAGC TTCTTCTGT AAN 523

Name: 52 Len: 348 Check: 1165
GCAGGCGCAA NTACCGGCGC TCGCAAGGA CCGTGAAGC TACCGTTACC CCGCCGGCAG 60
CGTGGGCGCA TGAGCAGCTC GGGACTGAAT TCGGAGAAGG TAGCTGCTCT GATACAGAAA 120
CTGAATTCG ACGCCAGTT CGTACTTGC CAGAATGTCG GGAACACCCA CGACCTGCTG 180
GACATCTGTC TGAAGCGGCG CACGCTGCAG CCGCGGCANA TGCTGTCCA GCACCGCGTG 240
CCCGAGGAGG GAAAGCCAA CACCAACCAG AAGAGCTCAG GCGGATGCTG GATCTTTTCT 300
TGTCTGAATG TTATGAGGCT TCCATTGATG AAAAAGTTAA ATATTGAA 348

Name: 53 Len: 355 Check: 1808
GGCGGCGNCG GCGGGCTANT ANGNAGGGTG CACAGAGAAC ACGCTAGCA TGAACAGTGT 60
GAGGATTTCA CCAGCTTTT CACCATGAAG GAGATAGACC GGGAGCGCTT GCGACANAGG 120
TGAAAGGGT TCTGGGATG CTCCAGCGCT CCGACAGCT GGAACAGCTG GAGCAGTATC 180
GAGGAGAGA AGCGGGGAG AAGCCCTCCG TGGACANGAA TTTGAAGAGA GCGGATCTGA 240
AAGCTCAGCT GCGGATTTCT GTCTGTGGG TCAGCGCTCC TGGGCTCAA TGTGTTGCT 300
GGCTGAACAG CAGGAACCTC CCGGCCCCAA AGCCAGTTGA ACTTCTGAC CGTTC 355

Name: 54 Len: 330 Check: 2652
AACHATGCH TTTTCTCTT CTACACACTT GGGGCTCATG TCTGAGCTG CAGAGGAGGT 60
GGGACTGGA GAGAGGCTG TGGATCTGCT GTGGGCTATG TGTAGGCTG CTTTAGAGTC 120
GCTAGAAAG AGCATCATCT TTGAGCTTAA TCTTCTGTG GTGAGCTCA CTGATCCCAA 180
GACTGTGGCT TTTAACCTA AGAAGAAGAA TTATGAAGCG GCTTCAGAAA GCTCTGGGAT 240
AGTGTGATCT CTATTCGGG AGATGACCCA GGGCTCATAA TTTGAAATC AAGAAACAGA 300
TGAACAAAT TTGATCCCT CTGGGCTCAT 330

Name: 55 Len: 451 Check: 1D53
PENGACAGAA AAGCTGTACG TTATATGTTG GAAATCTTTC TTTTACACA ACTGAAGAAC 60

AAATCTATGA ACTCTTCAGG AAAAGTGGTG ACATATAGAA AATCATTATG GCTCTGGATA 120
AAATGAGGAA AACAGCATGT GGATTCTGTT TTSTGGAATA TTACTCAGCG GAGATGCGG 180
AAAACCTAT GGGTACATA AATGGAAGG GTCTGGATGA CGGAATCATT CCGACAGACT 240
GGGAGGAGG CTTTAAGGAG GGCAGGCAAT ACGGCGGTGG NGAATCTGGG GGCAGGTTG 300
CGGATGAAG TATCGGCGAG GACTACCGAT GCTGGGAAGA GAGGCTAAT GGGAAACTG 360
GCACAGAAAG AGTGAGTGGT TGAGAGCTCT GTCAGTGACA AACACTCCTT TGGGCTGTTT 420
GAATTTGCTG AAGAACATTA CTTAAAGTCG G 481

Name: 56 Len: 355 Check: 1FEB
GGATCTGAGG TGAAGGGAAG GCTTCACATA CTGACTGTGG ATCTCAAGTA TACCATTGAA 60
AACTCAAGAG ACTTTTGGGA CTCACACCAAC CAGAGGCGTG TTAATGCTAT CATCGAGCAT 120
GTGCGGATG GAGTGTGCTT CAGGGGCGCTG CTCTCCAG ATTACTACCT GGTACAGTC 180
ATCTCTGAG GCATCAAGTG CCGAATCTTT CAGCGGGAAG CAGATGGCAG TGAAGTCCA 240
GAGCTTTTGG CTGCAGAAAG CAAATTTTTC ACTGAGTCGC GACTGCTTCA GAGAGATGTT 300
CAGATCATTC TGGAGAGCTG CCACAACCAG AACATTCTGG GTACCATCCT TCATC 355

Name: 57 Len: 463 Check: 291
TTSTTCTGGA TTCCCGTCTT AACTTAAAGG GAAATTTTCA CAATGTCCGG AGCCCTTGAT 60
GTCTCTGAAA TGAAGGAGGA GGATGTCCTT AAGTTCCTTG CAGCAGGAAC CCACCTTAGGT 120
GGGCGCATTC TTGACTTCCA GATGGAACAG TACATCTATA AAAGGAAAG TCGTGGCATC 180
TATATCATTA ATCTCAAGAG GACCTGGGAG AAGCTTCTGC TGGCAGCTCG TGCAATTGTT 240
GCCATTGAAA ACCCTGCTGA TGTGAGTGT ATATCTCTCA GGAATACTGG CCAGAGGGCT 300
GTGCTGAAAT TTGCTGCTTC CACTGGAGCC ACTCCAATG CTGGCGGCTT CACTCTGGA 360
ACCTTCACTA ACCAGATCCA GGCAGCCTTC CGGAGGCCAC GGCTTCTTGT GGTACTGAC 420
CCAGGGCTGA CCACAGCTCT CAAGGGGCAT CTTATGTTAC CTACCTAC 468

Name: 58 Len: 394 Check: E20
ACAGTGTGCG TTCAGCCCCA GGACTCGGAC TCGGCTCAGA CTCCGGTTCT TTGTTTCTG 60
GAAGGTGGA CCGGGAAGTA GGGGCGCAGG CTCGAGGGCC AGGTCCAAGG TCACAGAGCT 120
TTGGAGGTC CTTGTAGGCG GTGCGAGGGA CGGCGTTGAG ACAGGAAGTC CTTGGGTGGA 180
CAATGAGCAG GGTGGGAGAC AGGGGCGCTG GATGGGGGAC TCCAGAGGTC AGGGGTCTCT 240
GGGTGGAAG GAGGGGACT CACGGCTCCC AAGCAGGTTT TTAGAAGCTT TGTCAATGTA 300
AAGGCAGATG TTGSACTSTA CCAGGGTCTG CTCAGAGACC ACCTGCTCCC GACACTCAA 360
CGCAGACCTG GGGATCTCGG CAGGTATGAA CTGC 394

Name: 59 Len: 296 Check: 10B1
GCCAGGCGTA CTGACAGGTG GACCACCGGA CTGGTGGAGA TGGCGACGCT CTCTCTGACC 60
GTGAATTCAG GAGACCCTCC GCTAGGAGCT TTGCTGGCAG TAGAACACGT GAAAGACGAT 120
GTCAGCATTT CCGTTGAAGA AGGGAAAGAG AATATTCTTC ATGTTTCTGA AAATGTGATA 180
TTCACAGATG TGAATTCTAT ACTTCGCTAC TTGGCTAGAG TTGCAACTAC AGCTGGGGTA 240
TATGGCTCTA ATCTGATGGA CCATACITTA GATTGATCAC TTGGTTGGTA GGTTTA 296

Name: 6 Len: 573 Check: EDF
GGGACNCGCC GAGCCTCGTC AGCCTGCGCA GCGCCTCACA GSAGGCCAG CCGAGTGCA 60
GTCCAGAAGC CCGCCAGCG GAGGCGNCAG AGTAAAGAG CAAGCTTTTG TGAGATAATC 120
GAAGAACTTT TCTCCCGCGT TTSTTTGTTG GAGTGGTGCC AGGTACTGCT TTTGGAGAAC 180
TTGTCTACAA CCAGGGATG ATTTTAAAGA TGTCTTTTTT TATTTTACTT TTTTTTAAAG 240
ACCAAACTTT GTTGTTTTTT TTTTTCTCC CTTCCCCACA GATCCCATCT CAAATCATTC 300
TSTTAACCA CATTCCAACA GGTGAGGAG AGCTTAAACA CTTCTTCTCT CTGCTTTGTT 360
TCTCTTTTAT TTTTTATTTT TTCGATCAG TATTAATGTT TTTTGCATAC TTTGCATCTT 420
TATTCAAAAG TTGTAACCTT CTTTGTCTCA ATCTATGGGA CATGGCCCAT ATATGGAAGG 480
AGATGGGCTG GGGTCAAAA GGGGATATCA AATGAAAGTG GATAGGGGGC CACAATGGG 540
GAAATTAAG TGGGGGATA ACATGGCCAA AAT 573

Name: 60 Len: 436 Check: BE0
CGGACTCTCC GGGAAAGTGA CCGGCAAG AGGGGGCTAG CTAGCTAGTC TGTGCGGACT 60
AGGAGAGCTC CTGGGCGGCG CCGGTGTGAG GCGGCTCAC AGGBCCGGGT GGGCTGGCA 120
GGAGGGGCG CCGAGGAGG TGTGAGGAT GTGTGGAACA GAGGCGGGA CAGAGGAAGC 180
ATGGTCCGCT AGAAGCTGAG CACCTTTTGC CTCTTGTGCT TATACCTCAT CCGGGCGGTC 240
ATTGGGAGG GAGATTTCTA TAAGATCTTA GGGGTGCTC GAAAGTCTC TATAAGGAT 300
ATTAAGAAAG CCTATAGGAA ACTAGCCCTG CAGCTTCATC CCGACCGGAA CCTGATGAT 360
CCACAAGCCC AGGAGAAATT CCGGATCTG GGTGCTGCTT ATGAGGTTCT GTCAGATAGT 420
GAGAACT 461

Name: 61 Len: 461 Check: 1AA2
CGCTTCTGCT ACAAGGGGGA GGGGCTGAGC AAGATCAGCC ATCGGGGACT ACCTGGGGGA 60
GAGGGAAGAA CTGAAGCTTG CAGTGTCTCA TCGTTTTTGT GATCTGCATG AGTTTACCGA 120
CCTCAATCTG GTGAGGCGCC TCAGGCACTT TCTATGGAGC TTTGCGCTAC CCGGAGAGGG 180
CCAGAAAATT GACCGGATGA TGGAGGCTT CCGGAGGGA TACTGCTCTT GCAACCTCTG 240
GGTTTTCCAG TCCACAGACA CGTGTATGCT GCTGTCTTTC GCGTCTATCA TGCTCAACA 300

244
CAGTCTGAA AGTTCGATG TCCGGGACAA GCGGGGCTG GAGCGCTTTS TGCCCATGAA 360
CTGGGGGATC AAGAGGGGG GGGAGCTGGC TGAGGAGCTG CTCAGGAAGC TGATGACAG 420
CATCTGAAAT GAGCTCTTA AGATTCTGA GGATGAGGG A 460
Len: 422 Check: 2103

Name: 62
ATCAACAAGG AGATGCTAAA GGTGGAAG CAGAAAGCCT TGGTCAAGGA TACAGAGCTG 60
GACTTGCATG GTATTAGGA GATGCTGAAG AACTGCCCTT TGATGATGAC AAGTTTGATA 120
TTTACACCAT TGCCTTTGGG ATCCGGAATG TCACACACAT TGATCAGGTA CTCCAGGAAG 180
CTCATGCGGT GTGAAACCA GGAGGACGCT TTCTCTGTCT GGAATTTAAG CAAGTGAACA 240
ATCTCTCAT AACTAGGTT TATGATCTAT ATAGCTTCCA GGTCACTGCT CTCTGGGAG 300
AGGTCTATC TGAGAGCTGG AAGCTATCA GTACCTTGTG GAGAGTATCC GAAGTTTCCG 360
TCTTACGAAG ATTTCAAGGA CATGATAGAA GATGAGGCT TTCACAAGCT GACTTACGAA 420
AG 460

Name: 63
AGAAGTAGAG CAGAAGAAGA AGCGGACCTT CCGCAAGTTC ACCTACGCG GCGTGGACCT 60
CGACTAGCTG GTGACATGT CCTACGAGCA GCTGATGAC CTGTACAGTG CGCGCCAGGC 120
GGCGGGCTGAA CCGGGGCTG CCGCGGAAGC AGCACTCCCT GCTGAAGCGC CTGCGCAAGG 180
CCAGAAGGA GGCCTGGGCC ATGGAGAAGC CGGAAGTGGT GAAGACGCGC CTGCGGACA 240
TGATCATCTT AATGAGATG GTGGGACGCA TGTTGGGCT 300
Len: 280 Check: 060

Name: 64
TGGGAGATG AAACAGAGGA AGAAGAAACA AAGCCCATG AGCTCCCTGT CAAAGAGGAA 60
GAACCCCTG AAAAACTGT TGATGTGSCA GCAGAGAAGA AAGTGGTGA AATTACATCT 120
GAATAACAC AGACTGAGAG AATGCAGAAG AGGCTGAAC GATTCACTGT ACCTNTGAGC 180
TTGAGAGTA AGAAAGCTGC TCGGGCAGCT AGGTTTGGGA TTTCTTCACT TCCAACAAA 240
GGTCTGTCT CTGATAACAA ACCTATGGTT AACTTGGGAT AAGCTGAAG AAAGAGCTCC 300
AAGGATTGG TTTGAATGTC TCTTCAATCT CCAGAAAGTC TTGAAGATGA TGAGGAACT 360
GAAGAAGAG GAGGAGGCA TTTGGGATT GTCACAAGTT CAGCTGGA 420
Len: 408 Check: A6C

Name: 65
AGCGGCTGG GCGAGGACGG CCGGAGGCTG CTGCTGCTGC CCGCGGCGCG CGCGGCTGGA 60
AACCGAGAG CCGAGGCAAG CCGCGGCCCT TCTTATGCTG GGAGGATGCT GGAGAGTAGC 120
GGCTGCAAA GCTGAAGGAG GGCGTGTGG AGAAGCGCAG ACNNGGTTGT TGCAGCTCTG 180
GAAGAAAAG GTTGCATCC TCACCGAGGA AGGCTGCTG CTTATCCCGC CCAAGCAGCT 240
GCAACACAG CAGCAGCAGC AACAGCAGCA GCAGCAGCAG CAACAACAGC CCGGGCAGGG 300
GCGGCGGAG CCGTCCCAAC CCAAGTGGCC CGCTGTGCGC AGCCTCGAGC CGCGGTCAA 360
GCTCAAGGAA CTGCACTTCT CCAACATGAA GACCGTGGAC TGTGTGGAGC GCAAGGGCAA 420
GTACATGTAC TTTACTGTGG TGATGGCAGA GGGCAAGGAG ATC 460
Len: 463 Check: 100C

Name: 66
CGCGCAAGG GACGTGTTTC TCGCTCGCG TGGTCAATGA GGCGCTGCG CTGCTAGCCG 60
CGACAACTCC GGACACCGC CGCCACCGAA GCTGCTTCTG CTGCGCTAC TGCTGTTCT 120
GCTGCGGGCT GGAGCTGTGC AGGGCTGGGA GACAGAGGAG AGGCCCGGA CTGCGAAGA 180
GGAGTGCCAC TTCTACGCG GTGGACAAGT GTACCGGGA GAGGCATCC GGGTATCGGT 240
CGCGGACCA TCCCTGCACC TAAGCAAAGC GAAGATTTC AAGCCAGCG CCTACTGGGA 300
AGGAACAGCT GTGATGATG GAGAATTTAA GGAGCTGAAG TTAAGTATT ATCTGCGGA 360
ATACTTGGT TTTCTTCTT AACCACCTGA TTTACATTT GTGTGTCAA CTGAAATTAT 420
CGCTTTTGG GACAGACTTG AAGAATTGAG ATCTATAAAT ACTGAAGTGG TAGCATGCTC 480
TGTGATTCA CAGTTTACC ATTTGGCTGG GA 512
Len: 512 Check: 111A

Name: 67
GGAGAGCAAC ATTAGGATCT ACAGCGAGAG GCGGCTCCTT GGCTGAGCAA AGATGACATC 60
GGAAGAATGT GACTCTTGGC GGACAGCGCA GTGGNCAGGG CTCCGGGCTG TGCTCTTAG 120
GAGCGGAGCC GTTTGCTGGT GCTGGAGGGG GGGGACCTG GCGCTTCTCT CCGCTGTGGC 180
CTAGGCGCT GTGGGCTTCT CAAGCAGGCC TTGGACATGA GTGAGTCTT TCCCTTCCAC 240
CTAGACAGGA TCTTGGGGCT CAACAGGAAC CTGCGTCTG TGAGCAGGAA AGTAGAGTTC 300
ATCCAAGATG GCGGACCAT GCGCATCAT CTCTGGATG CATCTTTATC TTCAGCAAGT 360
AATGACA 402
Len: 367 Check: 9A2

Name: 68
TGCAGATGTA GATCTGAAA ACCAGAACT TTTACTTGAA TCGAATTTGG GGAAGAAGAA 60
GTATGAAACA GAATTTGATC CAGGTACTAC TTCTTTTGA ATGTCASTAT TTAATCTGAG 120
CAATGCGATT GTGGGCGAGT GAATCCTTGG GCTTTCTTAT GGCATGGCTA ATACTGGAAT 180
TGCTCTTTTT ATAATCTCT TGACATTTGT GTCAATATTT TCCCTGTATT CTGTTCTAT 240
CCTTTTGAAG ACTGCAATC AAGGAGGGTC TTTATTATAT GAACAATTGG GATATAAGGC 300
ATTTGGAATTA GTTGGAAAGC TTGTCAGCATC TGGATCAATT ACAATGAGGA ACATTGAGG 360
TATGTCAAGC TACTCTTCA TAGTGAAATA TGAGTTGCCT TT 420
Len: 545 Check: 140C

Name: 69
GCGGCGTGGC GCAGCTNNCA GGGCTGAAGC GGCGGCGGCG GTGGGNGCTG CAGGTAGCC 60

AGGCTGCTGG ATGGCTCTCC TGGTGGCTGG TCTGGTGAGC TGTACCTTCT TCTGGGAGT 173
GAATGGTCTG TATTCTCTTA GTGATGATGT GATCGAATTA ACTCCATCAA ATTTCACCG 181
AGAAATATAT TATGATGATA GTTTTGGCT TGTAGAATTC TATGCTCCAT GGTGTGGTCA 241
CTGTAAAAGA TTAATACAG AATGGAAGAA AGCAGCAATT GCATTAAAAG ATGTTGTCAA 301
AGTTGGTGCA GTTATGTCAG ATAAGCATCA TTCCCTAGSA GGTGAGTATG GTGTTGAGGG 361
ATTTCTTACC ATTAAGATTT TTGATCCAA CAAAAACAGA CCAGAAGATT ACCAAGGTGG 421
CAGAACTGGT GAAGCCATTG TAGATGCTGC GCTGAGTCT CTGGGCCANT CGTGAAGGAT 481
CGTTGGGGG ACCAAGCGGA GGATACATTT CTGGAACAAC AGCTA3AAT GATAATTCAA 541
GTAA1 545

Name: 7 Len: 487 Check: 15F0
TAAGGGITTC TCTACTATGT CCACTTGGTA AAATGGGGCT GACAAATCCG TGTGGGGCCC 60
TTACTATGTC TCTATCTCAA TGTTTTGGC TAACTCTTTA CATTGAGATG AATGAGAAAA 120
AAGCAACCTG GGTGTTGGCT GTCTGTGATA AGAAGGCTCC ATATGAACAC CTTATTATTG 180
ATGGCTTGT TATGGAATC CTAAAGTACT GTACAGACTG TGATGAAATA CAATTTAAGG 240
AGGATGGCAC TTGGGCAACG ATGAGATCAA AAAAGGAAGT ACAGGAAGTT TCTGCCTCTT 300
ACAATGGAAT CGATGGATGC TTGAGCTCCA CATTGGAGCA TCAGGTAGCG TCTCACCACC 360
AGTCTCTGAA TAAAAACAAG AAAGTAGAAG TGATTGACCT AACCATAGAC AGTTTCATCTG 420
ATGAGAGGA AGAAGAGCCA TCTGCCAAGA GGACCTGTCC TTTCTATCT CTTACATONA 480
CCACTAG 487

Name: 70 Len: 359 Check: 19B0
GCTACTGCA CCGGGACCA CAACGTGAGC CCAACATCT TCGGCTGGGT CTACAGGGAG 60
ATATGATG ACCTGTCTTA CCAGATGGAC TGCCACGGCG TGNAGTGCGA GAGCAAGCTC 120
GAGGCCAAGA AACTGGCCCA CGCCATGATG GAGGCCTTCA GGAAGACTTT CCACAGTATG 180
AAGAGCGAGG GGGGATCCA CAGCAACAGC TCCTCCGAAG AGGTTTCCCA GGAATTGGAA 240
TCTGATGATG GGTGAATGAA CTTTNGACG CTTNAGCAAA GGCAGCATTG GTCACGGGGT 300
TCAAGGGGAT TAGATTGAGT AAGCAACGTT TCAAAATTGG GATGAAAGAT TTCCAAAT 359

Name: 71 Len: 342 Check: 1BC4
CTATGTCGA ATTCCAAGAC CAAGTCAGTA GTATTACAGC TGGCTGATGG CCAGATATTT 60
AAGTACCTTT GGGATGCACC TTCTCTGGCT ATTAAGCCAT GGATGAATC TGGTGGATTT 120
CTGTGCTGGT TTCTTTATCC ATGCACCCAG ACCGAATTGG CCATGATTGG AGAAGAGGAA 180
TGTNTCTTG GTCTGACTGA CAGGTGTGCG TTTTTCATCA ATGACATTGA GGTGCGTCA 240
AATATCACCT CATTTGCAGT ATATGATGAG TTTTATTGT TGACAACCCA TTTCCATACC 300
TGCCANTGTT TTTGCTGAG GGATGCTTCA TTTAAAACAT TACAGGCCGG CCTGAGCAGC 360
AATTCATGTG TCCCATGGGG AAGTTTCTGC GG 392

Name: 72 Len: 344 Check: 65D
GAGTTCACAG ACCGCACCTT GGCACGTTGT CCTCACTGCA GGAAAGTGTG ATCTATTGGG 60
CCAGATACCC CACGTAAGAN ATGTATCTNC TGCTTCTTGC TTGGCTTGGT TTTGGCAGTC 120
ACTGCTACTG GCCTTGNCCT TGGCACATGG AAGCATGCAC GGCATATATG AGGCATCTAT 180
GCAGCTCTGG CATTTNTCAT CCTGTTGGCT GTGCTGTGTT TGGGCGGGG TCTTTATTGG 240
GCTGTATGA AGGTGAGCCA CCTGTCCAG AACTTCTCT GAGCCTGATG ACCACAGAC 300
TGTGCTGCTG CCTCTCCCTG TGGGGACAGT GACACTACGA AGGG 344

Name: 72 Len: 311 Check: 1E74
GTGGATGG GTGGCTTCA TCCTGCGCTG CGGCAAGGCC CTGAACGAGC GCAAGGCCGA 60
GTTAGGCTG CAGTTCCATG ATGTGGCCGG CGACATCTTC CACAGCAGT GCAAGCGCAA 120
GAGCTGCTG ATGCGCGTGC AGCCCAACGA GCGCGTGTAC ACCAAGATGA TGAACAGAA 180
GCGGCGATG TTTTCAACC CCGAGGAGTC GGAGCTGGAC CTGACCTACG GCAACAGATA 240
CAAGAACGTC AAGCTCCCTG AGCCTATGA GCGCCTCATC CTGGAGCTCT TCTGGGGGAC 300
CAGATGCACT T 311

Name: 74 Len: 176 Check: 1B5C
CTGTCTCTG GAAATGTTTG ATGCTACTCT GAAAGATCGA GAAGTGAAGT TTTAGTGGG 60
TCTAGTACT ACCATGTTTC TGCATTGGGT AGTGGGAATG GTATATGTNT TCTACTTTGC 120
TTCTTTCAAT CTACTACTGA GAGAGGTAAT TNGACCTGGT GTCTGTGGT TTTTAA 176

Name: 75 Len: 276 Check: 120F
GCAAGATGG TTCCAGCGCC AGTACCTGTC AACTCCAGAT AGTCAGTCTG TGGCTGTGA 60
GCTCATTTGC TACATCTGTG GGGTAGTCCA NCCTTCTAAT GAAGTACTGA GTTCAGATAT 120
CTTGGCTCTG TGGGCCATCA TTGGTTGGCT CCTGACAACG TGCACGTCAA ATGTGCTGC 180
TTTCAATGCT AAGCTGGCTT TGTTTTATGA CTGGCTGTTT TTTAGTCCAG ACAAGGATAG 240
CAATATGAAC ATAGAACCAG CCATCTCTGT CATGCA 276

Name: 76 Len: 310 Check: 21A5
ACACCTCTCT GTGCAATGGG TATTGGCTTG CCTGGCTGAT TCATGTGGGA GAGTCTTGT 60
ATGCTATAGT ATTGTGCAAG CATAAAGGCA TCACAAGTGG TCGGGCTCAG CTACTCTGGT 120
TCTACAGAC TTTCTTCTTT GGGATAGCGT CTCTCAACAT CTTGATTGCT TACAAACGGA 180
AGGCGCAAAA ACAAACTTGA AGTTGTCTGA AAGCTTGTCT TAACTTTTA CATTCTCTCT 240

CAGCTTTTTC TTTTGGGGT AGAGGAGGTT GCAGTANTTT ACTCAGTCAT TTTCTACTT 300
 TTAGAAACT 310

Name: 77 Len: 235 Check: 102E
 CCTCACTGCT ATGGGGTCGCA ACAAGAAGAA BAAGGAGAT GGTGACGACC GCGGGGCGSAG 60
 GCTCTTCTT AGCTTDSAGC AGGAGAAGAG GCGGGAGTAC CTGACAGGCT TDCACAAGCG 120
 GAAGGTGAG CGAAAGAAGG CAGCCATTGA GGAGATTAAG CAGCGGCTGA AAGAGGAGCA 180
 GAGGAAGCTT CCGGAGGAGC GGCACAGGA ATACTTGAAG ATGCTGGCAG ASAGASAAGA 240
 GGTCTTGAAG GAGGCAGATG AGCTGGACCG GTTGTGACA GCAAGACCG AGTGG 295

Name: 78 Len: 406 Check: 233E
 CAAAAAGCTG GTNGGCTCCA GACCCGACTT TTCAACCAG GAGCAACAGA CACGGGATGT 60
 GCACTGTGTC CTCACACAG GAGAATTTT CAGGTTGCTG GNGGNAGAGG GGGCTCGGGG 120
 GCTTACCTGG AGCACGTGTT CCGGCACGCG GCGCGAGAGC TCTTTGGAAT CCATGTGGCT 180
 GAGGTTACCT ACAAACCCCT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGACACT NGAGAAGGAG 240
 GGTCAGGTGC TGCTGCACTT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGGTG 300
 CAGAGGCTCA AACGAGGGCG CTGCCCTAC CACTACGTGN AGGTGATGGC CTGCCCTCA 360
 GGCTGCTGA ACGGCGGGG GCCACTCCA GGTCCAGAC AAGGCT 406

Name: 79 Len: 288 Check: 18D6
 AAAGAGAGA GGAAGGAGAA GAGAGGCGAG AGGANGGGGG AAGAGTGACG CCGGCTGGC 60
 CTTACTTGCT TCACGCTGA CAACAACCAC TGGCAGACAG CCCCCTTNTG GAACCTGGGA 120
 TCTTTCTGTG CTTGCAAGAG TTCTAACAAT AACACCTACT GGTGTTTGCN TACAGTTAAT 180
 TAGAGCATA ATTTTNTTTT CTGTGAGTTT GCTACTGGCT TTTTGGAGTA TTNNGATATG 240
 ATACAGATC CTTATCAGCT CACAAATACA GTGCACACGG TTAGAAGC 288

Name: 8 Len: 168 Check: E5E
 CAAATTTGTG TTGTATATAT TCGTATTCCA TGTGTTAGAT GGAAGCATTT CCTATCCAGT 60
 GTGATAAAAA AGAACAGTTG TAGTAAATTA TTATAAGCC GATGATATTT CATGGCAGGT 120
 TATTCTACCA AGCTGTGCTT GTTGGTNTTT TCCCATGACT GTAATGCT 168

Name: 80 Len: 322 Check: 1995
 AAACAGCAGC TGSTGTTTAA CAAGTGGATC GTCATGTTCA GTAGTTTATA CATTATGTGA 60
 GAAGTAAAGT TCTGATTCTT TTTCTTACAC AGAATTGGCA GAGGGGGTGG ATTTGGGAGG 120
 AAAGGTGTGG CTATAAACTT TGTTACTGAA GAAGACAAGA GGATTCTTGG TGACATTGAG 180
 ACTTTCTACA ATACTACAGT GGAGGAGATG CCCATGAATG TGGCTGACCT TATTTAATTC 240
 CTGGGATGAG AGTTTTGGAT GCAGTGCTCG CTGTTGCTGA ATAGGCGATC ACAACGTGCA 300
 TTGTGCTTCT TTCTTTTGGG GA 322

Name: 31 Len: 361 Check: 2C4
 ATTCTCTAAA ATGCTTAATG CCTTTGAAAT TTTGTAATCA AAAAAAGCT TTGAAAAAT 60
 CTAAAGGGGA GAGTATTCTT TAAAGTTTTT AACATAAGCT TGTCAATGCA CATGTAGATG 120
 GTTAGCATGT TTAGCAACC TTGTGAAATT ATAATAAGTT TGTAGTTACA TGTGAAACTC 180
 TAAATGCATG GCAACTGTTA ATGTCATAAC AGTTTAGTTA TTTTGTCTG TTCTGTGATG 240
 TGCCACAAAA TATGTACTTT TTTCACTTTT TTCCCTTTGT ATATCAGTTA CCGGTTACAA 300
 CTGTTTCAAT CTGAAAACAA CAACAACAA AGTCCATTCA TATTTTTTAA CCATTGTATA 361

Name: 82 Len: 206 Check: 7A3
 TTTTTTTTT TAGTAGTTGC AACTTCAGCA CATCTTTATT AGAACTCTTT CATTGTGGGT 60
 AAACAGCCAC AAAAATAAAT GCTGACTTAG AAAGTATAAA CGCAAATATT TAAACAAAAA 120
 TTTTGCAGC ATTCATAGCG CAAATTGTAC CTGAAGTGA AAGCCGAATT CTGCAGATAT 180
 CCATCACACT GCGGCGCGCT CGAGCA 206

Name: 83 Len: 563 Check: 915
 CATCAGCTCT CTTCSTTGCT GTGGGAACAC TGGCCAGAGG TGTACCACTG CGAGGCGACT 60
 GTTTATACAT GAAAGCATCC ATGATGAGGT TGTAACAGA CTTAAAAAGG CCTATGCAAA 120
 GATCGAGTT GGAAGCCCAT GGGACCCATA TGTTCTCTAT GGGCCACTCC ACACCAAGCA 180
 GGCAGTGAGC ATGTTTCTTG GAGCAGTGA AGAAGCAAG AAAGAAGGTG GCACAGTGGT 240
 CTATGGGGGC AAGSTTATGG ATCGCCCTGG AAATTATGTA GAACCGACAA TTGTGACAGG 300
 TCTTGGCCAC GATGGTCCA TTSCACACAC AGAGACTTTT GCTCCGATTC TCTATGTCTT 360
 TAAATTCAAG AATGAAGAAG AGSTCTTTGG ATGGAATAAT GAAGTAAAC AGGGACTTTC 420
 AAGTAGCATC TTTATCAAAG ATCTGGGCAG AATCTTTCGC TGGCTTGGAC CTAAGGATC 480
 AGACTGTGGC ATTGTAAATG TCAACATTCC AACAAAGTGG GCTGAGATTG GAGGTGCTT 540
 TGGAGSAGAA AAGCAACTG GTG 563

Name: 34 Len: 450 Check: 97B
 ATTTGGTGTG TTCATGAACA CGCTAAATGG CTGGTAAAT GGGTGTGTT CAAAGCCTGA 60
 TGCTTCAAGA TCTCTGGTTT GAATTTGGTC ACAACCAGGA AGTATTGCCC CTTTTTCTGT 120
 CTGGTCCCTC AATAGSAACT TTTCATACCA GGCATAAACA ATCCAGATGG CTGCCACGTG 180
 GTCTTACCA GTGAGAGGCG TCACACAGCA CACACTGCAT GAATGGGGAT GAAATCATTC 240
 CTGAATTAAT ATAGGGTTAT ATTACTTGA CTTAGCCAT TTGAGCCTCA GTGTCTGCAT 300

CATATCTTCTT TASTATATGG ACATCTAACT GAAATTTATTA ACCTGGCAAT TTATGGGTGG 167
CTTTTTTGGG AATATTCTAT TTTAATGGAA AGAATTATGT AGAAATACTG GATACATTTT 420
TAAAAACATC CATAATTCCAC CATCTTGACA 450
Name: 85 Len: 320 Check: 75F
CCATTAGTGT TCACACTCAG ACATTTTTTG CCAGCTCTAA GGTAACTTCA TCTATAGCTG 60
CTCAGACTGA TGCATTTATG GACACCTGTT TCCAGTCAAG TGGGGTCTCC AGAGAAACTC 120
AAACCACTGG GATAGAAAGT CCAACCGATG ACCATGTACA GATCGACCAA GCTGGAAATGT 180
GCCAGACAT TTTGAGAGT GTTCATTCA7 CATATAATGT TGGTACAGGT AACATTATAA 240
GCAACASTTT AATAGCAGAG ACAGTAACCT ATAGTTTGT ACCTCABAAT GAGCTTAAGA 300
TTTAAATCA AGATAATTGAG 360
Name: 86 Len: 524 Check: 1602
AACTGGGCAC AGGGTGGGTC TTGAGTTTC AGTGAGTTTG CTGAAATGTC GAAGAAGTAG 60
TTTCAAACTT CAATGTTCAA TGAAATTTTT GTTCAAGTTT GAAATGGAGA GAGCAGCTAT 120
AAAAGGTACT AAGGCTTTTA CAAATTGGTG AATACTGGCA CATGAGATCT AGAGCAGGAG 180
CAACTTCTCA CACATAGTAA GTGGGAAAAG AAAGTGCTTT GAAAGTTCCT CCTCACCTA 240
CATAGTAGTC GTCATGTGGA GACCTGCCAG AGAGAGACAC ATTCTCAAGT GAATCCTGGC 300
TTTGTGGAG GGGTGGCTTA GACGAGACAC AGTGCAATAA AACAACTTTT GGGGGACAGG 360
TATGTTTTCT TGGAGCTGGG GTTGTAAAGT CTTGGCAAGA CAAGCAGTGT GGGCAAAATT 420
TTGAACTTCT GATGAATGT TAATGCAAG GACCTGTGAC ATTTTTTTT TCAAGGTCC 480
TCAAAATGAG CACATGAAGA GGTGCTGTG AACTTTAAG TGGC 524
Name: 87 Len: 439 Check: 2297
TTGGGGCC CTCTCTGGG TCTGTGCTGC AGTCTGGCG CTGCTGATCG CCACACCGTC 60
TTGGAAACA GTTCAAACT CAAGTCCCG AATGAGGACT ACACCATACA TGTGCAGCTG 120
AATCACTAG TGGACATCAT CTGTCCGCAC TATGAAGATC ACTCTGTGGC AGACGCTGCC 180
ATGAGCACT ACATACTGTA CCTGGTGGAG CATGAGGAGT ACCAGCTGTG CCAGCCCCAG 240
TCAAGGACD AAGTCCCTG GCAGTGCAAC CGGCCAGTG CCAAGCATGG CCGGAGAAAG 300
CTCTCTGAGA AGTTCCAGCG CTTACACCT TACCCCTGG GCAAGGAGTT CAAAGAAAGGA 360
CAGAGCTACT ACTACATCTC CAAACCCATC CACCAGCATG AAGACCGCTG CTTGAGGTTG 420
AAGTAACCTG TCAGTGACA 439
Name: 88 Len: 376 Check: 233
TGAATTGAAG GAGCTGCAAA AAACCTTTGA AATCTCCATT GGGAGAAAG ATGAGGTGAT 60
TTCTAGCTTG TCTCATGCCA TAGGAAGCAA AAGGAAAAGA TAGAGTTGAT GAGAACATTC 120
TTCCACTGGC GAATCGGCCA TGTCAGAGCC AGACAGGATG TTTATGAAGG TAAACTAGCT 180
GACCACTACT ACCAGAGAAC TTTACTGAAG AAAGTCTGGA AAGTCTGGCG TTCCGTAGTG 240
CAAAAGCACT GGAAAGATGT GGTAGAAAGA GCTTGTCAAG CAAGAGCTGA AGAAGTTTGT 300
ATCCAGATTT CCAATGATTA TGAAGCCAAA GTTGCTATGT TATCTGGAGC TTTGGAAAAT 360
GCAAAAGCTG AGATTC 376
Name: 89 Len: 341 Check: 7BF
GTGAGAACAG GTCCATAGAG GGCACCTCTGT ACAAGAAGGG GGCCTTCATG AAGCCTTGGA 60
AGGCCCGCTG GTTCGTGCTG GACAAGACCA AGCACCAGCT GCGCTACTAC GACCACCGTG 120
TGACACAGA GTGCAAGGGT GTCATCGACT TGGCGGAGGT GGAGGCTGTG GCACCTGGCA 180
GGCCCACTAT GGGTGCCTCT AAGACTGTGG ACCAGAAGGG CTTCTTTGAC GTGAAGACAA 240
GGTCTGCTT TACAACCTCT GTGCCAGGA CGTGCCCTCG GCCCAGCACT GGGTGGACCG 300
GATCCAGAGC TGCTGTGCGG ACGCCTGAGC CTCCCAGCCC T 341
Name: 9 Len: 219 Check: 327
AGAGAGTGT TCAAGTAGA AGATGCTATC AAAGTTCTCC AGTGTCTATA ACCTGTACAT 60
GAGAGTATC TGGAAAAGCT AAAGCTGGGT TGTCCCCAG CCAATGGAAA TTCTACAGTC 120
GCTTCCCTTC GGGATAATAA TGCTTTGTTT GTAACCGCTG CACAGACCTC TGGGTTGCCA 180
TCTACTGTAA GATAGAGAGA ACTGGGTAGG CCTCTCCCA 219
Name: 90 Len: 394 Check: B4E
CTTGGCTTA CCACTTATTA CCAAGATGG AGATTGGACC AGTATCATCT TCAAGATTTG 60
CTTACTATTA TGATGATCA AAAAGAATGC CACAAGAACT AATTGAGGCT TCAAAATTGGC 120
ATGAGTTTTT GTTCCAGAG AAAATATCTT CAACTCTCAA ATAGAAACC TGTCTTTGA 180
CTTCTGGCTA CACAAAGCTG CTTCACTTTA TCCAGAACAT CATTTATGAG GAAGGATTTG 240
ATGATCCAA TCTTCAGAAA AAACAGAGAA ACATTTTAAG AATAGGAAT CAGAATCTTG 300
GTCATCTTT ATGGGAGAC GATATTTGCT GTGAGAAAAT GGTGGCAACA GTCACAGCCT 360
TACCAAGTTC CTCTATTTT TCGTGGTGT TCTG 394
Name: 91 Len: 153 Check: 1006
ACCCATGGGA TGAGTGTTTT ATTCATGCTG TTTCCAGGAA GGGATGTCAA AGCTGGACCA 60
GTGAAACCC TTGGAGGCTT TTTTTCAGT TGGCCACAGG GGTGTTGGAG GCTGCTTAT 120
GGTCTCTGA TGTGAGAAA CTCTGCTTG GGG 153
Name: 92 Len: 479 Check: 1807
CATTGGGCT CTAGATGCAT GTCGAGCGG CCGCCAGTGT GATGATATC TGCAGAATTC 60

33CTTAGCST BGTGCGCGSC GAGGTACATT CTTGTAGAAC CGGGTTTCTT TTTCAGTTT 120
 TGTAGAAAAA TAGATGTTCC AGCTATCATT TACTTAACTG TCTAATATTT AAGACCAATC 180
 AATAIGTTCC CTGGAAAGAT GAAAAAGTCT CATGACTAAC TCGTTTTTTT AAAAAATT TT 240
 TAAAACAAAA AGTGTGTGTG TGTGTGTGTG TGTGTGTACT CTCAAAAGCAG AGCATTTCOA 300
 CAGCAGCAGC CAACATGGGG TTTAGTAGCT TCACTCACCC CTAACATAAG CTTTGAATAA 360
 ACCAGTGATT TACTACAAA AACACTGTCC TTGAAAGAAA NGACNGCAGT CATACATGAA 420
 CTTGAAACTT GGAATGATCA GGTCTTAAAC ATGGCACTTA AAAAGTTACT TATCAAAAC 480

Name: 93 Len: 560 Check: 25DE
 TTTTTTTTCC CATTGCCAGG ATAAAAAGCA AAATTTTAAA TTGAAAATG TCTAGCACTT 60
 TACACATGAG AATGAAAGAA TACGAAATTC AAAAAATTA TTAAGATCC ATATGCCGCA 120
 GCGAGCAGCG CATTGATGAG AGTCCCTCTT CCGAGCGCT TCTGGAGCAG CTTCTCTAAC 180
 CTCTCTGCGA GAGGGGCTCA GAAGAGCAGG GCGGCTATGC TGCCAACTTC CTTTGTCTCC 240
 TTAAGGAGAA TCTCAAGTA CTGGTAGATG ATTGTGACTG CGAGCAGGAT CCGGTTTCCA 300
 GACCCAAATG CCGTAGGAA GTCAGCCAGG ACCGAGAGGG CCCCAGTCCA CAGCCCAACA 360
 AAGGCCGCGG CTGTGGGGAT GTACGGGTTG AGTTTCATGA CCATGGAGGT CTCTGGTGG 420
 CTTCTCATCA CATTCTGCTG CTCCTTCAGC TGCTTTGCAA CATCTTTGGC AGAGGAACCT 480
 GAGACCTCAA TCCAGGTTTT GGAGAAGAAT GCACAGGAGC CCAGCATGAA CACTATGTAT 540
 ACAAAGTCTT GGAAGGGGTC

Name: 94 Len: 396 Check: 376
 GACCTCTTAC CTACTGATG CTGGCAAAATA ACAAATACAG ATGGTAATAG ACTCTGGAAT 60
 AGTTCTCTCAT TTGGTTCTCT TGCTCAGCCA CCAGGAAGTT AAAGTTCAGA CTGCTGCACT 120
 TACAGCTGTG GSCAACATTG TTAAGTGAAC TGATGGGCAA ACACAAGTAG TTTTGAAGTG 180
 TGATGCTCTT TCACACTTCC CAGCACTCCT GACACATCCC AAAGAGAAA TTAATGAAGA 240
 AGCAGTGTGG TTCTCTCTCA ACATCACTGC AGGAAATCAG CAGCAGGTAC AGGAGTAAAT 300
 TGATGGCAAT CTGTACCAA TGATAATACA CTTTGTGGAT AAGGGGGATT TTGGCCCAAG 360
 CAGCTTCTTT TTGAGTGCCA AGTCAAGCG GCGGGA

Name: 95 Len: 622 Check: 9F8
 ATGGAGAGTC ACTTAATAAT AAATTTTCTC TATAGTAGGT AAATCCGATG AAAGGCAGCT 60
 GATTTCCAAAC AAAAGCTTTA GGAATTGGGA AGGTTTCTAC ATCTCCTTTG TCATCTTCAA 120
 TGTCATCGAA ATTGCTGCTG TCTATGTCAC TGCTGAGTTC AGGTACTACA GGAGCTGCCG 180
 TTTCTCTTAT GTTATCCCAA TGCCACTGAT CATTCTTAAA GAAAGGATGC TGTCTGATTT 240
 CTTCCACCCC ATTTCTCCCA AGTCGTACCT CCTATCTGT TAAGAAAGCA CAGATGAGAT 300
 TCTTTGCATG TTTGGAAAT TCTGCATCTT CAGGGAAACA CAGTGAATTC TTATGATCCA 360
 TAATTTTGCT ATATGTTTCT ACAAGTGAAT CCGCATAAAA TGGAGTATCC CCCACTAGCA 420
 TCTCATAAAG GAAAACACCT ACAGACCACC AATCACATTC TCGCCCATAG AAACCATCAC 480
 CCCCCTGTGA TTTGAGAACC TCAGGTGATA TATAATCCGG TGTTCCAACT GCTGTATCAC 540
 AATGTACCAT GCTGTGTTCA TCCATCTTCA TACAGGTGCC AAAATCTGCT AATTTTAGAT 600
 GGTCTATGTT ATCACAGAGC AT

Name: 96 Len: 445 Check: 123B
 GGAAGGGATG GAAAAAGGA AAAGCAATAG AAAGTGTCCA ATTACATCA GTTATCCGTC 60
 TGCTTTTTCT TGAGAGCTTG TGGAAGGTGT TAAGTGGCT GGAACATCA ACACCTTGGC 120
 ATGCATGAAT GTTAAGTCA GAGGCCAGC GATCACCTTG ATAGCTTCTT CACTTAGGTG 180
 CTCTCTCTCT TTGGTTTTCC TGGTAGATGT GCTTGTCTTC TCTACTGTAG ACATGAGTCT 240
 TSCAAATGCA TCAGTCACTT TGAGGCTTGA GGTGAGATT TCCAGCTTAG AAGTGTGTTA 300
 CTCATACAC TCAGGATGCA CACCATCTAA AGGGTTAGTA AGGCCACTCC TACTCCAGTC 360
 AAAGTGGAGC GGTGGTAGAG ACTCTGGAA CTGATCAGAT GTACATGTGT TCATATCTGG 420
 TGACATGGTG GGTGTCTGAC CGATG

Name: 97 Len: 541 Check: 147A
 CTTCTTTCTC TTTATCCTCG AGCCCTTTTC TCTCAGGTAC TAGCGTAGAG GGTAAACCCA 60
 CAGATCATTC TTGATAATCT CAGCAATCTT CTCAGCTCTT GGGAGGTATG GTTTGAGAAC 120
 CAGCTGAAAA ABGTGTGGGT CCGATCTCTG TTCCCTGTAC GACGGCCTCG GGTCTCTGSC 180
 CCGGTGTGCA GCGGATTGG GTTGAAGTGA ACATGAGCG GCCTGAGCGG TTGCGTGTGA 240
 ACTCCTTCAAT AATCAACATG TTTGTGAAGT AGGGTTAGT CTGGAAGTAC AGCTTCATTT 300
 TGTAGCCCAT GAGATATGT CTGAGATCTT GTACCTGCAG AATGGGTCAA GTAGCGGAAA 360
 AATGTCTTCA TCACGTCTGT TGATCAAAAT TCGAATTTCT GGGTGGTTTT GGAAGTGTAT 420
 AGTGGAGTGC TTTGAGCCAG AAGCCTGGGA TATCCCGGAT GATGAGGTCT CTGCGCTCCA 480
 GGAAGGCTCT TCGCATCTG ATGAACTTGC GTTGAGAGC CATGAAGGCT TTGCTGCTTT 540

Name: 98 Len: 334 Check: 4C9
 ATTTGGAGCG CAGTGCAGGC AACTTCTTTT GTTGTACAT ACCTGTATTA GGAAAATTAC 60
 ACGATTTTCA TAAAAAATC CAAAAACATA TACTGCAATA AGCTCAAAAC AATGTGAAAA 120
 AGACGATGCT GAATGGCACA CAAAAATCGC CTCTTTTATA ATTAAGTGA ATTCATGATC 180
 ATGAAGTAGG TACAGGGAAA TCCAGTCTCT AGGGCTTTGC TCTCTGGAAG AACACCTTTA 240

```

AGTAATTTT AAAAAGGTTA GCATCAGGCT GCTGAAAGCG TTGACAAAAC TCTTGAATTA 300
TTTCTGGAGC TACTTGCAAG GAGGCGAGGT ATTCTTGTG AAGATACTGA ACACATTCTG 360
GGCCCCGTTT GAGATGAATT GTTT
Name: 99 Len: 535 Check: 1D3F
TTTTAATTTA CAAAAGGTAG GCTCCGTTTA TTAGAGTCAC ACACAAGTGA CTATCTCAGT 60
GTGACTCAAG ACCACAAAAA ACCCATTTCT CCTTCACTTC TGAGTCCTGG GGTAAATACC 120
TAGAACCAGCA AGTGTACTGC TTGGGGTCCA TTCACAGGTT TACAAGTTTT TCATTGAGTG 180
CAATCTGTGA CTGTGTGAGG TTGGCCAGGT AGGTCACCAT CAAAAGGTCA TTGATGTTGC 240
TGTTGASCAT GGTCTCAAAG TCATCGGGAA CTATTTTGGG TACTTGGTTA ACCAGGCTCA 300
TCAGGAAGCG GGGCACAGTA TTGTGAGCTG ACACCTTTCC AGACAGTACA TCTCTGTCAT 360
ATTGCAACAC TGTACTCAGG GCATCTCTGA TGCGAGCTGA TGCCCTCCTT ACTTGTCTGCA 420
AGTCACTTGA GAGTCCAATC ACTCTGTTGG GGCTAAAGCA GGTCTTCATG ATCAGGTCAA 480
CTCCGATGCG TTCAGTGTG TAGTACGCGT ATTTCACTGT CAGAGGGGTG AACAT 535

```

Name: 1 Len: 458 Check: 1458
NAAAGCCCTTC ATGATTTTAT AGAGCTTTTC AGAGTGTATG TTCTCTGAGC AGAAATTGAC 60
ATGTTTGGATA TCCGGGCACA CTTCAGAGA CTCTATGGAA AGTCTCTSTA CTCSTTCATC120
AAGGTCGACA CATCTGAGA CTACAGGAAA GTACTGCTTG TTCTCTGTGG AGGAGATGAT180
TAAATATAAA ATCCAGAGA GACAGGAGGA TTCTCAACAC TTTGAAITTT TTTAACTTCA240
TTTTTCTACA CTGCTATTAT CATTATCTCA GAATGCTTAT TTCCAAITTA AACGCTTACA300
GCTGCTCTCT AGGAATATAG ACTGTCTSTA TTATTATTCA CCTATNATTA GGTCCATTAT360
GGATGCTTTA AAGCTGTACT TGGCATTTCG AAAGCNTATA AGGTTATAAT GGGAGGTTTT420
NAAAGTATGA NTAAATAATG TATTCTCTGT TTTTTAAAA 458

Name: 10 Len: 227 Check: 1478
TTTAACTGTC TTGCTCTGTA GTGTGACCTC GGAAGCTCTT CCTCAGGAGC TGAAGTCAGG 60
ATNAGAAACD ACCAACTSTA CTGCAACGAC TGCTATCTCA GATTCAAATC TCGACGGCCA120
ACCGCCATCT GATGTAAGCC TCCATACGAA AGCACTGTTG CAGATAGAGG AAGAGGTGGT180
TGCTGCTCAT GTAGATCNAT AAATATGTGT NGTATGTCTT TTTNGCT 227

Name: 100 Len: 452 Check: 173A
TGTATCTTTG ATGAGGTTAG TTTTGGTATT ACAGCAAAAT TTTTCTTTC TGACAAATCT 60
GTCTCTGTTT TATATTAAT AAATCTTTAA AAATACGAAT CCTGAGCTAG AGTAAAAACA120
ACAAATTTTA CTAAAGAATA AATCCTTTCA TTGTTAAACC TAAACGCTT TAAATTCAG180
CCATGGAGCA TAAGATAAGA CTGGAATTCA AACTTCTGAT GTCCATGGCA AACCTGAATA240
CTCTCAGCAG AAATAAAAAA CACATAGTAG ATAATACACA ATATAAAAA GCATCAGAAA300
TTGATGCACC TGGATTTTGT TAAATACAAG AAAGGTCACT CAGTCTTCA TGGATAAAC360
TAGCTGGGAG AATAGCACTG AACAGTGTAT TGCATTGAGC AGAAATCCCT CAGAAAGGCA420
ACACTGGATT CATTTTTAGA CAGGCATAGA CT 452

Name: 101 Len: 447 Check: E33
TTTTTCATC CTGATAGTTC TTTATTTTTT CAAAATATAT TTGOCATGGG ATGCTAATTT 60
GCAATAGSTG TCATAATGAG AATAACCCAA ACTGGATAAA TGTACAAAT GATTGACAAA120
GCATTTGACA CCGTTCAATT ACACCAATC AAGAATGAGG GGAAGGCTT GTAAAAGTAG180
ACTACTGCAA TGCTACTTAT ATTCTTGCAA TAAAACGAGC AAGCATCCAT ATCAAGAGAG240
TTATCATCTC ACTTCCAACT TTTTCCCTCA AAGAACAATT TGAATCTCTT TGGCATCCAA300
AGTCTCATAG GTCAATAAAG CTCTGCGGAG ATTCTTATGC TCCTTTGCAT GAGTTTTCAA360
GATATGTTTT GCTCGTTTAT ATGAGTCACT TAGAAGGATT CTTATTTTAT STTCGATGGC420
AGATTGGSTT TCTGGACTTA GGTTTCC 447

Name: 102 Len: 368 Check: 1FEC
TTTTTTTCAA AAAAAGAAAT CTTTAATAA AAATTACTCA TAAAAATCCT AATAAATTTT 60
AAAGAGCAAG ATATTCCTTA TTACATTTAT AAAAGAACAT TTGCTCCTTT TACAAAAAGA120
TCCCTTTTAA TTTAAATACA TTTCTTATTT ACAGATTAAT CATAAAATAT CATCTACAGT180
TGCAAAAGCAT ATTGCACATT ACAGAGAAGC ATTTGTGTAT TTCCGTAAGT TTTCCAGAG240
TTTCCAACTC TATACTTTTT TTTGTAAAAA GATTTACCTT TCTTATGCAA AATAAATAAA300
AATGCAGCTT GTGTTTTGCT ATTTAAACT AAAACAAAT AACCTTTTAA AATATTATTC360
CTCTGCCT 368

Name: 103 Len: 635 Check: 1330
TGGGATCTTT TTTTATTTTT ATACACATGA CAAGATTTTA CACCAATAGT CAGTTAAATA 60
GTACAAATTT ACATTCAGGA GGAATGTTAA AAAAAATTCA ACTAAAAAA CCACTTCTTC120
CTGTGACCCA TAATCCCAAC ATTTTACAGT GCAGGGGAGA AGGAGGCTTG GGGAGCATC180
CAAAACAAGT CTCTCAAAAG AAATGACTTC AAAACTTAC ATTCCCTCTC CACACGGGAT240
TCATAGCGAG AGTATAATTT ACAATTCATC CTCTCTGTA GATTCCTTTT CTGTTTCTCT300
CTCTTCTTCT TGTGTCTCTG CATCCATCTC TTCTCCCTCA TCTCTCTCTG AGTCTTCTG360
GTCTTCTGAG GTGTCTTCAA GGTCTTCTT CTGGTTCTTC CTCCAACTGT GCTTCAGGGG420
CAAGGTTTAA ACTGAGGCGA AGATTCTTTC CAATCGAAGT CCATAGGCTT TGSTGTCCGG480
TAGAAGATTA CCGAGGCGAA GTGTTGACGG TTTCAAACAA AACTACAGCA AGAACCATGA540
CTCTCTGGC AACTTCAAGC TCGTTAAATC GGGGGGAAAT GTCTCTGAAC AGGGGGGGGT600
CTGGAATGAG TTGGAAGGTT TCTCTTAGAC CGGCATAGTA ATTTGTAGAG AAAGTCTTTC660
CCGCGGGTA AGGCTGTGGC TTCAA 635

Name: 104 Len: 676 Check: EF6
GCTCATTTTT AATTTTTTAT GATTTTTTAA TGCTGCACAA CACAATATTT ATTTCATTTT 60
GAATTTTCAAT TATTTCTTTA TTTCTGTTGC TGCTTTTATT TTATTTACTG AAAGTGAGAG120
GGAACTTTTG TGGCCTTTTT TTTCTTTTTT TTCTGTAGGC CGCTTTAAGC TTAATAAAT180
TGGAACATCT AAGCAAGCTG AAGGGAAGAG GGGTTTTTCA GAATCACTGG GGGAAAAAG240
AAAGGTTGCG GTGTTGATCA TGCCCTATGG TGGGTGACCA ACTCTTGTGA CAATTACGTT300
TCACTCTTAA TTAATTGTGC TTAAGGCTGA ATTAAATTTG GTTCTTCTCT TCTTAGAGCA360
CTCTCTATTG GCGGAGATGC ATGCGCTGGA TGATGTCACG GCACTCTGTT AAGACACGGC420
GGATGTTCTC AGTGTCCACG GCGCAGGTAA AGTGAAGGTA GCACTAGTGG CGCCATCTCT480
ACTAGCAGTG CTGATTTCTA GAAACTCATC CGGAATGAAN GTACTTGGCC GGGTCACGG540

22

TGGGTCTCTCT GCGGCTCGG GAGTGGCATC CCTACAGAGT GTGTAGCBA3 CGAACTCTE3600
AAAGTAGTTC TCAATCTC3A TTTECCAC33 GSACTCTCA GCAGCAG3TC TTCTTGTGT660
AGAAGAGATC A3AAGA 676

Name: 105 Len: 367 Check: 135E
GACGGGAAT GAACGCGGTT CTGGGAGCAG CAAGCCCAAG GGTAGCAGCC GAGGCCCCAG 60
AATGGCAAG TTTCTTTCC AAGACCAAT TAATGAGTAC AAGGAATGCT TCTCCCTGTA120
TGACAAGCAG CAGAGGGGGA AGATAAAAGC CACCGACCTC ATGGTGGCCA TGAGGTGCCT180
GGGGTAGCT GAGTGGCAGG GAGGTGACAG CGGCACTGCA GACCCACGGG ATAGACGGA240
ATGAGAGCTT GATTTCTCT ACTTTCT3A CATTATGCA CATSCAATA AAACAGAAG300
ACCCARAGAA AGAATTCTT CTAGCCATCT TGATGGTGGA CAAGGAGAG AAAGGTTACG360
TCATGCT 367

Name: 106 Len: 440 Check: 1B3A
GCTGTGCTG GATGAGTGGT AGCGTCGGAA ATGAGGAGCA GAGGCGCAAA TTTTGCCAG 60
CGCTCTGTAC CATGAGAGAG TTTGCTTCT ACTGCTCAC TGAACCAGGA AGTGGGAGTG120
ATGGTGGCTC TCTTCTGACC TCCGCTAAGA AACAGGGAGA TCATTACATC CTCATGTGCT180
CCAAGGGCTT CATCAGTGGT GCTGGTGAGT CAGACATCTA TGTGGTCATG TGCCGAACAG240
GAGGATCAGG CCCCCAAGGCA TGCTCATGCA TAGTTGTTGA GAAGGGGACC CCTGGCTCA300
GCTTTGGCAA GAAGGAGAAA AAGGTGGGCT GGAATCTCCA GCGACACAGA GCTGTGATCT360
TCGAGAGCTG TGCTGTCCCT GTGGCCAAAC GAATTGGGAG CGAGGGGCAG GGCTTCCTCA420
TTGCCGTGAG AGGACTGAAC 440

Name: 107 Len: 442 Check: 19D2
GCACACCTGT AGTCCTAGCT ACTCAGGAGG CTGAGGTATG AGAATGCTT GAACTTGGGA 60
GCGGAGTTA CAGTGAGCCA AGATTGCGCC ACTGCACTCC AGCCTGGGCG ACAGAGCGAG120
ACCTGTCTC AAAAAAAAAA AAAAGATGA TGTAAGTTC ACAGGGCAAG GTCTTGTGT180
TTGCTCACCT CTGGGTTATG CTCATAAAAC AAGCTTTTGC CCATGTACCC TAAGTCAGAC240
CCAGGAATGG TGTCTACCAA TGATTGTCTC TTGGCACTTA CCGTACGCAT ACAGAAATG300
CGTGTGGTAA TCGGCATACA CAAAGAAGTC CTCCTTTTC TTGTGTCCA GCACGGAATG360
GCTGTCTGG AAGTAATTTA ACACACTCAA AATGTTNGCG TTCGTGTTAT ACGGTGAAAG420
AGGGGCCAAG CAGATGTCTT GA 442

Name: 108 Len: 453 Check: 6FD
GAGACTGCAT AGGCTCGGC GTGGGGGGTA TTCTACTATT TTGTCACTGC CCTGGGCATA 60
ACAGCAGGAG CTCATCGTCT GTGGAGCCAC CGCTCTTACA AAGCTCGGCT GCCCTACGG120
CTCTTTCTGA TCATTGCCAA CACAATGGCA TTCCAGAATG ATGTCTATGA ATGGGCTCGT180
GACCACCGTG CCCACCACAA GTTTTCAGAA ACACATGCTG ATCTCATAA TTCCCGACGT240
GGCTTTTTCT TCTCTCACGT GGGTTGGCTG CTTGTGCGCA AACACCCAGC TGTCAAAGAG300
AAGGGGAGTA CGCTAGACTT GTCTGACCTA GAAGCTGAGA AACTGGTGAT GTTCCAGAGG360
AGGTACTACA AACCTGGCTT GCTGATGATG TGCTTCATCC TGCCACGCT TGTGCCCTGG420
TATTTCTGGG GTGAACTTT TCAAAACAGT GTG 453

Name: 109 Len: 421 Check: 1318
TTTTTTTTGT GCAGAAACAT TCTGAACTAC AAAGCGGCCT ATTTTGTCTT CTGGATATGG 60
AACTCCTTGG GGATCAGAAT AGAAAGCTTC TAGCTCAAAA GGCCCTCTC TCAGAAAGGT120
GAGAACTTTG GAGAAAGGAG CAGCATGGTT TCGACTAAAG ACTTCATGAA CACCTTCAGT180
ATCTTCTGAA TCATGGTTCC AGATCAGAGA TATTGGAAAA GGAAGTGCAT CTGTGACGGA240
AAATTTCTTA ACTTTAAATG CCGGGGAAAAG TATTGCACAC TGTAATGCAC ATCTCTGGC300
TACTGCTTCA TCTGCATTGA GTGTTGTGCT AATATCTTTT CCAAGAATT TGGCAATTCT360
TTCTTTCACA GTTGGAATTC GTGTAGCGCC TCCATCAATC TCTACTGCAC TCACATCTT420
T 421

Name: 11 Len: 621 Check: 23BA
CAGGAAAAA ATATGTTGGA TNCCTCTGGT AACTGTCTCC TTATCTGCAA ANTGACATCC 60
CAAGGBATTG CATGCCCTCG GCCTACTGCA AAAGAATCAT CAACCTGGGG CCTGTGCATC120
CAGGACTCTT GAGTCCAGAA CCCCCACCA TGGGTGTGAG GGTATCTGT GGACATTGCA180
AGAATACTTT TCTGTGGACA GAGTTCACAG AAGGCACTTT GGCACCTGT CTTCACTGCA240
GGAAAGTGTG ATCTATTGGG CGCAGATACC CAGGTAAGAG ATGTATCTGC TGCTTCTTGC300
TTGGCTTGT TTTGGCAGTC ACTGCCACTG GCTTGCCTT TGNACATGGA AGCATGCAGG360
GGGATATGGA GGCATCTATG CAGCCTGGGC ATTTGTCTAT CTGTTGGCTG TGCTGTSTT420
GGGCGGGGCT CTTTAATTGG GCCTGTATGA AAGTCCAGCC AACCTGGTCC AGAAATTCTC480
CTGAGGCTG ATGACCCACA GANCGGTGCC TTGGCCCTCT CCGGTNGGG ANCAGTTACA540
CTACGAAGGA AGCTGGGGTA GTTAAAGGCT CCGGGGCTTN TAAGAAGAAG CCAAGCAACT600
TGCTTCTTT CCTGGGGAA A 621

Name: 110 Len: 309 Check: 1332
ATAAGAAATG CTGCTAGCAA GGGTTCAGC AAGGTGGTTG GTTGGTCTGT AAGTCAGTCT 60
TGAGTACTTG AAACAGTTCT GTGTTTGTIT TTTTCTTA GCGTTTAGAA TAGCCATCAT120
TGTCTTCAA TAGGCAGAGC TATCACGTCC AGGAAAAATG AGGGAGGGAA CCACAGAGGC180

AGGCTGAGTAT CAAATACAG CATTCAAAGG TAATTGGTCT AGTGGTGGCT GGGAGGGAG240
GAAGGCTGAT ACTCCATGGT TAGTGGTCTT CTTTGGGGG TGTGTACAGG CGTTTTTTTC240
GTGGATCT3
309

Name: 111 Len: 489 Check: 902
CTACTACTAC TAAATTTGGG GCCGCGTCTGA CGAAGAAGCA GGTATTTATT TTAATAAAGG 60
AATGTTTGGT ATTCTAGTTA ATCAAGTAAT TCTTTTATTA GCAAGGCAGA AACTAGTGT120
TTTCTATAAA CTTGAATGTT AATTGTACAG GTGTATTTTA CAATTTTGT TTAATTAATA180
AAATGTTACT ATATTAATAA TCAACCTGGT CAAAACCTTT CAGSTTTCTT CBTGTGAGTC240
AGTGGGCTTG ATTGAGGATG TCAAGAGGCT TATGATATCA TGTGAGGGG CBTGTGAGTC240
CCGACAATTA AGATGCTGCT AGACCTTGAG GTGATCAGCA TAAGAGGGCA GATCTTCTGG360
AGTCATCTAC ACCTAGCTTC ACCTTATTCT TTAAGGGCA GAAATTTGA GACGGTGTAT420
GGGTAAACAG TAAATTTGGG TTACAATTGG GGCACCCCTC CGGTTTAGAA AGAGGAACAC480
CAGATTGAT 489

Name: 112 Len: 563 Check: 1430
GGACTCAGAA TTGATGAGAG ACATTTACAG CATGCACATT TTCCTTACTG AAAGGAAACT 60
CACTGTTGGA GATGTGTATA AGCTGTTGCT ACGATACTAC AATGAAGAAT GCAGAAACTG120
TTCCACCCCT GGACGAGACA TCAAGCTTTA TCCATTCTA TACCATGCTG TCGAGTCTTG180
TGTAGAGGTC GCTGATGATT CAGGGCAAGG GACAGGGACC TGAAGAGCCG AGCGAATAGCC40
ATCTGCTGCT ACCTGCTACC AGAGACGTC TGTGAGCT GTCAGGTGTA ATATATGAAT300
TGACTTAAGT TAATATAAAT GTGTACATA TCCACATTTG TAGTCAAGGA CGCAATCTCT360
TCCACACATG TGCAGTTGTC AGTTGGTACA TCTAAACTCC CTCCATCCTG ACTCACGTGG420
ACTTAGATAT GTTTTGTTC TATTTTCTTC TATGTCAGTT TTTCATTCTT TGATGTTTAT480
GTCTTTTGTG CATCAGATCT CTTGTGATAT CACATGGAAG GTTGTGCTCA GCCTGTGGG540
TCTCTTTCTT CCTGCACATA TAT 563

Name: 113 Len: 587 Check: 2109
TTTAGGCTG TGGATTTATC CTCAATTGCA CATCAGCTGG ATGAGGAGGA GAGGATGAGA 60
ATGGCAGAA GAGGATTTAC TAGTGAAGAT TATCGCACGT TTTTACAGCA GCTTCTGGA120
AATATGGATG ACAGTGGTTT TTTCTCTATT CAGGTTATAA GCAATGCTT GAAAGTTTGG180
GGTTTAGAAC TAATCTGTT CAACAGTCCA GAGTATCAGA GGCTCAGGAT CGATCTATA240
AATGAAGAT CATTATATG CAATTATAAG GAACACTGGT TTACAGTTAG AAAATAGGA300
AAACAGTGGT TTAACCTGAA TTCTCTCTTG ACGGGTCCAG AATTAATATC AGATACATAT360
CTTGCACTTT TCTTGGCTCA ATTACAACAG GAAGGTTATT CTATATTTGT CGTTAAGGGT420
GATCTGCCAG ATTGGGACGT GACCAACTCC TGCAGATGAT TAGGGTCAAC AGATGCATCG480
ACCAAAACTT ATTGGAGAAG AATTAGCACA ACTAAAAGAG CAAAGAGTCC ATAAGACAGA540
CCTGGAACGA GTGTTAGAAG CACATGATGG CTCAGGAATG TTAGACG 587

Name: 114 Len: 222 Check: 12B6
TTTTGAATCA AAATTAACAT CAATATATAG ATTCTAGTAT ATTCTTCTTA AAGCCTTTAG 60
AAAAGATAAA ATGACATTTT GCAACATATG CCAAACCTCA TGTTTAGTGT ACACTTCTAA120
TTATTGGCAT AGAGGGATAT AACTGTTAAA TAACCTGAAA TGACACCATG CAATGGTGAA180
ACTACAGAAG TTGGTGAATA GAAGTATTTA CATAATGTAA TA 222

Name: 115 Len: 512 Check: 1EAB
TTTTCTTGA TATGATAGC TTTTCGGGGT TGGTATTAGA CATGGCTTTC GTAAATAATG 60
CAGGTGTTTT TGTGATGTT CACTGCTGGC TCTGTGGCTT CCAGGTAAGC TGGGCGCAGT120
ACCTTATCTG GTACCTCAAC AGGTGTTGGC TCTTCAGATG TTAGCTCGGT GGACGTGACA180
TGGGTAGAAG GTTGTGCAST TTGCGGGGAA TGTTCGCGCG ACAGTTCTGT CTCCTCTACA240
TCTTTGACTT CAACTGTGTC ACCCTCTTGG TCATCTGTCAT GCTCTTTTTT GGAAGTGGGG300
TGAAGTGACA CCTGATGGG AATTTGCTGA GGTGCTCGT GCAGCGATGA GGCCTCCGAG360
TCAGCGGCAG GGGAGTCGCT CCGCTTCAGA GAGTTGGGGA TTGTGTAGAC CTCATCCTG420
TCTGCGGCTT CTTGGGCTCT GGAGTATGCC TCAAAAATTC TGCCCCGGTC CTCAGGCTCA480
ACCACCTCAT AATCTCTCTC ATGATAGTCC CG 512

Name: 116 Len: 566 Check: A72
TTTTTTTTTT GTTTTTTAAC CCCCCCGGAG AAGCTCTGTC CCGAGCTGAT GGCATGTTT 60
GAAGAGGCTT TGGGAGAGG AGCCCATACC AGCGCAAAGC TGANCTCCTG GTGCTGGCG120
TGCTGTCTGA CCGAGCTGGC GACCATATCA GGCAGAGACT GCTGCCCCCA CTGCTGCAGA180
TTGTGTGCAA GGGGCTGGAG GACCCCTGCG AAGTTGTACG CAATGCTGCG CTGTTTGCC240
TGGGCGAGTT CTCAGAAAAC CTACAGCCCC ATATCAGCAG CTATTCAAGG GAGGTAATGC300
CACTGCTCCT CGCCTACTTG AAGTCGGTGC CTCTTGGA CAACACACCAC CTAGCCAGG360
CCTGCTATGC CCGGAGAAAT TTTGTGGAGA ACCTAGGGCC CAAGGTGCAG CCGTACCTTC420
CGGAGCTTAT GGAATGCATC CTGCAGCTTC TGAGGAACCC CAGCAGTCCC CCGGCCAAGG480
AGCTGGCTGT GAGCGGCTGT GAGGCCATTG CTACGGCTGC CCAGGCTCG CTGCTGCTCT540
ACTTCCCTGC CATCTATGGG CACTG 566

Name: 117 Len: 549 Check: 1602
CCCTGTGCAA TGTTTAGCTC TCACCCCACT CCAAGTGCC ATAATTGAAA TAATACTGGT 60

22

TTGGAGTATT AATACAGATT GGTGATAAAT GCGGCATAAA GTCCGTAGAT TTAGGTAAAG120
GTTATTTCCAA ATGGCGTAGT AATGCACTGC AACTGCCCTG GCCACAAACA GTGCTAGAT180
GGGTGGGGCA AATGGAATGA TGCCATCACT CTTGAAGAAC ACAACTTCCA AGCAATAAAT240
TAAGCCCCCA CAGGCAAGTT CCTGAASTCC ATCGGTGTTT TTTAATTGATG TCACACCCAA300
GGCTGAGAGG AATCCCATG TGAGATAGAA AAAGAGTTCA ACCACCTTAT ATTTTTCATG360
GTAGAGTAAAT ACATPAATGG TTCTCCAGC TGCCATGAGC CAGATAAAAC AACGSCATATG420
AGATGACAGG GGTGCAAGTT CACGAAGATT TAACCATGGA GCATAAGAAG CAGCAATGAA480
GAAATAGATA ACCATTCTAT CACACATGTG AAAACAATGC TCCACTGTCC TTAAGTGGCT540
CTTTTTCOA 540

Name: 111 Len: 416 Check: 71A
CCTGGGCTTCA TAAATAGTAT GGCTTAGAAG AAGGCGTGCG TACAGATGTG CAGGAATGCT 60
AGCTGTGCTT GTTGTATGCC GATTGTAAC ATTATGAGTC CTAGTTTACT TGAAGCGGAG120
AAGGCTACGA TTTTTTTGA TGTCATTTT TGTAAAGGGG CAGACTGTCTG CCAACAGAGT180
GGTGATAGCG CCTAAGCATA GTGTTAGAGT TTGGATTAGT GGGCTATTTT CTGCTAGGGG240
GTGGAAGCGG ATGASTAAGA AGATTCTCTG TACAACATA GTGCTTGAGT GAGTAGGGC300
TGAGATTGGG GTGGGGCCTT CTATGGCTGA GGGGAGTCAG GGGTGGAGAC CTAATTGGGC360
TGATTTTACT GCTGTCTGTA GGAAGAAGCC CAATAAGTGG GTGAGGCTTG STTTAG 416

Name: 112 Len: 405 Check: 23A0
CCTGGCTTTA COTGCGACGA CCTGTTCGCG TTCAACAACA TTAATTGGA TCCACTTACA 60
GAACTTATG GATTTCCTTT CTACCTACAA TACCTCGCCC ACTGGGCGA GTATTTTATT120
GTTGCGAGG CACCTGCTGG AGAATTAATG GGTATATTA TGGGTAAAGC AGAAGGCTCA180
GTAGCTAGGG AAGAATGGCA CGGGCACGTC ACAGCTCTGT CTGTTGCCCG AGAATTTCTGA240
CGCCTTGCTT TGGCTGCTAA ACTTATGGAG TTACTAGAGG AGATTTTCTA AAGAAAGGGT300
GGATTTTITG TGGATCTCTT TGTAAGAGTA TCTAACCAAG TTGCAGTTAA CATGTACAAG360
CAGTTGGGCT ACAGTGTATA TAGGACGGTC ATAGAGTACT ATTCG 405

Name: 12 Len: 409 Check: 8AB
CAGAGCTTGC CCAAGGCTTT GTGGGCTGCG CACTCAGCTC CACCATCCAG CGCTTCTACA 60
AGAACGAGGG AGGTACATGG TCAGTGGAGA AGGTGATCCA GGTGCCCCC AAGAAAGTGA120
AGGCTGCTT GCTGCCGAAA TGCCAGGCTT GATCACCGAC ATCCTGCTCT CCTTGGACGA180
CCTGCTTCTC TACTTCAGCA ACTGGCTGCA TGGGGACCTG AGGCAGTATG ACATCTCTGA240
CCTACAGAGA CCCCCTCTCA CAGGACAGCT CTTCCTCGGA GGCAGCATTG TTAAGGGAGG300
CCTGCTGCAA GTGCTGAGGA CGAGGAACCTA AAGTCCCAGC CAGAGCCCCT AGTGGTCAAG360
GGAAACGGG TGGNTGGAGG CCTCAGATGA TCCAGTCAGC CTGGATGGG 409

Name: 120 Len: 318 Check: 266B
CGGACGCAAG TACATCCAGA CAGACAGCGG CCCCTACTGT GTGCCCTGCT ATGACAATAC 60
CTTTGCCAAC ACCTGTGCTG AGTGCCAGCA GCTTATCGGG CATGACTCGA GGGAGCTGTT120
CTATGAAGAC CGCCATTTCC ACGAGGGCTG CTTCCGCTGC TGCCGCTGCC AGCGCTCACT180
AGCCGATGAA CCTTTCACCT GCCAGGACAG TGAGCTGCTC TGCAATGACT GCTACTGCAG240
TGCGTTTTC TCGCAGTGCT CCGCTTGTGG GGAGACTGTC ATGCTTGGGT CCGGAAAGC300
TGGAAATATG GAGGGCCA 318

Name: 121 Len: 460 Check: 2526
TTTAATCTAA GAATTTCTTT ATTTTATGCA TAATAAAAGG GACTACAAAG AACAGCTGAA 60
AAGGCGAGAAG ACAAAGGAAC AAAAATAAAC AATGACGTGT ATTCCAACCC AAACAATGAG120
AAATCTATGC AACTAGACTA TCAGTTCAAT CTATTTCCAG GTCGCTATCC TCACTGTGAC180
ACSTGGCAGA GTTACGCACA GATGTACGCA CCAAGACTTC CTTTCTGGG AATAATCCAA240
ATTCCTGAG AAAAGCTTCA AGGTCCACAG CAAAGAAATC ATCCCCAGC TSGTCAGTAA300
TACGAACAAA ATTGGCGATC AATTACCCCC CTTTATAGAT CAGCAGGGCA GGAAGGGCAT360
TCTGCTGAAA CTGACTGCTG GCGCCAATAA CTGAGCTCTT CACCTTGACG AACTTGACAG420
CTGGGTAATC TGCGGCAAGG CAGATCATGC AACCATTCT 460

Name: 122 Len: 672 Check: 13BD
ATAGAGCTTC ACAGCTGCCA GCTGTTCCCG GGGCGGGAAC GTCTGGGTCA GTGAGGTCCC 60
ATCTGCTAGC CTGACTGTGA TGCGACACTG GTCATACTCC CGCTTGTGG GAGGCTCCTG120
GCTGGGAGAA GAGGGAACAG GACCTGGCTC TGGTGCCACT GGGGCTGCTC GAGAGCCAC180
ACTGCTACCA TACTTCTTGG CTCTCTCTGC TTTGTCCCTC TCGATCTTTT CTCTAACTCT240
TTCTCTGCTT GCTAATCTCT CGGCCTTTTC CCTCCGCTC TCCCTCAGCAG CCGGGCGCAT300
CTGATCTTTC TGTAGCGGCT GTCGTGCTGC TGACAACTCT TGCCCTTGTG TCTCTGCGCT360
CGCTTCTCCG TTCAATGCTT CCGTTCCTC TCTTTCTTCA CGCTCCGCTT GCTTCTGGGG420
CCACAGCTTC AACATCCCTT CTAGTTTGTT CCGTCTTTCC TCTTCACTCA AAGNGGGGTT480
TGCTTTCTTC CGCAGCCAGA AACAGATTCT TCAAGSGCGC CTGGTCTTGG AGGAATTGGG540
GTCCGCTTCC AAGATATGTC CAAGGGGAGG TTCAAAAAGG TCTTTCAAAA TCGGGTTGGT600
CTTGCTTTTC AAAAAACCAT TCCATGAAAG CTTGASTCCC CTGTTCCCTT GAAGGGCAAA660
AACTTTCTTC GG 672

Name: 123 Len: 310 Check: D0

GCAGAGAGAA TATGTGCTA AGTGGGACCT GTGAAACAC GAAAGGCTA TTTATCTGCC 61
ACTGTGATAT GGGCTACTCC GBCAAAAAAG GAAAAACTGG CTGTACAGAC ATCAATGAAT120
GTGAAATTGG AGCAGACAAC TGTGGCAAAAC ATGCTGTATG TACCAATACA GCAGGAAGGT180
TCAAATGTAG CTGGAGTCCC GGGTGGATTG GAGATGGCAT TAAGTGCAT GATCTGGAC3240
AATGTTCCAA TGAACCCAT ATGTGCAGCC AGCATGCAGA CTGCAAGAA ACCATGGGAT300
CTTACCGCTG Len: 302 Check: 144A

Name: 124
GCAGAGCTGG AGTTCAGAC CCAGATGAGT CTGCGGTCTT TCTGAGGDC ATCGGGCAGT 60
GCATCASAAC CCAATCATCC GGCAGAGCGG CANAGCAGCA GCAGTAACAA CAACGAGTG120
AAGAGCTGCT AGCAGAGAGA AAGCCTGGGC CTCTGAGGCG GGAAGCGGA SACCCAGGCC180
TGGGAGATG CAGGATCAGA GCGCAAGGG AAGAGAGTCA AGAGAAGAGA SACTAAGTCC240
GAGGAGAGCC AGAGAGAGGA GGTGGGGAT AGGGGGAGCC CAAGAGTTGA GCCTGAGGCC300
TC Len: 302

Name: 125
TTTGAGGTTT GTAAGAATTT TTTAAACAAA ACAGAAATCA CAGTGACCAA GGGTAATGCG 60
AGTCTGTGTC TCTTTGCCCC ATGCTGCTCC CCACAGCTCT CCGTGGGTAC TAAATGACGC120
GCCACTGCGT GATGCTGTG TCTTTCCCGC CCGTGGAGAT GAGGTGGCTG TCTTCACAGA180
GGAATCGAC ATTGTGACA TGGCTGCTGT GCGCGCGTA GATGTGGCTT GGAGCCCTGA240
ACTGCGAGCA GGGGTATGAG AAGAGGTGCA CTTTGCCAAA GTCGTGGCTT GTTGACAGGA300
GTTTCTTCTC ATGGGCCCGA CAGACGGCAT TTTATGTTGGT TCCGTCCGAG CTTTCTGGGC360
ACACTCCAAA AAATGGGAAT CCAAAAGTGG AGGTATAGGT AGGCCATTCA ATGTCTCTTG420
TAGTTTCCAC ACTTACGACT TGCTTACAGG CAGAGGGAAC CCAGTAGAGG ATTTCTGTAGT480
CTCCGGAATT TGACACGAGG AACTGTGAGT TTACAGACCA GTCCAGGTGA GTAATGAAGC540
TGGAAATGACC CGAGCACTTG CCACTCGCG TGTACTTCTT CCGTTTGTA CTAAAGGCAT600
ATATATAGAT GCAGTTGTCC TGTGAGCCTA TGGTAAAGAA ATTTCCCATC TGGTGAGTAT660
TGCAATTACH AGAAGCCGAC GGTTCATCC TGTGTGAAGG GGGACCAAGT CTTTTGTTTT720
TCGTGTTAAA AACAAACCAC CTCCAGTTA GTGGTTCGAC TTCAACCCAC GACCCTTGAG780
GGATGAAACC AAGAGAACTG GCCGGTTTCT C Len: 811 Check: 1E88

Name: 126
TTTTTTTTTT TAAATACAA AAAACAGCTT TACTCAGACT TTTTGACTGC CATGTCTCTC 60
TTTAAAGGA CTACAGTTTG GCTACTTGGT CTCTTCTGGG GCAGATGTGG CATCCTGAGG120
TGTGTTAGCT TCTGCCGGTG CAGATACAGC TCCTACCACA GTAGGGGTGG TCTCAGATAA180
AGCAGGGATG GCTTCTGGAG TGGAAGTGGC TCCTGTCTCA CTGGGGGTGG TGTCAGTTTG240
AAAGGCTGGA GTTTCTTGAC GGCAGCTGGT GTCTGTTGGA CTGGGTATGA TGTCAGCTTG300
AACAGTCATG GCCTCTTCTT CTGTTTCCAA TTCTGTTTCT TGATTTTGAA CTTCTCACC360
CTCTCTACC ATAGCAGGTG GTAGTTGTAA TAAAGTCTGA TGATAATGAT GTGTAGTCTG420
TATCAAATGC ATGTACATGT TGTATACAAA GTTTGC Len: 456 Check: 11A

Name: 127
TTCCGACTCT TTTACATGT TTTTCGATAG CACTGCCATT TTGGCTGGAC TGGCAGCTTC 60
TGTTATTTCA AAATGGAGAG ATAATGATGC TTTCTCCTAT GGGTATGTTA GAGCGGAAGT120
TCTGGCTGGC TTTGTCAATG GCCTATTTTT GATCTTCACT GCTTTTTTTA TTTTCTCAGA180
AGGAGTTGAG AGAGCATTAG CCCCCTCCAGA TGTCACCAT GAGAGACTGC TTCTTGTTTC240
CATTCTTGGG GTTGTGGTAA ACCTAATAGG AATATTTGTT TTCAAAAATG GA Len: 292 Check: 281

Name: 128
GTAATTTTCA AGTTATTTTA ATAACCAGGT TTACATTAAC AGTCACGTGA TGAACTTTTT 60
TCTTTAATST CAGCTAAACT CAAAACACAG TTTTGTTTAC GGTTCAAACC AAACAGCTCT120
TCACGTTCCA GAGCTGCCCT ACAGCTAGCA CAGNTCACAG GAGATTACTG TCTGTCCATA180
CCCAACAGAC ACAGAACTGA ACACCCACAC ACCAGTTTTT AAAGAGGGAA CTTACAATGA240
ATGCTGGCTG CCGAGGGCAC CCATGAGTGT ATCTGGGNCT CAAGCTGGAG TTTTCCAGGG300
GAGAAAGCCT GGGAGGCTTG GTGGCAAGGA AGTTGGGNAT TGCCCAACCT ACTGGGAAAG360
GGGTTTCTCA GGGGTTGAGT GAAATCCCG GGTTAGNGT CAGCCCTTTG TGGGAAACAT420
GGGCACTTTC AGT Len: 433 Check: 51D

Name: 129
GATCCAGGAG CCAACAGCT GCCATGGTTC ANAAGGCCCT GGAAACCGAC CCAGGAGATG 60
CCGTGGTTGT CNGCTTTGC GANTTGCTGA TTCTAACTAT NAAGCCATT GTAGGTACC120
TCGAAAGGTG GCCAGAAGTA TCTCCTGCGG CCCTTCTAGC AGGTGGTCTGA CCAGCATTTG180
CACTGAAGAA CCAGGTTTGT CTGAGGTTGG GCCACCCGAC TTAGCAAGCA CAAAGGTACC240
CCAGATGGA GAAAGCATGG AGGAAGAGAC GCTGGTTTC TCTGTGGGA TCTTTGGAT300
CAAGCTTCCA GGCTAGCCT CCACAACAGG AAGATGAGGA GACTGAGAGA AGTGCAAGG360
AACTTGGAAA GT Len: 372 Check: 21BF

Name: 13
TTGGGSTAAA TTGTAATTTT TTTATTGGAA AACAAATATA CAACTTGGAA TGGATTTTGA 60
GGCAAATTGT GCCATAAGCA GATTTTAAST GGCTAAACAA AGTTTAAAA GCAAGTAACA120
Len: 439 Check: 1E33

ATAAAAGAAA ATGTTTCTGG TACAGGACCA GAGTAGACAA AAAATAGTBT ACBASTACCT180
GGATAATACA CCGTGTGTC AATAGTGCAA CTTTAAAGTA CATATTGTTG ACTGTCCATA240
GTCDAAGTAG AATTACAAT CCACACTTCA ACAACAACAT GCTGACAGTT COTAAAGAAA300
ACTATTTTAA AAAAGGCATA ACCCAGATGT TCCCTCATTG GACCAACTCC ATCTAAGTTT360
AGATGTGCAG AAGGGCTTAG ATATATCCAG AGTAAGCCAC ATGCAACATG GTTACTTGAT420
CAATTTTCTA AAATAAGGT 438

Name: 130 Len: 523 Check: 1041
BAGCAGAGCC GAGAGGGAAG CCGCAGCCGG GCGGCGGGAG CCGCGGGAGC BGGGGAAGCA 60
BGGCAGGCGG GCTCTCATGG CCGCAGC3GG GTCCGCTCTGA NCAGC3CGGG CAACAGCGGC120
BGGCAGGCGG GATCGGGGCC GCGACACCTC CTGGGCTATGG GGGAGGTGCT BTCCACGCAC180
CTGAGCAGAG CCGCGGCGCA GCACATCGCA GAAAAAACCG GGAAGATCT GACGGAGTTC240
CTCCAGTTCT ATGAAGACCA GTATGGCGTG GCTCTCTTCA ACAGCATGGG CCATGAGATT300
GAGGAGCAGG BCTGCGCGCA GGCCAGCTG CTCTGCGGCA AGGTGCCACT GGACGAGCGC360
ATCGTCTTCT BGGGGAACCT CTTCCAGCAC CAGGAGGACA GTAAGAAGTG NAGAAACCGC420
TTCAAGCTNT TCGCCACAA CTACGGGCTG GTGCTCTACN AAAACAAAGC NGGTCTATGA480
GCGGAGGTTC CACCACGAGC CGTCATCAAC AGTGCCANGCT ACAAATC 523

Name: 131 Len: 521 Check: 253E
AGAGGAAATT GATTAGCTAT GGTGTAAGTT TTCGGGAGAG TCATCTGAAT GTTGTATAT 60
CCATAAGCAA TAGCTGCATC TTCTACAATA TCACATGCAT GGATAATGTC AGCTCTGGTT120
GGAGGGATTT TAATCTCAAT CTGATTCCCA TCACCTATGA CTTCTGATTT TAAATACATC180
CTGCTCAGAA GTTTGCAAG ATTTTCTGGA GTTCTCTGA TTCCAACCTT TTTGTTAATT240
AGGTGAGCTC TCACCATCTC CTTTCGGTAA GCTAATTCTG GAAAGGTATG TGATTTTCCA300
TTAGGAAAAA CCACTTCAGC AGCTTCGACC GTAAATTGAT TCTACAATA TTCACTGAAC360
ATGGTGACAA TAATATCAAG AACTATNTTT GCCTTAGTAA AGTCAGTTCC CGTGCATTCA420
ATAAAAATAT TTCTAGTATN TACTGTTATT CTGSAATGAT CCCCATTGAT GATGGGAGGC480
ATTGAAAAAG GACACCATTT GCTATCATAG ATAAGTGGAT A 521

Name: 132 Len: 429 Check: 19CF
GAGGGGGAGA GGGGAGCAG ATGCCTCAAA GGGGGTCAAA GAGAGGGGAA GGAAATTGCA 60
CATAAATAAA CCGSATGATT CCAATGCAA GGAGTCTCA GAGCGGAGCG CGGACGGCTT120
TTCCGGAGTC CTGGGTCTGC ATCTGGCGCC TTGGCCCTCTG CTCACCTCGG CTCTCCTCCT180
CCTCCTTCTC CTCTCCTCA CTGCTTGAGC TCCAGGGCCC AGACGTGCTG CGGCCAGCCC240
GTCCGGCCTT TGTTTTCTT GTCGTTGCTG CTCACGTGTC TTTTCAAGAT TTCGTTCTGG300
ACAGAGGAAA GCGGAGGGCG AGAAAAGTGG AAAGAGAAAT TCAGAGAGGA TACCTGGTTC360
CACACCAACC CGGAGCTTCC TGCGCCGGAG GAGACAGTGA ACCAGAGAGG AAAGGATACG420
ATGGGGGAG 429

Name: 133 Len: 442 Check: 5E9
TCAAACAATA ACTTGGTATT TTATACTTCT CTATACTTTG TAGCAAATCT TTTTTTGCTG 60
AATTTAATTT ATAATAAACT TTTTAAATTA CATCTCTCTC TCTTTTCTT TTAATCAAA120
GGCTCTTTTA TGTCAAAATC TTTTTTTAGC TATATTTTAG ATTAACATTT AACATCCCCC180
CCTTGTGATC TATACCGTTG GATATTCAGG TATTACTGTG TGTGTAACAG CTAACAACAG240
AGGGAGGAGG GAAAATAAAG GCAGTGAAT TGGACGGATG CATCAACAAC AGCAGATAAA300
GCTAAACCCCT CAGTGACCAT AGCAGCATGT CTTCTGGAAG CCTTTACTCT TACCCAGAG360
ATTTCTCAG CCCCCCTCC CTCTCCCTCC TATCCTCCAA ACACAAAGCC AACAGTCTGT420
CCTTTGCTT TTCTTGAGGA GA 442

Name: 134 Len: 913 Check: F1E
TTTTTTTGGT TCCCTCTCA TTTATTCCTT GTGGAAAAAG AAAAACACAA ATCTTAAAAA 60
CTAAAGCAAG TCAGGGAAGC CTGGAAAGAT ACCCAGATTT GATAACATGT TAGAAGGAAA120
TCCAGGCTAA GGAATCTCAT TTTCTAGCTT TGATCTGGTT GTCAGTTGGG ATGGACTTGC180
CCAAATGATG GCGCACAGAA AGGCCAAATT TCTTGTCTTT CTCTCATCC TGTACCTCTT240
TTTTCAATTA GAATCTGCGC TGGAAGTTTA GGTCAAAGAG GCTGCTTGGA GCPAAATACA300
GTGGTGTCTC ATTCGCNNAA ATATTTTTTC TTCCCCCCCC CAGGCGTTTC TTCATCCTTC360
AGGATTTGAA TTGGGGCGTC TGCTGGAGTG GCGCAATGCT ATATGTCAAT TGAGGTTCTA420
AGACTTGGAA GCGACAGAAA TGCAGAATGC CACTCTGAAT TGGCCAGABA ATGACATTCA480
TGTCGGCGT GATCCCTTGC AGAGAGTACA TGGAGCCACT GCCACCAGTG GTGATGGAAA540
GCACTGCTCT CTTACTCCGG AAGGTCCTT TGTATACAT GGCAGCGTAA GTGTAAGCAA600
ACTCTTCTAT GAACACTCGC TCAAACCAGC CTTTCAGAAT GGCAGGGACT CCGAAACCAC660
TGCAGGGGGG ACTGGGATAT CACAAAGGTC TGCGGCTTTC CAGCTTCTTT TTGTCAGGCC720
ACAAATATCT GGGCTCAGAT GGGCTTTCTT TATTAAGCAG AACAAGATTC GCAGGATACT780
BGAAGTCCC AGGGTCTTT CAGTTTACTT GGAAGGGCT TTTGGGAAAG AAGGGATGGA840
AATTATGGGA TAAAAGGGCC GATTCCACAA CTTCTTCTT TTTTTTTAAA GCGGTTGGGC900
AAGCTCTTA TGG 913

Name: 135 Len: 750 Check: 1FCD
TTTTTTTTTT TTGTCTTCA TAGTAAAGT TTATTGAACA GAAAACCCAG CAAAGTTTT 60

CAGCTGCTGCA AAGTTCCOCT TAGTTTAAAG TAAAGCACTG CATTCTTAAA AGCAATTATA120
 CATAAGTCTT TCTAGAAAA STCTGTCTAA AACATGTCTA GCAATTTCTA TGATTATATA120
 AASTAGTACA CTTAGTGTA TTTAAACATT CCAACAGGAA TCAAATCGTA CCAGCAGAAC240
 CACTTCTGCA TCTATGACTT CTATGTACAA ACACACATGC AGACACACAC ATTTGSAAAA360
 GTTCTCTAAG CATAGACATG CAACACCTAA GGCCTTCTAC GTACAGTGTCT TATTAAACTA360
 CATAGAGTAT ATATTAAAGC TCTTCAGAAT AAAGACATGA GAAGCCTTGG GCATTNTTTG420
 TTCACCATTT TGTATCACGG CTTCACGTTT CTGCTTTTGC TTGCTCACAA AAGCATATCA480
 TCATCCACAC TGTTTTTTAA AAACCTCATCA TTGOCATGTC CAGGAGAGGC AATCTAGCTG540
 GAGTTCAGCT ATCCAGTCCA TTCTCTCTAA AGCCTCCAAC AGCTACAGTA CAAACACAT600
 CAGTNTGTGA TGGCTGGGG GCCTTCTGGA AGAAGAGAGG CAAAGAAAAT CTTGAAGACA660
 AGCCTAGCTG TGGTCAATAA GGAGGGGCTG STCTGCTCGC CATCTAGTAC ATCCTCTCT720
 TGGATGGAGG TGGGTTGGGG TTTCCATTTT 750

Name: 136 Len: 348 Check: B6B
 AAAACGACGG CAGTGAATT GTAATACGAC TCACTATAGG GCGAATTGGG CCTCTAGAT 60
 CCATGCTGGA GGGCCGCCA GTGTGATGGA TATCTGCAGA ATTCGGCTTT TGACACCAGA120
 CCAACTGGTA ATGGTAGCGA CTGGCGCTCA GCTGGAATTC CGGCTGGGAC TACGGGTCT180
 CACTCCAGAA GAGGCTTCTT CAGAGCATGG TAGTCTTGGG GTTCTAAGAG AATGAGAGTA240
 CAGCTGGA AACTCTTTGA AACTGGGCT TGGGAGTCA ACATGACTTT CTCCACATTC300
 TGTCTGTCAA AAGCGAATCA TAAGGACAGC ACAGACTCAA GGGATAAG 348

Name: 137 Len: 505 Check: 1021
 AAACGACGGC CAGTGAATTG TAATACGACT CACTATAGGG CGAATTGGGC CCTCTAGAT 60
 CATGCTGGA GGGCCGCCA GTGTGATGGA TATCTGCAGA ATTCGGCTTT KACACCAGAC120
 CCACTGGTAA TGGTAGCGAC CGGTCTCTAG CTGGAATTC GGATTGGTCC AATTGGGTAT180
 GAGGAGTTCA GTTATATGTT TGGGATTTT TAGGTAGTGG GTGTTGAGCT TGAACGCTTT240
 CTTAATGGT GGTCTCTTTT AGGCCTACTA TGGGTGTAA ATTTTTTACT CTCTCTACAA300
 GGTTTTTTTC TAGTGTCCAA AGAGCTGTTT CTCTCTTGA CTAACAGTTA AATTCTAACAG360
 GGGATTTTGA GGGTCTCTGT GGGCAAATTT AAAGTTGAAC TAAGATTCTA TCTTGGACAA420
 CCAGCTATCA CCAGGCTCGG TAGGTTTGTG GCCTCTWCCT ATAAATCTTC CCCTATTTT480
 TBTACATAGA CCGGTGTTCT CTTTT 505

Name: 138 Len: 513 Check: 117D
 AGGGCCGAGT GGAGGTGCTG GTGGAGAGAA ACGGGTCCCT TGTGTGGGGG ATGGTGTGTG 60
 GCCAAAAGTG GGGCATCTGT GAGGCCATGG TGGTCTGCCG CCAGCTGGGC CTGGGATTCG120
 CCAGCAGGCG CTTCAGGAG ACCTGGTATT GGCACGGAGA TGTCAACAGC AACAAAGTGG180
 TCATGAGTGG AGTGAAGTGC TCGGGAACGG AGCTGTCCCT GGCACACTGC CGCCACGACG240
 GGGAGGACGT GGCCTGCCCC CAGGGCGGAG TGCAGTACGG GGCCGGAGTT GCCTGCTCAG300
 AAACCGGCCC TGACCTGGTC CTCAATGCGG AGATGGTGCA GCAGACCACC TACCTGGAGG360
 ACCGGCCCAT GTTCTGTCTG CAGTGTGCCA TGGAGGAGAA CTGCCTCTCG GCCTCAGCCG420
 CGCAGACTGA CCCCACACG GGCTACCGCC GGCTCTGCG CTTCTCTCTC CAGATCCACA480
 ACAATGBCDA GTCCGACTTC CGGCCAAGA ACG 513

Name: 139 Len: 340 Check: E2C
 TTTTTTTTTT TTTTGAAT GAGTAAATTT ATAGCTTTAT TTGCATACAG AAAAGTGCAT 60
 GAGAAAATAA GTATGTACAA AACAGTTGTG TGGCTGATCA TGACTTTCAA AAATCAACT120
 ACCTAGAAAT AGTTACCTCC AGTTTAGCAC ATTTAGGTAT TTGGACATTT AAAGTACTAT180
 TTCAAGTCTG GTTTTATAGT GACTGAGTAG GAAGCTGATA GAAAATTATG CCATATATGA240
 TCAACTATTA CCATTAAACA TAAACACACA GGACTTTCTA CTTGGGGCTA ATCATAGAG300
 GGTCTATGGG CCGCTGTCTT GTTTAGCTTC TGACATCAC 340

Name: 14 Len: 486 Check: 1FA
 GCTAGGAAGA TAGTTGTTAC ATACTGAAGT AGGTTATTAA ATAAAGTAAAT GAAATATCTT 60
 TGAACATATA TATAAATAGG ACAGGCTTAT ATTCTAACTA GTTTGCGGTG TTTTCAGCTA120
 ACTCTATCAC ACCTAAACAT CTGTGTAAGA CTTGATGCAT TTTATATCAT TTTTAGGCT3130
 GGGTAGGAAA CAACAAAATC ACAGATATCG AAAATGGGAG TCTTGCTAAC ATACCACGT3240
 TGASAGAAAT ACATTTTGAA AACAAATAAC TAAFAAAAAT CCGTTCAAGG TTAACAGAGT360
 TGAATAAECT CCAGGTAAAA CATTCTACTT GTGTTCAAGT GNTATTGGGT ATTTTCTCTT360
 TAGGTTTTTA ATAACACACT TTAGGCACAC CTCAAGCAAA GGACCAAGTA AGGCAGCAA3420
 GGGTGGATTG AAACATAATG ACTCTCCAGG TTGCATGAGG TGTTTTAAGA AGTAGGAGA3480
 CTTTAN 486

Name: 140 Len: 334 Check: 1A0F
 GGCTTTTGG TCCAGAAAA ATAGAGGGGA TCTCTGTGGA GCTCTTTTGG TTTTTCATCA 60
 ATTCTGGGGC TATTAAAACT AGCCATTCTAT CTAACGAGGG CCAAAGCAAT TCCAGAGGCT120
 TGAACACCTG GCTTTTTTGG GTTTTATTCC CATTGTAGCC CATATCAATT CCATTACTGG180
 GGGAGGATGG ATCAATTCTA AAGAGGTGAC AAAACATTCT CACAATCCTT AAAAGGCTCT240
 TATTTTGAGC ATCATAATTG CTAGAGAGGC TAAGCAGTTT ATGACCATTT GTTGTAGCAA300
 CTTAGCAAG GCTTGTTAGA ATCTTTAGGT ACTG 334

Name: 141 Len: 447 Check: 1A.F
 TTTAAGSTTA CACGATTATT TATTGAGAGC CTCTCTCCG CGCCCTTGCA ATCTCTAGGT 6
 CACTTTTTCG GCTTGTAGAT TTTGCGCGCA AGCCCCA3AA AGACGGCTGG GGGCAGGGGT120
 GCTGGGTACT GTTCAATGAG AGCCATAATG TGSDTGTAAC TGTCTTCTTC ATATTSCAAG180
 AACACTTCTG GCAGATTCAG CTCTCATAT AGCCCTTICA CCGGGGGCCAC TTTCTCAGCC240
 TCTTTCTGCG CSTAATTTTC CTTCAGGATC TGSTACTGTT CTGGAGTGGC CCGTTGCAGA300
 CACTGAGGCA CCAGCCAGCT GCATTTGTTG TCTGGATGT CAGTGGCAAT TTTGCGGGTC360
 ACACTGGGGT CCCCAGAGAG GTCAAGGTAA TCATCTGAA TGTGAAAGAA CTCCCTCATC420
 TCCAGCAGGA TCTTCTTGGC ATTGGCGTGC TCTTCTGCG CATCAATTCC TGCCATGTAC480
 ATGGCTCCAG CTATAGG 497

Name: 142 Len: 353 Check: 1801
 TTTTTTTTTT TTTTAGAGAT TGTGTGACT TTTATTCAAT TTGAAATCCG GATTAAAATA 60
 AAAGCASTGA GAGCAAGCT TTACAAATAT TACATTACTA CGTCATTGAT ATGGCTTTTA120
 CACTGATTGG ATACAGGAAA AAAAAAACC TAACATTAGA ATTAAGGCAG TAACAACATG180
 TGCAAAATCA GCACACCCCC TGACAGTCTT CAGTAGAAAA CTACTCTGTT CAGGTGGTAT240
 CTGACATGGC TGCATGTAGG TCTCATTGCA TGGAAAGGATA GGTCCTGAAG AGCTTCATTTC300
 CTTAAAGGGG AAAAGGACCC TTCTCACTGG CCAACGATGG CCAGGAGCAG CTT 353

Name: 143 Len: 559 Check: 225B
 ATGCTTCACA CTTGGTTTGC TTATATTGAT CATTTAATAA GAGATATTAA TCTTACCTAT 60
 TGCCATGAAT ATTTGATTTA CATTCACTGA TGTTTTAGCG GATGTCTCCA TGAATAATAA120
 ACTATTGTCA TGTGCATAGG ACTGTGCTTC CTGGAAATCT ACTGCTCTTT TATTTGCTAG180
 GTGGGCTTGG TTTCCCGATA AAGCTATTAC AATGTTAGGA CTTGCTTGCC TCTGAAGTTC240
 TTTAACCCAA TTTTTTGCTC TTGCAAAAGGA CTCCTCATTT GTGATATCAT ATACAACATAT300
 GGCTGCTTGT GCTCCTTGT AGTACATTGG TGCTAGGCTA TGSTATCGTT CTTGACCAGC360
 TGTATCCCAT ATTTCAAAT TTAATGTAGT GTCATCAAGA CATACAGTTT GGGTTAGAAA420
 AGCAGCTTCA ATGGTACTCT CTTGAAATCA TGACATTGGC TTTCACAAAA CAAGCACTAG480
 GCTTGATTGG CAAGAGCGGA CTCTCCAGA GTACTAGTTT GAATGCGATA TWTATTTCCA540
 GTATTGGGCG CTTGGGTCT 559

Name: 144 Len: 572 Check: D1C
 TTTTTTTTTT TTTTAAATGC TTCTTTTATT TCATTGGTTG TACATTGGGT GAGTGAAGT 60
 AATATTACAA CCAAAACATA GTATTGATAC AAATTAGACT CCTGTTTACA CTGTAAGGTA120
 ATGAATGAGG GAATTTCTTTA AGTGTTACAG AAAGATTAG TAGAAATGTT ACCAGTGGTA180
 TGGCTGAAAG AATATTTCCG TGAAGTGCTG TTATATCCTG AAAACCAAGA GTGAAATGTA240
 GTTCCCATAC AAGTGGAGAG TTAGTCTCTT AACTACAGTA TTTGTTGAAC TGATATCTTC300
 ATGTCTTGGG TATTGGTGAT TTTTGTTTTT TAATTAAACA AAGCATTTAA GATTTATTCA360
 TCATAGTCAG ACTTCTGAAT ATAAACAAAC TTTTGGCAAA TAATATTTAT ACAGAAAAAT420
 AGTTTTTASAT CCTCTCAAAT CCCAGAATTA TTCTATAAAA TTACATTATA AATAAATAAA480
 AAGCAAAATC TSTTGTACAT ATATTTGTAC ATCTATGCAT TTGCTTTGCC TCTCTTTAT540
 TGTAATGGC ATATTTATGA CTCTTTGCAT AT 572

Name: 145 Len: 402 Check: 1D03
 TTTTTTTTTT TTTTTGTCT TAAGGAAGTT TTTTGGCATT CTTTTTTTTT TTAGATTACA 60
 ACACACATAC AATAAGTGAA TTTTATCAAA ATACAGCACA TTTCTTCTAC TATATCCATA120
 AAAATCAATT CCTATSTAAA TAGTACTGAA AATCAACTAA AATGAGTTAA AATTTACAAA180
 GAGTTGTTAA AGGTTTTCAA TCAAAATTAT TAAAACTATA CAGTACAATA ACCAATTGAT240
 AACATCTTGA AAGAAATGCA ATATTTGAGT TCACATATTT TTAAGAGTGC TGCCACTTA300
 CTCTGACTAG CAAGAATGGA AAGTGAGTCC AACTCACTTT TGCAAAAATA ATGTTGGTTG360
 STGTTTTAAG CTAGTCTTAT AAAAGTCTTA ATTAATAATCA AG 402

Name: 146 Len: 482 Check: 28
 AGTAGAAACA AAGTATGTTT AATGGTTGCT TTGGAAGGG GAGTGGGCA CCTCATGCCA 60
 GGGAGATTCA AAAATGAGAC TTTTCAAGCA AGCACTGCCT ATAGCATAGT CTCATATTTT120
 GAAAATTTAA ACTTAATTTT AATTATATAT AAAGAACTAT TTTAAAAAT CACACCCACA180
 AGTAAAAAAD TGSTAACTG TTTACAAAGT GCACGCTCAG TACAGCAAAC TCATCTCAAC240
 AAAAGATTAT GTSTGGTTTC TCGGCTTTTA AAACCTCCCT GGTTCCTATT TAAATGCTTT300
 AACATTGAST CATCTGCTAT ACATGAAAAG CCTGTGTAAT GAACTCTGGG TCTTTTAA360
 CCTGCTATTA ATTAATTCCA ACATAAGTGA GTATGAGACC TGNAGAGTAA ATTGTATCA420
 TCTGATTSAT GAGGTACAGA TTATCTGAAT AAAATTCTG ACCTGGTTAT GAGTCAGTAA480
 TC 482

Name: 147 Len: 489 Check: 149E
 TTTTTTTTTT CATTCTTAAC TTTCTTTATT CTTCATAGTT TTCTAATGAA CAAATAGTTA 60
 GTTTTCTGTA GTAAGATTAT AAAAAAGTTA ACCATTCTTC CAAAAGTATA AAGACAAATA120
 AAATGTGAC TCATAATACA AATTTTTTAC ATAGCATTAAG AGGTGCAGAT ATTGACTGCC180
 CCTCTTCATT ATGATTGGCC CACCCCTTAA AAAGACTGCA ACAGAGGATT CAATTGTCTA240
 AAATACTTCG AAGTACAGAA ATTAATGCT TTAGCCCAT AACATATCCC TCATCTATTG300

TGTTG TAGG GAACACATGA GCAAAATCTA TCATTGBCAG TTCTACTTCA GCAATCTCTT360
 GGCAAAACAGT GGGGAAGATGG TAGAAAACTT TMTCCAGTT GGAAGGTACA TTCCATTTTA420
 AATGTGCTG TACATGCTT TCCACCCAT TGTCTTCTC CASATTTTCA ACTTTCAATG480
 AAGTCTGAG 489

Name: 148 Len: 372 Check: DA7
 TTTCACCTTT TAATTTTATA TTATTTGCGT CATACTTTT CTGTAACGGA AGTGTTAATT 60
 TTAATTTACT TTTTGSTACC TTTTGGGAAT CTAATGTATT GTAAGGTATT TTACACGTGT120
 CCTTATTTTG CCACAACCTG GATATTGAAG CTATCCAAAGC TTTTGAAATA AAATTTAAAA180
 ACCCTCAAGC TTGGGTGAGT GTGGGATATG CTGTGTGAGA CTGTGTGCTC AGGGTGGAGG240
 GAGGTGNGGG GGGGNGNNNC CUNNNNCCCT NNACTTTTTC CTCTTCTG NNCANGCTCT300
 TCCAGTTTGA GGCCCACTTG GGGGSTATCC TTTAAGGACT GCCTTGCTTA GGGCTGGGCC360
 CCTTTTTCAG GA 372

Name: 149 Len: 491 Check: CA
 GTTTTTAAAA CAAGCAAATT TTATTAAAGG AAAATTTTTC AGGTTTAAAG TTTGCAGGTG 60
 AAATTTTGTA GGTGAAAAGG TTTACTTTTC ACCAGTCTGT TCTGGCATGC TTCTAATGAT120
 GTCAAGTCA CCTGGATCAA TGATAGCCAG TGTGCACACT CTGTAGTATT TTCCGCATGC180
 TGTGCCCCAGT TCAATATTAT TGCCACTGTA GTGATGGACA CCAGTTTTCG CCAACATAGC240
 ATATCTCTCT ATTTGAGATT TCCTCAAAGC TGGGCAGTTG TTAECGAGGA TGACCAATTT300
 CGCTTTGCTT TGTCTGATCA TCTTCAGAGT CTGCTTGTAC CCCAGGACGT ACTTCCCACT360
 TTTTATAACG AGTTGGAGCC TAGAGTTGAT CGACTCCAGC GACTTTTTTC TCTTCTTTGC420
 GGCCACCATC TTCTGCTT AGGAGCGGGA CGGCCCCCA CCTAGAGAG ACAGAGAACA480
 GGACAGGAAT T 491

Name: 15 Len: 601 Check: 1356
 CGACAACCTGT GCTGACAACC CATGTTCTTG CAGCCAGTCT CACTGTTGTA CACGATGGTC 60
 AGCCATGGGT GTCATGTCCC TCTTTTTGCC TTGTTTATGG TGTACCTTC CAGCCAAGGG120
 TTCCCTTAAA TTGTGCCCAGG GGTGTTATGA CCGGGTTAAC AGGCTGCTT GCGCTGTAA180
 AAACCTCAAC ACATTTTGCT GCAAACTTCC CACTGTCCC CCTAGGAAT TTGAAAAACC240
 AACATAGCAT CATTAAATCAG GAATATTACA GTAATGAGGA TTTTCTCTGT CTTTTTTTAA300
 TACACATATG CAACCAACTA AACAGTTATA ATCTTGGCAC TGTTAATAGA AAGTTGGGAT360
 AGTCTTTGCT GTTTGCGGTG AAATGCTTTT TGTCCATGT CCGTTTTAAC TGGATATGCT420
 TGTTAGAAT CTAGCTAATG GAGCTCAAAG TATGAGATAC AGAAGTTGGG TGANCCATGT480
 ANTGCATAAG CTAAAGCAAC ACAGACACTC CTANGCAAAG TTTTGGTTG GTGAATAGTA540
 CCTTGCAAAA CTGTAAAT AGCAGATGAC TTTTTTCCAT GGGTTTCNCC AGAGAGAATG600
 T 601

Name: 150 Len: 455 Check: 254B
 CATGTTTAAT TTATTATTAT TGCAAAAGAA CAGTTTTTCT CATGATTAGT GAAATAGAAA 60
 ACTCACAATA TACTTAAGAG TCTGCAACAA GTTACATAGA ATCAGAGGCA CTTCAAAGGC120
 TTAAAAAGAC GTTTACAAC TAAATGCATT TTTAAGAACA AAACTGATT TTTCTTTAAA180
 CCTCTACTCG TACCTTCAAA TTGCAAGAAA TTAACAAATA CAGTGGCCAA AGGAATCTGC240
 AGCAACTTCT TAAAATACTG TTAACATCTT TGGGTTTGCT GAGGCTTCTC AGTAACCTTAC300
 ATCAAACTCT CCAAAAGAA GATCTGATTA GATAGATATG ACTAAACGGT TTTGTAGTAA360
 TAATCCAATT TTACACATTA ATTTGCTGTT GCAAATCTGC CCAAAGCTAC AGGTAATGAA420
 AAATAAGCA AGTGTAAT AGGATAGTCTG AACT 455

Name: 151 Len: 465 Check: B98
 ABCTTCTCA CGCTGTGCA GGGGTGGATC CTGAGCTGCC GAAGCGGCG TCTGCTCTC 60
 CCGCTGGGC TTCTTAATT CCATTGTTTT TTTTAGATTC TCTCGGCTT AGCCGTCTT120
 GGAACCGAT ATTCGGGCTG GCGGTTCCG CCGCTGGGC CTAGGGCTT AACAGTAGCA180
 ACAGAAACGG CCGCGGCGGC AGCAGCAGCA GCAGCAGCAG CAATCTCTTC CCGAACACGA240
 GCAACACAGG CCGCCGAAG CCGGAACAGG CGTTTAGAGA AAATGGTAGA CGATATTGAT300
 ATTGAAGCAA TGCTTGAGG TCCTTACAAG AAGGTGAGAA AAAACATGTC GGTGAGGTTT360
 ATATATTTT TAATTTAGCA TTATTCACGA AACTACTGCT GAAATGTAAA CTAACCTTCT420
 CCGAGCCTTC TTGATTTATC CTATTAGAGA TGCCTTACCT TGTAC 465

Name: 152 Len: 386 Check: 1BC9
 TCTTCTTAG TTTTCTTCCC AAATGGTTC TCAGCCCCAG TGCTGGGCTC TGAAATAGSC 60
 CCAGCTCCCT GTATAGTTCC CACAGAGCTG GCCACACCAT AAGTCAGGG CAAACTGGAA120
 CTGTGGGAAG GAGCTGCAGC CTGTACTTCC CCTTCAGTTA GAGCCTGAAG CTGGAGGAGC180
 TTTTCTAGCA AGTACCTTCT TTCTTCTTTT GCTTTAAGAA ATTTTCTCTC AAGACGAGCA240
 ATTTCTATC AAATAGCAGC ATTTTCAAAC AACGTGGCT TGGCGGCTTT GCGCAGCGG300
 AGGTACTTCA GCGGTAATT CTCATTCTG CTCTTCTTCG GGAGCTTTT CATCCTGGCC360
 TTGCTGACT GCANCGGAG CCGCGG 386

Name: 153 Len: 601 Check: DA2
 TTTTTTTTAT GGCTTGGTTT TTATTTCTAT GCTTATAAAA AAAATATGAA GCTTCTTTGT 60
 GTGGACTGAA GGGGTGTTAG CCGTGGATG TTGGTCTTCG GTGCTGTAC CCCAGTGGCT120

GTTCAGATTC TAGGDCCTTG CTAAATAAAG CAGGCTCCAC TSCCAGCTGT CTGTACACTT180
TTTCTTG3GG GAAGAGTTCT TGTCTTCAGT TTAAGTGAAT AGG3TTCTGT GCTCTGTTAC240
ATGCTCATGT GTTCTGGAAG AACATATGAA ATATCATCCG ACGGATGACG ATACAG3CCC300
TGCTTCAGGC TTTCTGTATC AAGATAGTGT CCAATGAACG CCACTACTCTT TCCAGCACAC360
AAGATGCCAT T3AGGGCTCC AATGTCAATA TATTTCATCAG CTTCTCTCCG AGTAAAGGAC420
CCACAGTTTC TAA3CATGTC TACAAATGCG ACTCGATGA GACCATCTAC ATTCAGGATA480
AGATTTG3CT TCTTCAGGT 3TAATCTTCT CTACTTCCAG T3CATAAATC GAGCAGAGAG540
TGGCCAN3GA GT3T3GCCCT GCGTAATCTT TTGABATCTG CATTGCGATG TTCTGGGTGT600
T
Len: 340 Check: 11AF

Name: 154
GCGTTTTCTAT ACTCTTTATT GCCAACGGTT TAAAATGGTC AACATAAAAA AAAAAGACAT 60
TTTGATAATA AATACTGCTC TTTGGGCTGT AATAAATAAA AAGTTTATTA ACAAGGAATG120
CACTTTTCCA GGCACAAGTA TCTTCAAAAA TTAATGAAAA AAAATTATAT ATGGCCATAG180
TTCACAGTTA G3CAGCCAAA AGCTGCTCCA ATTACAGCCT TTAACAACA TGGGAGCTTC240
CTCCCTTCTC CTTCCCTTTC AGGAAGTATA TTCACAGTTC CAAAGTCCTC TGGCTGAAAT300
GCTCTCAACA GAGAGAATTT AAGAATCAAT GCACTTTTCT
Len: 759 Check: 21EB

Name: 155
CCTGTTCTCA CTTTCCCTTC CTCATCTTCC TTTTCTCAC T3TCTGACTT TTCCTCACT3 60
TCGGACTTCT GTTGTTTTT GGTTCAGAC TTCTCATCTT TCTTTAAGTC TGCTTTTGGT120
CCTTTGTATT CATGTGTGTA CAGAGGCTCG AAGGAGTCAA TGAAGCCAC ATCAGCAGTC180
AGATTTGGCA AGAACCAAAA GTGGTGCTT CCTCCAGTTA T3AGCCAAAT GATGAGAAAT240
AGAATGCATC GAGCAACAGC AAGGAGAAGA ATACTGGCTA CAAAACAGCC TGCACCCACA300
CTGAGGTAAT AAACACCTAC TCTCATTTCT GCTGGCCAAA GGGGGAAGAG GGTGGC3GCT360
ATTACTGCAA TCACAAGAAT TAATCCCATG ACAAATGTTT TAAAGTGAAC TGGGTATAG420
ATCCATACAT ACACCTCATT TCCATCCAGA AAAACCTGAT CATCATGT3G CTAAGTTTGA480
ATTTTCTTA GTTCTCTTCT TTTNTAGAGT TCCCTGAGTT T3CTCCTTTT TGATTCTTCT540
TTTCACCATC TTTNTTTTCT CTTTTCTTT TTTTGGCTCT CATCCCTTAT ATTTNCTTCT600
TGCTCTTTTA TCTCTCTTT TCACTNTCAG CTTTCCCTTA TCTTTTTCTT TCCTATGCTT660
ATCATATTCA TCCATACTT TAGGGGGCTG TGAAAAACTG CTCTAAAAAC TCTGTGAGTC720
ACCACAANNT C3CCTGTGAA TAAGTNTCT CTTCTGCTT
Len: 703 Check: 24F3

Name: 156
TTTTTGAGAA TACACAGGGA GCTTTATTAT ACAAATGGC GGGGTGGGG GCGGCAAGCA 60
GCGGATGGCA TCAAAGAGGC GAGGGTAGGT CATGCTGGCA ACAGGAAGCA ACTTCTTAGC120
CAGG3CCGGG GGGCGGGTGT CTGGCTGGAA TCTCCCTGG GTACATGGAG GGTGCCAGCC180
GGCTGGACCT GCAGACCCAG GAAGCGAGAT GGGACGCTA GGGAGCCGGG CCCCCTTCCA240
CAAGCACCTT CTCATACTTC CCATGCCCGG TGGCCACAAA CTTATACCTC TTCCAGATG300
GGGTGCTCTT AATTGTTGAT GAGGTCTTGG AGCCTCCCTT CTGCTCCCAG AGGCTTTTCT360
TGCTCATGTC TCCAGCCACA ATATCCTTGC AGGAC3GAGT CTTGGCCGCA GACTGAGCCT420
GTACCTCACG CGTCTCCAC CGACTCTTGG TACTGGCCAC AGCCATGCTG GGCAGCTCTA480
TGGAGGCCTG G3NGGGCTAG CTTGGGGTCC GGCCAGCGT CTGGAATGGC CTGGTGTATT540
GTTCAGCCA CTGATCAATC CTGGAGATGG GCAAGTCTTG CCTGGATTTC TTCACACTGG600
TACTCTTCTT TATTGGAGCG TTTAGGGGAC TCGTCTGTG NATGAAGTTG GT3TNGGCTC660
CAGGGAAGCG AGCTCTGGTC GATGTCCCTT CAAAACCAAG GGG
Len: 757 Check: D7F

Name: 157
CTT3GTGT3T CCGCTTTAGA AGGTCAAAC TCTCGTGAAG CTCTTTCTCT GCCTCCTTAA 60
GTTACAGTTC TTTCTCCTTC ACTCTCATAA CAAACATTG TCTCATTTCT TCTTCTTTCT120
TCT3CAGTTC TCCAGGAAT TCATTCTTT TTGCTTCATA TGTCTCCTGA AGACTGAAGG180
GTTTGCTGTC A33GTCACTG TCCTTGAACC CCATCTCTTC AAGCTTACAG CGTCGGTACA240
ATTCATAGTG GC3GGTGTA GTCTGCTCTC GCAAGTCTC CATGTTACAG CGGATCAGCA300
TCTCTGGAAG TTTCAAAAA TCGCAATGAT TTTTATTCTC AACCTGCACC ACACCCAGG360
GGTACT3CCT G3CCTTTGCC ATCTTGTGTC CAATCTTCA3 CTCTTCGGTG CTGCCAACCA420
CT3CAAAAT3G GAGATGGACA CTCATTGTTG CGTTAATCTC T3CCAC33TT TCTTCATCAG480
TGGGAAACT3 ATATATCTGG ACCCCATTGC TGACCAGTTC ACTCATGATC TTACTCTTGA540
ATNT3TGCA3 TTTCTTTTCA T3GTGACCAG ATCCCAGGGA CTTAGTGAN T3TCAGTANG660
CTTACTGTCT AGCTTTTTCA T3GTGACCAG ATCCCAGGGA CTTAGTGAN T3TCAGTANG660
GGGCAATAAG TAGAGGCAAG GCATGAATCC TCGTGTCTAG GTAGTTTGAAG AAGAGACC3720
TAAATCTCAT TTTNCTCTGC NGTANGCCCT CGAAGT
Len: 455 Check: E81

Name: 158
GGAAGTAAAA AAACCTGTTT CAGGCTTCAT TTATTGCTAC ATAATGACTA CTTCAAG3GT 60
CATCTGGCCC GTCTCAGTC ACTCTTAGAA GTGGTAAATA CAGTGGTATA GTTTGGAAGG120
AAAGGAGGAA AAAAATAATG CATTGTGATA CAAAAATATT ACCTACATAT AAATTATTAA180
AGATTTATAA AACATTGAGA ATATGTTCTT GCTATAAAAA CAATATACTT AAATATAGAA240
GCAAAAAGTC CTGAAGCACC CGCAATTATT TTAATATCCA TTTAATCAGG GAAAACATA300

TATGTGGATA TATAATACAT ACATAT TAA TAATTT AGA AAAAAAATG CAAAAATCTG361
ATTATAATCT AAAAAAGATT TATCTAATTA TGGAGGTAGG TCTCCACTCC AATTATACAA410
ATAAGTTATC AATTTTATTC AAAGAAATAT AASTT 415

Name: 159 Len: 486 Check: E17
TGSTTTTCTT CAGCCGSCAGT CTGTCTGCT CTGAAGAAAA TTCTTGCAGT GCTCAGTGAG 60
AAATACAGCA ATTCAAATTC CTGTAGATAG ACATCCAGTC GCTTCTGAGT GAGATTTCATG120
GTTTGTAAGA GTTTTTCATC TTGACTGGCT GACTGTACAT TCTGTTGCTT AGCAACTGCT180
CTTATCTCTT TTAGGTATTT CTCTTAACA GACTGGAAAC AGTGAAGTGA ATCAAATCTCC240
CGATACTGAT CAAAAAGCTT TAGAATATA GGTACACCCA TGGCAAAGCC ATCATCAGTA300
AAGGCAGCTC CAATTTTATT TTTTATTTT AATTTTCTCT TGCACCTAAT GGAATGCTCT360
ACAAAGTTTA GGGTCAGAGG GGAACAATT ATATAGAAAT TCCGGAGATG TATATCTTT420
GGCTTCTGAA ATTCTGGAGC AAAAAAGTCT ACAAGCATTT TGAAATATTC TGTGCTTTCG480
GCAGAA 486

Name: 16 Len: 511 Check: AC3
AGAGGATGCG CAAGGCCCGTG AACGAGAAGT CCTGCAACTG CCTCCTGCTC AAAGTCAACC 60
AGATTGGGTC CGTGACCGAG TCTCTTCAGG CTTGCAAGGT GGCCCAAGGC AATGGTTGGG120
GCGTCATGGT GTCTCATCGT TCGGGGGAGA CTGAAGATAC CTTTCATCGT GACCTGGTTG180
TGGGGCTCTG CACTGGGCGAG ATCAAGACTG GTGCTCTCTG TCGATCTGAG CCGTTGGCCA240
AGTACAACCA GCTCCTCAGA ATTGAAGAGG AGCNGGGCAG CAAGGCTAAG TTTGCCGGCA300
GAACCTTACA AACCCTTTGG CCAAGTAAGC TGTGGGCAGG CAAGCCTTCT GTCACTTTC360
GGCTACACAG ACCCTTCCCC TCGTGTCTAG CAGGTCAGTC AGGCCCGAG CAACACTTTC420
AGGGGTCTCT CTAGTTAGCG CCCACCGCG TTGAGTTCTG ACCGTTCTTA GAATNTACAG480
AAGCCAATTC CTTGGAGCCT GTTGCACTCT A 511

Name: 160 Len: 638 Check: 251
GGGGTCTCTC TTCACCTTCT TTATCTTCAT CATCTGAAGA CTCTTCTCTG TTTTCTTTT 60
CATCTTCATC ACTACTAGAT TCATCTGACA GAATTTGAGT ACATTTGGTT CGCTTAGCCT120
TACTTGCCAT TCCAGAACTG TTCCGGTCTT TTTTACTGCC TTTGCTACAA GACTTTTTTA180
ATTTGGGCAA TGGTTTGCCA GAACGCTTTG GATGCAATTA GAAATTCAG ATCCTCTTCA240
CTAGTTCACT ATTTACACCT GATCTCTCCA AATCAAGAAC CTCACAGATG CTCTTTAACA300
TGGCATTCTT AACTTTTTT AACATTTCTT CCTTCTTTTT ATATTGGACA CTTCCTTTTT360
CAAATGGAAA GCCACTGAAC TGACCCACAT TCTTCTTTAA TGAGGACACA CAGCCTGGCC420
TGTGTAAAG CACTTTGTGT ACATATCTAA GATCATCCGT TTTCTCTTA CTTAGAAAA480
CATGTATGCT CTCAATTTCA CAAAGCGTCT GCCGCTTTCC TTGCTGCATT GTAAATTCCT540
CTCTCTGCAG GGAGAGACGT GCATTGGCAC CTCTCTACTT TTTCTTTTCC CTCTTGCCCT600
CCCGAAAGAA CCTTTTTTTT TCTTCTCTCT CTCTCTCT 638

Name: 161 Len: 845 Check: 445
GAATTCGGCA CGAGCCTGTC TGGAGGAGTG GTAGTGAGTG CTATATTCTT CATTTTGTCT 60
GCCAATATCT TATCATCTCC CTCTAAGAGA GGACAAAAAG GTACCCTTAT TGGATATTCT120
CCTGAAGGAA CACCTCTTTA TAACTTCATG GGTATGCTT TTCAGCATAG CTCTCAATCG180
ATCCCTAGGT TTATTAAGGA ATCACTAAAA CAATTTCTTG AGGAGAGTGA CTCTAGGCAG240
ATCTTTTACT TCTTGTGCTT GAATCTGCTT TTTACCTTTG TGAATATTAT CTATGGCGTG300
CTGACCAATA GTCTGGGCTT GATCTCAGAT GGATTCACAA TGCTTTTTGA CTGCTCTGCT360
TNAATCATGG GACTTTTTTG TGCCCTGATG AGTAGGTGGA AAGCCACTCG GATTTTCTCC420
AAGGGTACGG CCGAATAAAA ATTCTGTCTG GATTTATNAA TGGGCTTTT TCCAAANAGN480
AAAHAGCGGT TTTTGGGGTT ANGGGAGNCA AGNGGCAAGA TGGATTGGAN CCCCCAGGA540
TTAAGGCNNC CCACANNGNA AACACCCAGN NCCANTTGGN GGGNGNNNNA MNAAACCCCTN600
ANTGGGACCN GGNCCCTTNA NCCAGGCCCC AAGNCCAGCC CAGGGGGGCT CCNCAAGGGG660
AGNNGCANCN AAANNGGGNC AAAGGNCCTT CAAACNCANN GGNNGGGNCA AGGGACCCNG720
GGGNGGGGSC AACCNCGGGG TUNGGGGGGG GNGNAAAAACN CAAAANNGGG GGGNATECCA780
AAAGGTTGGG AAAAAACNTG GNAAAAAGGG GBNNGGNCC AAAGGCGNAA APANGNGTGG840
GGGCG 845

Name: 162 Len: 496 Check: 176A
TGTAATACCT CCTCATCTTT TCTTCTTACA CAGTGTCTGA GAACATTTAC ATTATAGATA 60
AGTAGTACAT GGTGGATAAC TTCTACTTTT AGGAGGASTA CTCTCTTCTG ACAGTCTTAG120
ACTGGTCTTC TACACTAAGA CACCATGAAG GASTATGTGC TCCTATTATT CCTGGCTTTG180
TGCTCTGCCA AACCCTTCTT TAGCCCTTCA CACATCGCAC TSAAGAATAT GATGCTGAAG240
GATATGGAAG ACACAGATGA TGATGATGAT GATGATGATG ATGATGATGA TGATGATGAT300
GAGGACAACCT CTCTTTTTTC AACAGAGAG GATGATGATG ATTTTTTTTC CATTTGATCT360
GTTTCCAATG TGTCATTTTC GATGTCACTG CTATTCACTG GTTGATACAT GCTCAGATTT420
AGGTTTGACC TCAGTCCCAA CCAACATTCG ATTTGATACT CGAATGCTTG ATCTTCAAAA480
CAATAAAATT AAGGAA 496

Name: 163 Len: 431 Check: 21BF
TAAGGATTAA AAACGATTTT AATTATACAC ATATGGTCAC AATTTTGCTT TAAAAAGATT 60

TTTGGGAAAT TTACATAAGG CCGCTTGTAA ATGTATATCG TGTACTGTT ATGTCTTAT3120
TCCAGAGGAA AATATTTTAT CATAAGATT TGTCTTACT TGGGAGTAGG CTATTCARAA180
ATATAGTACT TTCTGTACA AAGAAAAAAG TCACATACA TTTAATAAGA TGAAAAAAGC140
ATTGGTCTOC ATGGTAACCA AATATCTCAG TCCAAFACTT TCTATTATBC ACAATACCT300
GACTTTAAAT GAAAGTATC CAAATTCTAG CAGGTCCATA TTAACAGTCA ACAACTATGT360
TATAAAACAA AATGATCTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACTT CTGAAACCAT420
ATAAATATAA AAAATTTTTT AAAAATCACT CTGTATTTGG AGAAATAAAT TTACATTATA480
CAACATATA I 481

Name: 164 Len: 457 Check: 1689
TTTTCTGTT TATACACTT TATTGATGCT GGGGGGGTGG GGAGGAGACC TGGAGAAATA 60
TGTGGGGGCA AGASTCCCCA GGTGGGGGACA GGGAAAGTGT TGAAGCCTGG CCACTACTGG120
GCAAGGGAAGA CAGAGTTGCC ACTGTATGCA CAGGGGATGA GCAGCTGCCG GTACTCCAGG180
GSCAGGTGCC GCTCCACTAG CAGTGCAGT GAGATTGGT CAGTGACCAG GCCCTGCCGC240
CSCATCAGCA GCTCCAGGTC CTCTGGCTTC ACAGTCTTGC GGCCAGCATG AGCAGCAAAT300
ACCTCCAGAT CATCACAAG ATGCTGGAAA TATTATCTA GGCCTTCTC CACCATCTCA360
AGAGCCTTCC TCTCCATGGG CATCTTGGCA TAGAAGCTAA AGAGTTTCA ATAGTGGCTC420
AGTCCAGCCT TGTGGGGATC TTGCCGNGC CTGNGGC 457

Name: 165 Len: 477 Check: 17AD
TTTTTTTTTT TTTTAGTTTT CTCCCAAAT GGTCTCTCAG CCCCAGTGT GGGCCCTGAA 60
ATAGGCCCAG CTCCCTGTAT AGTTCCACA GAGCTGGCCA CACCATAAGT CAGGGGCAA120
TGGAACTGT GGGAGGAGC TGCAGCCTGT ACTTCCCTT CAGTTAGAGC CTGAAGCTGG180
AGTAGCTTCT TTAGCAAGTA CCTTCTTCT TCTTTTGTCT TAAGAAATTT TTCCTCAAGA240
CGAGCAATTT CATCACAAGT AGCAGCATTT TCAAAACCCG TGGCCTTGGC CGCTTTGCG300
AGCTCCAGGT ACTTCAGCCG GTACTTCTCA TTCTGGCTCT TCTTCGGGAG CTTTTTCATC360
CTGGCCTTGG TGGACTGCAG CGGAGCCCGC GGTAGGAAAG CGAGGCCGTC CAGCAGGCTC420
ATCTCCAGC CCGCTACGG GGGCCCCAGG ACCTTGGCGG CATCGGATTC TAAGTCC 477

Name: 166 Len: 463 Check: 19A4
GAGAAGACGA CAGAAGGGGC TACTGCGGCA GAATAGAGG GCCCTGAACC GTGCCATGCC 60
GGAAGTGGAC CGGAGCGGAC AGAAACTAGA GACCTAGGAG AAGAAATCA TTGCAGACAT120
TAAGAAGATG GCCAAGCAAG GCCAGATGGA TGCTTTTCGC ATCATGGCAA AAGACTTGGT180
GCGCAGCCCG CGCTATGTGC CCAAGTTTGT ATTGATGCGG GCCAACATCC AGGCTGTGT240
CCTCAAGATC CAGACACTCA AGTCCAACAA CTCGATGGCA CAAGCCATGA AGGGTGTCA300
CAAGGCCATG GGCACCATGA ACAGACAGCT GAAGTTGCC CAGATCCAGA AGATCATGAT360
GGAGTTTGGAG CGGAGGCAG AGATCATGGA TATGAAGGAG GAGATGATGA ATGATGCCAT420
TGATGATGCC ATGGGTGATG AGGAAGATGA AGAGSAGAGT GATGCTGT 463

Name: 167 Len: 399 Check: BC8
TTTTTTTTTC TTAGGTTTAT AATCAGCAT ATCTCATCT CGAGGTCTCT TTAATGGCTT 60
TATATCTCT TTAGGAGGAA CAAAATAGCC ATCTCTTCA GGTTCATCTT TAATTTGTGG120
TGGACTAGAG AAGCCATTTT CTTTCTCCT CTCTATTTT GCATCCCCAG AGGCTCGAAC180
CTTTCTCTCT TTTGTTTTTT CTTTGTCTCT GTCTTATGT TTGTCTTTAT GCTTTTCTGA240
GCTTCCATCT TGTGTTTTGG TCTTCTCCT CTCTTTGTGT TTCTTTTCAG AATCTTTAT300
TTCTACTGTTG CTATGCTTGG ACTTTTCCCG GNCCTCTCC TTTCTGGGTT CTTTTGNGCC360
CNGSTCTCGA TCCTTTGGTT ATTTTGTGT TATGGAAT 399

Name: 168 Len: 557 Check: F21
GAGCCCCAAGC GCTTCTCCG CACCAGGGAA GCGGACCCA CCAGAAGCCA AGATGTCCAG 60
CAAGCGGGCC AAAGCCAAGA CCACCAAGAA GCGGACACAG CGGGCCACAT CCAATGTCTT120
CGCAATGTTT GACCACTCC AGATCCAGGA GTTTAAGGAG GCTTTCAACA TGATTGACCA180
GAACCGTGAT GGCTTCATTG ACAAGGAGGA CTTGCAAGAC ATGCTGGCCT CGCTGGGGA240
GAACCCACCA GACGAATACC TGGAGGGCAT GATGACCGAG GCGCCGGGGC CCATCAACT300
GACCATGTT CACCATGT TTGGGAGAA GCTTAACGGC ACGGACCCCG AGGATGTGAT360
TGTGACGCG TTTGCTGTCT TCGACGAGGA AGCTTCAGT TTCATCCATG AGGACCAT420
TGGGAGGTG CTCACCAACA TGGGTGACCG CTTCAAGAT GAGGAAGTGG ACGAGATGTA480
CGGGSAGGCA CCAATTGATA AGAAAGGCAA CTTCACTAC GTGGAGTTCA CCGCATCT540
CAACATGGC GCAAGG 557

Name: 169 Len: 564 Check: 163
ACGACTTGGC CATGCTGAAA CAGATGAACA ATTAAGAAT ATTATATCTA AATCTCTCT 60
TCTTGTTTT CTCAAACTCT CTAGCACCCA AGAAGGASTA CGTAAAAAGG TAATGGAAT120
GCTGGTCCAT CTGAATAAAC GTATAAAAAG CCGCCCAAAA ATACAACCTT CAGTAGAGAT180
ACTGTTGGTT CAGTACCAGG ACCCTGCTGC AGTTTCTTT GTCAAAAATT TTACTATAAT240
TTATGTTAAA ATGGGCTATC CTCGCTTACC AGTGGAAAAA CAATGTGAAC TGGCCCTA300
GCTTCTTACT GCCATGGAAG GGAAGCCTCA GCAAGAGAG GATAGCTTAA TGCATCTTT360
AATACCAACC CTTTTTCACA TGAAATACC TGTGAAATCA TCAAAATCAG CTTCTCCATT420
TAATCTTGCT GAGAAACCAA AGACTGTGCA GCTCTTTTGT GACTTCATGC TAGATGTCT480

TCTTATTCCT TATGGTTACG TGTAAATGA ATCCGAGGT CGGAAAAAT CATCTTCAT 540
ACAGGCTTCT TCTTTCAAA GTGG 564

Name: 17 Len: 333 Check: 14BF
CAATGCTTGA AGTATAAAAA GCTGAGAGTG TTCTGGGGCA GGGAGTCTTC AGAACCAGGA 60
GAAGAAGAAT TTGACGCTG GATGTTTCAT ACTACTAGA TGATAAAGGC GTGGCAGGTG120
CAGATGTAGA GAAGAGAAGG CGATTGCTAG AGAGCCTTCG AGGCCAGGA CTTGATGTTA180
TTCCGTGCTC TCAAGATAAA CAATCCTTTA ATTACTGTCC GATGAATGTC TGCAGGCTCT240
TGAGGAGGTA TTGGGGTTA CAGATAATCC TAGGAGTTG CAGGTCAAT ATCTAACCA300
NTTACCAAAA GATGAGGAA AAGTTGTGG CNTATGTC 384

Name: 176 Len: 457 Check: A6C
GATTGATGG TGGGGTGGTG ACCTATTTTT ACAAATTATA CTTAATGAGT AAPATTAGTG 60
TAAATGATA ACATGCTTCT ACCTGTATTT CTAGTGACCC TTTAGCGGCA GSTATTTATA120
CCTGGTATTT ATGATGCGAT ATATAAGTGG TGAACAATAA CTGACAGTAT TGTGCTTGCT180
GTACATGTCT GGTCTTTTGA AACAGATTTT AGTAAGCATT TTCCAGAGGT AAAACTGTGT240
CTTTATTTCTA ATTTTATTTCC TAGGGCAAAAG TAGACAGGGA TTATTTCTCT GAATCTATTT300
CCAAATTAAT ATTTTATTTCT TTGGTATTTT TACACTTTAA GGCCATTTGG TGCAATTTAG360
AAAGTGTGGG CCTCCCTTCC GCTAGCCACA TTCANAATTA ACTTCCAAAA CCTCAGGAAC420
ASTACAAA GAATGAAAGCC TCAATATGCG AGCAGAG 457

Name: 171 Len: 527 Check: 703
TTTTTTTTTT BATGGATACT AAGGGAGTAT TTTACTGAAA AAAATAGAAA ACTACATTTT 60
TACACGAAAT AAACCTTATGT CTGCAATACT CAGCCTTAAA TTCACCCCTC ACTTCAGAA120
AGGTCCAGG GGCAGGAATA ACACGCACAG ATTGTTTGT CACGACTTCC AGCCGGTCCA180
CCAGACCTCT GGCAGGTAA TACTGTACAA AGTGCTTCCA CGTGATTTCT CTTCCAGGAT240
CTCGAAAATA GAGGTAGAAA AATCCCATGG CAAGGCTGC CCCCCAAAAG GCCAGACTGC300
GGAAATCCTC CTCATCCCGAG GGGAAGTCCC CCCTTCTGCA TCCGCTCCA CCAGGCAAG360
TTATCTCTCT TCCCTCCTCT CCTGCCTCCC TCTCTCCAG ACTCAGCAT CTCTASTTCA420
CCASTCTCTT TGGGTGGTTT TGAACACAG CACGAGSAAA ATAACTGCTG TCTTGCTGCT480
AGAGTCAGCT TCTGAACGTG GATCCCTGG AAGCACTGGA ACAGGAG 527

Name: 172 Len: 546 Check: 101E
CGGCAAGAGG GACAACGCAG CCTGATAAAC AAGTGGACGA CTTTTCTTAA GGCCAGACTG 60
ATTTGCTCAA TTCTGGAAG TGATGGGGCA GATACTTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT120
TATTTACTCC CCACAAGAGA TGAAAGAAAT CCTGTAGTAT ATGGAGTCTT TACTACAACC180
AGCTOCATCT TCAAAGGCTC TGCTGTTTGT GTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT240
TTTAATGGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGG300
AGAATCTCT ATCCAGGGCC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CCTATGACCC ACTGATTAG360
TCCAGCGAG ATTTTCCAGA TGATGTATC AGTTTCAATA AGCGGCACTC TGTGATGTAT420
AAGTCTGTAT ACCCAGTTGC AGGAGGACCA ACSTTCAAGA GAATCAATGT GGATTACAGA480
CTGACACAGA TAGTGGTGA TCATGTCTAT GCAGAAGATG GCCAGTACGA TGTATGTTT540
CTTGA 546

Name: 173 Len: 710 Check: 316
CTCTTTCTCT ATCTGGGCTT TCTTTTGGAC TCTTCTTTGT TTATTACGTA GCTTCTTTAG 60
CTCTTTGCTA GACATGTTTG CTGTATCAGC TTCTGTTTCT TTATTCTCAT CTGTAAGGG120
GTTTCTATGA AGCTTCAAAT AGATCTCTAT AGCAATTCTT GCTGCTTGA AGTAAATGG180
ATGCTGTGGA ATACATCTT CTAGTTTTAA TAAGTCCACA TATGATCTAA GGTAAATCT240
CCTCATACAG TAIGTATGAA AGTCAAACTG CTCATCAGTG ATTTCTATAA AATGTCTCTC300
AACTCTATGA CATTTCTTAA GTGCTTCACC AAATTTATTC ATTGCTTTAT AAGCCTGGGC360
ACATTTCTGT TBAACACACA TGCATGCTAT TTCATTCAAA TTCTCTACCG CTGATGTTCT420
TTCCCTTGTA AACTTTGAGC ACATTTCTTC AGCTTCTTTA ATCAGGTTGG CTTTATGAT480
GTATTTTGA CATTTGAGT TGATAAATCT GTCTGCTGTG TCCAAAGCCT GNGCCTCAT540
CATCTACCTT GAGCTCTTT TAATATTTCC AGCATGCTTA TAGATTTTAG CTNTCAAGAG600
AAAGAGTCT ATTAATGTAG TGTACTTCTA ATAGCASTAT TTATGTACTC CANAGCANTA660
GATGGCTGAC CAATTTGTG ATAATGGTGT GCCAAGTAGT ACTTGACCCA 710

Name: 174 Len: 409 Check: 6EF
GGCAGAGCA TTAATACATG TCCACAGGAA GTACAAAAGC CATCTTCATT TGAACGTAAA 60
TACAATAATC TGAAATTTCT TAGCACCAAG TATTACTTTT AAAAGTAAAG ACAACCGAGT120
GCTCTCCCA CATATTGTTG ACTTCTTCT ACTCACACTG CATGTCATTT GAGATTTTAA180
AAAGTTAGCT GGTACAGTTT TGAAAATGC CAGTGTTTAA AAATAATTGT GTTAAAGAAT240
CAAAAGTTTA GGTAAATAGA TTTTGAGTAT TTCAAACCAT TCAATGTTAC AAAGAAAAT300
GAAAAATACA TTCTTTGGTC TAGATTAGCT GTTCCCTTTA CATTAATTTA ATATTCCGAT360
GGCTTTTGA AAATTTTAAA AATSTTGAAT CTCACTAGAC AAAACAAAA 409

Name: 175 Len: 410 Check: 152D
GGCAGAGCT TTGCAAGGAA TGAATACTGG ATCTACTCAG CCAGCACCTT GGAGCGAGG 60
TACCCCAAGC CACTGACGAG CCTGGGACTG CCCCCTGATG TCCAGCGAGT GGATGCTGCT120

TTTAAATGGA TTTAAAAACA TAAACATAT ATCTTTGCTG GAGACAAAT CTGAGATAC192
AATGAGGTGA AGAAGAAAAT GATCCTGSG TTCTCCAAGC TCATCGCABA TGCTTGGAA210
GCCATCCCGG ATAACCTGGA TCCCTGCTG GAGCTGAGG GCGGCGGTCA CAGCTACTTC311
TTTAAAGGIG CCTATTACCT GAAGCTGGAG AACCAAAAGTC TGAAGAGCGT GAAGTTTGA360
AGCATCAAT CCGACTGGCT AGGCTGCTGA SCTGGGCTG GCTCCACAG 410

Name: 176 Len: 473 Check: 2689
TTTTTTTTTT TTTTTTTTAC AAAGGAAAAC AAAGCTACTT TTGGTTTTGG CAACATTAAA 60
AAGAAGAGAA ATATAAAAAG CAATGTGCGA TTGTCTCTTA TTCATTAAAA AAAAAGGTA120
CTTGGGCAAG AGACAATCAG AATTAGTTTT TTTTCTAAAA TTCAGAGTAT CTGGGATTTT180
AAAGGTAGCA CTTTTTAAAA AGTTCAACAA GTACATAAC ACTTAAAAAC TCAAAAAGC240
TTCTGTATAA AAAGCTCAGC TTTTAAATCA CGTTTTGTTT CTGCAAAATG GGGAGACAAA300
TTAGTTCTTT ACTGGAATGT GGCCTATGCG TGGTTGACAA ATCTGAAATG CAATGTCTCC360
AAATGGCAST GCTCCCTTTT CCGCCCTCCG TAGGACCACA CCAATAACCA GCTCCCAAGC420
ACAAGTTCTT GCTCCCATTT TTTCTGTAGG GGTGGGGGTG GGACCTTCAG GCT 473

Name: 177 Len: 423 Check: F88
TTTTTTTTTT TTTTTTTTTA CAAAGCTTTT TGTAATATT TTATTTTCCA TATTTTAGAG 60
TCAGAAASAA GGGCTTGGTA ATAAAAATAA TAGAGAATTA TTTTCTTCAA GCTGCTCTG120
CGTGGCGCGG GCTCCCGCGC GCGGCGGCGC AGGCTGAGT GCGGCGGCTC AGAGGCGGCA180
AGTCCATGTC ATATTTTACA GATATGTTAG AGGCGGGGAT GGTCACAGAG GAAAGCGGAG240
CTCTCAGCAT GCGCCACGCT GGTGAGGAGC CCGCAGGCTC CTCCCGGCTG TCTGGGACAG300
AGACTGAGAA GCTGCGCGG TCCCGTGGGG GCTAGGCTG CGGCGGGCTC CACGGGGGGG360
CAGGAGTGGG CGGTGATGTC GCTGTGCTTG TACGCCGCTT CGTCCAGGTG CAGCAGCCTC420
CGG 423

Name: 178 Len: 304 Check: 1952
TCAGGTTCAA GTGCTGGATT GTGTGATGCG ACCATCCCAA AACTCAGAGC ACCCTATGGC 60
GCTCTTTTGC CTCTGTGACA TAACTTGAAA ACTGCCTGAT GGCCTTTTTG CAGTGGTTCC120
CTCCAGGAAG CTTTGATCTC AGTTGAAGAA GTTCTTTCTT GGCATTCCAA TGCCCTGTCT180
AGCTCCATAC TTCTCAGACA CTTTAAACAA AGGCTGTGAT GCACACATG TGACAAATAC240
ACAAATATAA TGATAATTAC ACTAATAATG ATATGTTTCA AGGGGCACTG GCCAGGTCCA300
CACA 304

Name: 179 Len: 541 Check: 1295
GGGGGAAAGA AAAATGTGAA GGATTGGAAC TGCACITCTG GAGAAAAATA TGTCGTAACT 60
GCAAGTGTGG CCAAGAAGAG CATGATGTCC TCTTGAGCAA TGAAGAGGAT CGAAAAGTGG120
GAAAACCTTTT TGAAGACACC AAGTATACCA CTCTGATTGC AAAACTAAAG TCAGATGGAA180
TTCCCATGTA TAAACGCAAT GTTATGATAT TGACGAATCC AGTTGCTGCC AAGAAGAATG240
TCTCCATCAA TACAGTTACC TATGASTGGG CTCTCTCTGT CCAGAATCAA GCATTGGCCA300
GGCAGTACAT GCAGATGCTA CCCAAGGAAA AGCAGCCAGT AGCAGGCTCA GAGGGGGCAC360
ASTACCGGAA GAAGCAGCTG GCGAAGCAGC TCCCTGCACA TGACCAGGAC CTTTCAAAGT420
GCCATGAGTT TCTCCGAGA GAGGTGAAGG AGATGGAGCA GTTTGTGAAG AAATATAAGA480
GCGAAGTCTT GCGAGTAGGA GATGTCAAAC TTCCCTGTGA GATGGATGCC CAAGGGCCCCA540
A 541

Name: 180 Len: 345 Check: E67
AGGAPATTA TATTTTGATA CCCATGCAAT GGTTCAGGAC NTTGGAAACT CATGNTTTG 60
ACAAATACCA AGCAGAAACA ATTGTATCAG CGTTAACTGC TTTATCAAAAT GTCAGCCTGG120
ATACTATCTA TAAAGAGATG GTCACCTCAA CTCAACAGGA AATAACAGTA CAACAGCTAA180
TGGCTCATTT GATGCTATC AGGAAAGACA TGGTCATCCT AGAGAAAAT GNATTTGCAN240
ATCTG 245

Name: 180 Len: 685 Check: 531
TCGTGGACA AAAGTTATCC TACACCTGAA AGAAGACCAA ACTGAGTACT TGGAGGAACG 60
AAGAATAAAG GAGATTGTGA AGAAACATTC TCAGTTTATT GGATATCCCA TTACTCTTTT120
TGTGGAGAAG GAACGTGATA AAGAAGTAAG CGATGATGAG GCTGAAGAAA AGGAAGACAA180
AGAAAGAGAA AAAGAAAAAG AAGACAAAAG GTCGGAAGAC AAACCTGAAA TTGAAGATGT240
TGTCTCTGAT GAGGAAGAAG AAAAGAAAGG TGGTGACAAG AAGAAGAAAG AGAAGATTAA300
GGAAAGTAC ATGATCAAG AAGAGCTCAA CAAAACAAAAG CCCATCTGGA CCAGAAATCC360
TGACGATATT ACTAATGAGG AGTACGGAGA ATTCTATAAG AGCTTGACCA ATGACTGGGA420
AGATCACTTG GCAGTGAAGC ATTTTTCAGT TGAAGGACAG TTGGAATTCA GAGCCTTCT480
ATTTGTCCCA GACGTGCTC CTTTTGATCT GTTTGAAAAC AGAAAGAAAA AGAACAATAT540
CAAAATTSTAT GTACGACAG TTTTTCATCT GGATAACTGT GAGGAGCTAA TCCCTGAATA600
TCTGAACTTC ATTAGAGGGG TGGTAGACTG AGAGGATCTC CCTCTAAACA TATCTCGTGA660
GATSTTCCAA CAAAGCAAAA TTTTG 685

Name: 181 Len: 207 Check: A9C
TTCTCAGAGG AACGAGAATG AATATGACTC AAGCCCGGGT TCTGGTGGCT GCAGTGGTGG 60
GTTGGTGGC TGCTCTGCTC TACGCTTCCA TCCACAAGAT TGAGGAGGGC CATCTGGCTG120

TCTACTATAG 333AGGAGCT TTACTAACTA TCCCCASTGG ACCAGGCTAT TATATATST180
TGCTTTTCAT TACTACENTT CAGAATC 207

Name: 181 Len: 530 Check: A17
AAATCATTTT GBTTCAGGGA CACCTOCAGT AGCACTCAAC AGTTCCAGAA TGAGCTGCTT 60
CACTCTCTCT AGCATGTCCC CAACACCTCT TGATCGTGG AGATCACTTG GAATCTTTGA120
ACCTCTTGCC AGCTCTAGAA CACCCATGTC TCTCCTGCAG CAAGCCGCTG GCTCCATGAT180
GGATCTTCCA GTTCCCGGAA TACCTGACCA CCAGAGAACA TCTGTCCAG AAAATCATGC240
TCATCTTCCG ATTCTACTTG CCTGACAGC TATCAGTCTT GCACTGCTG GGCCTCTCC300
GTCTATTTT GTTCTGTGGC TTCTGCAAG AATGTCCCTAG GTTCTACTCC CGTCTCTCT360
CATCTAGTCT AGAAGCCGAC CAGCAGCCAA CCTTGCCAGC AGGATTCTCT CAGCTCTCTGC420
GGCAGCTATG AACTTAGGCA GCGCCAGGAC ACCTGCTATT CCAACAGCAG TGAACCTGGC480
TGACTCTTCA ACCTCAGCTG CAGCACCCTG CATGAATTT GCGAGCTCCA 530

Name: 183 Len: 526 Check: 7E1
TGATAGTCAA CTGAGGCTAT TACTTGTGAG TAATGTGGGA GGAGATGGAG AAGAGATTGA 60
AAGATTCTTT AAATTACATC AGGAAGACCA GGCTTGTGCA ACTTGCCTTA TTCTTGCTTG120
CTCCACTGCT GCTGTGATA GAGAAGTATC TGCTTGGGCT ACTCGGGCTT TCTTTAGGTA180
TGCTGGTGAA GTACAGATGA GATTTCCAA CACTCTTCCG CCTCCAAGTA ATGTTGGTCC240
CATCTTCTGG TCTCTCTCT ATTCTAGTTT TCTGTCTCT AGTGGTATCT TCTATCCAAA300
TCCATCTCTT TTGGGAACAC CGTCTCATGG TATACAGCTT CCTGCTATCT CAACTCCAGT360
GTGTCTCTCT GGAACCCAG CAACTCAGGC CACAAATATG AGTTGTGTGA CTGGACCAGA420
GATTGTGTAT TCTGGAAAAA ACAATGGGAT TTGCATTAC TTTTCTCCTA TCATGGGAAA480
CATTTGGGAT GCAAGCTTAG TTGTGGAGAG AATATTCAAG AGTGGC 526

Name: 184 Len: 612 Check: 1418
GAAGAAGAGG AAGAGGAGGA GGAGGAAGAG CAGCCGCAGG CAGCAGAGCC TCCCACCCTG 60
CCCGTGGAGG ABAAGAAGAA GATTCCAGAT CCAGACAGCG ATGACGTCTC TGAGGTGGAC120
CCCGCTGACA TCATTGAGAA TGCCAAGCAA GATGTCTGAT ATGAATATGG CGTGTCCAG180
GCTCTTGCAC GTGGCTTCCA GTCCTACTAT GCGGTGGCCC ATGTGTCTAC TGAGAGAGTG240
GACAACAGCT CAGGCTTAT GGTCAATGGT GTCCTCAAAC AGTACCAGAT CAAAGGTTTG300
GAGTGGCTGG TCTCTCTGTA CAACAACAAC CTGAACGSCA TCCTGGCCGA CGAGATGGGC360
CTGGGGAAGA CCATCCAGAC CATCGCGCTC ATCAGTACC TCATGGAGCA CAAACGCATC420
AATGGGCTCT TCTCATCAT CGTGCCTCTC TCAACGCTGT CCAACTGGGC GTACGAGTTT480
GACAAGTGGG CCCCCCTCGT GGTGAAGGTG TCTTACAAGG GATCCCCAGC AGCAAGACGG540
GCTTTTGTCT CCGAGCTCCG GAGTGGGAAG TTCAACGTCT TGCTGACGAC GTACGAGTAC600
ATCATCAAAG AC 612

Name: 185 Len: 433 Check: C75
GTTTCTTCCA GACAAAGGAA TATCAAAACA CTTCGGCACA AGTACAACAA AGGCATGGGA 60
AGATCATGAT AATGTTTTAC ATCATTCTTT ACAGCATTTT ATTTTAATCA GTATTTGTAG120
AAAACAAGGA TGCTGAGTTC TTGAACACTG CAGTCACAAA CTCAAACTTA AATTTCCAAA180
AAAAGGAAAG AAACACTGA ACTACTTGGT CAACTGAACA TCTGTAATAA TAAATGTAAC240
GAAACCTAAC CAAATAAATA TGCCACTGAG ATCACAACCT AAGTGTATGG TTTTGTAGT300
GTGGCAGAGA CATTAAATTA TTTAATCAGT TTTTGACTAC AACCCAAAGC AAAGCATCCT360
CTCTGTTTTT CTGATGATT ATTCTAAAG TAACCTTAAA AAGCAGAAAC TTGCTGGTTA420
AAGAGAATTT CTG 433

Name: 186 Len: 377 Check: 2316
ATAATGCAAG CCTTGTGCTG GCAATCCAAA TTTATTGAAC TACTGATGCT AAGTTATACA 60
AAATTGCAAC ACTTTAATTA AGGCTTTTAG TTTACATTTG GCTACCTCAA AGTAGTTGTA120
ACATTAGGTT GTTCAATTTA AATACTGTGG CTCCCTGTTG GATAGACACA CAATCTTTAC180
ATCCAAAGAT TAATGCTATC AAAGCAACAA GGCATTGTTA AATAAAACAG CAATAATTAC240
TGCAAAATTA GCTTGTGAG CAATTACATA TGATTAAAAT TACTTCCAC ATTCAATCC300
ACAATTAATC GTCAATCAT TAACATCTCA CCAANNACGT TACCATGCTG AAACATCATC360
TAATAGGCAA AATTAAT 377

Name: 187 Len: 413 Check: 4F4
CTTATAGTCT GAGGGAAGA CTTAGACTCC TTTTATAT TGCTTTCTCT TGAGCTTTT 60
GTGGCTGCTT TTTTGTGCT GGAGGGCATG CTGCTAGCCA AGTCTACAGG GGTTCACCTT120
TCTATCTTCA GCTTCTCAG AGGCTCTTCA GCGCTGCTT TCTTAGCCTT TTTGGTTGT180
TTTTTCCCTA CAGTCTTCT CTGTGTGTT CTGTACTCT GTGCAGGAGA TTTCTGCTCT240
GAGGCTTCA TTTTGTGCT CTTTGGAGT GTTTTGGAGT CTCTCCCGG AGTASCGGAA300
TCTTCTCTCT TAGCTCAGT TGTATCAGT TAGCTATTCC CAGTGGCTCT CTCTCGGCT360
TCTTCTCTCT AGCTTTGAGA TGATGGGATG TTAGTGTCCA CTGAAGAGGC GGG 413

Name: 188 Len: 378 Check: 13F6
CTGAAAGGCT AATTTTGCAT TGTCTCTCAT CCGCTCTCTT GCTGCTCTCG 60
CGCTGGGCT CCGCTGCTG CCGGACTCC GCGAGCTTTA TCGCCAGAGT CCTGAACTC120
TGGCTTTCTT TTTAATCCCT TGCATCGGAT CACCGGCTG CCGCAGCATG TCAGACGCAG180

22
CCTAAGACAG CAGGTCCGAA ATCACCACCA AGGACTTAAA GGAGAAGGAG AAGTGTGTG247
AAGAGGGCAGA AATGGAAGA GAGCCCGCTG CTAAGCGGAA TGCTAATGAG GAAAATGGG300
AGCAGGAGG TGACAATTAG GTAGAGGAAG AAGAGGAAGA AGGTGGGGAG GAAGAGGAGG360
AGGAAGAAAG AGGTGATG 373

Name: 120 Len: 545 Check: 214D
TCTGTGAGAA GTTGTAGCAG TGTGTATAC TGTGTGATTT CATGGAATCT GTTTCAGACT 60
TBAAGAGTAA AGAAATTAAG AGAGCAACAC TGAATGAAT GGTGAGTAT GTTTCAGACT 120
ATGCTGTGAT AATGTGTGAA TCAGCGTATT CTGATATAGT AAAAATGATC AGTGTACAC 180
TCCTGTGATC ACCTGTGCA AGTGATAATC CAGATTTTGA TCAGAGAGAG GATGAACCC 240
CGTTGTAGAG CTGTGTGGCT CACATACAT TGGTATATGA ATTCTCTT AGATTTTTG 300
AGAGGCTGTA TTTCAGGCT AGCATTGCA AACGATACAT TGATCAGAAA TTTGTACAAC 360
AGTGTGTGGA GCTTTTTGAT AGTGAAGATC CCAGAGAAAG TGACTTCTG AAGACTGT 420
TGCAGGAGAT TTATGGGAAA TTTCTGGAT TAAGAGCAT CATCAGAAAA CAAATTAACA 480
ACATTTTCT CAGGTTTATA TATGAACAG AACATTTCAA TGGGTTGCTG AACTTCTTGA 540
ATATT 545

Name: 19 Len: 304 Check: 187B
GATCAAAACA AGTCTGATAG TCTATGCAAG TAACCAGGCA TGTATTTGTA ACAACTTCTC 60
CCAGGCTGAG TTCCACTTCA CAGCCGAGCA GAGGAATCAC AGCATAATCC GCAACAGTT 120
TGCTCAGAGG GGACATGATT TTCCAGCAT TTCTTTTAA NNANGTTTGC GATGTAGAT 180
TCATTTTCAT TACTAAAAAC CAAAACAAGG AACTCTTTT GGCTAAATAA GCCTTCTTCA 240
GTAATTGTNG AATCATCAGG GGACACAATG ACTTGACAGA AGACTGGGT TTCTTCTTT 300
GGCA 304

Name: 190 Len: 648 Check: 1E8C
GGGTGTGCGA TTGTGTGGGA CGGTCTGGGG CAGCCGAGCA GGGCTGACC CTCTGCCTGC 60
GGGGAAGGGA GTGCGCCAGG GCGCGTCAAT GCGGTGTGCG AGAGCCAGCT CAAGAAAATG 120
GTGTCCAAAT ACATAACAG AGACCTAAT GTACGTGAAA CTGTCAATGT TATTACTCT 180
TACAAAGATC TCAAAAGTGT TTTGGATTCA TATGTTTTTA AGSATGGCAG TTCCAGGGA 240
CTAATGAACC TCAGTGGAAAC AATCCCTGTG CCTTATAGAG GTAATACATA CAATATTCC 300
ATATGCTTAT GGTACTGGA CACATACCCA TATAATCCC CTATCTGTT TGTAAAGCCT 360
ACTAGTTCAA TGACTATTAA AACAGGAAAG CATGTTGATG CAAATGGGAA GATATATCT 420
CCTTATCTAC ATGAATGGAA ACACCCACAG TCAGACTTGT TGGGGCTTAT TCAGGTCT 480
ATTGTGGTAT TTGGAGATGA ACCTCCAGTC TTCTCTCGTC CTATTTCCGC ATCCTATCC 540
CCATACCAGG CAACGGGGCC ACCAAATACT TCCTACATG CCAGCATGCC AGGTGGAAT 600
TCTTCATAAC CATNCGATA CNCTCCANT CCCAGTGGGT ACCCAGCT 648

Name: 191 Len: 339 Check: 127B
GCTGTTTAAG CTCAGGCTAA AGATGATATA AATAGAGGTG CACCATCCAT CACATCTGTC 60
ACACCAAGAG GACTGTGCAG AGATGAGGAA GACACCTCTT TTGAATCACT TTCTAAATTC 120
AATGTCAAGT TTCAACCTAT GGACAATGAC TCACTTTCT TACATAGCAC TCCAGAGAGA 180
CCCAGCATCC TTAGTCTGTC CACGTCTGAG GCAGTGTGCC AAGAGAAAT TAATATGGAG 240
TTCAGAGACA ACCCAGGGAA CTTTGTAAAC ACAGAAGAAA CTTTATTTGA AATTCAGGGA 300
ATTGAGGCA TAGTTTCAGC TATACAAAAC CTTAAAAA 339

Name: 192 Len: 252 Check: 1228
TGATAGTAT GGATGGAGCG CGCTGCACTG CGCTGCTCTT TGTAACAGCG TTCACTCTG 60
CAACAGGCTG GTGGAGAGTG GTGCGGCCAT TTTTNCCTCA ACCATAAGCG ACATTGAAAC 120
TGCTGCAGAG AATGTGAGG NGATGGAGGA AGGCTACATC CAGTGTCTCC AGTTTCTATA 180
TGCGGTGAG GTGAAGGTGG GTGTGATGAA CAAAGGTGTG GGNATGCTC TGTGGGACTA 240
CGAGGCTCAG AA 252

Name: 193 Len: 272 Check: 27D
GATAAACAGG ACTACCCGCA GCCCTCGSAC CTGTCCACTT TTGTAAACGA GACCAAATTC 60
AGTTCAACCA CTGAGGAGTT GGATTACAGA AACTCTATG AAATTGAATA TATGGAGAAA 120
ATTGGCTCTT CCTTACCTCA GGACGAGAT GCGCCGAAAG AGCAGGCTTT GTACCTTATG 180
TTTGACCTT CTGAGGAGG CCTGTCAAG TCATCTCCCG TCCGCATGTC AGAGTCCCC 240
ACCCCTGTT CAGGTCAAG TTTTGAAGAG AC 272

Name: 194 Len: 334 Check: 12FD
GAGAGGCTGG AAAAATTAAC CACATGAGAN AGGATACACT AGCCGAGATG TTGACGTTG 60
GAATATGCG TGTGTGCAAC AAAATGATG TATGGAAGG GTGTGAGG GTGCTGCTG 120
GTGCAATGAT GGAAGCAATG GGAGGTTTTG GCTCATTAT TCAGCTATAC CCTGGAGGAG 180
GACCTGTTG GGCAGCAACA GCATGTTTTG GATTTCCAA ATCTTTTCTC AGTGGTCTT 240
ATGAATTCCT TGTCAACAAA GTGGGACAGT TTTCTACAT GAACATTTTC TGCCAAGATG 300
TTATCTTCAG AGCAAAAAGA CAGTGTCTTG GTT 334

Name: 195 Len: 352 Check: 13BF
TTTTGTTTT GTCAATGTT TTATTGAGTG TAGACATCTG GAGTACTGTA AAACATGCAT 60
TATCTGTAGA TTCAAAAAGG AGCAAGGCAE ATTGTCTCA CTGTCAAATG TGTGAGGCTT 120

88

GGCATAATG ATGAGATTA ATGAAGTATC ATGAGAGTAA TATGGTTTCTT GAARAGCTTCT180
TACAAATTTGG AGTAGGTTCT TAATCACGTG AAAAGAGCAA CTGTTTCACAT TTAGTGAACCC240
TGCATTTCAT GAGAGGGGGG GGGTACACAN TATTTTAATT TTAAGAGCAA TAAAAATAAT300
TTGTTTCTCA AAGATTCTCA TCTCCCAAC TTTATTTCTC GCATTGGTTT TC 382

Name: 196 Len: 355 Check: 9AF

TTATGAAGAA GAAATTATTC ATTTTAAGAA AGAATTCTCA GAACCAAAAT TTGGGGATGC 60
TSAGGAAAAG TATAGAGAAA TGATGATTGT TATGAGGACA ACAGAACTTG TGAACAAAGAA120
PCTGGATATT TATTATAAGA CTCTTGAACA AGCAATAATG AAATTTTACA STATGAAAT180
GGAAGAAATC AATGAATTA TACGTGACCT GTGGGGAAGT AACTATCTG TGAAGATAT240
TGAATACATA GAAATACGGT CTGATCCGA TGAATATGA TACAGCTTCTG AAAAAAGGCG300
GAATTATAAT TACCGAGTGG TGATCTGAA GGGAGACADA GCCTTGGATA TGCGA 385

Name: 197 Len: 456 Check: A6C

GCACGATCT ACATCCAGAG GACCAAGAGC ATGTTCCAGA GGACCAAGTA CAAGTATGAG 60
ATGATTAACA AGCAGAATGA GCAGATGCAT GCGCTGCTGG CCATTGCCCT CACGATGTAC120
CCCATGGCTA TTGATGAGAG CATTACCTC CAGCTGCGGG AGAAATATGG GGACAAGATG180
TTGGCGATGC AGAAAGGTGA CCCACAAGTC TATGAAGAAC TTTTCAGTTA CTCCTGCCCC240
AAGTTCTCTT CGCCTGTAGT GCGCAACTAT GATAATGTGC ACCCCAAGTA CCACAAAGAG300
GCCTTCTCT ACAGCTGAA GGTGTTTTCT GATGAAGTAC AGCAGCAGGC CTAGCTTTCA360
AOCATCCGCA GCTTCTGAA GCTCTACAC ACCATGCTG TGGCCAAAGT GGTGGCTTC420
CTGGACCTCA CAGAGCAGGA GTTCCGGATC CAGCTT 456

Name: 198 Len: 422 Check: 1FAE

GCACGAGATA CTGTGAAATA CCTTTTCTCA CAAAAGGCA AATATTGAAG TTGTTTATCA 60
ACTTCGCTAG AAAAAAAAAA CACTTGGCAT ACAAATATT TAAGTGAAG AGAAGTCTAA120
CGCTGAAGT ACAATGAAGG GAAATTGTTT ATGTGTTATG AACATCCAAG TCTTTCTTCT180
TTTTTAAGTT GTCAAGAAG CTTCACAAA ATTAGAAAG ACAACAGTTC TGAGCTGTAA240
TTTCGCTTA AACTCTGGAC ACTCTATATG TAGTGCATTT TAAACTTGA AATATATAAT300
ATTCAGCCAG CTTAAACCCA TACAATGTAT GTACAATADA ATGTACAAAT ATGTCTCTT360
AGCATCAATC TTGTTACTGC TGATTCTTGT AAATCTTTTT GCTTCTACTT TCATCTTAAA420
CT 422

Name: 199 Len: 446 Check: 1C55

CGATGGAGAC ATCAACAAG AGCCAGGAAT GTATCGGGAA GGACCCACAT ACCAACGGCG 60
AGGATCACTT CAGCTCTGGC AGTTTTTGGT AGCTCTTCTG GATGACCTT CAAATTCTCA120
TTTTATTGCG TGGACTGGTC GAGGCATGGA ATTAAACTG ATTSAGCCTG AAGAGGTG300
CCGACGTTGG GGCATTCAGA AAAACAGGCC AGCTATGAAC TATGATAAAC TTAGCCGTTT240
ACTCCGCTAT TACTATGAGA AAGGAATTAT GCAAAAGGTG GCTGGAGAGA GATATGTCTA300
CAAGTTTGTG TGTGATCCAG AAGCCCTTTT CTCCATGGCC TTTCCAGATA ATCAGCGTCC360
ACTGCTGAAG ACAGACATGG AACGTACAT CAACGAGGAG GACACAGTGC CTCTTCTCA420
CTTTGATGAG AGCATGGCCT ACATGC 446

Name: 2 Len: 352 Check: FBA

CATGGCATGC AGAGSATCTA CAAAATGGGT TCACCAGGCC TGTCTACAAC GCTGGGTGGA 60
TGAAAAGCAA ACAGGAAACA GTACAGCCAG AGTGGCATGT CCTCAGTSCA ATGCTGAATA120
CCTAATAGTT TTTCCAAAAT TGGSTCCAGT GGTTTACGTC TTGGATCTTG CAGATAGACT180
GATCTCAAAA GCTTCTCCAT TTGCTGCAGC AAGGAATAAT GTCCGCTCTA TCTATTGGA240
AGCTGTGACT TATGAGCAG TGACAGTGAT GCAGGTTGTA GGTGATAAAG AAGGTCTGGA300
TGTTATGGAG AAGCTGATC CTTTATCTCT TTTAATTTGG GACTTCTCTA TA 352

Name: 20 Len: 1553 Check: F16

AGGAGGGCCG GGGGNGCAG GGGGGGACT GCTTGCCTGC CTGGGTTGCG GAAGTGATAG 60
CCGCGGACCG AGCTTCTGTC TTTCTTGCTA CTGCTTGGG TTCCCGCTTA CTTCCCCC30 120
ACGGTGAAGG CGGCGCAGCT GPGGATGGTC AGATAGCCT TGTCTCCGCG CGGCAATCTC 180
TGGGCGCTAG CAGGACGAG CAGACGCGG CAGCAGCAG AGCAGGCGAG GAGGAAGATG 240
GGGGGACGGC TGGCGGCTG TGTGCTGGAC TGTGGCAGG GGTATACAAA ACTAGGATAT 300
GCTGGAATA CAGAACACA GTTTATCATC CTTTCTGTA TTGCTATTAA GAGTCAGTA 360
AAAGTGGGTG ATCAAGCTCA AAGGAGGGTG ATGAAAGGTG TTTGATGACC TAGACTTCTT 420
CCATTGNGTG ATGAAGCAAT AGAAAAACT ACATATTGCA ACAAAGTTGG CCAATCCGCT 480
CATGSTATAG TTTGAAGATT GGSACTTTAA TGGAAAGGTT TATGGAGCAA GTSATCTTTT 540
AAATATTTTA NGGCGAGAAC CTTGAAGAC ATTATTTCT TTTGACTGAA CTTCCATTGA 600
ATACTCCAGA AAACAGGGAA TATACTGCTG AAATAATGTT TGAGTCTTTC AATGTTCCAG 660
GCTTGTACAT TGTCTGACG GCTTCTCTG CTTTATCTGC ATTTTGGAC TCAAGACAA 720
TAGGAGANCG GACGTTGACC GGTNOGCTAA TAGACAGTGG AGATGGGTGCT ACTCATGTGA 780
TTCTTGTGGC TGAAGGCTAT GTGATTGGCA GCTTATTAA ACACATTCTA ATCCAGGGA 840
TCCCTCCAAG AACCAACCT TSGAAACTG CTAAGGCGAGT AAGGAGGCG TATAGTTATG 900
TCTGCTCAGA TTTAGTAANA GAATTTAACA AGTCTTTTG GAACTAAGAG CTAGTATCTT1020

GAATTAAGTCTG ATGCGTGTGTA GTGCTTTCTG ATTAAGTGGCA TTCTGTCTCT TCGTTTAAAP1020
 GAAGATTAAA GACAAAGATG TTGGAAGAGT ATTCAGCTTC TGTAGTGTCA TTTCTTATRA1140
 AAAACGMAAAC AACAAAGATA ATTTATCCAA ATTGGCATAT TTAAAGGCTA ACATTCTAAT1200
 AAAGGDAACAA ATTTTCTTTT AAATACTTGT TTCAGGCTCT TTATCTCTTT TATAAGTTAA1260
 CTAAGAAATC TATTTCTTTC AGACTTCTGC AATASTTCTT TAAAATCACC ACAGTTA3CA1320
 AGCTGACTTT TGTAAATGTG TCNAANACCA ANACTTGTGA ACTTTTAAAT TGTGAGT3C1380
 TTTCTATTTT ATAAGTGGAT CTCCATTGGA TATTTTCATT TGNATAACIC ATTGCASTC1440
 TGGAAATTTT TTTTAGTGGC AGTCCCTGGA CATATCATTG AAAGTTAAT TTTTGTGAT1500
 TTTAAATAT CTGGATTATG GAGGAAAAAT GATNAATAA AATTAAACT GAATTACC 1560

Name: 199

Len: 531

Check: 256

CGAAAGAAA TCAGAAATGG AAAGTGTCTT GGCCAGCTT GATAACTATG GACAGCAAGA 60
 ACTTGGCGAT CTTTTGTGA ACTATAATGT AAAATCTCC ATTACTG3AA ATGATCTATC120
 CCGTCCAGTG TCTTTTAACT TAATGTTCAA GACTTTCATT GGCCCTGGAG GAAACATGCC180
 TGGGTACTTG AGACAGAAA CTGCACAGGG GATTTCTTG AATTTCAAAC GACTTTTGA240
 GTTCAGACAA G3AAAGTTGC CTTTTGCTGC TGCCAGATT GGAAATCTT TTAGAAATGA300
 GATCTCCCTT CGATCTGGAC TGATCAGAGT CAGAGAATTC ACAATGGCAG AAATTGAGCA360
 CTTTGTAGAT CCGAGTGGG AAAGACCACC CCAAGTTCCA GAATGTGGCA GACCTTCACC420
 TTTATTTGTA TCCAGCAAAA GCGCAGGTCA GCGACASTC CGCTCGGAAA ATGCGCTCG480
 GAGATGCTGT TGAACAGGGT GTGATTAATA ACACAGTATT AGGCTATTT ATTGGCCGCA540
 TCTACCTCTA CTCAAGAG GTGGAATATC TTCAGATAAA C 581

Name: 201

Len: 625

Check: 22A8

GTCTGTGGCC AGAGCCTGGA CGGGGCTGAA GGACACGGGG GACAGGGCTC CTGGCTTCTT 60
 CCGCCCCGTC CTGGCCAGA GCCTGGAGCA TGATGAGCAC TCTTGTCCCT TTAAGAAATC120
 AAAGCCGCACT CCGGCTCCC TGCCAGCAA GAAACCTAAA AGGGAAACAA ACTCTGACAG180
 CGTCCGACCT GGCTACGAGC CCATCTCGCT GCTCGAGGCG CTCAACG3CC TCCGGGCTGT240
 CTCCCGGGCC ATCCCTGGG CCGCTCTTTA TGAAGAAATC ACCTATTGAG GCATCTCGGA300
 CGGCTGTCTC CAGGCGAGNT GTCCCTCGC GGCTATCGAC CACATCTCG ACAGCAGCG360
 CCAGAAAGGG AGGTGCGAGA GCAAAGCCCC CGACAGCACC CTACGGTCC CBTCTTCCC420
 CATCCACGAA GAGGATGAGG AGAAGCTCTC CGAGGACGTG GACGCCCCCT CCGCACTGGG480
 TGGCGCAGAG CTGGCCCTGC GGGAAAGCAG CTCCCTTGAG AGTTTCATAA CAGAAGAGST540
 TGATGAGTGG TCTGTCACCA CAAGCAAGGG GACCCGAGCA GCTTCCATTG ASAATGTCT600
 GCAGACAAAG CAAGNCCGGA GCACT 625

Name: 202

Len: 806

Check: 1E28

TCTAGTTTTT GGAATGGAGC CTCGCATCCT ATACAACCTT TTACAAGGCC AGAAATGTAT 60
 TGTTCAAAACA ACTTCATGGT CCCAGTGTCT AAAGACCTGT GGAAGTGGTA TCTCCACACG120
 AGTTACCAAT GACAACCTTG AGTGCCGCTT TGTGAAAGAA ACCCGGATTT GTGAGGTGCG180
 GCGTGTGGGA CAGCCAGTGT ACAGCAGCCT GAAAAAGGGC AAGAAATGCA GCAAGACCAA240
 GAAATGCTCC GAACAGTCA GGTTTACTTA CGCTGGATGT TTGAGTGTGA AGAAATACCG300
 GCGCAAGTAC TCGGGTTCTT GCGTGGACGG CCGATGCTGC ACGCCCCAGC TGACCAGGAC360
 TGTGAAGATG CGGTTCCGCT GCGAAGATGG GGAGACATTT TCCAAGAACT TCATGATGAT420
 CCACTCTGTC AATGCAACT ACAACTGCCC GCATGCCAAT GAAGCAGGCT TTCCCTTCTA480
 CAGGCTGTTC ATGACATTC ACAAAATTTAG GGACTAAATG CTACTGGGT TTCCAGGGCA540
 CACCTAGACA AACAGGGGAG AAGATGTGAG AATCAGAATC ATGGAGAAAA TGGGCGGGGG600
 TGGTGTGGGT GATGGGACTC ANTGTAGAAA GGAAGCCTTG CTCANTCTG AGGANCAANTA660
 AGGTATTTGG AAATGCCCCA GCGTGTGCTT GCGGATGGAC ACTAANGCAG CCACGATTGG720
 AGAATACTTT GNTTCATAGT ANTGCAGCAC AGTTACNGCT CAATTTGGAG CNTGTGGAAT780
 TGAGACTTCC NGTTCCCGT TGAAT 806

Name: 203

Len: 489

Check: 610

GCACTGAGCGG CAGGATTTTC ATTTTCCAA AAGAGAAAAA AATGACAAAA GGTGAAASTT 60
 ACATACAAAT ATTACCTCAT TTGTGTGTG ACTGAGTAAA GAATTTTGG ATCAAGCGCA120
 AAGATTTTAA GTGTCAACA AACTTAAAGC TACTGTAGTA CCTAAAAAT CAGTGTGTAT180
 CATACATATA AACTCTGCA GAGAAGTAT CCAATAAGG AAATAGCATT GAAATGTAA240
 ATACAATTTT TGAAGTTAT GTTTTTTTT TATCATCTGG TATACCATG CTTTATTTT300
 ATAAATTTAT TCTCATTTG CATTGGAATA GATATCTCAG ATTGTGTAGA TATGCTATTT360
 AAATAATTTA TCAGGAAATA CTGCCTGTAG AGTTAGTATT TCTATTTTTA TATAATGTT420
 GCACACTGAA TTGAAGAATT GTTGGTTTTT TCTTTTTTTT GTTNGNNTT TTTTTTTTTT480
 TTTTTTTTG 489

Name: 204

Len: 403

Check: 20BF

CAAGCTCAGA AGGCTCATCT CAGAGTTTAC TCTCTCCTGT ACTCATTTGT GGAAACCAIT 60
 TGATCACTGC AGTGTGCCA AGGCGAAGTA AAAGAATTGC AGGCAAAAAA GTTTGCAGAG120
 TGGAAATCAGG AAAACGAGG TGCTTTTCTC CTAAATCAA GGCATAAAGA AAAGGTTCCG180
 AAGATCTCTG CCGTTTGAAA TTCAATCTAG GGAAAAATG CAGAGAAGTA AATGGATGT240
 TCTGGTGTCA ATAGGATATT GAAAGTGTG GTTGGGCSAC TTGCAATCA ACAAGTTTA300

AAAAAAGGGA ATTNGAATCT GTAAAAACAG GTTTGCTTTT TAAGGCAAGG ATGTTGGATG360
GGAAGAGAGT TACCAAAAGA AAGGGGTTCG AGAAAAAGGA TCA
Name: 205 Len: 462 Check: 1820

TTTACAGGTA CACAATTAA TATTTATTAT ATGCATTTTA TATACATTAT TTTTCAACAG 60
CTGTATGTTT GCTATGTGGT ACAATCTTAA AAATTTGCTG ATTACATAGT TGTAAAACAA120
AAACCTTACA AACTCATCA AACTCGCAA ACTGATCAGA AAAGTTTCTG GGAAGACTAG180
AAAAAATCTT TTTTGTCTT AATCATGCA TACACAAACA AAATCTTTAG TTACACATA240
AAATTAAGTA CATCTAAAAA AATAAACAG GGATAACTAG TCAAAACATA GCABATTTCT300
GTATCTTAT TCAACTATTT TTGTATCTTA TTGTAAATGC AAATAAAAT TTACTCCAAA360
TATTTTAAA CAAATTAAGT TTGTTTGGAA TCATGGTAAA CCAABATATA TATCTTAGGG420
GGAACCACTT TGTCTTGTAA TTAAACTAT AAAATACTCC AT
Name: 206 Len: 724 Check: 462

GTCAGGGGCT GTAGCAAGTA CATTAGCTTC AAGTTCCTTA ACTTGGACAT TCAATATTC 60
TTCTTCTCTT ATTAAACGCT GGATGCTTGC AGTAAATTTT TCTAGTGTGT TCTCATTTTC120
TCGTTCACTA TCCCGTAAGT TAACTACTCT TTCTTCAAGT TGTACTTTCT GTTCTTGGAT180
TTGCATTGCT TTTTGTAGAG CGTTTTGCAA CTGTGATTCC ATTTTGTCTA CCTCTTCTC240
AGAGATTTC AATAACAAGT AGGAACCCAT TCTTCTTTTC ATTACTTTCT TTCCACCACC300
AGTCAITGTA CCTGACTGTT CTATGATTTG TCCCTGTAAA GTTACCACT TCCATCTTCT360
ATCTTTTGA TATGCTACTC TTGTGGCTTG ATCCAAGTTG TCAGCTACTA AGGTATCTCG420
TAAAGCAAAA TAAAAAGCTT GCGCAATTTT CTCATCTTTT ACTTTTACTA AATCAATAA480
ACGAGGAGTA TTTTCAGGAG TTTGAATTTT GGTCTCTTTT TTCGCCATA CAGCCATCTT540
ATCTAAACCT AATAAAGTTG CAACTCCAAT ATTTTGTCT TTTAAGGAAG TTACACATTT600
CTTGGGCTAT ATCAAATAGA TCAACCAACA ATGTAGTCCA GTGCATGACA ACAGGATGAT660
ATACCACTT CGGATTTTTT ATTAATGGGT TCTAAGGCC CAATCGTCCA TATATTTCTG720
GAAC
Name: 207 Len: 724 Check: 724

CCTCGTGCRA BTANAGGTT CGCNGGNTG CAGACCTCAC AGGAGATCAG CTACCTCTCT 60
GTGAGAGTCT GAAGGATACT ATTGCCAGAG CTCTGCCCTT CTGGAATGAA GAAATAGTT120
CCCAGATCAA GGAGGGGAAA CGTGTACTGA TTGCAGCCCA TGGCAACAGC CTCGGGGCA180
TTGTCAAGCA TCTGGAGGGT CTCTCTGAAG AGGCTATCAT GGAGCTGAAC CTGCCGACTG240
GTATTCCCAT TGTCTATGAA TTGGACAAGA ACTTGAAGCC TATCAAGCC ATGACAGTTT300
TGGGGGATGA AGAGACGGTG CGCAAAGCCA TGGAGCTGT GGCTGCCAG GGAAGGCCA360
AGAAGTGAAG 3
Name: 208 Len: 371 Check: 1633

CGGCCATCAC CTCATTCCCTG TCAAGGAGAA CCTCGTTGAC AAAATCTGGA CAGACCGTCC 60
TGAGCGCCCT TCAAGCCCTC TCCTCACACT GGGCCTGGAT TACACAGGCA TCTCCTGGAA120
GGACAAAGTT CTAGACCTTC GGTGAAAAAT GGCTGAGAGG AAGTGCATGT GGTTTGTGGT180
CACTGCCTTG CATGAGATTG CGTGGCTATT TAATCTCCGA GGATCAGATG TGGAGCACA240
TCCAGTATT TNNTCCTACG CAATCATAGG ACTTAGAGAC GGTCTAGCTC TTCATTGATG300
GTGACCCCAT AGACGGCCCC AGTGTGGAAG GAGCACCTGN TTTCTTTAAC TTGGGCTTG 359

Name: 209 Len: 353 Check: 22DB
TGGCAGAGG CGGTGTCCAA GATGTTTTCA GTTCAACACA CAGTCTCTCT CATTATTTTG 60
ATGCTCTGAT TTTTACCGGA GCCGAAAGCA AAAGTAATGG GGAAGAGGGG TATGGCCGGA120
GCTTGAGATA TCCCGTCTG AATCTTGCCG CCTGCACTG CCGCTTCCST CACTATCAAC180
AGGCAGASCT CCGCCTGCAG GAGCAATTA GGATTGCCA GGAGTCCAA GATCAGCTGT240
GTCTCCAGCA CTGTTTGAGC TGGCTTTATG TGCTGGGGCA GAAGAGATCC GATAGCTATG300
TTCTGTGGA GCATTCTGTG AAGANGGCAG TACATTTTGG GTTACCGTA CCT
Name: 21 Len: 561 Check: 14E5

AGCCAGGTTT CCGAGGTGCT GAGAAGNCA GAAACTCCGC AGACTACTCC TCAGAGAGCA 60
AAAAGGAGAA AACTGAAGAA AAGGAATTC CAGCTCGTTA TGACAGGAT GGTGAGAA120
GTGATGACAA CTGSGTGGT GACGTTTCCA ATGAGGATCC ATCTTCTCTT CAGGGGAGCC180
CAGCAGATTC CCGCAGAGAG AATGGCCTAG ACAAGACACG CCGCTCTCAA AARGATGCTC240
CGATTAGTCC ACTCTTATT GCATCTTCCA CGAGTACTCC CTCTCTCAA TCCAAAGAAC300
TTAGCTTTAA TGAATAATCT ACTACTCCCG TCTCAAAGTC CAATACCTCC TACTCCAGCA360
ACTGATGCNG CCAACCCCCAG GCAGTAACT TANTCCCGGG ATTTGAGGCC TTGTANCTGG420
GAAAACCAAC AGGAGTTGGA CCTTTTGGGC TCAAGCCTAA GGAACCCCAAT GGAAGTATC480
TTTGTCCATA TNCANTCCA TTTGGGGATT GTGCCCATGC TGAATGARC GGGGAGCT540
NCAGTCCGGG NGCGGGCTAC G
Name: 210 Len: 651 Check: E09

TTTTTTTAC TGTCTTCACA TTAATGGAGA TTGTGATT CTCTTACGCT TTTACTTTT 60
TTGTGTATGA TGTCTTGGAG GCTGGAGAAA ATCCACCCAG GGTGAAAGG GCTGGAGTT120
CATCTGGATT CAATCCCTTT GCTTTTAATT TGGCTTCTTG TAAGGCTACT TTTCTTTTTT180
CTACTTCTTT TTCCAGTAAT TCATAGTTTG GCTTTTTTCT GGTATAAAGC CTAAATGTTT240

CTATCCAGA. TTCTGGATT TCCTCTCTC TAGTACCAAA AAGAGAAAC CAATGGGA 330
GAGTTGCAAA CGGAATDTGA AGTGTCTAG CTGCAAGSTA GATGCAAGCA CATGCTATA 330
TCTCTGCTT AAATCGAACA AACACATTG TTGCAAGACT GTCATTCATG TAATCCAG 342
CAGTTTGAAC CAGGGITTGA TTACGTTTAC ATTCTAAGAC TTGTAAATAC ATAACAATGA 430
TCTTATGAG ATGCTTGACA TGAACACAAA ATCCCAACTC CTTTAGCAGC CTCTCTCT 5540
CTTTGATAG TTATTTTTG GTGTTAATGT AGTTCTGATC AAGGATCAG GGGCTTGGAG 600
TCTTTTCTT TTTAACTGGC GGAGTGCTG GAATACATTA ATCAGATCT 7 651
Name: 211 Len: 789 Check: F55

CAAGAGCAAT ACATGAGGG CTCTGACGGC GCTCTGGACA CTGGGTACT GTGGTATGTT 60
CCATTGATAT CCATCAGCAG CAAATCCAC ATGTCACATC GATTTTTTCT AAAACA AAAA 120
ACAGATGT TCCTCTCTCC AGAAGAGGTG GAATGGATCA AATTTAATGT GGGCATGAAT 180
GGCTATTATA TGTGCTATTA CGAGGATGAT GGATGGGACT CTTTGAATGG CCTTTTANA 240
GGAACACACA CAGCAGCCAG CAGTAATGAT CGGGCAAGTC TCATTAACAA TGCATTTCA 300
CTCGTCAGCA TTGGGAAGCT GTCCATTGAR RAGGCTTGG ATTTATCCCT GTACTTGAA 360
CATGAAACTG AAATTATGCC CGTGTTCCTA GGTGTGAATG AGCTGATTC TATGTATAAG 420
TTAATGGAGA AAAGAGATAT GAATGAAGTG GAAACTCAAT TCAAGGCTCT CCTCATCAG 480
CTGCTAAGGG ACTCAITGA TAAGCAGACA TGGACAGACG AGGGCTCAGT CTCAGAGCA 540
ATGCTGAGGA TGAAGTACT ACTCTGCGC TGTGTGACA ACTATCAGC GTGCTACAG 600
AGGGCAGAGG GTATTTTCAG AAAGTGGGAG GAATCCAATG GAAACTGAG CCTGCTGT 660
GACGTGACCT TGGCAGTGT TGCTGTGGG GCCCAGAGCA CAGAAGGCTG GGATTTTCT 720
TATAGTAAAT ATCAGTTTTT TTTGTCCAGT ACTGAGAAA GCCAAANTGA ATTTNCCCT 780
TTCAGAACA 789

Name: 212 Len: 457 Check: D31
CAATTAAGGG CTTTGGGGG ATTGGCTCCG CGTTTGGGCT GGTCCGCTGC TCCCCACCTA 60
CCAGGGTGG ATCCGGAGGC CTTCCCGCG GGGCGGGGAC CTCCAAACAA CCGACTCCT 120
TCCAGCTGAA GAAACACTTA AATTCTGGAA ATAGCGACTC AGTATCATG CCAGAGCCT 180
TAATGAAGAT CCAGAAGGAA GCAGAATCAC TTATGTGAAA GGAGACCTTT TTGCATGCC 240
GAAACACAGC TCTTTAGGCC ACTGTATCAG TGAGGATTGT CGCATGGGG CTGGGATAG 300
TGTCTCTTT AAGAAGAAAT TTGGAGGGG GCAAGAACCT TTAATCAAC AAAAGAAAT 360
TGGAGAAGTG GCTGTTCTGA AGAGAGATGG GCGATATATA TATTACTGA TTACAAAGAA 420
AAGGGCTTG CACAAGCCAA CTTATGAAA CTTACAG 457
Name: 213 Len: 727 Check: 30C

TTTTTTTCT GGTAATATAT TGCTGCACTG AGTGTGTGCA ATTTTATTC AAGSTCATCG 60
TGATGCTGAG AAGTTTCTGT GATAACCTGT CCATCTCTAG TTTCAACCGT CTTAATCAGA 120
AGTGTCTTT TTGAGTGGT ATCAACCAGA GGGAGTGAAT CCAGATTAGT TTCTCTCAG 180
TTCAGGGAGG AAAAGTTTG AAGAGGCAGA GAAATCCTGC TCTCTCGCC TTCCAGCAGC 240
TTCCTGTAGG TGGCAATCTC AATGTCAAGG GCCATCTTAA CATTGAGCAG GTCTTGGTAT 300
TCAAGAAAGT GAGGAGCCAT TTCCTCTTC ATATTCTGAA TCTCATCTG CAGGCGGCCA 360
ATAGTGTCTT GGTAGTTAGC AGCTTCAACG GCAAAGTTCT CTTCCATTC ACGATCTGG 420
CGTTCCAGGG ACTCATTTGG TCTTTAAGG GCATCCACT CACAGGTGAG GGAATGCA 480
TGTCTCCGGT ACTCAGTGA CTCCTGCTTT GCTTGGGCA GGGGCTCAT GTTCCGGT 540
GCAGCTCAG AGAGGTGAG AACTTGGAT TTGTACCATT CTTCTGCTC CTGCAAGTT 600
TTGGAGGCA CACTTTCTT TTGCTGACGT ACGTCACGCA GGGCAGGCT GAGSTCAAG 660
TTGGAAACAT CCACATCGAT TTGGACATGC TGTCTCTGGA TCTGAGCTT GCGCTTCT 720
ATTTCT 727

Name: 214 Len: 622 Check: 19DE
GCTCCTSTCA GTACACACTC CCAACAGTT AAACCCAGCT CTAATTCRA CTGTGCAAGA 60
GCTTTTAAAG AATGAGGA CTTGTCTGCA ACAGAGAAAC TCACTCCAAG AGCAAGAAG 120
CAAGAAGGA AAACTAAG ATGATGAAG AGCAACTCCC ATTAAGAGG GGGTGTAT 180
CAGTGAGGAG GAGCAGCTG TAGACAGCTG CATCAGTGAC ATGAAGAGG AAACAGGGA 240
GGTCTGAGC CCAAGAGCA CTTCTGACAA TGAGACAGA GACTCTCAA TTATTGAT 300
AGGAAGTGAG AAGATCTTC CTTCCCTGA AATAGTTCT GTTAAGAAAT ACCGAATG 360
AGTTCTATCT TGTCTTCAG AAGACATGTC AAATATCAGG TCACAGCATG CAGAAAGAA 420
GTGCAACAA GTTAGATAT ACGATTGTAA AGAATTTAAA GACCTCCACT GTTCCAAG 480
TTGATCTCTA GCTGAGGAG AATCTGAGTT CCTTCTACT TGTATCTCT CAGTTCTGT 540
TGACTTAGCT GACTTGABAA GCTGTGATG CCAAGCTTTG CCTTCCAGG AACTGAGST 600
TGTCTTATCT CTCAATTTG 622

Name: 215 Len: 448 Check: 5DC
ATAGTTAAAC AACTTTATTA ACATAGTCAA GCAGTGATTA ACATTCACAT CTATTATGT 60
ACATCATACA AATGTAAATA CAAATTAAT ACAGTACAAT ATATATTCT TGCATGAT 120
AAATATTTG GTGGCCCCAA AAACTCTCT TTAAGATTCA GCAGCTTATC AAAAATTA 180
ACCGTATTCT ATTTAAATG GAGATCTGT AGCACAGAGT TAGACTTCAA GAAATATCA 240
TTTAGTACAG TTTGAGAGT TGCAGGAGGA TATGTTTGA GGACACATTC TAACATAGT 300

GGGAGGTAG AGGAAACATC AGATTTAAGG CTTTAAAGCA TAAGTCATAC AACCTAGGTT100
GTGACGCGAA AGATCCAGTT ATATTTGTAA CTAAAGCTAA TGCTAGTAAA TTATTGCACC410
CAATGTAAAC ATATTAAGTS TAAAACTG

Name: 216 Len: 595 Check: D48
TCTGTGTAA TGTATCATTA AGCTCCTTAA AATACTGGAG AACAGGTTCC TTATCGCCTT 60
GGATCATTTT CTCAGAATGA GATTTTGTGTT CTTTCAGGTT TTCAATAAGA TGGGTAAAGAT110
CTGTCCAGTG TGTGTGAGTC AACTGTTCAA GCAGTTTTTG AGSAGTGTCC TTTCCTTCA120
AATAGTCACT TTGAAGGTCA TGTATAGGAT GACCATGATG TTGACCTATG GTAAGGCAAT210
GATCATTAAC TAATTTTTTA TCTAATAGAC AGTAAACATT TAATGTTTGC CTGTATGTT310
CAGGCGAGGT CACAATATCT GGATGTTCTT TTGCTGGTA CTTTCAATA ATAGCCTTA310
GTGCAAAATT AACAGGTAAA GATTCAGTGC CAGTTGGAGC AATTTGAGTA ATACTTGTG410
AATTAAGGCA CTGAGTGGGA ATTGTAAAAG GTCTCCATAT ATAAAAGTTA CCAGATGCT410
GAAGAAATTT TTCCAAACAA TTTCTACAAA ATGTATGAGA GCATGGCAGT ACACGAGAT510
CTTCAAAAAT ACTATAACAT ATGGGACAAG TTAAGTCTTG CTCANAATTG TGCAT 595

Name: 217 Len: 153 Check: 330
AAGTGGGTTG GCTTGCCAAG CTCGACACCA GTGCGACTGA GGCCAGGGCC CTCGSCCTTC 60
ACCTTACTTG CTTTCATGAGA GGGCTCCACC TTGACTCGGA TGGGGCTGCT GGGCCTGCT120
TGGTCAAGAA AGAGGACCAT AATGTTGTA 153

Name: 218 Len: 446 Check: 9BD
TAGATGGCTA CTTCCGGCTC ACAGCAGATG CCCATCATTA CCTCTGCACC GACGTGGCCC 60
CCCCGTTGAT GGTCCACAAC ATACAGAATG GCTGTCTATG TCCAATCTGT ACAGAATACG120
CCATCAATAA ATTGCGGCAA GAAGGAAGCG AGGAGGGGAT GTACGTGCTG AGGTGGAGCT180
GCACCGACTT TGACAACATC CTCATGACCG TCACCTGCTT TGAGAAGTCT GAGCAGTGT240
AGGCTGCCCC GAAGCAGTTC AAGAAGTTTC AGATCGAGGT GCAGAAGGGC CAGTACAGTC300
TGACGCTTTC GGACCGCAGC TTCCCGAGCT TGGGAGACCT CATGAGCCAC CTCAAGAAGC360
AGATCTGTGC CACGGATAAC ATCAGCTTCA TGCTAAAACG CTGCTGCCAG CCAAGCCCC420
GAGAAATCTC CAACCTGCTG GTGGCT 446

Name: 219 Len: 581 Check: A7F
ACGGATAGCG GATCTGCGAC AGGGGCTGCT GGACATCAGC AACCATTTCA TCCCTCTGC 60
TGGGCACTTT GGCTGGTAGA CTATTTTCCA TCCGAGTCTC CTCTTCAGCT TTTCCGTTT120
GCTCAGTTTT TGGTTCATCT TTCTCTCAA ACTGTGATGC TTCTTGAGAC TGATGTTCT180
AAGGAGTACC TGGTCTAGCA GATGATGATG AAGTCTGGGG AGTTTCCTCA CTAGCTTCAA240
CTCCTACTCT ATCTGTTTTT TCTCTTCTT TCTTATTTGT CTTATCGGGT TCTTTGGCT300
CTTCATTATG GCTACCCCTCA GAGTCAGAGC ACTCCTCCCC TTCTGACTTT TTTTAGAGAA AGGAATGCTC420
CCATCTCTCT CTCTTCTGGA ATAGGCTCTT TGTGTACTTT TAAGCACCAT TCGGGCAAGC480
CAGATGAGTC AAATGTACCC ATTTCTTCTT CAGCATCTCT TAAGCACCAT TCGGGCAAGC480
TATCCTCTGT ATCATCTATG CTTCCACTGC CAGAGCGAAC CCGATAAGAC AAATAAGAAA540
GAAGGAGAGA AAACAGATCC GCTAGCAGAT CCGCTATCCG T 581

Name: 220 Len: 450 Check: C1B
CCAGAATTTT ACATTACACT TGTCTGTCTT ATAATTGATA TTTTAGGATG TTTGGGTGTT 60
TGTTAGAGGC AGAATTGGAT AGATACAGCC CTACAAATGT ATATGCCCTC CCCTGAAAAA120
AATTGGATGA AAATCTGCAC AGCAAAGTGA AACACACAGA TAATAGGAAC AAAATGTAGT180
TCCCATGTGC CAACAAAAAT AAATGAAATC TCTGCATGTT TGCAGCATAT CTGCCTTTTG240
GGAATTAAT CAAGGTATAA TCTTTGGCTA GTGTTATGTG CCTGTATTTT TTTAAATGG300
TACACAGAAA AAGGACTGGC AGTCTACTTC TACCATAATT AAACCTCACC CTCTTTAATT360
TCACACATA TTCTTTGGAA GCAGGAAGAA ATGCTCATAA AGAGGATCAG ACCTTCTTTT420
CCGTGAAACC AGTATTTGGC GCCATATATA 450

Name: 221 Len: 372 Check: B74
TTTGAACATA ATAGCACGAT GTTGGAAATC GACTTGGGGA CCATGGTGAT AAACAGTGAG 60
GATGAGGAAG AAGAAGATGG AACTATGAAA AGAAATGCAA CCTCACCACA AGTACAAAGA120
CCATCTTTCA TGGACTACTT TGATAAGCAA GACTTCAAGA ATAAGAGTCA GGAAGACTGT180
AATCAGAAAC TGCATGAACC CTTCCTATG TCCAAAAACG TTTTCTCTGG AITAACTGG240
AAAGTTCTCT CAAGATGGGA GACTTTTTGA CTTTTTTTTG AAAAATCTTA AATTTAGG300
AGGAATTTAG CAGGTTGCGG GTTAAAAAAG GCACTTGGGA CCCCCATGGT TGGGGAAAG360
GGGTTTAGG GA 372

Name: 221 Len: 418 Check: 77C
TTTTTTTTTT TTTTATGATG CACTCCAAAGT GCCATATGTC TATTTTATTC TTCAGGAAAT 60
TATATTTTTT TTTTACAAGA GCACAAACAGG AACCAAAGTA AAAGAGTAAT AGATACAGCA120
CTCAGGATAA ATCATATCTT TAAATAATA ATAAAAAAT TTACACCTTG TCCTATATCC180
TGTTAGTATT TTATAATAT GGCTATGATT GAAAAAACA AAAGCAAGCA TCTACAATTT240
TTTTTGATAA AGACTTTTTT TGCCAGGAAT GGATTAATTA CCAACAAAAT TTATACTAAT300
CAGGCTGATG TCAATCTATT TTTGTAATGT ATCATTAACA AATTTATTTT GGAAGAGATA360
AAAAATATTG CCCTTGATAA TAAATCTTTT TTTCTTTTGA TGCAACACAG TAGAACACCT420

TTTTTTTTTT CTCTTTGATA TTCTAAGA
Name: 212 Len: 373 Check: A96
GTTCGACATG CCGTGGGCGA TGACTGTGTA TGCTCTGGTG GTGGTGTCTT ACTTCCTCAT 60
CACCGGAGGA ATAATTTATG ATGTTATTGT TGAACCTCCA AGTGTGGGT CTATGACTGA120
TGAACATGGG CATCAGAGGC CAGTAGCTTT CTGGCCTAC AGAGTAAATG GACAATATAT180
TATGGAAGGA CTTCATCCA GCTTCTATT TACAATGGGA GGATTAGGT TCATAATCCT240
GGACCGATG AATGCACCAA ATATCCAAA ACTCAATAGA TTCTTCTTC TGTTCATTGG300
AATCTTTT STCTATTGA GTTTTTTAT GGCTAGAGTA TTCTATGAGAA TGAACCTGG360
GGGCTATCTG ATG 372

Name: 223 Len: 386 Check: 824
GGCACGAGGC TTCAAGCTAC TGCGGAAATG CATCCTGCAG ATGACCCGGC CTGTGGTGGG 60
GGGCTCCCTG GGCAGCCCTC CATTTCAGAA ACCTAATATT GAGCAGGGTG TGTGAACTT120
TGTGAGTAC AAGTTTAGTC ACCTGCTCC CCGGGAGCGG CAGACGATGT TCGAGCTCTC180
AAAGATGTTT TTGCTCTGCC TTAACACTG GAAGCTTGAG ACACCTGCC AGTTTCGGCA240
GAGGTCTCAG GCTGAGGAG TGGCTACCTA CAAGGTCAAT TACACCAGAT GGTCTCTTTA300
CTGCCACGTG CCGCAGAGCT GTGATAGCCT CCCCCGCTAC GAAACCACTC ATGTCTTTGG360
GCGAAGCCTT CTCCGGTCCA TTTTCA 386

Name: 224 Len: 593 Check: 136B
GGCACGAGGA TTGCACACCT AAACCTTGA GATCATCAGC TGCCTTTCAA ACATTTAATT 60
GGCCAGGTTA TGATTGACAA AAATCCAGGA ATCACCCTAG CAGTAAATAA AATAAATAAT120
ATTGACAATA TGTACCGAAA TTTCCAAATG GAAGTGCTAT CTGSAGAGCA GACATGATG180
ACAAAGGTTT GAGAAAACAA CTACACCTAT GAATTTGATT TTTCAAAAGT CTATTGSAAT240
CCTGCTCTGT CTACAGAACA CAGCCGTATC ACAGAACTTC TCAAACCTGG GATGTCTTA300
TTGTATGTTT TTGCTGGGGT TGGGCCCTTT GCCATTCCAG TAGCAAAGAA AACTGCACT360
GTATTGCCA ATGATCTCAA TCCTGAATCT CATAAATGGC TGTGTACAA CTGTAAATTA420
AATAAGTGG ACCAAAAGGT GAAAGTCTTC AACTTGGATG GGAAAGACTT CTTCCAAAGA480
CTAGTCAAAG AAGAGTTAAT GCAGCTGCTG GGTCTGTCAA AAGAAAGAAA ACCCTCTGTG540
CACGTTGTCA TGAACCTGCC AGCAAAAGCT ATAGAGTTTC TTAGTGCTTT CAA 593

Name: 225 Len: 477 Check: 26B9
GTAAGTTTAC CGCGCCCGCT CCGGCCGGCC CTGCGCCTCC CGCCGCGCCC GGGATGTATT 60
CGTCCCGGCT CTGCTCACC CAGGATGAGT TCCACCCGTT CATCGAGGCC CTGCTGCTC120
ACGTCCGCGC CTTCGCTAC ACCTGGTTCA ACCTGCAGGC GCGGAAGCGC AGTACTTCA180
AGAAGCACGA GAACGGATG TCGAAGGACG AGGAGCGTGC GGTCAAGGAC GAGCTGTGG240
GCGAGAAGCC CGAGGTCAAG CAGAAGTGGG CGTCGCGGCT GCTGCGCAAG CTGCGCAAG300
ACATCCGGCC CGAATGCCGC GAGGACTTCC TGCTGAGCAT CACCGGCAAG AAGGCGCCGG360
GCTGCGTGCT CTCCAACCCC GACCAGAAGG GCAAGATGCG GCGCATCGAC TGTCTCCGGC420
AGGCGGACAA GGTGTGGCGG CTGGACCTGG TCATGGTCAT CCTGTTCAAG GGCATCC 477

Name: 226 Len: 299 Check: DE7
GCCAAAGCTC AATACCCCAT TGCTGATTG GTAAAGATGC TCACTGAGCA AGGCAAAAAA 60
GTGAGGTTTG GAATTCACCC AGTTGCAGGC CGAATGCCTG GNCAGCTTAA TGTGCTGCTG120
GCTGAGGCTG GTGTGCGATA TGACATTGTG TTGGAAATGG ATGAGATCAA CCAATGATTT180
CCAGATACTG ATTTGGTCTT TGTAATTGGA GCTAATGACA CTGTTAATTC AGCAGCTCAA240
GAAGATGCGA ACTCTATTAT TGCAGGCATG CCAGTCTTG AGGTCTGGAA ATCAAAGCA 299

Name: 227 Len: 390 Check: 2565
GAGTGAAGGA GTTAAACTT TTCTTCTTAG TGTACAACTC ATTTTGCGCC AATTTTCA 60
AGTGTCTGTC TTTCTCTGAA TGAGAAGTGA GAAGGTTTTT ATACTCTGGG ATGCAACCGA120
CATGTTCAAA TGTCTGAAAT CCCACAATGT TAGACCAATC TTAAGTTTCC TAAGTTATTT180
CTTTTAAGAT ATATATTAAA CAGAAATCTA AGTAGAACTG CATTGACTAA CCACTCCCTC240
TGGATGCTGG TGAACCTGAA GCATGCTTTA ACCTCTAAGA CTGTCTAACA CCGCTTTTCAT300
TCATGTCTC CACAGACTGG GTAGCAAAA AATCACCTTT TAGTTTTAGT TTTTAATCTA360
AAGATGTTAG ACAGATGCTG AGTGTGCTT 390

Name: 228 Len: 423 Check: 1661
TTCTCTCTGTC GGTGTGGGCC AAGTGGGAT AAAGAGAAGA GCAACATCTC TAATGACCA 60
CTCATCTCTC TGTCTCTAT CTACTTGGAG CACACAGAGA GCAATCTGAA GGCATAGAG120
GAGATTCTG GTGTCTGTG CCGAGAACTG ATCAACTCTC CTAAGATGTC ATCTTCTCTC180
ACATCTCTA CACTTACCCAG GCATACCTTT GTTGTCTTCT TCGTGTGAT GATGGCT3AA240
CTAGAAAGA TGGTAAAAA ATTGAGCTG GCACAGCAGC AGACTCGCAG CAGATTTTCA300
GAAGAAAAAC TCTCTACTG GGAACATGG CTGTTCGAGA CTTCAGTATC CTCAATCAAC360
TTGGATTAAA GGTATTTTGA TAGTTCATCT GTTCTCTGGC ATSTATGTTT GGAAGGGAAG420
GAT 423

Name: 229 Len: 417 Check: 1300
TAGAAAAAGAA AAGAAAACTT GAAACTAATC CTGATATTAA GCCATCAAAT GTGGAACCTA 60
TGGAAAAAGGA GTTTGGGCTT TGCAAACTG AGAACAAAGC CAAGTCCGGC AACAGAAAT120

CRAAGAAAGTT GTACTGSCAA GAACTTAAAA AGGTGATTGA AGCCTCCGAT BTGTCTCTAGT
AGGTSTTGGG TGCCAGAGAT CCTCTTGGTT GCAGATSTCC TCAGGTAGAA GAGGCCATTG240
TCCAGAGTGG ACAGAAAAAG CTGGTACTTA TATTAAATAA ATCAGATCTG GGTATCCAAAG300
GAGGATTTTG GAGAGCTGGG NTAAATTATT TTGAAGSAAA GAITTGCCCA ACASTGGGTG360
TTTCAGAGGT TCAATCAAAA CCCAAAGSST TAAAGGGGNN GGTTTACCCA GGGTTTT 117
Name: 23 Len: 476 Check: 213A

CCTACTGTTT CCGATATGGT ATCGACATCC CGTATCTTAG TTGCAGTAGT GAAGATGTGC 60
TATGAGGTTA AAGAAATGSCA TTTACTTAAT GAAAATATTA TGCTTTTCTC CAAAAGGCG120
AGTCACTTAA AACAGAGTGT TGGCAAAATG GTTCAACAST GCTGTACTTA TTTGAGSAA180
ATCAGAGTCC TTCTATGAA ACTTCTATTA ATTSATACTC TACGAATGCT TACCGAAGCA240
AGAATTTATGT TGAATTTGAG CGTGGGCGAC TCACTAAAAAC ATTAGCAACT ATAAAAGAAC300
AAAATGGTGA TGTGAAGAGG GCAGCCTCCA TTTTACAGGA GTTACAGGTG GAAACCTAC360
GGTCAATGGA AAAGAAAGAG CGAGTGGAT TTATTTTSSA GCAAATGAGG CTCTGCCTAG420
CTGTGAAGGA TTACATTGGA ACACAAATCA TCAGCAAGAA AATTAACACC CAAATT 476

Name: 230 Len: 441 Check: 1340
CAGTTTCATG TATTTGAATC GACAAGACAC CTCCTCGAT TCTCCATGTA TCGCTGACC 60
AGCCTGGAGC CTGCCAGTGA GCAATCAGT TATGTTAACT TTACCATGTC AGAACGGGCA120
CAGAGGTTTG TTGTATGGGT CCGTCAAAAC TTTCTGTTAC CAGAAGACAC TTACATTGCA180
AATGCTCCAT TTCAAGTGTG TTTACATCT TTACGGAATG GCGGCCANCT GTATATAAAAL240
ATAAACTTA GTGGAGAGAT CACTATAAAT ACTGATGATA TTGATTTGSC TGGTGATATC300
ATCCAGTCAA TGGCATCAT TTTTGTATT GAAGACCTTC AAGTAGAAGC GATTTTCTC360
GTCTATTTTG AGGGAATTAC GGAAAGGTGC TAGTTAAGGT GGATGAATAT CTTTTCAGTG420
CATTCAGAAG CTCCAGTGCT T 441

Name: 231 Len: 333 Check: 8BC
GGTGTCCAG GAAGTCAGCC ATTACTCCC AGTGGAATGG ATCCAACCTG ACAACAAGGA 60
CATCTAAATA TGGGTGGGCC AATGCAGA3A ATGACTCTTC CAAGAGGAAT GTTGCCTTA120
GGACCCAGCA ACTATGGAGG TGCAATGAGA CCCCCACTGA ATGCTTTAGG TGGCCTGGG180
AATGCTGGG AATGAACATG GGTCCAGGTG GTGGTAGACC TTGGCCAAAC CCAACAAATG240
CCAATTTCAA TTACCATACT CTCTCAGCAT CTCCTGGGGA ATTTATTGTT AGSTCTCCA300
GGGAGGTT3A NGGGCCACCA GGGNACACCC TTC 333

Name: 232 Len: 402 Check: 1753
CCCTTTACAC AGACTCACTT GTCACCTACT GCCATAGAGT ACAGCCACAG TCACGACAGG 60
TACCTACAG GTGAAACCTT TGTCCTGGGG AATAGTCTGG CCCGCTCCTT GSAACCACAC120
TCAGACTCAA TGGACTCTGC CTCAAATCCC ACCAACCTTG TCAGCACCTC CCAAAGGCAC180
CGGCCCTTGC TTTCTCCTG TGGCCTCCCA CCAAGCACTG CCTCAGCTGT GCGCAGGCTA240
TGCTCCAGSS GGTGGGACCG ATACCTGGGA GAGCCGCGAT GCCTCTTCA CTGAGTGGCC300
GGGACCCCTT CTTTCATGGG ACAGTTCGAG GATGTTGATT GCAGTTTTGT TCCGGGGAAG360
GTTGATTCTT CAGSTTTGGG ACCCCAAGGT TSAACCTGTT TT 402

Name: 233 Len: 492 Check: 1260
TGGGATCATA AGGAGCCCTT AAATACTTGT TATTGACTGG GGTATTTTT ATGCTGTAGC 60
AAATGTGACA GGCTCTTTTT AGCAAAATTT TTGAAAATTT TTTTGGTATT ACTCTGAAAC120
AAAATTTAAG TTGGAGTTTT A3GGATTTAG G3AGTAGTTT TCATTCTACA TGAAGTGAAG3180
TAATATTATG TGAATCCAA TATTTGTTA AAAAAACTAT ACAAATCAGA ATAGTACTAA240
AATACTGTAG GAATTTTAGG CATTTTTATT TTGCACTTTG TGTGGGATTG AGSGTGTTC300
GGAAATACCC AACCCATTAA AAATGTAATC TAGTTGGGCC AAAGGGGTG CCGCTTAAA360
CACTGGAAAC CGAAGTGGG NTSGNTTGG GGNTAACTTT TTGAGGGGTT TTTTGTCAA420
NAGGCTNTT GGAGGAGTTA CCATTTTTCT TTAAGGTTG GGTGGGTCTC CTCTCCAGA480
BTCTTGGSS AC 492

Name: 234 Len: 321 Check: 7
CGTGGCACTT CACCAAGTCT ACCAATACAG GCAGAAAGTAC TATGACGAGA TCATCAATGC 60
CTTGGAGGAG GATCCTGGCG CACAGAAAGT GCAGGTGGCC TTCCGCTGTC AGCAGATTG120
CGTGGCACTT GAGAAAGAG TCACTGACTT CTGACCTACA ATCTGAGTGT CTGCTTGGG180
ACATAGGTAC CTGAGGTACC TGAGAGCCCC TCAGGGANGG NGGCGGAGTG GCTGTGGGT240
AGGCTGCCAG CTTCCCTTGG GAACGGGCC CAAAGCCGGAN TGGGTGACAG CCGAACCCTG300
CCAAGTTTTT AGACTGTAGG A 321

Name: 235 Len: 359 Check: 1B4B
GCTTGTATG AAGCAGGTG TGAATGGAGA ATSTTGAATG AATGTGTGGC TCAGTGATGG 60
AGAGCAGGT TCATCTTGA AATCTAGGSC TCTTCACTCA TGAAGCAGAG TCTAGTCTT120
GGAGTCACTG TGTACGAGAG GTGGGTGTG TGCTGTATG TGAACGATG CAAGCTTGAT180
TCACCTTCAG GGGCTGATA ACCTAGTAAA TCATCAAAAT GAGATCATAA GTGTAATGT240
ACACTGGACA TGAAAAAATA GACTGTTTTA GAGCAGACA TTGGTTTACT CTGACGCT300
TGTCTCTGT TTCCCTTTT CCACTCTCT TCCCCCAC CAATCTTTT TTTTTTTT 359
Name: 236 Len: 306 Check: 309

GTGATGATGG GTAGGCTGGT GTACCTSCGG CTGGGCTTGG AGAAGTCADD CTACTCCCA 60
CTG CTGGACA GCAGCTAGTG GGCAGAGATC TGTGAGACCT TTACCTGGGA CGCTGTTC120
CTGCTGAGGG TTTCTGTGGA GTCCCCCTTT AGCTCACTT TTCCCTCTGG CTGTGTGGG180
CTGCTGTCTT CTATGAACAT CAAGGCTGTG ATTGAGCAGC GGCAGTNCAC TGGGCTGTGG240
AATCANAAGG AGGANTTACC GATTGAGATT NAACTAGGCA TGAAGTNCCTG GTACCACTCC300
GTNTTC 306

Name: 237 Len: 395 Check: 23DC
GTGAAAATAT TACAGTAGAA TCTGAGTGTA ATATGTGTAA CCAAAATGAG AAGGATACA 60
AGAAAATTTT CTGAGGCTAG TTATCTCTCA TAATTTTSTA GAATCTTACA GATCTTTGA120
TAACTTTCTC AGTGAAAATG TTGGCTAGGC AAGTTCACTT AAAATATAGT A3AAATGTTT180
ATCTGTGTAT CTCTAGTAT ACATTTAATT GTACAGAAAA TTTACAGTGT AACATTGTTC240
AATCTTTTCA GATTGACTGT ATATGACCTT AATCTTTTGT GCAGCCTTGA GATCAGTGT300
AGTTAATGCT NGGGGAAAAGT GCTTTTTTAC CTAGGACTTC CNTTCTCAGT TTCTCCCTT360
AAAGAGACCT CTAANTATGG CCNTTTTGGN TTTGT 395

Name: 238 Len: 440 Check: 1545
GACAATCCAT TAATCCAGC TGCGTGCATA GATCACATTT TTAAATGTGA AAAATGCAAG 60
CAAAAACAGG TGTAACAAAG AAAGTGTGCT CAAGGACCAA AGATTTAACA GATAAAAATA120
CCCAATTAGA AGAGATATAG TAGACTATAT GAAGAGAGAT TATATTTTGT ACACACCAAT180
ATACATCAAA GTGCTGTGTG CTTTCTGAAA ATTTGAAGTG GCAAAATTAT TTTATGTTT240
AATGATTATT TTATTTTATC AGGGACTGCC TCAAGAAGAA AATAACATAA GCTTGTGGA300
TGGGTGGGAG AAAATGCCCT ATTTTTTCTT GGCAATACT TGTATTAAAG TTAACNTTGT360
TGGATCTTGA TATTATCCTA GGTACNGTG TATGTGTGTA TTAATTATAN GGTGTGTGTG420
TANATTATAC CTTTTATATA 440

Name: 239 Len: 507 Check: 26EE
NGGCTCTAT CAGTGCACCT GCCCTGATGG TTACCGCAAG ATCGGGCCCG AGTGTGTGGA 60
CATAGACGAG TGCGGCTACC GCTACTGCCA GCACCGCTGC GTGAACCTTC CTGGCTCCTT120
CGGCTGCGAG TGCGAGCCGG GCTTCCAGCT GGCGCCTAAC AACCGCTCCT GTGTTGATGT180
GAAGAGTGT GACATGGGGG CCCCATGCGA GCAGCGCTGC TTCAACTCCT ATGGGACCTT240
CCTGTGTGCG TGCCACCAGG GCTATGAGCT GCATCGGGAT GGCTTCTCCT GCAGTGATAT300
TGATGAGTGT AGCTACTCCA GCTACCTCTG TTCAGTACCG CTGCGTCAAC GAGCCAGGGC360
CGTTTNTTCC TGCCACTGCG CCACAGGGTT TACCAGCTGN TGGGGCAAAA GGNTTTTGCC420
AAGAACATTT GATTGAGTGT TGAGTTTGGT TGCGNAACAG TGCTTCCGAG GGNCCAAANT480
TTGTTAAATT TCCATGGGGG TTAACGT 507

Name: 24 Len: 278 Check: DEF
AATTCGGGCC GAGGGTCCCT GGTGCAGATC CACGAAAAAA ACGGCTGGTA CACACCCCCA 60
AAAGAAGACG GCTAACCCCTG GAGTATCACC CTTCTCCCTT CCCCAGGCAC CACTGGACCA120
ATTACCTTTG AATGCTGTAT TTGGATCTCA CGCTGCCTCT GTGGTTCCCT CCTCATTTT180
TCTTGGAGCT GATAGCTCTG CCTATTGCAG GACAATGATG GCTATTCTAA ACGCTAAGGA240
AAAAAAACAA ACACAGGACT GTTTNAAAGT ACTCAAGA 278

Name: 240 Len: 369 Check: 1CF5
GAGACAGATG GGGCACCAGG AGCTGTTGCT CTGGTTGCCT TCCTGCAGGC CTTNGAGAAG 60
GAGGTGGGCA TAATGTTTGA CCAGAGAGCC TGAAGCTTGC ACCAGAAGAT TGTTGAAGAT120
GCTGTGAGGC AAGGTGTTCT GAAGACGCGA ATCCCGATAT TAACTTADCA AGGTGGATCA180
GTGGAGGCTG CTCAGGCATT CCTGTGCAAA AATGGGGACC CGCAGACACC TAGATTTGAC240
CACTTGTGCG CATAGAGCG TGCCGGAAGA GCTGTGATG GCAATTACTA CAATNGCAAG300
GAAGATGGAA CATNCAAGCA CTTNGGTTGA NCCCATTTNA ACGATCTNTT TCTTTNGCTT360
GCGAGGANG 369

Name: 241 Len: 248 Check: 1F04
AATCTAATTC AATTGTCAA AGCTACAAAA GGGGGGAAGA CATGTGTATT ANTTTTGTA 60
AGTCAACATA TCTTAAACA AAATACTACT ACTGTGAGCA GATCCATTAT ACACATTTCT120
GATGAATTC ATTAGAACA TAAAAATTTT ATCTTGAGAA ATAGCCACAA TBAAGTAAT180
TTACATAATA TAAACAATG ACAGNTCTAC AGATSCAGTT GCTCATGAGT TTACACATG240
ATACATAA 243

Name: 242 Len: 288 Check: D09
GTTTCAAAA TTAATGTAC ATGATCAGTT TGGTGTCTT GTACACAGT TTTTAACTGA 60
AGGAACCAAT TGTAACTGTC TCAATTTTAA CTAAACTTGA AAGAACTAAA ACAACAATGC120
AACTTTTCA GATTTGTTT GCGAACTTG TTAAGACTGT AATGCAAGAA CCAATGCAC180
TGTGATGTG CACAACTAA TTAGCAAGCA TGAHTTTTTC ACTCAAGAGT GAAAAAGGGA240
AAATTTACTA TGGTTGAAG TTAAAGGCA GAMCTCCTGA CTACCAT 288

Name: 243 Len: 423 Check: 1FE0
AAAGASTTAA GGAAGGCAGG TTGTNCTTCT ATTCAGGACA CTCTTGTGTT TNCATGTACT 60
GCATGCTGTT TGTGCACTT TATCTTCAAG CCAGGATGAA GGGAGACTGG GCAAGACTTT120
TACGNCAC ACTSCAATTT GGTCTTGTG CCGTATCCAT TTATGTGGG CTTTCTCGAG180

TCTCTATTTA TAAACACCCAC TGGAGGCGATB TGTTCAGTSG ACTCATTCCAG GAGGCTCTGGG240
TTGGCATAATT AATTGCTGTGA TATGTATCGG ATTTCTTTCAA AGAAAGAAAT TCTTTTAAAG360
ANAGAAAAGA GAGGAGCTCT CATACAACTC TGGCATBAAA ACAACAAACNA CTGGGGAATC360
ACTTTCGCGA GCTAATCACC AGCCTTGAAA GGCAGCAGG GTGCHNAGGT GAAGCTGGC3420
TBT 423

Name: 244 Len: 460 Check: 1420
CCACACAGTAT CTCCTGCATC AAACGCGCTCT CTGGGCTCTT CAAGTCTCTT GATATCATG 60
CCTTACACCTT GCATGCTGT ATGCACACAA AGTAGAGCTT CAGAAACCTG GAGTATTTT3120
CCCCTTTTBA AGACTGTGTT CTCTTGGCAA CAGATCTTGG AGCTGGGCTT CTGATATT3120
CTAAAGTCCA GCATGTGATC CATTACAGG TCTACGTAC CTGAGAGATT TATGTCCAC240
GAACTGTGCG AACTGTCTGA GCTAGCAATG AAGGCTCAG TCTGATGCTT ATTGGGCTT3300
AGCATCTGAT CAACCTTAAAG AAGATTTACA AAACGCTCAA GAAAGATGAG GATATCCAC360
TGTTCCTCTT GCAGACAAAA TACATGGGAT GTGCTTCAAG GAGGCAATCT GTTTTAGTCT420
GACAGATTTG AGGAATCTGA GTATTGGGAA CTTCCTN3GT 460

Name: 245 Len: 2533 Check: B49
CCAAAGCCCAT GAGGGCGCG CGCCCGGCG CCGGTGTGTA CGAGACGGAG CTCTGGCCCC 60
CCGAGGAGGA GCAGAGGATC AATGCGGTTT AAGAATCGAT TCCAGGCTT CATGAACCAT 120
CCAGCTTCAG CCAATGGCCG CTACAAGCCA ACTTGTATG AACATGCTGT TAACTTTTAC 180
ACACAGCAT TCTCATTTGT TCCGGCCATC GTGGGCGAGT CCGTCTCTCA TCGGCTGTCT 240
GATGACTGCT GGGAAAAGAT AACAGCATGG ATTTATGGAA TGGGACTCTG TGCCTCTTTC 300
ATGCTTTCTA CAGTATTTC AATTGTATCA TGGAAAAAGA GCGACTTAAG GACAGCGGAG 360
CACTGTCTTT ACATGTGTGA TAGAATGGTT ATCTATTGCT TCATTGCTGC TTCTTATGCT 420
CCATGCTTAA ATCTTCGTGA ACTTGGACCC CTGGCATCTC ATATGCGTTG GTTTATCTGG 480
CTCATGGCAG CTGGAGGAAC CATTATGTGA TTTCTCTACC ATGAAAAATA TAAGTGTGTT 540
GAACTCTTTT TCTATCTCAC AATGGGATTC TCTCCAGCTT TGGTGGTGAC ATCAATGAAC 600
AACAACGATG GACTTCAGGA ACTTGCTGT GGGGCTTAA TTTATGCTT GGGAGTTGTG 660
TTCTTCAAGA TGATGGCAT CATTGCATTT GCGCAACCCA TCTGGCAGCT GTTTCTGGCC 720
ACGGCAGCTG CAGTGCATTA CTACGCCATT TGGAAATACC TTTACCGAAG TCTACCGGAC 780
TTTATGGGGC ATTTATGACC AATCTGTACT AATTCTCCAA ACCAGTATTA TTTCAATTAT 840
GGCAGTTGGG AGTGGGGTGA GAGCTAAACA TTGCACAGGG CAAAGAAAAA AAATAACTGC 900
ACTGACTTTA TATCTTTTGA ATATAATTAC TGTGAAAGTA TAAAGGCTGT GTTCTGSAAT 960
TTTCTGCTTC ACAGCAAATA AATAAGGTAG TGAATTAATT ATTCATTCCA TTCCACTATC1020
ATGAAGGACT CTGAATAGAC TTGGCCAACAT GATGTTTACA AACCAGACTT TTATATTTA1080
ATTTTACAGA TTTTACTACA TGATTTTCT AAATTACTAT GTGAGTTGT AAAAGTCAGT1140
GCAATAACAA ACCTTCCTTT TTAAGAAGAA CTTACACTAC TTTTACCAT GTTTCATCTT GGCATAACAT1200
GTAAAGAATC ATGGACAGAA CTTTACTTAT TTGTAAATTT TTAATAAAT ATTTTATTGA1260
GTTCTTTTTT TAAATAGAAA CTTTAGTTTT TTGTAAATTT GGAGCAAGCA GTCAACATTC1320
TATGCACTCT TGCAGGTCCT CATTCACTGT GTAAATTTT GGAGCAAGCA GTCAACATTC1380
CACAACCGAA CAAACATTAT ACCTCTTCTG ATAGTTTTAT TAAGCATGGA GAAATGGCA1440
ATTTTAAAAA ACTGCAGTTT TCCAAACTTT TCTGCAACCC TCTTACTCTG AATTGAGTGC1500
TGCTTTGGGA CATATACTTG ACCTAGCTTG GTTTACCAGT GATGGAAAAA TATTTTGATA1560
TCATTAACCT TTCAAAAAGA TCCAACTTTT TCTCTATGCT TTGCAACAT TCTTTTCAGG1620
GTCTCTTTCC ACAGCGGATA AATGTTTTTT CTGTATTATG ACAGTATTGT TGTGATGGCC1680
ATCTGCTGGA AACTCCTGAA GAGCATTATG TATTACAGTG AGCAGTTGTA TTGCTGTTT1740
GGTGGCCAAAT GGTAAAGTCA TTGTCACTTA GCTTTATATT GTCACTTTGA TATTTATTTT1800
AAATTTGGA ACTAGATGCA TAAATTCACA TTTCTGCTT TCTTTGCAAT CTCTCATAT1860
AATGTGTTTT TTTTTTTTTT CCTAGAAAAA ATATTTAAAG CATTGTTTGA CAGGTAGAAA1920
CTCATGTATC TGTAGTCCAT GAGTTATATC CTGGCTCAGT GGAGTGATAT TTATGATTA1980
TTTTTACTTT TCTCTCAGTG TCTTATATTA AGATTAACAT GTTGTAAATA GTTCTTTTGT2040
TGATTAATCT CTCTGTGTTG TGTTTAATA AATTAATAG GCTTGGCTTT AGATGGGTT2100
CTGATATTGC CTGTTTCTTA GTAATGGGCT GATCAATGA TCAGTGGGAT TCTGGTTT2160
ATGATAACCT TATTAATTGA AATTTTTTAC TGAATGGCT TTAAGAGAGG TTTATTTTGT2220
ATATTTTAC AACTCTCTGA TTTTGAAGAA TATATGCGA GTGAGAAACA GAAAGAGTGG2280
TATTTCTGCG GAGTTTAAAT AGGCAAGGTA CCGATGATA ACACCAACCA AACACTCTCT2340
ATCTGATGA TTCTGAACAT CTGGATGCTT GTTCTTTTAC TGTGTATATT TTATTTTAA2400
TATATTAAC TTTGTGATTG ATTTAAGGTC TACTTAAAG TAACACTGTC CAAACCACTA2460
ATATGTATGT AAAAATTGTG CTGTATACTA CATAAAGGT GTTACTTGA TTTTTCACAA2520
AAAAAATAAAA AAA 2533

Name: 246 Len: 6072 Check: 1F2E
GCTGCTCGGC GGGGAGGCCC CCGCGCTTTA AAATAATGCT CCGGGGCCCC GCGGACCAT 40
GCAATGCGGA GCGCTGCTCC TGGGCTGCTT GCTCTCTCGG GTTGGCTCTC ATGGAGTATT 120
GTGGCTCTGC TTGGGCTTGG GGGCCAGCAT GGGTTTCTAC CAGGCTTTTC CGETCAGCTT 180
CGGCTTCCAG CGTCTGAGGA GCGCCGACGG CCGGCGCTG CCGACCTCGG GCGGCTGCG 240

[illegible]

AGGTGAGTTC TTGCTGCTTG TATTTTCTCT TGGGGCTCCG CTGCTCTCCG TCTCTGGCTT4080
 CTCTTCTGCGG AGTGTGTGGT AAGCACTCCA GTGTTCTCTT AATGAGGCAC TTGCTGTCT4140
 ACTGAGGCAA GCGTGGGTGT TCGTTCTCCG TCATCTCTCT GGAATAGGGA ATAGGATCT4200
 CATCTTTGCA AACTACACAA TGCTGCAAGT GCTTCCGAGG GCGCACAGGC TGTAGGAAA4260
 CGTGTTTTAT GTTAAGTCAC AAACCCACTT GACTTCTGGG TACTGGAATT AATACCAATG4320
 GGTGAGACTG AGGGTGAGTG AGTTAGTACA TATTAATCCT GGTGTGTGAG CTTCAGACT4380
 ACCTGCTCCA AATTTTGATG CTATGTAGTC AGTGGTTTGT GGGCTGTGAT GCGAGAGGT4440
 TCTTTGAGCG AGTTTCAAAG GTTACTTGTT TTTTTTTTTT TTTTTFAG TCAGAAATG4500
 AATAGCTCTG ATATATCTCT CAGGGCTTTT GCAGTTTCTT CTGTTCTGTG TCTGAAATC4560
 CTGGGTAGAG AATGGCTGAG GAGGAGAITA CCAGAGAAGT TGCTTTGCTC AGTGCTTTGC4620
 CCGAGGATTG CCTCAAATCT GAGTGGACTT CATCCTTTGC GGGGCTCTCT AGCTGGCC4680
 ATCTTCTAT TCCACGCTGT AGCTAGTGTG TAGTGTGAGC TTTGCTCAAT GTGGTGGAA4740
 CATTTTGCA GAACTGTTGTA GAAAGCTGCC TTATAGTTGG CTTGAGAAAG CATAATTCT4800
 TCATAACAAA CTTTCAAATC ATTACAGTAG CTTAGCTACT TTAGTTGATG TGACCGAGGA4860
 ATCCTTCTA GAATCATAGG TGGCAAGGGA GGGTTTGCTA GCTCTCCATT TGCAGTGGCC4920
 ATTGTGAAAA ACCAGCTTCT GTATTCAAAT CTTTCCTTCA TTTTTTAA TTTTCTTT4980
 GGCAGCGCTT GTGCTGGAAC TTACTCATTG TAACTGAATC CTCAGGGCTT TTCTGTGTT5040
 AGATCATGGA CTGTGCAAGT GACACTTAAA TAATTTTCTA TGTATTTAAA GAAAAATGCA5100
 CCGAGGATGT GTCTGTGCAC GTGACTATTA GAGGAGCGTC TGTAGAAGTA CCTGGTTTGG5160
 TCASTGCAST TGTGCAATCT GAGGGCCTTG TTTCTCTCTC CCCTTTCCCG TTCTCCCCAC5220
 CAAAGGAAAA TATCCCTCTT AATGATTTCT TAGTTCAGTT TACTGAATGA TTACCACTG5280
 TAATTCTCTT TTGGATTGTG TAGACTCAAC ATGAGACATT CCTTCTGTCT TTCTGGAGGG5340
 CACCAAGGGG CTTTCTCTTT GATAAATTTT TTTTGTCTGT TGACAAAAAC AAAAATCTT5400
 TTTCAAATGT AGTGCTGGTG AAAAGGTAGG GCTGAGTGAT TACCTTAGCC ACAGGGTGG5460
 TGAGCAGGAA CTTTAGAAGA AAATCCTGAG CTTTCTGTCT CATTCOCAGC ATCCAGCTCC5520
 TATTCTAGTG CCTCTTCCCT GCAGGGCAGG GACCCCTTGG ATGCTCCCGC TTGAATCTGG5580
 GGGTGGGGCG TGTGTCCAG GTTTCACAGG GCTCAGGGTT ATGCTCCCGC TTGAATCTGG5640
 ACGTGAATCT GGTAAAAATA TCAAGTACCT GTGGAACCTC CTGATTCTAT ACCCTCTTCC5700
 TTCTTTCTCT AAGGCAGAGG AATAATATTT TTAAGGTTA TTTTGTGTTA GTTTTAAATA5760
 GCAAAACACA AGCTGCATTT TTATTTATTT TGCATAAGAA AGGTAAATCT TTTTACAAA5820
 AAAAGTATAG AGTTGGAAAC TCTGGGAAAA CTTACGGAAA TACACAAATG CTTCTCTGTA5880
 ATGTGCAATA TGCTTTGCAA CTGTAGATGA TATTTTATGT TTAATCTGTA AATAAGAAAT5940
 GTATTTAAAT TAAAAGGGAT CTTTTGTAA AAGGACCAAA TGTCTTTTTA TAAATGTAAT6000
 AAGGAATATC TTGCTCTTTA AAATTTATTA GGATTTTTAT GAGTAATTTT TATTAAAAGA6060
 TTTCTTTTTT TG

Name: 247 Len: 5615 Check: 2627
 GAAACTGCGG GTGTGACCCC CCCGTGGTGG CTCTGGGTGT CTGCGGAGGA GCTGGGGGCG 60
 GAAGATGAGG CTAACGGCTT GGCTTCAGTG AACGCACCGG GATGTGCAAG CCGGGAGGTA 120
 GAGGCAGGCT GATGGGGGAG GGAACGAGCA GCCTGTGAGA CCGGGTGACG GCGGCTACCA 180
 GCGCGGGGCG GCACCGGGAC TGAAGAGTGT GCCTGAGCAG CCGGCTGGTC CCGCGGCCAG 240
 GCTAGGGGCG GGGCGAGCGC CCAGTTGAGC CTGCTGGGGC TGGAGSAGCG AGAAGGGTTT 300
 TCTTCACATT TCAGAGCGAA CCAGACGGGG ACAGTAAGGT AATAGACGAG AAACCGAAAG AATCAGAAAG 420
 GGAAGTAGCA AGAAGTGGAG AGAATCTGGC AATAGACGAG GAAGGTGCGT GTAAGTGAAG 480
 AATCTATATG GAGTAGCTGA AAGCATTGGG TGACCGAGAA GAAGGTGCGT AAGTGGATGT 540
 GAAAGTGAAG GTGTGGCTGG ATCAAAGGCG TAAGAGAAGC GGGTCTGTGT AAGTGGATGT 540
 GAGTGAGGAT CAAGGAAAAA CCGTGGAGT GGCCTGGGGT CCGGGCCGCA GAAGTGGCAG 600
 ACCGGGGGCG AAAGCAGCCG AGCGGAGTTC AAATTTGAGA GCGTTTGAA ATTGGAAGAC 660
 TTGGTGGGCA ACGAGGGTCA GGACCTGCAT CCTGCTCAG AGAGTTATCG ACGTATCCGG 720
 AATGTGGGAT CAGAGGCTGG TGAGGTTGGC CCTGTTGCAG CATCTGCGGG CTTCTATG 780
 TATTAAGGCT AAGGGTGTCC GTGGGCAAGT CGATCGCAG AGACATGAAA CAGCAGCCAC 840
 CGAAATAGGG GTTAAATAT TTGGAGTACC TTTTAATGCA CTGCTCCATT CTGCTGTACC 900
 AGAATATGGA TACATTCCAA GCTTTCTTGT CGATGCTTGC ACATCTTTAG AAGACATAT 960
 TCATAACGAA GGGCTTTTTC GGAAATCAGG ATCTGTGATT CCGCTAAAAG CACTAAAGAA1020
 TAAAGTGGAT CATGGTGAAG GTTGCTATC TTCTGCACCT CTTTGTGATA TTGCGGGACT1080
 TCTTAAGGAG TTTTGAAGG AACTGCCAGA GCGCATTTCTC CAGCTGATT TGCATGAAGC1140
 ACTTTTGAAG GCTCAACAGT TAGGCACAGA GGAAAAGAAT AAAGCTACAC TGTGCTCTC1200
 CTGTCTTCTG GCTGACACCA CAGTTTCATGT ATTAAGATAC TTCTTAACT TTCTCAGGAA1260
 TGTCTCTCTT AGATCCAGTG AGAATAAGAT GGACAGCAGC AATCTTGCAG TAATATTG1320
 ACCGAATCTT CTTACAGACAA GTGAAGGACA TGAAAAGATG TCTTTAACA CAGAAAAGAA1380
 GCTACGATTA CAGGCTGCAG TAGTACAGAC TCTTATCGAT TATGATCAG ATATTGGGG1440
 TGTACGATAT TTTATCTGG AAAAGATACC AGCCATGTTG GGTATTGATG GTCTGTGTG1500
 TACTGATCA CTGGAAGGCT TTGAAGAAAG TGAATATGAA ACTCTGGTG AATATAAGAG1560
 AAAGAGAAGA CAAAGTGTAG GAGATTTTGT TAGTGGAGCA CTAAATAAAT TTAACCTAA1620

TAGAACACTT TGTATTACAT CTCAGAGAAGA AAGAATTGCG CAGGTATCTB AATCAGCACT144
GATTCTTTACA CCAAAATGCTA AGCGTACATT GCCAGTAGAT TCTTCTCATG GTTTCTCAAG1741
TAAGAAAAAGG AAGTCCATCA AGCACAATTT TAACCTTTGAG CTGTGCGCAA GTAATCTCT11301
CAATAGCACT TCTACACCTGG TAPCAGTTCA CATCGATACA AGCTCAGAA GGTCACTCTCA1860
GAGTTTACTC TCTCTCTTAC TCATTGGTGG AAACCATTTT ATCACTGCAG GTGTGCGAAG1920
GCGAAGTAAA AGAATTGCAG GCAAAAAAGT TTGCAGAGT GAATCAGGAA AAGCAGGCT31980
CTTTCTCTCT AAAATCAGCC ATAAAGAAAA GGTTCGAAGA TCTCTGCGTT TGAAATTCAG1040
TCTAGGGGAAA AATGCGAGAG AASTAAATGG ATGTTCTGTT GTCAATAGAT ATGAAAGTGT1100
TGCTTGGGGA GTTCCAAATC AACAAAGTTT AAAAAATCBA ATTCAATCTT TAAAAACAG31160
TTTCTTTT AGCTCAGATG TTGATGAAAA GTTACCAAG AAAGGTTCA GAAAGATCA3220
TAAGTCTGAG GAAACCTTAC TAACTCCAGA GCGACTASTT GGAACAAAT ACCGGATCT1280
TTGACAGAGA CTAATAAT CAAGTTTTCA AGAAGTAGAT GCAATGAAG CTCTTCAAT2340
GGTGGAAAA CTTGAGGTAG AAAACTCTTT GGAGCTGAT ATTATGGTAG AAAAGTCACC2400
TCTACTTCA TGTGAACCTA CCGCTTCCAA TTTAAACAAT AAGCATAATA GCAACATAAC2460
AAGTAGCCCT CTTAGCGGGG ATGAAAATAA CATGACCAA GAGACTTTGG TGAAAGTTCAG2520
AAAAGCTTT TCTGAATCTG GAAGTAATCT TCACGCATTG ATGAATCAGA GGCAGTCATC2580
AGTAACATA CTGGGGGAAAG TAAATTAAC TGAACCATCT TATTTAGAAG ATAGCCGAG2640
GGAATCTTA TTTGAACTA ATGATTTGAC TATAGTAGAA TCAAGGGA3A AATATGAACAL700
CCACACTGGT AAAGGTGAAA AATGTTTTTC AGAGAGGGAC TTTCACCCG TCAAACTCA2760
AACATTTAAT AGAGAAACAA CTATAAAATG TTATTCAACT CAGATGAAGA TGGAACATGA2820
AAAAGACATT CATTCAAATA TGCCAAAAGA TTATTTAAGC AAGCAAGAAT TCTCCAGTGA2880
TGAAGAAATA AAGAAACAGC AGTCCCCAAA GGATAAACTA AATAATAAAT TAAAAGAGAA2940
TGAGAAATAG ATGGAAGGTA ACTTACCGAA GTGTGCAGCA CATAGCAAGG ACGAGGCTAG3000
ATCCTCTTTC TCACAGCAGA GTACATGTGT TGTAACAAAC TTGTCAAAC CTAGGCTAT3060
GAGAATTGCT AAACAGCAGT CATTGGAAAC ATGTGAGAAA ACAGTTTCTG AAAGTTCACA3120
AATGACAGAA CATAGAAAGG TTTCTGATCA CACACAGTGG TTTAACAAGC TTTCTTAA3180
TGACCCAAAT AGAATAAAAG TCAAGTCAAC TCTTAASTTT CAGCGTACTC CTGTTGCTCA3240
GTCCGTGAGA AGAATTAATT CTTTGTGGA GTATAGCAGA CAACCTACAG GGCATAAGTT3300
GGCGAGCTTT GTTGATACAG CTCTCTCTTT GGTCAAATCA GTGAGCTGFG ACGGTGCTCT3360
TTCTCTTGT ATAGAAAGTG CATCAAAAGA TTCCTCTGTT TCATGTATCA AATCAGGTCC3420
TAAAGAACAG AAGTCCATGT CATGTGAAGA GTCAAATATT GGTGCAATTT CAAAGTCAAG3480
CATGGAATTA CCGCTCGAAAT CTTCTTTAAA GATGAGGAAG CACCCAGATT CAGTGAATGC3540
TTCTCTTAGG TCTACTACAG TTTATAAACA GAAGATCTTA TCTGATGGCC AAGTTAAGGT3600
TCCCTTGGAT GATCTGACTA ATCATGATAT AGTAAACCA GTTGTAATA ACAACATGGG3660
CATTTCTTCT GGGATAAATA ACAGGGTCCCT TAGGAGACCA TCAGAAAGAG GAAGGCCTG3720
GTACAAAGGT TCTCCAAAAC ATCCTATCGG AAAAACTCAA TTACTACCAA CAAGTAAACC3780
TGTATTTTG TAATTGGTAA ATGTTATACT TGTCATTAAT GTAAATAAAG TGAGTAATTG3840
GTATGACTTG CAGGATGATG TACATGTTAG TTTGTAGCTC AGGATGATTG TTAAGCAATA3900
GATTTGCTCT ATTTGAAATG TTTTATTTTT TTCACTGTAC AAGCAACTTA GATTTTTATT3960
TGTACAAATT ACTTCTTTGT TTTCTTAAT GATGGCAAT TTTAACTTT AATTTTATTG4020
TGATCTCTTA AAGCAGAGGT TAGACTTTAC CTTTCTGACT CTGTCTGTTA GGCTGGAGTG4080
TASTGGGCA ATCTCACTGC AAGCTCCACT TCCTGGGTTT ATGCCATTTT CCGCTCAG4140
CTCTCCGAGT AGCTGGGACT ACAGGTGCCC GGCACCAAGC CCAGCTAATT TTTTGATT4200
TTAGTAGAGA CGGTTTCAAC GTGTAGCCA GGATGGTCTC GATCTCTGA CTTGTGAT4260
GGCGCGGCTC AGCCTCCCAA AGTCTGGGA TTACAGGCAT GAGGCCACCAC GCGCGGCTAG4320
ACTTTACCTT TCTAAAGAAA TTGTTTACTG GATTTATAAG AAGTTAATTT TTGAAATGA4380
CATATCTTTG TGTATAGAA AGAATGGAGC AASTTGTGCC TATTTCTCTC AAGTCAGATA4440
AGTITTTTAA AATAAATAAA TTTCTAGCAT ATAAAGGTA GAGATAAACT CTGCAAACT4500
TAGTCTGGA ATTATATTAA TGTATTATTG CCTTGCCAAA ATTCTAGAA ATTAATTTCC4560
TTCATAGCA TCTTAAACT CTATTTTTAT TTGGGGCAGA GTAATTTCTT TTAGTGCC4620
AGTAGTSTA CTTGTGTTT ACTCGAATA AGAACAATGG TTAAGGCAGA ATAATGACTA4680
AATATTTTC ATATATTATG ATGTGGAAAT AATTGATAAC TTTTAAGUCA TACTATGTTT4740
TTAGAGATAA TTTGCACAAA CAGTTTGTG TCTGTCTGT ATTTCTTATA TGTAATGCT4800
ATTTAAAGAG GATAATCTT GAAAAAATG AACCAAGGT ATTCTTTATA TGTAATGCT4860
TATGATGAT TTGTCTGTG TGTAAATGTT ATTTATTTAG CATAGACATT AAAGATAACT4920
CTCTGAAAA TGAATTGACT AAGGCTCTCA TGAAATTTAA AGTGCCATTT AGAACATGCA5040
CCAAATTGTC AAGTAAATCT GTCTAAATTT ATATTITAAA TTATTACAAA TTACACATCT5100
TTGAGGAAA AGTATTATGA ACAATAGAAC ATATTCTCTA GGTTGTAGAG GAAGGAATAA5160
GCAACAGAA TCAACCACTA AAGGTAGTTT TCCAGATTGG TTGTAGAAAT GTCATGTTTAA5220
GATGTTGAG CAGATTAGAG CAGCATTCAT GCCACTCGGA GCAACCAGAC TTACAGCATA5280
AGTATGTAG AGGAATTTCA AATCATCAGA TGTGTGTTG GCTAGGTTCT ACTTTGTTTAA5340
TTTATATCA AATAGTTTG TAGATGTTTA TGGCATTTCT AATTGTAAGT AGAGACAAA5400

TATTCATATA GTCCAGATATA TGTGTGTCTGC TTTAAACAAAT TTTTAAATTT TAAAAATGCAB48
TTAACSTCTT TTTTATATCCA TCAAGGSAAG CATGAAATGT TGAATTTGAA GACTAATTCAS610
GTAAGAASCTT CTAGGGBTTT AACTGTACAT ACTACCTGAA CTGGCTTTTC TGAGAGATCA5590
ATCAATAATG AAACATGTCT GTTTTAAAAA CTACC 5615

Name: 248

Len: 5293 Check:

F37

GGCGTCCGAC CCCAGCCACC GCCCTGCGGC CAGCGCGTCC CCGGACTCGC CGCCCGGAGA 60
CCCCGAGGCT CCAAGGAGTT CAGAAATGTC CAGAAATGAC AAAGAACCTT TTTTGTGAA 120
GTTTTTAAAG TCTTCAGACA ATTCCAAATG TTTTTTTAAA GCTCTCGAGT CCATAAAAGA 180
ATTCCAATCA SPAGAATATC TTCAGATTAT TACAGAASAA GAGGCATTCA AGATAAAGGA 240
GAATGATADA TCACTTTTATA TCTGTACCC TTTTAGTGGC GTTGTCTTTC ATCACCCTCA 300
AAAGCTTGGC TGCAGAATTG TTGGTCTCCA AGTAGTCATA TTTTGTATG ACCACCAGCG 360
ATGTGTCCCA AGAGCCGAAC ATCCAATTTA TAATATGTT ATGTCTGATG TAACCATATC 420
TTGTACAAGT CTGGGAAAAAG AAAAAAGGGA AGAAGTTCAT AAATATGTAC AAATGATGG 480
CGGAGGAGTA TACAGAGACC TTAATGTATC AGTAACTCAC CTTATTGCAG GAGAAGTTGG 540
TAGCAAAAAA TATTTAGTTG CTGCAAACTT GAAGAACTT ATTTTCTTC CCTCTTGAT 600
AAAAACACTT TGGGAGAAGT CACAAGAGAA AAAATAACT AGATATACTG ATATAAACAT 660
GGAAGATTTC AAGTGTCTTA TTTTCTTGG TTGCATAATC TGTGTGACTG GCTTATGTGG 720
CTTAGAGAGB AAAGAGTTTC AGCAACTCAC AGTTAAGCAT GGAGGTCAAT ACATGGGACA 780
ATTGAAAAATG AATGAATGTA CACACCTCAT TGTGCAAGAA CCAAAAGGTC AGAAGTATGA 840
GTGTGCCAAG AGATGGAATG TACACTGTGT GACCACACAG TGGTTTTTTG ACAGTATTGA 900
GAAAGTTTTT TGTGAGGATG AATCCATATA CAAGACAGAA CCTAGACCAG AAGCAAAGAC 960
TATGCCCCAT TCTTCAACTC CTACCAGCCA GATCAACACA AGTTGCGTA AGTGAATCAA TATGTAATTC1080
AGATGTCCAG AATATTTCCA ACATAAATGC AAGTTCGTA AATCTGGATG TCAGTGCATT1140
ACTTAACAGC AAAGTGGAGC CTACACTTGA AAATCTAGAA AATCTGGATG TCAGTGCATT1140
TCAAGCAACT GAAGATTTAT TAGATGGTTG TCGGATATAT CTTTGGGGTT TTAGTGGCAG1200
AAAGCTAGAT AAAGTGGAGG GACTTATTA CAGTGGAGGT GGAGTTGCTT TTAACAGCT1260
AAATGAAGAT GTAACCTCAT TTATTGTGGG AGATTATGAT GATGAATTTA AGCAGTTTTG1320
GAATAAATCA GCCCACAGGC CTCATGTAGT GGGAGCAAAG TGGTTGCTAG AGTGTTCAG1380
TAAAGSTTAT ATGCTTTCTG AAGAACCATA TATCCATGCT AATTACCAGC CAGTGGAAAT1440
TCCAGTTTCA CATCAGCCTG AAAGTAAAGC AGCTCTTTTA AAAAAGAAGA ACAGCAGCTT1500
CTCTAAGAAA GACTTTGCTC CTAGTGAAAA GCATGAGCAA GCTGATGAAG ATCTGCTCTC1560
TCAATATGAA AATGGTAGCT CCACAGTAGT TGAGGCTAAG ACGTCTGAAG CCAGGCCCTT1620
TAATGATTCT ACTCATGCTG AGCCCTTGAA TGATTCTACT CACATTCTT TGCAAGAAGA1680
AAACCACTCT TCTGTGCTG ATTGTGTCCC TGATGTTTCT ACAATTACTG AAGAAGGCTT1740
ATTTAGCCAA AAGAGTTTCC TTGTTTTGGG TTTTAGTAAT GAAAATGAAT CTAACATCGC1800
AAACATCATA AAAGAAAATG CTGGGAAAAT CATGTCCCTT CTGAGCAGAA CTGTTGCGGA1860
TTATGCTGTG GTTCTCTGCT TGGGGTGTGA AGTGGAGGCC ACTGTGGGAG AAGTTGTTAC1920
AAATACATGG CTGGTTACTT GCATAGACTA TCAGACTTTG TTTGATCCAA AGTGAATCC1980
TCTCTTCACT CCAGTTCAG TAATGACAGG TCGAGACTTG TTAGAGGATT GTGTATTTT2040
ATTTAGCCAG TGTGCTGGAG CAGAAAAAGA GTCTTTTACA TTTCTAGCAA ACCTCCTTGG2100
AGCAAGTGT CAAGAATACT TTGTTCGCAA ATCCAATGCA AAGAAAGGCA TGTTTGCCAG2160
TACTCATCTT ATACTGAAAG AACGTGGTGG CTCTAAATAT GAAGCTGCAA AGAAGTGGAA2220
TTTACTGTCT GTTACTATAG CTTGGCTGTT GGAGACTGCT AGAACGGGAA AGAGAGCAGA2280
CGAAAGCCAT TTTCTGATTG AAAATTCAAC TAAAGAAGAA CGAAGTTTGG AACAGAAAT2340
AACAAATGGA ATCAATCTAA ATTACAGATC TGCAGAGCAT TATGAACGCG TTTGAGAGTA AAGCTTTCCG2400
TCACAGAAAA ACCGTGCTTA CACCTTTAGA TATGAACGCG TTTGAGAGTA AAGCTTTCCG2460
TGTGTGTGTC TCACACATG CCAGACAGGT CCGAGCCTCC CCAGCAGTAG GACAACCACT2520
TCAGAAAGAG CCGTGTGTTAC ACCTGGATAC ACCATCAAAA TTCTGTGCTA AGGACAACT2580
CTTAAAGCCT TGTCTTGATG TGAAGGATGC ACTTGCAAGC TTGGAACTC CAGGACGTC2640
CAGGCAAGAG AAAAGGAAAC CGAGTACGCC ACTCTCAGAA GTTATTGTCA AAAACTTGCA2700
ACTGTCTTTC GCAATAGCT CTCGAAATGC TGTGCTCTT TGTGCGAGCC CTTGCTGCTA CTCAACTGAA2760
AGAGGCGGAG TTAGAGAGG AAGAGGCCC AAAGGCTACT CACAAAGTAG TGTATGTGT2820
TAGTAAAAAA CTCAGTAAGA AGCAGAGTGA ACTAAATGGG ATGCGAGCCT CTCTAGGAGC2880
AGATTACAGG TGGAGTTTTG ATGAAACAGT GACTCATTTT ATCTATCAAG GGGGGCCAAA2940
TGACACTAAT CCGGAGTATA AATCTGTAAA AGAAAGAGGA GTACACATTG TTTCCGAGCA3000
CTGGCTTTTA GATTGTGCCC AAGAGTGTA ACATCTTCTT GAATCTCTTT ATCCACATAC3060
TTATAATCCC AAAATGAGCT TGGATATCAG CGCAGTGCAA GATGGCGGJC TGTGTAATAG3120
TCACTACTC TTAGCTGTGT CTTCAACAAA GATGATGAG CCAGATCTTT TATTTTTAGA3180
AGAAAATGAT CTAGACAATA TGGCCACCAA TAATAAGAG TCAGACCAT CAAATGGAAG3240
TGAAAGGAAT GACTTAAAG GAGTTCTGAC ACAGACCTTA GAGATGAGAG AGAAGTTTCA3300
GAAGTAGTTA TAGGAGATAA TGTCTGCAAC ATCAATAGTG AAACCTCAAG GGCAGAGGAC3360
TTGCTTTTCA AGAAGTGGTT GTAACAGCG ATCTTCAAC CCTGACAGCA CTCGCTCTGC3420
TCGAGTGGG CAGAGTAGAG TCTAGAGGC ACTGAGGCAG TCTGCTCAGA CAGTACCTGA3480

TGTCAAGACA GAGCCTTCCC AAAATGAACA GATCATTTGG GATGACCCCTA GAGGAGGGGAG3840
 GGAGATAGCA AGGCTTGTCA GCAATTTGCA GTGGCTAGT TGTCCACAC AATATCTGTG3860
 GCTTCAAGTT GATATTCAAA ACTTGGAGTA TGTCTTTT CAAAAGTTT TACATGATT3880
 AGAAATTTGT AACAGGCTG TCTGTGATTC TGGAAACATA CGTGTGACTG AAGCTCCCA3900
 ACACCCAAATC TGTSAAGAAC TGGAAACTTC CATAAAGAG AGCCACCTCA TCCCTACGG3920
 TCAAGGCTTCT AGTATTGCT TTCCACTGCT CAACCCCTCT GTGGCTCCG ACCCTAGAGA3940
 AAACATTATA AGGATAGAGG AGACTCATCA AGAATTAATA AAACAGTACA TATTTCAGT3960
 ATCATCTCTG AATCTTAAG AACGTATTCA CTATTTCAT CTGATTGAGA AACTAGGTG3980
 ATTGTGATA TAAAGAGTGT GGTGTGATTC CACCTGTACA CACATTCTTG TGGACAT34020
 ACTTCAAAAC GAGAGTATT TAGCTCACT GTTGTGCTG AAGTGGGTGG TCTATCGCT34040
 CTACCTTCAA CCTGCGAGTA CTGCTGGACA CTCTGTGAG GAAGAAGACT ATGAATGGG34140
 AAGTAGTCTC ATACTTSATG TTTTGAAGT AATCAATGTA CAGCAACGAA GACTAGCACT4200
 TGCAGCAATG AGATGGAGAA AAAAAATCCA GCAAAGACAA GAATCTGGCA TTGTTGAGG4260
 AGCATTATAT GGGTGAAGG TTATTTTACA TGTGGATCAG TCTCGAGAAG CAGGCTTCA4320
 AGGCTTCTCT CAGTCAGGAG GAGCAAAGGT GCTACCTGGT CATTCTGTAC CTTTATTTAA4380
 AGAGGCGACA CATCTTTTTT CTGACTTGAA TAACTGAAA CCAGATGACT CAGGAGTTAA4440
 TATAGCAGAA GGTGTGCCC AGAACGTGTA CTGCTGAGA ACAGAATACA TTGCTGATTA4500
 TCTCATCTAG AATCTACTC CTCATGTAGA AATTACTCT CTATCAGAAG TATTTCATT4560
 TATTAGAAAT AATAAGGAAC TTGGGACTGG ATTATCAGAA AAGAGGARAG CTCCTACAGA4620
 AAAAAATATA ATCAAACGAC CTAGAGTACA CTAACTGCAT CTACCTTTTA GTTACCAAA4680
 ATTAATATTT TTTAAAAAT GAAAGCCTGA ATGTACTGT GATAGATTTG GGTAGTAATT4740
 TAAAGATGAG TACCTGAAGA ATTCTGCTTC AGAGTATAAT GATGACCTT CTTGAGTTT4800
 GAAACCTGTA AATTGTAATC ACTGAAATAT TAACTGTTT TTAATAAAAA GTTACCTGAA4860
 ATAGCAACAA AATACAATC CTCAGCTAGC TTGCTGTTAA ACCACATTGA AGTCTGTTAA4920
 AAGATATTTA TTTTCTTGT AAATATCTGA AGCTGTAGCT TAGTGGAAAT TTTAGCAAGG4980
 TAATGATTTT TGTCTTAAAA TGTCTGCTTT ACAAATTCAT AACAACTAAG TTTCTCAGTC5040
 AGCATTTATG CATGTTTTCC CTGATTTTTA TCTCTCACCT ATTTTACCTC TTTTAACAG5100
 AGCCTGAGCA AAGGTTTAA TGAGGAAGCT GGGCTATAA ATATGTGTGT ATATATGTAT5160
 ATGTATGTTT GTACAAATCT CCATGATGTT TGCAAGTTT GAATGCGCAA AACTGGAAA5220
 ATGTGACAAAT AAAGAATAAA AGTAGTAAT CAAATTAGTA TTAAGATGTG TTTACATAGA5280
 TAAATTTTTT AAAAGAGC

Name: 249 Len: 1584 Check: 12A6
 GCGCTCGGC CTAGCATGTC GGAAGCGGCC GAGGAGCAGC CCATGGAGAC GACGGGCGCC 60
 ACCGAGAAAG GACATGAGGC CGTCCCCGAA GCGAGTCGCG GCCGGGGCTG GACGGGCGCC 120
 GCGGGGGGGC TGGAGGCGCG ACCGCGCGCG CCGCGAGCGG GAATCAGAAC GGCGCCGAGG 180
 GACGAGATCA ACGCCAGCAA GAACGAGGAG GACGCGGGAA AAATGTTCT TGGTGGCCTG 240
 AGCTGGGATA CTAGCAAAAA AGATTTAATA GACTATTTTA CTAAATTTGG AGAGGTCGTT 300
 GACTGTACAA TAAAAATSGA TCCCAACACT GGACGGTCAA GAGGGTTTGG GTTTATCCTG 360
 TTCAAAGATG CAGCCAGTGT GGAGAAGGTC CTAGACCAGA AGGAGCACAG GCTGGATGGC 420
 CGTGTCTATG ACCTAAAAAA GGCCATGGCT ATGAAGAAGG ACCCGGTCAA GAAAATCTTC 480
 GTTGGGGGTC TGAATCTGTA AAGTCCCACT GAGGAAAAGA TCAGGGAGTA CTTGGCGAG 540
 TTTGGGGAGA TTGAGGCCAT TGAATTGCCA ATGGATCCAA AGTTGAACAA AAGAGGAGGT 600
 TTTGTTGTTA TCACCTTTAA AGAAGAAGAA CCGGTGAAGA AGGTTCTGGA GAAAAGTTC 660
 CATACTGTCA GTGGAGGCAA GTGTGAGATC AAGGTGGGCG AGCCCAAAGA AGTCTATCAG 720
 TACGACCACT ATGGCTCTGG GGGCCGTGGA AACCBCAACC GAGGGARCCG AGGCGAGCGA 780
 GGTGTGTGTG GAGTGGAGG TCAGAGTCAG AGTTGGAATC AGGGCTACGG CAACTACTG 840
 AACGAGGGCT ACGGCTACCA GCAGGGCTAC GGGCTGGCT ATGGCGGCTA CCACTACTG 900
 CTCTATGGCT ATTACGGCTA CGGCCCGGEC TACGACTACA GTGAGGGTAG TACAACTAC 960
 GGCAGAGAGC AGGACGCTGG TGGCCATCAG AATRACTACA AGCCATACTG AGGCGGCCAA1020
 GGGAGGAGCT AACTGATCGC ACACATGCTT TGTTTGATA TGGAGTGAAC ACAATTATGT1080
 ACGAAATTTA ACTTGCAAA CTTTCTATTC CTTTCCCAT GTGCATCTTA TTTAAATTT1140
 CCGCATGGA AATCATCTC CTGTTGACTA TTTCCAGAGT TCTAGGTCT TAGGACAGCT1200
 GTGCTCTCT AGAGGCCATA GCGCCATCAT GGGCTGATTT TTATTACCAG GTCCCCAGAA1260
 AGAGGTGAG AGGCTCTGCT TCCCTGCTGCC GGTCTGACG CTGAGCTGT GGAACCTGGT1320
 TGTAAAGAGT AAATGTATC TTAGGAAACC AATCTCACT TTTTTCATC TTTTAATTT1380
 ATATTATTTG CTCATACAT TTCTGTAACT GGAAGTGTTA ATTTTACTGT ACTTTTGGT1440
 ACGCTTTTTC GGAATCTAAT GTATTGTAA CTATTTTACA CGTGCTCTCA TTTTGCCACA1500
 AGCTGATAT TGAAGCTATC CAAGCTTTT AATAAAAT TAAAAACCC AAGCCTGGGT1560
 GAGTGTGGA AAAAAAAA AAAA
 Name: 25 Len: 237 Check: 1456
 GAGTATTGG AGAGGCGGCC TTATGAGGA TGGGGGCTCG GAGAGACGAC TCCTCTTACT 60
 ATCATCTGCG AGCCATGCA GCGCTGAGG GTCAACAGCC AGCCCGGCC CCAGAAGCGA120
 TGTCTTTTTS TGTCTGCGCA TGGTGAGAG ATGATGTTG TTTTGGGAA GTACTGCTT130

NTGATAGAT NTGATNBOA AAGGORNCTA DAINBOGAAO CAAGOTNBAA NAINBOO 237
Name: 250 Len: 1121 Check: B9B

GGAAATTCCT ATAGAGCTGG GTGAGAGAG GAGGCTTCCT CGGCGGCTCT CGAGGCGGG 60
TTGCTTCGGG CTGAGCTCTT CCGGCTTCCT TCTCTGACA CACCAGGTCC CCGCGAAGC 120
C3CGCTCTC3 GCGCATGG GAGGCTGAG GCTCTGAGA GTCTCATCGA SATCGGCTTC 180
CCTACGGGAC GCGGAGGAA GGCTTTGGCT CTCACAGGGA ACCAGGGCAT CGAGGCTGG 240
ATGCACTGGG TGATCGAGCA CGAAGACGAC CCGGATGTTG ACAGGCTTTT AGAGACTCC 300
CTGGAATA TCTGGGAG GAGGCTTCCT TCTCTGAGC AAGGCTGGCT TCGAGGCTCT 360
GCTCTCTCT CCGGAGGAG GAGGCTTCCT TCGAGGAG AGGAGGAGCA GGAACAACT 420
AAGAGGATCT TCGAGCTCTT GGCTTGAAG CAGGCTGAGC GTGAGGAAAG AGAGGAACT 480
GAGGCTCTCT AAGCGGAGC GCGGCTGAGC AGAGGAGGCT AAGAGTGTCT AGGAGGAGCA 540
CGGCTCTCT AAGAGGATGA GATCTCTCT GCTCTCTCT AGGAGGAGCT GAGGAGGAG 600
GCGGAGGAG TAGGAGGAG ACGAGGAGT AGAGGAGGAG TCGAGGAGG GAGGAGGAG 660
AGAGGAGGAG AGTATGCTGG CAGTGTGGCT TCTCTCTCT CCGGAGGAG AGGAGGAG 720
GCTCTCTCT CCGCTCTCT CAGGCTGAGC CCGGCTCTCT AGGAGGAGT GAGGAGGAG 780
CGGCTCTCT TCGAGGCTCT AGATGGGAGC TCGGCTCTCT AGGAGGAGT GAGGAGGAG 840
CAGGCTCTCT CTGAGGCTCT CTATGCTGG CCGGCTCTCT AGGAGGAGT GAGGAGGAG 900
CAGGCTCTCT TCGAGGCTCT CAGGCTCTCT CCGGCTCTCT AGGAGGAGT GAGGAGGAG 960
GAGGCTCTCT TCGAGGCTCT GCGGCTCTCT CCGGCTCTCT AGGAGGAGT GAGGAGGAG 1020
TCTCTCTCT GAGGCTCTCT GCGGCTCTCT CCGGCTCTCT AGGAGGAGT GAGGAGGAG 1080
CACTGAGCT TCGCTCTCT TAAATAGAG CCGGCTCTCT T 1121

Name: 251 Len: 2337 Check: 25F0

GGAGGCGGCA ACATGGGCGA ACGCAGGAGA CACAAGAAGC GGATCCAGGA AGTTGGTGAA 60
CGATCTAAAG AAGAGAAGGC TGTGGCCAGC TATCTTCGAT TCAACTGTCC AACAAAGTCC 120
AACAATATGA TGGCTCACCG GGTTGATTAT TTTATTGCTT CAAAAGCAGT GGACTGTCTT 180
TTGATTCGA AGTGGGCGAA GGCTTGAAGA GAGGAGGAG GTTTATTTC AACAGGAGG 240
TCTGCTGGTG ACTACTGCAA CAGGCTTTTA AAGAGGAGT TTTTTCAGG AGCTCTAAA 300
GTAATGAAAA TGAAATATGA TAAAGACATA AAGAGGAGT TAAAGGATGA GAAGACAAA 360
AGTGGGAAAG AAGAAGATAA AAAGAGCAAG AAGAGGAGT TAAAGGATGA GAAGACAAA 420
AAAGAAAAAG AGAAAAAAAG AGATGGTGAA AAGGAGGAGT CCAAAAAGGA GGAAGCTCC 480
GGAAGCTCTA AAAAGAGGA AACTAAGAAA AATTCAGGAGT TCGAGGCTCA CTTTAAACA 540
GTTTCTCTCT ATGGAATGA GGTGATGTA TGGATCTATG ACCCAGTTCA CTTTAAACA 600
TTTGTCTATG GATTAATTCT TGTGATTGCA GTAATAGCGG CCACCTCTCT CCGCTTTG 660
CCAGCAGAAA TGAGAGTAGG TGTGATTGCA GTAATAGCGG CCACCTCTCT CCGCTTTG 720
AGTATTCTTC TCGTCTGCTG TGTGATTGCA GTAATAGCGG CCACCTCTCT CCGCTTTG 780
GGAGGAGGCG ACCTCTTTG TGTGATTGCA GTAATAGCGG CCACCTCTCT CCGCTTTG 840
TCTTTCAGG CTCTGTACAC ACATGAATAC AAAGGAGGAGT AAGCAGACTT AAGGAGGAG 900
GAGAAGTCTG AAAGGAGGAG GCAACAGAG TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 960
AAAAAGGAG ATGAGGAGG GCAACAGAG TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 1020
GGAGGAGGCG ATTCAGAGC GCAACAGAG TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 1080
AGTGGGAAAG GAAATGATTT TGAAATGATA ACGAGGAGG AACTGGAACA GCAACAGAG 1140
GGGATCTCT AAGAGGAGT GCAACAGAG TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 1200
GAAAAATCAT AATCTGACTA ATTTTGGGAG TGAATGAATA AGTACAAGAG GTTGGATTT 1260
CTATGTTGGC TGATTACAT ATTGAACACA TGGATTTGTT AGCATTCTTT AATCTATCT 1320
ACTGAAATGT ATTTGAGATT CAGGCTTTA TCTCTGCTC TCTCTGCTC TCTCTGCTC 1380
CACTATTATT GGTACAGTTT AAAGGAGGAGT AATCTGACTA ATTTTGGGAG TGAATGAATA 1440
TAAGTAGGCT TCACTCATTT TGAAATGATA ACGAGGAGT AACTGGAACA GCAACAGAG 1500
ATTAATGGCA ATTTTGGATA GTTTTATGGT TTTTACTGT TAGACTAATC AAAATAACT 1560
TTAAAAAGGA AAGAGGAGT GCAACAGAG TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 1620
AGTTTCTTTA AGATGCTTAA ACTCATTTG CTTGATAGTT TTTATTTTCT ATTATAAAAT 1680
TATACAGGCA GATTTCTTT AAGGAGGAGT GCAACAGAG TCGGAGGAGT AAGGAGGAG 1740
AAGGAGGAGT TAGTAAAT GCAACAGAG TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 1800
TAGGAAATCT ACCTGATTT GAGGCTCTCA CTGAGGAGT GCTCTCTCT CCGCTTTG 1860
AAGGAGGAGT GATTTGTTG GAGGCTCTCA CTGAGGAGT GCTCTCTCT CCGCTTTG 1920
GTAAGCTAA AGTCTATTCT GATCATTAAT TATATAAA AACTTTTACT TTAATTGTT 1980
CTTATTATTT AGATATTCTT GATCATTAAT TATATAAA AACTTTTACT TTAATTGTT 2040
GTTTCTAGAG AATGAGGAGT TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 2100
CTTCTGTTT GTGAGGAGT TCGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 2160
CAGACTTAA GAGGCTTTT GATCATTAAT TATATAAA AACTTTTACT TTAATTGTT 2220
TTCAGAAAT AGATCTGTA TATCATGAG AGGAGGAGT GCTCTCTCT CCGCTTTG 2280
ATTCTAAAT ATCAAAATTTA AAATAAGAG AATGAGGAGT AAAAAAAAG AAAAAAA 2340
GCACACCATG GTGAGGAGT GAGGCTCTCA CTGAGGAGT AAGGAGGAGT AAGGAGGAG 2400

JAGTAT TCT STAGCGTGA ACATTTACGA GTTGTGCTG TGTGTGCTG TACTTTGAA 100
 CTACGA AAT GAGGAGAAAG TTCCTTTGGA GGCCTTTTGT GTGTTCCTCA TGATGAAGA 180
 CTCTGCTTGT TACA TCTTTG AGGCTTTGCT GGATGGGAAG AAAATTGTAG TAAATTTACA 240
 AGACAAATG AAGGCGCGCA CCAACTATGA GAAAGCTATC TCCAGGGGCT ACCAGGCTTT 300
 CTTATTGAG GGGACAGCA GCTCCAGGGA TGTTTTCTGT TGAATGTGG TAAACCTCCA 360
 ACCTGGGTG AAGGCGGCTG TCACTGTGA GTATGTGAG GAGTGGCTC TGAAGCAGA 420
 TGGGCTCTG CGCTTTGTGC TCCAGCTGT CCGAATGCT AGATACGAT TCTTGGGTG 480
 GTTAAAGAG AGTTGCTTA ATGTGAAGAT TCCATAGTC CCAATATGG ATTGAGAAG TCCAATCCA 540
 CATATTAGC ATGCTGCTCA CCAATAGTC CCAATATGG ATTGAGAAG TCCAATCCA 600
 CTGCTGCTG AGTCTACCG AGTACCTAG AGAAGCAAG ACTTTGCTC AGGTTTCTCT 660
 GCTGCTGGA CAAAGTTTG ATCGGACCT GGAAGCTCT ATTTACTACA ATGAGGTGCA 720
 TACCTGCAAG CTGCTTTTGG AGATGGGCT GCTATCATG AAGCTAGGTC ATTTGATGG 780
 AGATCATCT CCAATGTGA GTTCTATCC AAATATCCCA GAAGATCAAC CATCAAATC 840
 CTGTGGAGAG TTTATCTTT TCATGGACCG CTGCGGAAGT ATGAGAGCT CCATGAGTA 900
 CCAGGATACA TCTGCTGCG AATACAGGCA GCAAGGAAA CACTGATTTT GCTGCTGAG 960
 AGTTTACCTA TAGGCTGTTA TTTCAACATC TATGGATTG GCTCTTCTCA TGAGGCATG 1020
 TTTCCGGAGA GTGTGAAGTA CACTCAGCAA ACPATGGAG AGGCTCTGG GAGAGTGAA 1080
 CTTATGCAAG CCACTTAGG GGGTACTGAA ATTTGGGAC CACTCAGAA CATTTACAG 1140
 GGACCTCTCA TCCAGGCGCA CCCCCTACAG CTTTTTGTCT TTACAGATG AGAAGTTACA 1200
 GACACGTTTA GTGAATTA AGAAGTTAG ATCAACAGAC AGAAACACAG GTGTTTCTCA 1260
 TTTGGTATTG GAGAAGGCA CTCCACAGC CTAATAAAG GTATTGCCG GGCATCAGG 1320
 GGCACCTCAG AATTTATCAC AGGCAAGAG AGGATGCAGT CCAAGGCTCT CAGGACTCTG 1380
 AAAGCTCTC TGCAGCCTGT GGTAGAGGAT GTCTCTCTGA GCTGGCATTT GCTCTGCTG 1440
 AGCTATGCCC AGCTGACCG GAGGATGCCA GCAAGCAGAG CAAACAGGAG AGTATGCTC 1500
 AAATATACAC TCCAGGGCAA GACTTTTGA GATAAGGTGA CATTTCTCT ACAACCCAG 1560
 CCGTATGTCA ACCTCAGCAT TCAGCGCTT AAAAAAGATG CAITGAACT TAGCCTTGAG 1620
 ATGGGCTCA GGGAGACTCC AGCAAGTGAT CACAGCTTT ATTGCTATCA ATAAGGAGCT CAACAAGCC 1680
 TCTGGTGTCA TAAGCTCTT TAGGGACGTC CCAAGGCCAA TTCTGTTGG TGCTTCTGCC 1740
 GTTCAGGGGC CTCTGGCTCA ATCAGGTTTT CGAAAGGCT TACACTCTGA CCGTCTCTCT 1800
 CCATTGAAGA TAAAATGCCA GGAACCTATG TGTATAAGG CCAAGACAT CCAGATGGAC 1860
 TCTGCATCTC AGCCAGAGG GATAAGTCAC AAGGACCAG ACAGTCCAG CTTTGGAGAG 1920
 GATTACAGTC TCTGTGGGT TTACCACCA AATGCAATG GTTCTGGGA TCTGAATGAA 1980
 AATCACCTTG TGCAGCTGAT TATGAGTTG GAGGAAATA TGGCTGCAG GCTGCGGAG 2040
 GATCTAGCCA AGATCCTAG GGGCACCATC CTGGCCGTGA TCTGGCTGCA CAGCAATGG 2100
 CTTGTGGATT CCTCAGGCTG GGAGCTTCTG GAAAGGAAG CCGTGGCTG GATGCGTGCC 2160
 AAGGACTTGA AGTGTGAATG TTGGTTGTG AAGCTGTGA TTAATTTCT GAAGTCATCT 2220
 CATGCAAGCT CCAACATGCC CTTTGAAGA TACCATCCAG AAAAGAAGT GCTTTAAT 2280
 GTGGATCCTG CTATCTTTGC GTATCACTTT TGCTGTGAT ATGTGTTCT GTGTATTATA 2340
 TGCTACTGTC ATTTCTCTA AAAGTAAAG ATGCTTACT CACTTGGTT CTCTGCTCCA 2400
 ACTCTTTATT TTTTGCCATA TTTCTTTTCC CAACATATG CACTCAGAAA GTGACAGTGG 2460
 GGTTCACCTT GSATATGATC CTTGAGGAG TTCAAAACAT TCAATAGGAG TAATGTTCT 2520
 TCCAGAAAC TATTTCTTT AACATGAAAA ACAGGTGACA TGAATACAG ACTAAAGATT 2580
 CCAAGGCTTT CCAAGGAAAC TGCTTGAATT AGAGAATTT CTGCATTATC TTTGTCTGTT 2640
 GCAGCATTTA TTTTGAAGAA TATCAGGCG ATACTGGTAA GCTTGCCTAG GAGGAGTTAG 2700
 CACTTTCTAT CTATATATA TCTGGATCAA TGTAAATGTA AGATACAAA GACAGAGACT 2760
 AGGGAAGTTG AAAGCCAAAC TGTGACACTG TGGGAGCCT CCGTGAAGA CTTGGGTTGA 2820
 GCAGGGGTCC ACTGTGAGAG TACATGTCTT TTCTTCCAT GCTGAAABA CTTGGGTTGA 2880
 CTTTGTAGC CTGTAAACC ATGTTCTCT TTAATCATGA AACACCTTAA GAAGTCTATA 2940
 ACTATAACTG TTGAGAGAG ATGTTCTCT CTGAACCTAT GTTCTCTTA AGTCAGGCTC TGAATAGT 3000
 ATGCAATCT TACTCTTACC TTAATGGGAG CTTTGGCTGG GACTGAAAC TGGAGCACTT 3060
 CAGTAAAGGG AAGGCTGGG GCTCTCTGTA ATGTTCTCTG ACCCTTGTGT CTCATATAC 3120
 ACCGCACTAG GAAGAAAGGA CTATTTGATA TGTGTCTCT TAAATAACT TTTATCAAT 3180
 CTATCTGCT GGAATGAGC CTATTTGATA TGTGTCTCT TAAATAACT TTTATCAAT 3240
 TTAATATGAC TATTTCTACC CTTTAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA AAAAAAAA 3300
 AAAAAAAA AAAAAAAA

Name: 253 Len: 6823 Check: 1202
 GGGGACAAA ACBCAGGCG GATCTCAGAA GGCAGTTCA AAGACGAGT CATCAGATG 60
 TCATTCATCT GATCTCTCAG ATGCACATAT GGATGCATCT GGACCTCAG ATASTGATAT 120
 GCAASTGCG ACACGACCTA AGACCCCAAG AAAACATAAT TATAGGAAT AAAGTGCCG 180
 TGAAGCCTT TGTATTCTC CTCATCAGAA TCTCTCAAGA CTTCTTCTG AAAACAAAT 240
 TAAAGCATTC AGTATTGGA AAATGAGTAC AGCTAAGCGA ACTTTAAGTA AAAAGGAAC 300
 GGAAGAAATTA AAGAAAAAGG AGGATGAAAA GGCAGCTGCT GAGATTTATG AGGAGTTTCT 360

TTCTGCTTTT	GAAGGAAGTG	AFGNTAATTA	AGTGAAAACA	TTCTGCTTAS	GGGGTGTCTT	420
TAATGCAGTT	AAAGAAGAAC	ATGAAACAGA	TGAAAAAAGA	GGTAAAACT	ATAAGCCATC	420
TTCAAGATTT	GCAGATCAAA	AAAACTCTCC	AAATCACTCT	TTCAATGAAA	GACCACCATT	510
TCTTCTTGTT	ATAGAAACCA	AAAACTCTCC	ACTTAAAAAA	GGAGAGAAAG	AAAAGAAAAA	600
AAGCAATTTG	GAAGTCTTCA	AAGAAGAAIT	AAAGCAAATT	CAAGAGGAAC	GTGATGAGAG	600
ACATAAAAAA	AAAGGCAGAT	TAAGTGGATT	TGAAGCTCCT	CAGTCAGATT	GTGATGGTCA	720
GGGTGCTTCT	ATGGACGCGC	CTTCAAGSAG	AAATAGATCA	TCTGCTGTTT	TTGATGATTA	720
CGCAGCTGGC	TCATATGATG	TAGGAGATCC	AAGCATTAAT	AATTTATACC	TTGGAACCAT	840
TAATCCACAG	ATGAATGAAG	AAATGCTGTG	CAGAGAAATT	GGAGATTTTG	GAAGCTTAGC	840
CAGTGTGAAA	ATCATGTGGC	CTAGAACTGA	TGAAGAAAGA	GGCAGAGAGA	GAAATTCGCG	960
CTTTGTGGCC	TTTATGAATA	GAAGAGATGC	TGAAGAGAGC	TTAAAAAATT	TGAATGAAAAT	1080
AATGATTATG	TCTTTTGAAA	TGAAGTTAGG	TTGGGGTAAA	GCTGTACCTA	TTCTCTCAAT	1200
TCCAATATAC	ATTCCGCTTT	CTATGATGGA	ACATACGCTT	CCCCCAGCTC	CATCCGGAAT	1320
GGCTTTTAAAT	CGCAGGCTTA	GAGAGCGGTT	AAAAAACCTT	AATGCTGCTA	TGTTACGCTC	1440
ACCTAAAAAC	AAAGAGGATT	TTGAGAAGAC	TCTGTGCAAA	GGCATAGTCA	AAGTGGTTAT	1560
CCCAACAGAA	AGGAATTTGC	TGCGCTTGAT	ACATCGAATG	ATAGAGTTTG	TTGTACGTAAT	1680
AGGGCCCAATG	TTTGAAGCTA	TGATTATGAA	CAGAGAAATC	AACAATCCTA	TGTTCAAGTT	1800
CTTATTTTAA	AAACAGAAAC	CAGCCTCATG	TTACTATAGG	TGGAAGCTTT	ATTCTATTCT	1920
GCAGGGAGAT	TCTCCAACTA	AATGGCGGAC	GGAGAGTTTT	CGTATGTTCA	AAAATGGAAT	2040
TTTTTTGGAG	CCACCACCAT	TAAATCCGTA	CTTGCATGGA	ATGTCAGAGG	AGCAAGAAAC	2160
AGAAGCTTTT	GTAGAGGAAC	CTAGTAAAAA	GTTGAGCACT	AAGGAAGAAC	AGAGGGGATA	2280
ATTGGAAGAA	ATCTTGCGGG	GATTAAGTCC	AAGGAAAAAT	GATATTGGAG	ATGCAATGGT	2400
TTTCTGTCTT	AATAATGCTG	AAGCTGCTGA	AGAAATAGTG	GATTGCATTA	CTGAGTGGTT	2520
GTCCATCTTA	AAGACACCCC	TTCTTAAAAA	GATTGCCAGA	TTATATTTTG	TTTCTGATGT	2640
TTTGTACCAAC	TCTTCAGCCA	AAGTTGCTAA	TGCTTCATAT	TATAGAAAAT	TTTTTGAAC	2760
AAAGTTATGT	CAGATATTTT	CAGACCTCAA	TGCCACCTAT	CGTACAATTC	AAGGCAATTT	2880
ACAATCTGAA	AATTTTAAGC	AACGGGTAAT	GACTTGCTTC	AGACATGGG	AAGATTGGGT	3000
AATTTATCCA	GAACCATTTT	TGATCAAACT	ACAAAATATT	TTCTTAGGAC	TTGTAAATAT	3120
TATTGAAGAA	AAGGAAACAG	AGGATGTTCC	AGATGACCTT	GATGGTGCCC	CCATCGAAG	3240
AGAGCTTGAT	GGTGACCTTC	TGGAAGATGT	AGATGGAATT	CCTATTGATG	CTACTCCCAT	3360
CGATGATCTT	GATGGAGTCC	CTATAAAAAA	TCTTGATGAT	GATCTTGATG	GAGTGCCTTT	3480
GGATGCAACT	GAAGACTCAA	AAAAGAATGA	GCCTATATTT	AAAGTTGCCC	CATCAAAATG	3600
GGAAAGCTGT	GATGAATCTG	AATTGGAAGC	ACAGGCTGTT	ACAACCTCTA	AATGGGAATT	3720
ATTTGACCAG	CATGAAGAAT	CAGAAGAAGA	AGAAAATCAA	AATCAAGAG	AAGAAAGTGA	3840
AGATGAAGAA	GATACTCAAA	GTTCCAAATC	TGAAGAACAT	CATTTGTACT	CTAATCCAAT	3960
CAAAGAAAGAA	ATGACTGAGT	CTAAGTTCTC	TAAGTACTCT	GAAATGAGTG	AGGAAAAACG	4080
AGCCAAACTT	CSTGAAATTG	AGCTCAAAGT	TATGAAGTTT	CAGGATGAAT	TGGAATCTGG	4200
GAAAAGACCT	AAAAAACCCAG	GCCAGAGTTT	TCAGGAGCAA	GTAGAACAAT	ACAGAGATAA	4320
ACTTCTTCAA	CGAGAGAAAG	AGAAAGAGTT	AGAAAGAGAA	CGAGAAAGAG	ACAAGAAAG	4440
TAAAGAAAAA	TTGGAATCTC	GCTCCAAAGA	CAAGAAAGGAA	AAAGATGAGT	GTACTCCGAC	4560
AAGGAAGGAA	AGGAAGAGGC	GACACAGTAC	ATCCCCCAGC	CCATCTCGCA	GTAGCACTGG	4680
TAGACGAGTG	AAATCCCCAT	CACCAAAATC	GGAGCGATCA	GAGCGTTTCA	AAAGATCTCA	4800
TAAAGAGAGC	TCACGGTCCA	GGTCATCTCA	CAAAGATTCT	CCTAGAGATG	TTAGCAAAAT	4920
AGCCAAAGAA	TCACCATCTG	GTTCAAGGAC	ACCTAAAAGG	TCTAGGCGAT	CACGGTCTAG	5040
ATCTCTTAAA	AAATCAGGAA	AGAAGTCCAG	ATCCCACTCC	AGATCTCCAC	ACAGGTCTCA	5160
TAAAAAGTCA	AAGAAAAACA	AACACTGACG	TAAATTTTTA	AGATGCTGTC	ACTTATTGAA	5280
AATGCGATTT	GTTTTGTGCC	TGAACGGTCT	GTTTTTTTAA	AAAACAAAAA	ATCAAAATGA	5400
AGAGCAATTC	TGGGGTTTTT	TGTTTGTGTT	TGTATGCATG	TGTAACCTCA	TSAGCAACTG	5520
CATCTGTAGA	TCTGTCAATTG	TTTTATATTG	TGTAAATTAC	TTTCATTGTG	GCTATTTCTG	5640
AAGATCAAAAT	TTTTTATTGT	CTAATGGATT	TCATCAGAAA	TGTGTATAAT	GGATCTGCTT	5760
ACAGTAGTAG	TATTTTGTGTT	TAGCATGTTT	TGACTTAGCA	AAAATAATAC	AGATGCTCTT	5880
CCCCCTTTTG	TAGCTTTGAC	AAATTTGAAT	AGATTTCAAA	TAAATCTGTA	ACAGAAACTT	6000
ATAATGTTGT	TTTTTTGGCC	CACGCTGAT	ATTAAGTCCG	TTAAAGTCTT	ACTGAGTTCT	6120
ACACTACTGT	TCTGCTTCTT	ATACTGATG	CACCTTATAA	GGCCCACTGT	TCAAGTAGCT	6240
TAAAGTTTTAT	ATTACTAAG	ATGACTATCC	AAATTAAGGG	ACCTGAGACT	CCTATTTGCT	6360
GGTTTGCTAA	CCATTGCTTT	TTGATAAGTT	TCTCTTGGGT	AATACTAATA	CCCAGATATC	6480
AAAGACTAGG	TAGATATGGC	ATGGCGTTTT	GTTAGTGGAA	TGCTGGGCTA	AAACATTTCT	6600
TTACACAGAAG	CAATATGATT	TCCATACATC	CAACCCATGT	TCTGAGCAAC	TACTTACTTT	6720
TAGGGGGGAAA	TTAAATATCT	TTTCATTTCC	TCTTCTATTA	TGAAAGAAGT	TTATTTGTAAG	6840
AACAAATTTT	CTAACAAGGT	TTGGCCATAG	AATTCTCTTG	TATGATTGTT	GACCTTTTAT	6960
AATCTTCTGT	AGGCTATCTT	TCAAAACACTG	GCATCAGAAT	ATTTTTTATA	AGTTTTGTCT	7080
TAAACAGCTT	AGTTGGTCCC	CCCCCCCCACT	CCCAAGAGAC	TTGCGTTTAG	TTATAGCTTT	7200
AAGTAAAAAT	TAAAAATAAA	ATGTTTTTCA	GGAAACTTCG	TATCTAATGG	TTTGTAATTT	7320

CAGAGTGTGAA AAAATTTGATT TAAACCATTT GCAGAGTGTGA ACTGTATTAT TAAATAAATTAAT
 TTGCTACGCT ATGAGGAAGA AATAAACTT GTGTAATGTT GGTGATAATA CCGCTATATAA4260
 TATATATAAG GGTATATAG AATTGAATG ACACATATTAT TTGTGAATCT TAAATTTAGT4320
 TTTTATATGA GGCATTTAT ATACTGTTT GATGGGTTTT TTTTTTCTCT CDTAAATAG4380
 AAAGTAGAAA ACTATTCTAA CAATGGAATTA TTTTGATTTA GCTTGCTTTT TAAAAAATC4440
 TTTTCAACTT GTTTTACTTA ATCTTGCTTA GTCAAAAAT AAGATGTGCA CCGATGGTTT4500
 GGAAGTTTCC TATATTAGCT GAGCAGTGAAG ATACACTATT TCCAAACCGT GCACAATTA4560
 AGTACCTTTG GAAATGAGCT AATCACTGTT TTACTTAATG GTTCTTATCA GCATGATAAT4620
 ATTCTTTCAA AGTTATTTCC TTATTCAGTG TTTTCTTAGT CTAATTTGTT AGGAAACAT4680
 AATTCTTAAA AATTTCTTCA GAATAATTA AAGTGAACAT TTGTTCTTA TACTGAAAAA4740
 CCTACAAATG TAGCCATTTA AAAAGTAACA TGTTTTCTCT CCGTGTCTAT TCCCTGGGAG4800
 AATGAACTT TATATACTA CTTTCTTTG CAAAAATAAC GGTCTGTCTG AGTTGGTGT4860
 GATTTTGGCA TTCTATCTTG CACTGTTTTT GCTTATTTCT ITAGAAATTA TTGGTCAAGT4920
 AATAATCTTT CCACTCAAGT TGCAAGGGAT GCTTATTTCT CTTCAAAAAA AGACATCTCT4980
 CGGGATTGAG TAGAAAAATTT TAGGTCAAGT TTGGGTGCTT ATTTGTAATA TTTTCTAC5040
 TACATTGGAG TTTAGCAGTT CTTTTTTTTT GGATCCAGAT ACAAGTGTCA TGGTTTATCT5100
 TACAGTGGGT GAAACTGACT TTCTTTTGGT TGGGTGGGTG AGGATTTCTT AGGCTGATA5160
 GAATATATAT TCTCTGAGT TTCTTAATGT ACATATTAGA TTGTATTGGA TTTTCTCT5220
 TTGAATTGCA AATGGTATTA TTAGATAGGT TATTTCCAGT TTTACTTCAT GACAAATTA5280
 CTAGAGTAAA CCTACTTAAT ACTCCAATGG ATTCTATGAA AGTTTAAATG GATCAGAAAT5340
 TGGTGACTTA TAAGGGGGAA GATATTCTAC CATATTTTAA TAATAGCTTA TTATTCACT5400
 TTCTTGTCTG AAGGACACTC AAGTTACAGA GCAAAATTTT TATAGGTTGA CTAGAATGT5460
 CATAGCAGTG GTCTTCCAGT TGCAGGAAAG ATCATGTTCT ATCTGTGGAC ACTTACTGTC5520
 CTCTACGACA GCTACGTGCC AGAGTTGTTT TCCACAGTTC TTATAAAGGG CATGACTTAG5580
 GCTCTTTAGC CTCCAACITA ATGTTTATAC ACAGGGATTG TTTACTAAGT TAAATGACATT5640
 TAACTGCTCT CTCTTCTGTA GGTGAGAGAA AATAAGTAAG TCTTGATCTG TTTCTTACCA5700
 AAGAGAGACA GACCTATGAT GGAATATGAT CACGTCTCTG AATTTTCTCT TTAACGTTAT5760
 AATTCCTTAT TACAGATAGT AAGCATATGG GAATTTCTGA GCTATAATAT GTTGAGAAGT5820
 TAGAAATTA AACTAACACA ACRAAAGGCG CTGAATCAAA AGATCTTTCT TTTTATTT5880
 CTCAGAATGT TTTTGGCTTT TCTGCTAAAG ATGGCAGAAA TTACTCTACA CAGACCTGAT5940
 TTTTCTTTAT TGCAGACCAT TCTTGTGGGC TTACCTTGAG ACTTTTATTC CAATTAGTGA6000
 ATCTTGGAGG GAATACTTGC TTATTTATGA CTTAGGTATT TCCCCCCCAA CTTTAATATT6060
 CTTGAGCACT TGAAAATACT TTTGAGAAAT TTTAACTGTG ATTAATTTA GGTTTATTAG6120
 AAATATTCTG TACACATTG CCTCCATGGT GGTGTAAGTT CTGAAAAATT ATATGACCGT6180
 GACAATASTT TATCATCATC ATTATTGTTA TTCAAAATAA GGGTAAATTA ATCTCTGTAT6240
 TGCCAAAGTG ACTTAACTG TTCTGATGAC CACACAGTGT GATTTCTTTA GCAGAGAAAG6300
 TTGGTTTTAA AATAAATAG TACCCTTTT CTAAGACTGT ACAGTTTACA AATAAGGTTT6360
 TTTTCTTTGT TGTTTTCTCT TTCTATTAAG TTTTAGTGAA AAGCCTAATT ACAGAAAATT6420
 GTGCAGATAC TAGTGAAGAT ACTAGTATAA GTTTAAAGGA ACATGTGACT GTAAAATCTC6480
 ACATTTACAA AGTGCTTGAT CTCTTCATAT TTCACACGCA TGTTTTAGAA TAGATTTTAG6540
 GAGGTGTTTA ATTCAATTAT CTTTTGACTT AAAATTTTTG TTACCAACTT CCTAGGACTT6600
 AGATAATATA TAAATAAGTA CAATCCCGG GGGAAAGTGT GTGATGCTAG ACTAAAAGGT6660
 GGGAAATGTC TGCTGTTCGG TGAGCTTTGT TCCATTGTTG AAAATTTGAT GGTTCAGTGT6720
 TTATTCAGTA CCACTTCATG GAGCTTCAAT GTAAATGGAT TATATGTATA ATTGGTAATT6780
 TGTATAGTTT TGTAGATTGT ASATTAATG CACTCATCAT GTC 6823

Name: 254

Len: 6252 Check: EDD

GCGGGGGGCA ATGGCACTGC AGCTCTGGGC CTTGACCTTG CTGGGCTGAG 60
 TCCCAAGCTG AGGCCCCGCA AGCTGGACTT CTTCCGAGC GAGAAAGAGC TGAACCACT 120
 GGTGTGGAT GAGGGCTCAG GGTGGTGTG CTTGGGGGGG GTGAATGCTC TGTACCACT 180
 GATGGGAAAG CTGAGCTGG AGCAGCAGGT GGCACAGGGC TCGGCCCTTG ACAACAGAA 240
 GTGACGCTG CCACTGAGG CAGGCACTG CCATGAGGCT GAGATGACTG ACAATGTAA 300
 CAGCTCTG CTCTGAGG CTTGAGGAA GCGCTGCTG GATGTGCTCA GGTCTTCAA 360
 GGGATGCTG GCTCTGCGG CCGTGAAGCA CATCTCCCTC GGTGTGCTCA GGTCTTCAA 420
 GAGTCTGAG GGTCTGCTG GTGAGGCA TGTATGAGGG GTGCTGCTAG TGGGCTGCT 480
 GATGAGGCT ATCATGCTGA GCACTGCTGT GTTGAGCTG ACTGAGCTA GGGAGGCTT 540
 TGAAGCTGAC AGGATGCTAG CCACTGCTAA GCGGCTGCT GTCTGCTAG ACTGAGCTA GGGAGGCTT 600
 GTTGTGCTG GCTCTGAGG AGGCTGCTA CTTCTCTTT GTCTTCTAG ACTGAGCTA GGGAGGCTT 660
 GCACTGCTG CCGGAGCTG CCGTGTGCTG ACGCATGTGC AGAGAAGAGC CCACTACTA 720
 TCTCTACTG GAGATGCTG TGCAGTCTG GAGCTCTGCT GTCTTCTAG ACTGAGCTA GGGAGGCTT 780
 CAGCTGCTG GCGGCTGCT TGGCTCTGCT TGGCTCTGCT AGGCTCTAT ATGCTGCTT 840
 CAGCAGAGAC AGGCTGAGCA GTGGGGGGGC CCGTGTGCTG CTCTGCTGT TCGGCTGGA 900
 CAAAGTGTAC GCTAAGATG AGGCTCACTG CAACGCTGT TACACAGGCA CCGGGAGGCT 960

C TGAATATC TTCTACAAAGC CTTTCCACGG CGATATCCAG TATGGCGGAC AGG GCGCGG1089
 CTTCAGCAAG AGCTTCCCAT GTGGGT133A GCACCTGCDC TACTTGCTGG GCA GCGGGA1140
 CGAGTTCATA GTCACAGGCG TGTTGCAAGG TGGAGGCGCTG AACTTACGG CGGTBAOGGT1200
 CTTTCCGAG AACAAACCACA CTCTTGCTTT TCTGGGCAAC TCTATGCGC GGAATCTCAA1240
 GGTGTACCTC ACCCCAGATG GCACCTCTCT AGAGTACGAC TCTATCTCTG TGGAGATAAA1300
 CAAGAGAGTG AAGCGCGAGC TGSTACTGTC TGGAGACCTG GGTAGCTCTT ACCTATGAC1360
 CCAGGACAAAG GTGTTCGCGC TGCCGCTGCA GGAGTGCCTG AATATCTCA CCTGTACCA1400
 GTCTCTCTAG TCCAGGAGCG CTTACTGCGG CTGGTGCCTG GTTGAAGGAC GATGTACCG1460
 GAAGTCTGAG TGTCCGCGCG CTTAGGAGG CAGCTACTGG CTCTTGAAGT GAAGTAACT1500
 CTGCTGTCTC GTCAACAGCG CCCAGGACCA GAACATGAGC CGGCGGCTC AGGCGAGGT1560
 GGAGCTTACG GTCAAGCGCG TCCCTGCGCT GAGCGAGGAG CATGAATTTG TGTCTTTT1600
 TGGGTAATTT CTGCGCACAC CCGCGCGCT GGAGGCGGAG GCTGTCTTTT GCAACTCCCG1660
 AAGCAACATC CCGCTCACAC CGCCAGGCGA GGACCTACGT GCGGTGACCA TCCAGCTCCT1700
 CTTAGAGCA GSCAACATCT TCCTCAGCTC CTACCAGTAC CCGTCTCTAG ACTGCGCCA1760
 GGCCATGAGC CTGGAGGAGA ACCTGCCGTG CATCTCTCTG GTGAGCAAC GCTGGACCTG1820
 CCAGTGGGAC CTGCGCTACC ACSAGTGCCT GGAGGCTTCG CCAACCGCTG AGGACGGCAT1880
 CGTCTGTCTC CACATGGAGG ACAGCTGTCT CCAGTTCCTG GGAACCGAGC CCGTGGTAT1940
 CCGCATGAGC CAGGAGATAG ATCTGAACCT CAAGTTCATG GAGGCGGTGA CCAATGAGGA2000
 TCTCTCTCTG CAGCTGGGCA GTGACTTGCT CAAGTTCATG GAGGCGGTGA CCAATGAGGA2060
 ATCTGGGAGC TTGCGCTTTT GGACCCCAA GCTGTCCAC GATGCCAAG AGAGCTGCT2120
 CTTGCACTCT TACGTCAAGT CTTACGGCAA GAATATCGAC AGCAAGCTCT ATGTGACCT2180
 CTACAACTGC TCTTTTGGCC GCAGCGACTG CAGCTGTGTC CCGGCGGCTA ACCCCGACTA2240
 CAGGTGTGCG TGTGCGGGG GCGAGAGCAG GTGCGTGTAT GAGGCGCTGT GCAACACCAC2300
 CTCCGAGTGC CCGCGCGCG TCATCACAG GATCCAGCT GAGAGCGGCT CCGTGGTGG2360
 GGGCATCCTG ATCACCATCC TGGGGTCCAA TTTGGGCGTC CAAGCAGGCG ACATCCAGAG2420
 CATCTCTCTG GCGGCGCGGA ACTGCTCTCT TCAGCCGGA GCTTACTCTG TGTCCACCG2480
 GATCTGTCTG GTGATCGAGG CTGCGGAGAC GCGTTTCAAG GCGGCTGTCT AGGTGGACCT2540
 CTTGCGGAAA CTGGGCGGTT CCGCTCCCAA TGTCCAGTTC ACCTTCCAA AGCCCAAGCT2600
 TCTCAGTGTG GAGCGCGAGC AGGGACCGCA GCGCGGCGGC ACCCACTGA CCAACAGG2660
 CACCCACCTG GACACGGGCT CCGAGGAGGA CGTGGCGGTG ACCCTCAAG GGTCCCGTG2720
 TAAAGTGAGC AAGTTTGGGG CCGAGCTCCA GTGTGTCACT GCGCGCCAG CGACACGGG2780
 CCAGATGCTT CTGGAGGTCT CTTACGGGG GTCCCGCGTG CCGAACCCCG GCATCTCTT2840
 CACCTACCGC GAAAACCCCG TACTGCGAGC CTTGAGCGG CTACGAAGCT TTGCGAGTGG3000
 TGGCGCGAGC ATCAACGTCA CCGGTGAGGG CTTGAGCGCT ATCCAGAGGT TTGCCATGGT3060
 GGTCTATCGC GAGCCCGTGC AGTCTGGCA GCGCGCGGG GAGGCTGAAT CCGTGCAGCC3120
 CATGACCGTG GTGGGTACAG ACTACGTGTT CCACATGAC ACCAAGGTCT TCTTCTGTCT3180
 CCGCGCTGTG CTTGAGGAGC CAGAGGCCTA CAACCTCAG GTGCTGATCG AGATGGACGG3240
 GCACCGTGGC CTGCTCAGAA CAGAGGCGGG GCGCTTCGAG TACGTGCGCT ACCCCACCT3300
 TGAGAACTTC ACAGGTGGCG TCAAGAAGCA GGTCAACAAG CTCATCCAGC CCGGGGCGAC3360
 CAATCTGAAC AAGGCGATGA CCGTGCAGGA GCGCGAGGCG TCGTGGGTG CCGAGCGCTG3420
 CACCATGAAG AGGCTGACGG AGACCGACCT GTACTGTGAG CCGCGGAGG TGCAGCCCC3480
 CCGCAAGCGG CCGGAGAAAC GAGACACAC ACACAACCTG CCGAGTTCA TTGTGAAGT3540
 CCGCTCTCTG GAGTGGGTGC TGGGCGCGCT GGATACGAC ACAGGGGTGA GCGAGCTGCT3600
 GTCTGAGCTC ATCTTGGCGC TGGTCTATCT GCGCATGGTG GTCTCATCG CCGTGTCTGT3660
 CTACTGTAC TGGAGGAAGA GCGAGCAGGC CGAACGAGAG TATGAGAGA TCAAGTCCCA3720
 GTTGGAGGCG CTGGAGGAGA GCGTGCAGGA CCGCTGCAAG AAGGAATTCA CAGACCTGAT3780
 CATCGAGATG GAGGAACAGA CCAACGACCT GCACGAGGCC GGCATCCCGG TGCTGGACTA3840
 CAAGACCTAC ACCGACCGCG TCTTCTCTCT GCGCTCCAAG GAGGCGGACA AGGACGTGAT3900
 GATCACCGCG AAGCTGGACA TCCCTGAGCG GCGCGGCGCG GTGTTGGAGC AGGCTCTCTA3960
 CCACTTCTCT AACTGCTGA ACAGCAAGTC TTTCTCTATC AATTTCTATC ACAGCTCTGA4020
 GAACAGCTCG GAGTTCGCG CCGCGGCGCA GGTCTAATTC GCGTCTCTCT TGACGTGGG4080
 GTTGCACCGG AACTGCGAGT ACTACAGGA CATATGAC AGGTCTTCTC TGGAGCTCT4140
 GAAGAGTAC GTGGTGGGCA AGAAACCGCA CCGTATGCTG CCGAGCTCTG AGCTGTGCT4200
 CCGGAGCGCG CTGTACAACT GATGTCTCAT CTGCTGTATC CAGTACCTCA AGGACAGTGG4260
 GATGTCTGTA CAGAAAGAAG CCAAGTACAC TCTCAACGAC ACCTGGCTGC TGGGGGATGA4320
 TGTGAGTAC GCACCTCTGA CCGTGAAGCT GATCTGAGC GAGGAGGGAG TGGAGGCGAT4380
 TGTGTCTGAG GTCTTCAACT GTGACAGCAT CTCCAGCTC AAGGAGAGGA TCATTGACCA4440
 GGTGTACCGT GCGGAGCGCT GCTCTGCTG GCGGAGGCGA GAGAGCTGAG AGCGGAGGG4500
 TGTGTCTGCG TCTACAGCG AGATCTCTGT GATCTGAGC CTGAGCTCAC AGCGGAGGG4560
 CCGTGTGAG TCGGTCAAGA CCGTGTATGCA CTACAACTG CCGGATGAG CCGCTCAT4620
 CCGTGTGAG TGTGGGCTCT CCGGAGCGC GSAGGAGAGC CAGGAGGAGC TGCCTGGGGA4680
 GCGGATGCG CTTCTGAGG AGGAGAAAG GGTGTGCGAC CTGTTGCGGC CGACCGACGA4740

GGTGGAGGAG GGCAATCCCA AGAGAAGGAG TGTGAAGAG AAGGAAGGA GGAAGGAGGAT4861
CACTAGAGAT TACTTAGAGC GGCTGCTCTT AGTCAAGGGC AACTAGAGT AGTTTGTGGA4862
CAATTTCTTC CAGAGCTGTG TGGGCTCTTG GCACGGCTTG CAGCTGGA TTAGTATT4863
CTTCGACTTC CTGAGGAGG AGGCAAGAGG GCACAACATC CAGGATGAGG AGCTCATC4864
CATCTGGAGG AGGAATAGCT TACGCTCTTG GTTCTGGGTG AACATCTTCA AGAAGCTTCA5100
CTTCATCTTT GAGCTGATG TCCACGAGGT GGTGGAGGCT TCGCTGTGAG TCGCTGTGAG5160
GAAGCTCTTG GATGCTTGA GGGGACGCTA GCATAAGCTG AGCTGGGATT CTCTAGCA5200
GGGATCTTG TATGCTAGG AGATCTGCTC CTACAAGAGG ATCTTGAGG ATTACTAGCA5240
TTCCTGCTTG TATGCTAGG AGGTGAGCTA CTAGGAGATG AATAGATG TGGAGATG5240
CATCTAGAGG TACTATGAG AGATCATCAA TGCCTTGGAG GAGGATCTTG CCGCTGAGAA5460
BATGCTGCTG GCTTCTGCTG TGCAGCAGAT TGCCTGCTGA CTGGAGAGCA AGCTCACTGA5520
CCTCTGAGCT ACAATCTTCA GTGCTGCTTT GGGACATAGG TACCTGAGGT AGCTGAGAGC5580
CCCTCAAGGG AGGAAGGCTG GTGGCTGTGG CTGAGGCCCC CAGCTCTTCT 7500
CCCAAGGCTG AGTGGGTGCA GCCGGAAGCC GCCAGGCTG TAGACTGTAG CATCTTCTCT5700
TGAGCAATAC CGCCGCGGAC CGCAGCAGCA CCAGCCCCAG CTGAGTGTAT GCTTACGCT5820
AGAAGCAGCA TGGGCTGTTC ACTGTGCTG CTGAGTGTAT GCTTACGCT5820
GGGCTCTTG GGGCTAGCTG GCTTCTGCTG CCGCTGCTG CAGCTGCTG CCTTCTCT5880
CTAGGTTGGG CCGCTGCTG ATCTGAGGCT CTGTGGCTG CAGGCTGCTG TCTTCTCT5940
TATGCTCTG TGTCCAGCAC GAGATGGGAG GAGGAGAGAA AGCTGCTGCTG TCTTCTCT6000
ACCTCAAGGG CCGCTGCTG GGTGCTGCTG CTCTGCTGCTG ACTCAAGCTG GCTGGGCTG6060
ACCTCAAGGG CCGCTGCTG GGTGCTGCTG CTCTGCTGCTG ACTCAAGCTG GCTGGGCTG6060
TCCTGCTGCTG TCAGACAGGC TGCCTAGAG CCCCAGCCAG TCGGGGGGGA CTGGGAGCAG6180
TTCCAAGACC ACCCAGCCAG TTTTGTAA TCTTGTTCAT TGTAATCAA ATACAGCTG6240
TTTTTCACTG CG

Name: 255

Len: 7934 Check:

616

CGCTCTGAAAG TCACGAGCCC CGGCGAGAGC CCAGACCCAG TCGGGGCTAG CCGGAGGCT 60
CGCTGGAGGT GGACGGTTTC AGTCCACACA TACTGGGACC CCGGGGAGAC ACTCAACAGC 120
ATCCGAGGCT GCGCTGTTTC AGAGGCAGGT CGCCGCGGGA CTCCGAGCGG GCGGGGAAGG 180
CGACGCTGTC CTGGAAGGAC CGATCCAGGC AGACCGACAC TGGGCGCGGA CGCAGCAACC 240
AAAGCGCTGG AAGGAGGCGT GAAGAAGGAC GGACGTTAA GAGCTTCTG CCGCTGATTG 300
GTCATCAGAG GAGCACTTCC TTCACAGGAC GTGAAACGGG GCGGCTTGG GAGGTTTAGA 360
GACCATCTTC CGCGAGCCAA AACCCGTCAA AGGATTATCA GACACGCGGG TCGAGCGGTC 420
CACATCAGCC GGCAGCCCGG GCGGGTCCCG CGGAAAGTA GTGCGGACCG CTCTCTCGGT 540
TTTTGTTTTG TATCCCTCCG CCGACGTCAA CGGAAAGTA GTGCGGACCG CTCTCTCGGT 540
GGTCCGGGGT GGTACAGCCA CGTGACAAG CCAGGCCCCG CTTTCCCTCT CTTTTGGTTA 600
CAGAGCTGAG GGTCTTTTGG AGACGTAAAC ATCTCCGAGT GCGGAGGCTG GCGGGGGCTA 660
GCGCTTGGGA AAGGCGGGGG TGGCTTGGTT GAGGTGTGGA AAGACCAGAA GAGGTGAGG 720
TCAAGAGAGT GCGAATGAGG CATTCCAATG GTGGGTGGGG CCTGACCTGA GAGAGTGGCG 780
CGGGGAGGGG TGAAAGCGCG GCGATCTCTG AACGCCAGCG TCCAGCGTTC CCGTGGGCTG 840
AGGGGCGGGG CGATTAGTTC ATAGAGCGGG TCCAGCGTTC CCGTGGGCTG 840
TCCAGACTAC AAAAGCGGCT GCGGAAAGG GTGCTCTCTG TCGCTGCTG CCGCTGCTG 900
CTAGTATGTC AGCTTCTGCT GGTGCTCTG GTGCTCTCTG TCGCTGCTG CCGCTGCTG 900
GCTTCTGCTG CATGAGGCG ATTTCCAGCG ACTTGTCTGA CCGTTTTCTA TACTTCTG1020
TCCCGGCTAA CCGCAACCAT TGACGCCATG TCGGCTTATT CCGTGAAGG AGAGCTGGG1140
CGGGAGCGAG GGTATTGGA GTGACCGAGA CCGCGGCCAC CCGGGGTGAG TCGGGGTGAG 1200
GAGCTGTGAG GCGAGCGGGG TGGGGGGATG GGAGGGCGGG TCAGGGGTGAG GCGGGGTGAG 1260
GGCTTGGGG CTGAGGCTTG GCTTTCTGCG GCTATCTTGG GACTTCTTT CCGGAGGCT1320
GCGGCTTTT GATATTGAG TCACAGTAT TGAAGAGAT TCGAGGCTG AGTGTCTTCA1380
AGCTTGGTTT CTGCTGGGG ATTTGGGGG CTGTGCGGG GCTTGGCTG TGGTAGCTG1440
TGAGGGAGTT GAGAGGAGG GTATTGCTG GATGAAAGCG GAGCTTCTGA GGCATGAGCA1500
AGGAATATTT GTTATGCTG GCTTTCTGCT AGGTGTTTTT GGGGTGCTG GGCATGCTG1560
GGGAGGAGG GAGAGCTTC TAAAGGCTG GTGCTGTTG GGTAGGAGG GCGCTGCTG1620
CAGGCTATG GGTGAGTGG GATGACAAA TGCGGGCTCT GAGCATGCTG GCGGCTCTG1680
TGTACCTGCG CTGGGCTGAG GAGCTCAAAA TGCGAGGCTC GAGAAAATGT GCGGAGAGCA1740
CAATATGCGAG AATAAGGGGG AAGGCTGCTG CAGGCTGCTG GCGGCTGCTG TCTTCTTTT 1800
CGGGCTGCTG AGCTTCTGCT CCGAGCTCTT ACCGCGGCT TTTTCTTTT TCTTCTTTT 1860
TATAATTTT ATTTCTGAT CCGAGCTCTT TGTATCTGCT GACTGTACTG TTTAGSTTCT1920
GCAGAACTGT TTCTGAGAAA ACCTTGTGCT TGTATCTGCT GACTGTACTG TTTAGSTTCT1980
TACCATCAAA GTTCTGCTG TGTGCTGCTG TGTATCTGCT GACTGTACTG TTTAGSTTCT1980
GCTTCTGCTG AGCTTCTGCT TGTGCTGCTG TGTATCTGCT GACTGTACTG TTTAGSTTCT1980
GTAACCAATA CAAGTGTGCT GTGCTGAGAT CCGCAATCTT GCGATGCTG TGTATCTGCT1980
CGGAGATGAT AATTTCTGCT CTCTGAGAT GATAAATCTT AGGCTGTTT CATGAGCTAA2220

GTAAATGTGTA GTTGGGACTA GGGGAAATGT TAACTGTGGC TGTGAGAGA GAGAGAGATT2280
TTCAAGGAAGG ACASTGCTAG GTTTACCTCT CGAAGTCTGT TTTCAGTGGT TTTTAGCTT52340
TGDDAATGGA TGACAAATCT ATACAGAAAC GTGGSTATAG GTTAAAGAAA ATGTGAATAA2400
CGTTTTTTTT CATTCCAGST TTGGTGACCC TCGATTGGGA GSAAGTAGGG CAGGGCCCTT2460
ATCTGGAAG AASTTTGGAA ACCCTGGGGA GAAATTAGTT AAAAAAGAGT GGAATCTT3A2510
TGAGCTGCCT AAATTGAGA AGAATTTTTA TCAAGAGCAC CCTGATTGG CTAGGCGCAC2540
AGCAATGAST AAATTATGT GGCTTCATCA GCTGTAAC TCAATTTTGG TAGATTACA TGTCTGACT2700
TGAAATTTCTG ACAGSTGTTT TGCAAAATAC TCAATTTTGG TAGATTACA TGTCTGACT2700
TCATAATTCTG GAAAGSTGTT ACTCACTTTT GSAATATAGG TGCTTTTGGG ATTTTACTT2740
AAATTAGGTT GAGTATAACA AGAAATTTTT TTTTCATAAT AGGGTGTICA TAGGTGGGT2820
AGATTAAAAA GAAGGCTACT TTAAGTAGTT ACTAAATTAT GAAATTAGGG GCTTATCAAT2840
TACCTATTTA CGTAGGGTGG TGTGATGAAT TTAGACTGTA TATTGTTTTC AGCAAGAGGT2940
GGAATCATAA AGAAGAAGCA AGGAAATTAC AGTTAGAGGT CACAAGTGG CGAAGCCAT3000
TCTAATTTTT TCCACCTACC CCTCTTTTTT CTTGGCATCA CTAATTTTTA CTAATATCT3120
GTTACTAATT ATAGCAAATG TCATGGATGT TATTGCAAGA CAGAATTTTA CTGAACCCAC3130
TGCTATTCAA GCTCAGGGAT GGCCAGTTGC TCTAAGTGGG TTGGATATGG TTGGAGTGGC3240
ACAGACTGGA TCTGGGAAAA CATTGTCTGT AAGTTTGGGA GAACTCTTGA GTTGATCTGA3300
TATATGCAAG AAAATGTAAT GGTAAATTTAA AAACGAGTAT TTTAATGTGA TTTCTGTTT3360
TCCCCACTTT CACCTAAAT AGTATTTGCT TCCTGCCATT GTCCACATCA ATCATCAGCC3420
ATTCTAGAG AGAGGCGATG GGCTATTGT AAGTATATAT TTTACTTTTA TTAGAAGCAT3430
AATGTGTAGA TTTTAGACTA CATAGCTAAA GATGTAATCA TTTGTGGTGG TTTTATATAG3540
AGGTAGCTC ATCCTATTCA GCTGGAGCTG TTTTGGGTAT TGGACAACAC ATGAAGAAAG3600
GATCTGCTAG TATAATAAGT TAGCAGTTTA AAAGTAGTAC CAGGTTTGTG CTGAAAGCTG3660
TTCTCTTTT CTTAGTGTG TGCTGCTGGC ACCAAGTGGG GAACTGGCC AACAGGTGCA3720
GCAAGTAGCT GCTGAATATT GTAGAGCATG TCGCTTGAAG TCTACTTGA TCTACGGT3830
TGCTCTAAG GAGCCACAAA TACGTGATTT GAGAGAGGT ATGTAATGAA AAGGGTTTT3840
TTTGTCAATG GTGCTAAATA TCCTAGGTAT TGTAATTACA CTTACGTATT TAATTAAGG3900
TGTGGAATG TGTATTGCAA CACCTGGAAG ACTGATTGAC TTTTLAGAGT GTGGAAAAAC3960
CAATCTGAGA AGAACAACCT ACCTTGCTCT TGATGAAGCA GATAGAATGC TTGATATGGG4020
CTTTGAACCC CAAATPAGGA AGATTGTGGA TCAATAAGA GTAAGTGTCC TTTGAAATAT4080
GTGATCAAA TGAATTGTGT TTCCTCTTA AGAGTCTGAT ACTAATTTTT CCCCCAAAA4140
TCCATTAGCC TGATAGGCAA ACTCTAATGT GGAGTGGCAG TTGGCCAAAA GAAGTAAGAC4200
AGCTTGCTGA AGATTTCTG AAAGACTATA TCCATATAAA CATTGGTGCA CTGAACTGA4260
GTGCAAAACCA CAACATTCTT CAGATTGTGG ATGTGTGTCA TGACGTAGAA AAGGATGAAA4320
AGTAAGTTTT ATTAAGTCTG TTATATTTC TTCCTAACAA CTTTGCTGTA AAATTGAGGA4380
TCATTGTTG GTGAGTTGTT TTAGGTATT TCAGTTGGTG TGATTTCAAT TAGTTAGCT4440
ACTAATCTG AAAATTTCTT GAATCTTCAA ATAATGGCCG TCACCATTTA TAGCTTTCCA4500
TATGAAGAA TGAATTCATG TCTCCCTGGT TGACTTAAG ACCAAGGGTC GAAGTCTCG4560
ATAAGTGGAT TAGCAGGGCT CTTCCTCTCT TTTGACCTTT CCAGCCATGT AAATTGAAGT4620
TAATGTTTTG CTGACCATAA ATGTGTGGCC CTAGCAATGG TCTTTTAAAA CTCAGGATTT4680
TCTTTCTCT CTCTATTAT TAGACTTAT CGTCTAATGG AAGAGATCAT GAGTGAGAAG4740
GAGAATAAAA CCAATGTTTT TGTGGAAGAC CTTGAAGCA GTGATGAGCT TACCAGAAAA4800
ATGAGGAGAG ATGGGTATGT GTGAGCTCT CTTGAAGCA GATTGATTA AACAGCTTAG4860
GAAGGGCAAA GTTGGATCAC GAGCAGTGG TTTTTCAT ATCTGATAG GAATTTAAGT4920
TTTTCAATTC TGGGAAAT AAAGAGATCT GTGACCAAAA GTGGTCAAGC ACTGGAGTCT4980
GAGGTTTTCA ATGTGAGTTT AATAACACAA CTTGTCTTTT AACTTAGGTG GCTGCCAT35040
GGTATCCATG GTGAAAGAG TCAACAAGAG CGTGACTGGG TTCTAAATGG TAAATATTT35100
AAATGAAGTA TTTTTCCTCC TACTTAACC TAGCTAGAA TCAACATGG AAAAGCTCT35160
ATTCTGATTC CTACAGATGT GGGCTCCAGA GGGCTAGGT ATACAAACT CGCATTCAT35220
GCTTGGTTT CTAGAGATG TCAATTTAA TTTTAAAG AAATTTAT TCTTTCTT35280
ACTGCAAT TTTTAAAT TTTTTCACA TAAAGGTCT GTCTTTGTG TAAGCTTA35340
GCATGACAT CTGAGACTG GAGGGGATG GAGGACTAG GATCGCTGG GATCGCTGG CTGCTTCA35400
TGATTTAGAG AGGTGAAAAG CTGAACGTGT GCCAGTAAT TTCAAAAGG AGAACATAT35460
ACCTGTGCC CTAAACTGT TCTCTCCGAG GGAATAATG GAAGTTATCT CACAGTTCA35520
TCCCTGGTA TTTCTCTGT CCGATGCTTT GCATGACTGC CATGGTACAG CTTGTTTCA35580
AACTGTTTAC TGTGATCTGT GGGTCTTTGA GTTTCAGTGA GTTTGCTGAA ATCTCGAAG35640
AGTAGTTTCA AACTTCAATG TTTCAATGAAA TTTTGTTC AAGTTGAAAT GAGAGAGT35700
GTTTTAAAA GTACTAAGCC TTTTACAAAT TGSTGAGTTA CTGGCACATG AGATCTAGA35760
CAGGAGCAAC TTCTACACAC TATGAGTAAG TGSGAAAAAG AAGTCTTTG AAAGTCTCT35820
CCTCAGCTAT ACAGTAGTGT TCATGTGAG ACCTGCCAGA GAGAGACACA TTCTCAAGT35880
AATCCTGCT TTTTGAAGG GCTTGCCTAG ACGAGACACA GTGCATAAAA ACAACTTTT35940
GGGGACAGGT ATTTTTCTT GCAGCTGGG TTGTAAGGTC TTGGCAAGAC AAGCAGTGT36000

GCCAAATTTT TBAACTCTTG ATBAATGTGT AATGCAAAAGG ACCTTSTACA TTTTTTTTSTT6180
TCAAGGTCTT TAAARTSAGC ACATGAAGAG GTTGCTGTGA AACTTTAAST GGCCTTACTG6127
CSCAGAAATA TTCAATSTIC ACTTSATGAT CTSTAAGGGA AATTGCTGAT TTGGGAATGT6184
GCTTACTTAA CACACATIPC TTTTGACAGG GTCTGTCACT GGGGTGGGGG TGATGAATTA6240
TACAGATGAC ATGTGTCTTT TTTTTCTTTT TTCACCTCA ATGGTATTCT TACAGGAAAT6300
GGATAACCAT TTTAASTGTA TTTTTTTGCA GCCCTACCT TCTTGGGAAT ACAATTGTCT6360
AACTTCTTAT TTTTGTCTG GTTGTGTGTG TGTGCAAAAC TCCGTACATT GCTATTTTGT6420
CACACTGAAA CACCTTACAG ATGTGGAAGA TGTGAAATTT GTCATCAATT ATGACTACCT6480
TAACTCTTAA GAGGATTATA TTGATCGAAT TGAAGAATTT GTGCGCAGTA CCAAAACAGG6540
CACAGATATC ACTTTCTTTA CACCTAATAA CATAAAGCAA GTGAGCTACG TTATCTCTGT6600
GCTTCTGTAA GCTAATCAAG CAATTAATCC CAAGTTGCTT CAGTTGGTCT AAGACAGAGG6660
TTCAATTAAG GATGACTGAT AAGAAATGTT GGTATTTAAG GTCACTACCT ATACAAATCT6720
ATTTAAATGG TATTGGAGGG TSAGTAAAC CTTGAAGTGA AACTTTAAGC TGAAAAATT6780
TAAAAACATT TCACGCTTAC CATGAATAGA TCTGTTTCTT CTGTCCACAA TGATTTGTGT6840
CATAGACATA ATTGATCAAT TTGCAATTGT TTTCTTGACA GGTGCTTCCA GGGGTAGAG6900
AGGCATGAAG GATGACCGTC GGGACAGATA CTCTGCGGGC AAAAGGGGTG GATTTAATAC6960
CTTTAGAGAC AGGGAAAAAT ATGACAGAGG TTACTCTAGC CTGCTTAAAA GAGATTTTGT7020
GGCAAAACT CAGAAATGGT TTTACAGTGC TGCATAATAC ACCAATGGGA GCTTTGGAAG7080
TAATTTCTGT TCTGCTGGTA TACAGACCGA TTTTAGGACT GGTAATCCAA CAGGGACTTA7140
CCAGAAATGGT TATGATAGCA CTCAGCAATA CGGAAGTAAT GTTCCAAATA TGCACAATGG7200
TATGAACCAA CAGGCATATG CATATCCTGC TACTGCAGCT GCACCTATGA TTGGTTATCC7260
AATGCTAACA GATATTCTCC AATAAGACTT TAGAAGTATA TGTAATGTCT TGTTTTCTAT7320
AATTGCTCTT TATATTGTGT GTTATCTGAC AAGATAGTTA TTTAAGAAAC ATGGGAATTG7380
CAGAAATGAC TGCAGTGCAG CAGTAATTAT GGTGCACTTT TTCGCTATTT AAGTTGGATA7440
TTTCTCTACA TTCTGTAAAC AATTTTTAGG TTTTTTTTGT ACTAGAAAT GCAGGCACTG7500
TTTTCTAACA AGTAAATGTA CAGTGAATTG AATACAATA AATGAAGGCA ATGCATGGCT7560
TTCAATATAA AATATTGTA AGACTGAATT AAGTGAAT TGTACTTTAT TTATATAAT7620
TCATGTAAAA CTTTGTCTAA GATGGTCTGG TTTTTTTTTT GTTTTTTTTT GGTTTTTTTT7680
TTCCATGAAA ACAAATGACT GTTCTTTTTT ATTTAATTTG GGAGGCGAGG GGAATCAGAA7740
GGCCTTCTT TATAATGAGC TATTCATATT GCAGGAGTCA GAATGAATTG ATACAGGTGA7800
ATTTTGTAGT ACAGGCTAAA TTGCATAAAA GCTT 7834

Name: 256 Len: 903 Check: 215E
CGGCGGGGGG GACAGGACCG AGGGGCCCTTA GTTGGTGGGC AAGTCGGGGA TCCCAGAAAG 60
AGAAGCGTGA CCGGGAAGCG GAAACGGGTG TCGTCCAG CTCCGGCCTG CCAGTGAGCT120
TCTACCATCA TGGACCTATT GTTCGGGCGC CGGAAGACGC CAGAGGAGCT ACTGCGGCAG180
AACCAGAGGG CCTGAACCG TGCCATGCGG GAGCTGGACC GCGAGCGACA GAACTAGAG140
ACCCAGGAGA AGAAATCAT TGCAGACATT AAGAAGATGG CCAAGCAAGG CCAGATGGAT200
GCTGTTGGCA TCATGGCAAA AGACTTGGTG CGCACCCGGC GTTATGTGGG CAAGTTGTAG260
TTGATGCGGG CCAACATCCA GGCTGTGTCC CTCAGATCC AGACACTCAA GTCCAACAAC220
TCGATGCGAC AAGCCATGAA GGGTGTCAAC AAGGCCATGG GCACCATGAA CAGACAGCTG380
AAGTTGCCCC ASATCCAGAA GATCATGATG GAGTTTGAGC GGCAGGCAGA GATCATGGAT340
ATGAAGGAGG ASATGATGAA TGATGCCATT GATGATGCCA TGGGTGATGA GGAAGATGAA300
GAGGAGAGTG ATGCTGTGGT GTCCAGGTT CTGATGAGC TGGGACTTAG CCTAACAGAT260
GAGCTGTGCA ACCTCCCTTC AACTGGGGGC TCGCTTAGTG TGCTGTCTGG TGGGAAAAAA720
GCAGAGGGCG CAGCCTCAGC CCTAGCTGAT GGTGATGAGC ACCTGAGGGA ACGGCTTAAG780
AACCTGCGGA GGGACTGAGT GGCCTGCCA CTCAGAGATA ACCAGTGGAT GCGCAGATC240
TTTTACCATA ACCCTCTGT AATAAAGAG ATTTGACACT AAAAAAAA AAAAAAAA800
AAA 803

Name: 157 Len: 1840 Check: DF4
CGTGAACGGT CGTTGCAGAG ATTGGGGGGG GTTGAGACGC CGCCTGCCTG GCACCTAGGA 60
GDCACGCGGA GCGCGGACAG CGCCGCGGCG GGCATGGAGT CCGAGACCGA ACCCGAGCGC 120
GTCACTCTTC TGGTGAAGAG CCGCAAGGAG GCGCACCGCG ACTTGAGACT GAGTGGCGAC 180
CGCGGCTGGA GTGTGGGCGA CCTCAAGGCG CACCTGAGCT GGTCTACCC CGAGGCTCCG 240
CGTCTAGAGG ACCAGAGGTT AATTTATTCT GGGAGGCTGT TGTGATCA CCAATGTCTC 300
AGGGACTTGC TTCAAAGCA GGAAGAAAGG CATGTTTTGC ATCTGGTGTG CAATGTGAAG 360
AGTCTTTCAA AATGCCAGA AATCAATGCC AAGTGTGCTG AATCCACAGA GGAGCCTGCT 420
GCTTCTAATC GGGGACAGTA TCTGAGGAT TCTCAAGTG ATGGTTTAAG GCAAAGGGAA 480
GTTCTTGGGA ACCTTTCTTC CCTGATGG GAAAAATCT CAAGGCTGGA AGCTGCCAG 540
CAGGCATTCC AAGGCTGGG TCTGTCTTC CTGGTTACA CACCTATGG GTGGCTTCAG 600
CTTCTCTGGT TCCAGCAGAT ATATGACGGA CAGTACTACA TGCAATATTT AGCAGCCTAG 660
GCTGATCAG GGGCTTTTGT TCCAGACGA AATGACAAAG ASATACCTGT GGTCTCTGCA 720
CCTGCTCAG CCGCTATTCA CAACAGTTT CAGGTGAAA ACCAGCTGCT CAATCAGAA 780
GCTGCTCTC AAGTGGTTGT TAATCCTGGA GCAATCAAA ATTTGCGGAT GAATGCACAA 840

TTTGGTCTTA TTGTGGAAGA AGATGATGAA ATAAATCGAG ATTGGTTPBA TTGACCTAT 900
TCAGCAGCTA CATTTCTGT TTTTCTCAGT ATCCTCTACT TCTACTCTC CTGAGCAGA 960
TTCTCTCATGG TCATGGGGGC CACCGTTGTT ATGTACCTGC ATCAGCTTG GTGGTTTCCAL1021
TTTAGACCGA GGGCGTTCA GAACTTCCCA AATGATGGTC CTCTCTCTGA CTTTGTAAAT1030
CAGGACCTCA ACAATAACTT ACAGGAAGGC ACTGATCCTG AAATGGAAGA CCGTAACCAC1140
CTCCTCTCAG ACAGGGATGT ACTAGATGGC GAGCAGACCA GCGCCTCCTT TATGAGCACA1200
GCATGGCTTG TTTTCAAGAC TTTCTTTGCC TCTCTTCTTC CAGAGGGCC CCGAGCCATC1250
GCAAACTGAT GTTCTTTGTG CTGTAGCTGT TGGAGGCTTT GACAGGAATG SACTGATCA1320
CTGTACTCCA GTTAGATTGT CTCTCCTGSA CATGGCAATG ATGAGTTTTT AAAAACAAT1330
GTGATCATG ATATGCTTTT GTGAGCAAGC AAAAGCAGAA ACCTGAAGCC GTGATACAA1440
TTGGTGAACA AAAAATGCCC AAGGCTTCTC ATGTGTTTAT TCTGAAGAGC TTGAATATAT1500
ACTCTACTTA GTTTAATAAG CACTGTACGT AGAAGGCCCT AGGTGTTGCA TGTATATGCT1560
TGAGGACCTT TCCAAATAGT GTGTGTCTGC ATGTGTGTTT GTACATAGAA GTCATAGATG1620
CAGAAGTGGT TGTGTGGTA AGATTTGATT CCTGTTGGAA TGTTTTAAAT ACATAAGTGT1680
TACTACTTTA TATAATCAAT GAAATTGCTA GACATGTTTT AGCAGGACTT TTCTAGGAAA1740
GACTTATSTA TAATTGCTTT TTAATAATGCA GTGCTTTACT TTAAACTAAG GGGAACTTTG1800
CGGAGGTGAA AACCTTTGCT GGGTTTTCTG TTCAATAAAG TTTTACTATG AATGACCTGT1860

Name: 253

Len: 5350 Check: 193C

TTTATTGAAC AITTATTCTG TTCAAAACAT TCCCAAAGGC AACAGAGAT ACAAATAAAT 60
CTCTGCCCAT GAAAAGGTGT GGGGGGCATT AGAAGGCGTT CTCTTGGGTG TAATGAAGTA 120
ATGAGAGAAG AAAAAGTAGT TTGAAGCTAT GGAGTAAGGG ACTTTGAGTA TCCAGGCTC 180
AAAAAGTTGG SACTTGAACA GTACGGGGGT GCTGCTGAAA ACCTTTGAGG GAGGTAATGA 240
CATGATCGAA GCTATACTTG AGAAAGGTGA ATCTGATAAA GTATGAGTGA AAAAGAGACT 300
GAAGGTCTAG AAATTAGATT GAGGCTAATG ACAAATCCA CATAAATAGG AGGACTTGAA 360
CGAAGGGGCA CTTAGAAGAG GACAGGAGAT AGTAAAAGGC ATTCAATGAT GAGAGCACAC 420
ACTACAGGGG ACCATGAGGG AGGTGGGAAA AGATAATGAA AGSATTACCG AGCTTCACTG 480
ADGATGTGTT TGAATGAGC AGGAATCTTG TAGTGATCT AATCCGTGCT TTTCTGGAGC 540
ATTTCAAGC CTAGGAACAT ACAAGGGGGG CATCTCCCTG GAATGTAAAT TGACTAAGAG 600
GAATTCATA ATGGTCAAT ACTCTTTTTT TCTTACTGCT GACTACTAGT GGAAAAACT 720
ATTTCTTTA GTCTACTCAT ACTCTTTTTT GTTTTCAGTC ATTTCCGTTT CACTCCAGCC 780
TTAATTAAAA GTATTTTACA AAATGTGCTC TCTTACTGCT TCTCTTAGTA TTCTCACCAC 840
TGTTGTGTTG TTTTTTTGAA ATAATAATTT AAAGTAATTT TCTTTTGA GATGAGCATA 900
GTCAATCCAA CAATAAGAAA AGATTTGAAA ACTGGACCGA AATCTACTG CTGTCCAATT 960
GAAGGCTGCC CCAGAGGGCC TGAGAGACCG TTTTCTCAGT TTTCTCTCGT AAAACAGCAC 960
TTTATGAAAA TGATGCTGA GAAGAAGCAC AAATGTAGTA AGTGCAGCA TCGTACGGT1020
ACAGATGGG ACCTGAAAAG ACATGCAGAG GACTGTGGCA AGACCTCCG GTGCACATGC1080
GGCTGTCCCT ACGCCAGTAG AACAGCACTG CAGTCTCACA TCTACCGAAC TGGGCACGAG1140
ATACTGCAG AHCACAGGGA CCGACCTAGT AAGAAAAGGA AAATGGAAA CTGTGCACAA1200
AACCAAGAGT TATCCAACAA GACCATTGAA TCATTGAACA ACCAACCAAT CCGTAGACCA1260
GACACTCAAG AACTAGAAGC TTCAGAAATA AAGCTAGAAC CATCTTTTGA AGACTCTGT1320
GGCTCTAACA CTGACAAGCA GACTCTTACA ACACCACCGA GATATCCTCA GAAGTTGCTT1380
TTACCAAGG CCAAGTGGC TTTGGTTAAA CTACCCGTGA TGCAGTTTTT TGTCTGCTT1440
GTCTTTGTG CTACAGCCGA CTCCTCAGCC CAGCCTGTGG TGTTAGGTGT TGATCAGGGC1500
TCTGCTCAG GGGCTGTGCA CTTAATGCCC TTGTCACTAG GAACCTGAT CCGGGCCTA1560
GATTTCAGAG GTTGTCTCT TAAGGAGAGC CTACCTCTTT TCAAAATGG TAATCTATT1620
GCTGTGTAGC CAATAAGTAC TGGTGTTCAA GTGAACCTTG GTAAAAGTCC ATCTAATCT1680
TTACAAGAAC TAGGGAACAC GTGTCAAAAG AATAGCATTT CTTCATCAA CGTGCAGACA1740
GATCTGTCTT ATGCTTCACA AAACCTTTATA CCTTCTGCAC AGTGGGCCAC TGCTGATCT1800
TCTGTGTCT GTTGTCTCTA AACTGATTTG TCGTTTGATT CTCAAGTGT TCTTCCCAT1860
AGTGTTCACA CTCAGACATT TTGCGCCAG TCTAAGGTAA CTTCATCTAT AGCTGCTCAG1920
ACTGATTCAT TTATGACAC CTGTTTCCAG TCAGGTGGGG TCTTCAGAGA AACTCAACCT1980
AGTGGATAG AAAGTCAAC GGATGACCAT GTACAGATGG ACCAAGGTGG AATGTGCGGA2040
GACATTTTGT AGAGTGTTC TTTATCATAT AATGTTGCTA CAGSTAACAT TATAAGCAAC2100
AGTTTATAGT CAGAGACAGT AACTCATAGT TTGTTACCTC AGAATGAGCC TAAGACTTTA2160
AATCAAGATA TTGAGAAATC TGCACCAATT ATAAATTTCA GTGCACAGAA TAGTATGCTT2220
CCTTCACAGA ACATGACAGA TAATCAGACC CAAACCATAG ATCTGAGTCT TTTGTCTGAC2280
AACATCTGT TAAGTAATCT GCCTGCCCCG ACATTGGATC CCGAGAACCC CGGAATCGAT2340
ACAAATCCTG GACCTGACAC CCAGCTCCCA AATATCCAGA CTCAAACTGA AGAGAGTGAA2400
TTTGATATGG AAGAGTTCTT TTGCGCCTCA AATATCCAGA ACATAGAGAC TCAAAACGGA2460
CTTAGACACA TGACCAACGA GAGTCACTGG ATGAGGTGTA GGGGAAATTC TAACCTCTTA2520
TTCTTACTCG CAGATACTC TGCTCAGTCC TATGGGTGTA ACTTTTTCTT AGACAGTAGC2580
GGCTTTGAGA TGTTTGACAC ACAGACACAG ACAGACTTAA ACTTTTTCTT TACTGATTC2640
CTCATCTGC CTCTGGAAG TATTCTGAAA CACTCCAGCT TTTCCGTGAG TACTGATTC2700

TCTGACACAG AGACCCAAAC TGAAGGAGTC TCCACTGCTA AAAATATACC TGCCTAGAACT50
AGCAAAATTC AGTTGAACAG TACAGAAACA CAGACCATGA GTTCTGGGTT TGAAACCCCTG2820
GGGAGCCTTGT TCTTACCCAG CAACGAAACT CAGACAGCAA TGGATGACTT TCTTCTGGCT2830
GATCTG30CT GGAACAC3AT GGAATCTCAG TTCAAGCTCTG TAGAAACCCA GACTTCTGGC2940
GAACCAACACA CAGTCTCCAA CTCTTAAAAA TAACGCTGGA GTCCATGCTT GAAATGGCAT3000
CTACCATTTT CTCTGGATTA AAACCTACGGA CTGGGGACAA CAGTATTAAAT TCGATTGAAT3050
CTGCTGATG RTGAGTTGCT TTAGCTTCTT TGTGTTTCTT TGCCTTTTCT ACTTGTAAC3120
AGAAATTTTC GTATAAATGT GAGTGTATTA TAAAGTTTGA GATGTTGATC TAAATTTT3150
TTGCTGCTCC TACATTTGCC ITTTCACAGC TAGTCTTTTC ATGTTAAAAA AAAAATGTAT3140
TTGATATCTA TAAAACTAT ATAGCCATTT AGCTGAAGCC CAGCTTACCA GGTTCAGGG3300
TACAACTTTC TCAAAATCTTC AAAACATTTT AGTCAAAAGT TAATATACTT AAACCTGACCC3360
TAAATATCTT TTGGCACTGC TTGTTAGAAA TTCTTGATTC CTGTTACTAA TCACTAAAGA3420
AACCGGATGC TGCCACCGTA GGAATTAAGC AGTAGTGCTT CCATGCTCTT AAGACTCCTG3450
CTGCTGGGAC CTTCGTCAGC TTTGACACCT CTTTTCTGAT TTAAAGACAC CAAGGAAAA3540
TACAACCTTC TTAGCTTTG AAGCAGTTTT CATGTAATCA TTGCCACCTC TTCGCTACAT3600
GAACCTATAT TGATACCAGC ATACAAGTGT ATAGCACTTT ACACACAAGA GGTTTATTGA3660
TGTAATAATTA TCGGCTAGGG AAGCAGCAGC GGGCCAGGTG TGGTGGCTTA CCCCTGTAAT3720
CCGAGCACTT TGGAGGACA AAGCAGGACG ATCACTTGAG CCCAGGAGTT CAACACCAGC3780
TTGGGACACA TAAGAAGACC GTGCTCTCTG AATTTTTTTT TTTTTTAATT AGCCAGGCAC3840
AGTGGCATGC GCTGTGTATC CCAGCTACTT GGAAGGCTGA GGTGAGAGGA TCACTCGAGG3900
AGATTGGGGC TGCCATGAGC CATGGTCTTG GCACTGTACT CCAACCTGGG TAACAGGGCA3960
AJACCCATAT TCAAAAAAAA AAAAAAAGT CGCCAGCAAC AAGCACGTAG TGTAGTGTTC4020
CTGCTAAATG AGCATAGGTT ATCCAAACCT TGGGAACAGG GAGTTATGSA AACGTGCCTA4080
TGACTTCATC TTGGGGTGTG TCCTATGAAG ATCCTTTCTG GTCTCCACAG TAGGCCAGAG4140
TTGGGGGCTC TGGAGCTGTT TCCCAAGTG CATCCACAAG CTGGATCTGA GTTTTGTAC4200
TCTAAATATTA AACAAGAAAA AAAGTGGGAA AAGGGCATCC CAATTATTTT AAAGTGAATT4320
TGAACCTCTA CTAAGCTTGA TAGGGCAGGA GTGCAATCTA AAAAGTATCT AGCAAGGATA4380
TCTCTCATTT CACCATTCTT TATCTTTTCT TGAATAAGA TCTAAAATAT GGTATTCTGC4440
TTACTTGTGC CTGAGGCTA GCAATTATAG GATAGATTCA AAGAAAACAA GGTGAAGACC4500
ATTTTGTGTT TTTTCTTAA GTGAATAATA CCAGTCTTCA AAGAGCATG ATCAAGTATG4560
TATTGCTTCA ATAATCAAGA ATGCTTTGTG TGTTTTGAGG TAGGAGCATG AAGTTCCAGT4620
CTTTGGGGAT TTTCTGTATT TAGGAGATCC TGGATTCTTA ATTGTTGGCT AAGTTCCAGT4680
CAAGTASGAA TCACTGCAGC CTGTAAGTTC TCCACATTGA CACACACACA CACACACACA4680
CACACACACA CACACGACAT GCTCCTTTCT GTGGCACATG CCGTATTAC TGAAAGCTAA4740
ATCCTCAAAA CCTAGTAAGG GGACCAATGA TTCATTAAG TAAATTGATG GTTTTGTAC4800
TAATTCCTAT CCCATACATT TGACACAAAA GAAGTGTGG TAATGGATAA ATAACATATC4860
CCGGGACAGT GAGCTCAACC TAGTAGGTAA GAGTTTGGTT TGGTCACAGT TGCCTATGAG4920
TGTGGGTTTC AAAAGAAAAA TAAAGCCTTA ACTTAGAATT TCATTATGTT TTAGAATCAT4980
CACTGCCTTA ATATTCAAGC ATCTATTTAA GTCCTAATAA AGGAGAAATG CATGTTTATG5040
GCTTTTTTGT AAATATAAAT GCAGTGATCT ATGGCTTAAA AAATTTGTTT CTGTGACAA5100
GTTTGTAAT CTAGCCAATA GAGTCATTTA CAGAAGAAAA ATGAGCATGT AATAATACAA5160
GAACCTTTTC CCCCCTAAAA CCTGAACCTG AATTATTTGT AAAAACTGAA ATTTAATGAT5220
TAAAGGAAAG CAGAAATTGT ACCCTTTTTT GTGAATCTT GAACGTACTC ATAAATATGA5280
CTTATTCTAT TGCCTTAAGT TTTCACTCAT TGTCTTTTGA AAGCCATATG ATAAATCTAT5340
TTTATTCTAT 5350

Name: 259 Len: 3497 Check: 233D
CTGTGGGATC AGAGGGGACG CCTATTACAA CCAGAAAACT ACAAGTATAA CAGCGAGGAT 60
GGATGAACAG GCTCTATTAG GCTTAAATCC AAATGCTGAT TCAGACTTTA GACAAAGGGC 120
CCTGGGCTAT TTGAGCAGT TAAAAATTTT CCCAGATGCC TGGCAGGTGT GTGCAGAAGC 180
TCTAGGCTCAG AGGACATACA GTGATGATCA TGTGAAGTTT TTGTGCTTTC AAGTACTGGA 240
ACATCAAGTT AAATCAAAAT ACTCAGAACT AACCCTGTT CAACAACAGC TAATTAGGGA 300
GACCTCTATA TCATGGCTGC AAGCTCAGAT GCTGAATCCC CAACGAGAGA AGACCTTTAT 360
ACGAAATAAA GCGGCCCCAAG TCTTCGCTT GCTTTTTTGT ACAGAGTATC TCACTAAGTS 420
CCCCAAATTT TTTTTTGACA TTCTCTCAGT AGTGGACCTA AATCCAGGG GAGTAGATCT 480
CTACCTCCGA ATCCTCATG CTATTGATTC AGAGTTGGTG GATCGTGATG TGGTGCATAC 540
ATCAGAGGAG CCTCGTAGGA ATACTCTCAT AAAAGATACC ATGAGGGAAC AGTGCATTC 600
AAATCTGCTG GAATCATGCT ACCAAATATT ACAAATTTAT CAGTTTACTA ATTCTGAAT 660
GAGGTGTGAG TGCCTTGAAG TAGTTGGGGC TTATGCTCT TCAATAGAAG TTCTACGGGA 720
AGCCAATGAT AGGTTTATAA ATATGCTGCT AAGTCATATG TGAATAGAAG TTGATAAAAT 780
AGAAGCATGT GACTGTTTAT TTGAAGTTGT AAATAAAGGA ATGGAACCTG TTGATAAAAT 840
GAAACTAGTG GAATCTTTGT GTCAAGTATT ACAGTCTGCT GGGTTTTTCA GCATTGACCA 900
GGAAGAAATG GTTGAATTC TGGCCAGATT TTCTAAGTTG GTAAATGGAA TGGGACAGTC 960
ATTGATAATT AGTTGAGTA AATTAATTA GAATGGGGAT ATTAAGAATG CTCAAGAGGC1020

ACTACAAGCT ATTGAAACAA AAGTGGCACT GATGTTSCAG CTACTAACTT ATBAGSATBA1080
TATATTTTCT TCTAATAATTA TTGGATTTTG TTACBATTAT CTTCATATTT TGRAACAGCT1140
TACAGTGCTT TGGATCAGG AAAAAGCTAA TGTAGAGGCA ATCATGTTGG CCTTATGAAL100
AAAAATTBACT TAIGATGAAG AATATAACTT TGAAGTTACT GTTGGACAGG GTTGGCTCAAG TTTCACTAGAL100
TGTAGAATAT AGAAAAACAAC TGAAGTTACT GTTGGACAGG GTTGGCTCAAG TTTCACTAGAL100
GTTACTACTG GCTCTGTGTT GCAGAGTTT TAGTTCTACA CTGCAGAAAT GGAGAGTAC1380
AGGTTTTATG GAAGTTGAAG TAGCAATAAG ATTGCTGTAT ATGTTGGCAG AAGCTCTTCC1440
AGTATCTTAT GTTGGCTCACT TCTCAGGTGA TGTTCACAAA GCTAGTGTCT TGAGSATAT1500
GATGCGAAT CTGGTAACAT DAGGAGTCAG TTTCTATCAG CATACATCTG TGAGTTTGA1560
GTTCTTGAAG ACTGTTGTTA GATATGAAAA GTTTTTCACA GTTGAACCTC AGGACATTC1620
ATGTGTAATA ATGGCTTTTCT TAGATCACAG AGTCTGCGG CATTCAGTG CAAAAGTTCG1680
GAGCAGAGAG GTTACCTGT TTTCTAGATT TGTCAAAATCT CTCAATAAGC AAATGAATCC1740
TTTCATTGAG GATATTTTGA ATAGAATACA AGATTTATTA GAGCTTTCTC GAGCTGAGAA1800
TGGCCAGCAG TCTTACTGA GCAGCGATGA TCAACTTTTT ATTTATGAGA CAGCTGGAGT1860
GCTGATTGTT AATAGTGAAT ATCCGGCAGA AAGGAAACAA GCTTAATGA GGAATCTGTT1920
GACTCCACTA ATGGAGAAGT TTAATAATTCT GTTAGAAAAG TTGATGCTG CACAAGATGA1980
AGAAAGGCAA GCTCTCTAG CAGACTGTCT TAACCATGCT GTTGGATTG CAGCTCGAAC2040
DAGTAAAGTT TTAGCAACA AACAGACTGT GAAACAATGT GCTGTTCTG AATTTTATCT2100
GGACTGTTTA CAGACATTCT TGCCAGCCCT CAGTTGTCCC TTACAAAAGG ATATTCTCAG2160
AAGTGGAGTC GTTACTTTCC TTCATCGAAT GATTATTTGC CTGGAGGAAG AAGTTCTTCC2220
GTTCAATCCA TGTGCTTCAG AACATATGCT CAAAGATTGT GAAGCAAAAG ATCTCCAGGA2280
GTTCAATCTT CTTATCAACC AGATTACGGC CAAATTCAAG ATACAGGTAT CCCCCGTTTT2340
ACAACAGATG TTCATGCCCC TGCTTCATGC AATTTTTGAA GTGCTGCTCC GGCCAGCAGA2400
AGAAAATGAC CAGTCTGCTG CTTTAGAGAA GCAGATGTTG CCGAGGAGTT ACTTTGCTTT2460
CCTGCAAAACA GTCAACAGGCA GTGGGATGAG CGAAGTTATA GCAAAATCAG GTGCAAGAA2520
TGTAGAAAGA GTGTTGGTTA CTCTTATCCA AGGAGCAGTT GAATATCCAG ATCCAATTGC2580
ACAGAAAACA TGTGTTTATCA TCTCTCAAA GTTGGTAGAA CTCTGGGGAG GTAAAGATGG2640
AOCAGTGGGA TTTGCTGATT TTGTTTATA GCACATTGTC CCGCATGTT TCTAGCACC2700
TTTAAACAA ACCTTTGACC TGGCAGATGC ACAAACAGTA TTGGCTTTAT CTGAGTGTGC2760
AGTGACACTG AAAACAATT C ATCTCAAACG GGGCCAGAA TGTGTTCACT ATCTTCAACA2820
AGAATACTTG CCGCTCTTGC AAGTAGCTCC AGAAATAATT CAGGAGTTTT GTCAAGCGCT2880
TCAGCAGCCT GATGCTAAAG TTTTAAAAA TTAATTAAAG GTGTTCTTCC AGAGAGCAA2940
GCCCTGAGGA CTGGATTTC CTGTGCCTAC TTCATGATCA TGAATCCAG TTAATTATA3000
AAGAGGCGAT TTTTGTGTGC CATTACACT GGTCTTTTTC ACATTGTTTT GAGCTTATTG3060
CAGTATATGT TTTGGGATTT TTCTGTAAAA TGGGTGTAAT TTTCTAATA CAGGTATGTA3120
ACAACAAAAG AASTTGCTG CATGCCGGTC CAAATTGTT TGTATAAGA TGCTCTTAAA3180
AGACACAAGA GTTATCCTAG AACCTTAATT CTTTTTTATT TGAAATTTTA AGTCAAGTCC3240
TTTATAAGA CATAGCAGT GGAAAACAGT GTACTTTTTA AAAAATTGCT GAATATAAAA3300
TCTTTGAAAA TTTTCTTTAT GTGTGAAGAC ACAAAGTATG GGGGAAGACA GCAATCAAAA3360
CTAACTTTTT GTAGATAGCC ATTTCAATTC TTTAACTGT TTCAACGCCA ATATGTATTC3420
TACAAAAGAG AATGTTTTTA GGCTCCAGTG TTATACTTTT TTTTATATAT ATATATAAAA3480
ATAAACTTTA CTAGT 3497

Name: 26 Len: 620 Check: 3F5
AATTGGGCT GAGGGGGCAC AGAGCCATCT TCTTCAATCG GATCGGTGGA GTGCAAGCAGG 60
ACACTATCTT GGGCGAGGSC THTCACTTCA GGATCCCTTG GTTCCAGTAC CCGATTATCT120
ATGACATCTG GGGCAGACCT CGAAAAATCT CCTCCCCTAC AGGCTCCAAA GAGCTACAGA180
TGTGAATAT CTGCTGCGA GTGTTGTCTC GACCCAATGC TCAGGAGCTT CAGGATGT240
ACGAGGCTCT AGGGCTGGAC TACGAGGAAC GAGTGTGCTC GTCCATTGTC AAGGAGTGC300
TCAAGAGTCT GTTGGGCAAG TTCAATGCTT CACAGCTGAT CAGGAGGCTC GGGCAGGTAT360
CGCTGTTTAT CCGCGGCGAG CTGACAGAGA GGGCCAAAGGA CTTGAGGCTC ATCTGGATG420
ATGTGGGCTT CACAGAGCTG AGCTTTANCC GAGASTACAC AGCTGTSTA GAGGCAAAAC480
AATGTGGCTA TTAGGAGGCG AGCCGAAATT TCTTGGTAGA AAAANCAAN AGGAACAGC540
GCAGAAATG TTAGGCGGAG GTGAGCGAGC TGCAAGATGC TTAGAATAT GANAAGAAAC600
TGGCTATATA ACTTGCAGGA 620

Name: 260 Len: 5238 Check: 16B5
GAATTCGGCA CAGGCTCTTC CTGTCCCGGA GCTACCAGCG GCTGCGCGAT GCTGTAGGG 60
GCTCTCTGGC AGTGTCTTTC CCTCTCAGAT ACAGCTTCAC CTATGTGCCC ATCTGCGCG 120
CTCAGGTGCT GAGGCTGCTC AGCACAACCA CCGCTTCAAT CATTGGGCTC AAGCGGCGCT 180
TCCAGGCGAG GAGCCAGGAG CTGCTGATG TGATTTTTC TGATCTGGAT GAGGGAGCG 240
TCACCATTCG TGAGTGTGTC CACATTCCAC CTTTGGCAGA GCGACTGCG AGTCAGACGC 300
ACAGTGTGCT GAGCATGCTC CTGAGCCCG AGCTGGAGTT GCTGAGCTC GCTTCCCTC 360
CGGCCAGGAC ATCCAGCTCC TCCCTGAAGA TGCAGGACAA GAGGCTGCG GGGGTCTTC 420
TGCAGCTGTT GCTCAGGTC CTGACGGGT ATCGCTGGTG CCGCAGCTC GTGCGCATCC 480

ACCCGAGGTC TGTGATGCGC TTCCATRAGG CAGCCTTCCT GGGGAGGCT GGGCTGGTAG 540
AGGACGATTT CTTGATGAAG GTGCTEAGG GCATGSGDPT TGTGGGTTT GTGTGAGAGC 600
GTGGGCTGCT ATACGGGCTT ACGGACCTST TGTGATGAGCT GGTGGGCTTAC GAGGTGGCAA 660
GGATGGGGCT GGATGAGAAC CAGGGGCTAGC GTGTCTTGCG TCACTGCTCAG GAACTGGCAG 720
AGCAGCTCTA CAAGAACGAG AACCCCTACC CAGGCTGGGC GATGCACAAG GTACAGAGGC 780
CCGGTGAGAG CAGCCACCTG CGACGGGTGC CCGGACCCCTT CCGGCGGCTG GATGAGGGCA 840
CCGTGCACTG SATGCTGAGC CAGGCTGAGG TCAAGATGCA GGTGGACCC CAGCTGTGA 900
AGGCTGAGAG GAGGACCAAC AGGCTGCTCAG GGGGCTGCTT GACTGGGATA GTGAGGGGT 960
GCASTGGGCT GCATGTCAAC AGGCTGCTCAG GGGGCTGCTT TGTGGGCAAC TGTATCTCT 1020
ACGTGTTTGA GGGGAAAATG CTTGAGGCTA AGAAGCTGCT CCGAGGCTG TGTGGGCTT 1080
TGAAGGGGCT AGTTGCCCGC CCGTGCCTG CCGAGGAGCT GCACTGCTT GCACTGCTT 1140
ACCGTGCGGT CCTGGACCAC CAGCAGTTT ACTTTGTCTG GGTCTGCTG GGTCTGCTG 1200
TGCAGGACTG CACTTCTCTG GACGAGCATG GCATTGCGG GGTCTGCTG GGTCTGCTG 1260
CAGCCTTCTG CCGGAAGCTG AGCCCGGGG TGAAGCAGTT TGCATACAG TGTGTGAGG 1320
AGCACGTGCT GTGGAGCAG CCACAGTTCT GGGAGGCCAT GTTCTATGG SATGTGAGA 1380
CTCACATCCG GGGCTCTTAC CTGGAGCCCA CCGAGGACCT GGGGCTGCTT GAGCAGGGG 1440
GGGAGGGCACC TTCCAGAGAG GACGAGCGCT CTGGCTTGA CBTGGCTTCT GAGCAGGGG 1500
GCTTGTGGCT AACTCTGAGT CBTGAGAGG AGCAGGAGCT GGTGAGAGG GAGCAGAGC 1560
CGGTGTTTCA CCAGGCCATC CACTATGCCA ACGGCTGAG CTAAGCTCTT CTGCGCTG 1620
ACAGCAGCAA GAGCCGCCCTA CTTGGGGAGC GTGGCGGGCT GGTGAGCTAT GACAGGAGA 1680
GCAACAGGCT GGTACCAAC AGCATGGCTG GCACTGTGGC CGAGAGCTAT GACAGGAGA 1740
GCGGCTTCA GGATGCAGAG ACCTGGCAG ACAGGAGTG GGGTCAACAG CGACCACTC 1800
GCTTTGTGGA CAAGGTCTGC CACTATGCCA ACGGCTGAG CTAAGCTCTT CTGCGCTG 1860
ATGTCATGCT GCCAGACTT GTCCAGATGC ACATCGAGAC CCAAGCTGCT GCGGCTGCT 1920
AGAGCCGGAG GCTGCCGCC ATCCAGAAGC CCAAGCTGCT GCGGCTGCT GCGGCTGCT 1980
GTGAGGAGTG TGTGCTGGAC GGCCTGCGG TGTACCTGCT GCGGCTGCT GCGGCTGCT 2040
GCGCGGGGG CAGTGTGGG GGCCTGCGG TGTACCTGCT GCGGCTGCT GCGGCTGCT 2100
CCACGTACCG GGTACCTTC ACGGGGAAG CCAAGGAGAA GCGCATCAG GTCCAGAGC 2160
TGSTCCGCTC CTTCCCGGTG GCTGCGCTGA CCAAGGAGAA GCGCATCAG GTCCAGAGC 2220
CTGTGGACCA GCTCCTGAG GACGGGCTCC AGCTGCGCTC CTGCACATC CAGCTGCTGA 2280
AAATGGCCTT TGACGAGGAG GTGGGGTCTG ACAGCGCGCA GCTCTTCCCT AAGCAGCTG 2340
ATAAGCTGG GTACCGCGG GACATCAGGG CCACCTTTG GGTCTGCTG GGTCTGCTG 2400
ACACACCTG CCGGCCACCG CGAGTCACCA AGGACAAGG CCATCGGGCG GACGATGTC 2460
CCCGGAACCT GGTCAAGAAC GCCAAGAAGA CCATCGGGCG GACGATGTC 2520
AGTACAACCC CCCCAGCTGG GAGCACCGGG GCCAGCGGC CCGTCTCTCA GCTGAGAGC 2580
AGATCTCAGT GTCGGAGGAG CTGGAGCCCA GCAAGCTGAC CCGTCTCTCA GCTGAGAGC 2640
CCTCGGACCG CATGACCATG AGCAGCTGG TGGAAAGGGC TTGCTGTGG CAAGTCTGA 2700
GCCTCGGTCT GGGCAGCTG AGCAGCTGG TGGAAAGGGC CAAGTCTGA 2760
TTTCTCGGT CAACCGCATG TATGCCATCT GCGGCGCTA CCGAGGGCT CTGATCTG 2820
GCCAGAGTGT CCAGGACAAC GCCCTGCAGC GCGTGTCCCG CTGCTACCG CAGAACCCT 2880
TCCCGCTGGT CTGCTGGGG AGCGGGGCT CCAAGGCGGT GCTGCTGGG TCTGGAGGC 2940
TGCATGGCAA AGGTGTCTC GGCCTCTTCA AGGCGCAGAA GCGACCTCT CAGGCTTCA 3000
CCAGGGGGA CTTGAGTAG CTGGAGCAG AGAAGTACCT GCGGCTTCT TCGAGCCCA 3060
TGGCGGCTA CCGGAGCGG TCGGGAGCTA ACAGGCTTAG CCGGCTTCT TCGAGCCCA 3120
TGGGAGCTA CCGTAACTG GGCAGTGTG GGCAGTGTG AGGCAGCAG GCGCTTGG 3180
CCGATGTGG CTTCCGGCTA GGTGGCAGAG ACGGCTGGC CCGACCCCG GCGCTTGG 3240
GGCTCTCGA CCGGGGCTT CTGCGTGGG AGGAGCAGC CCGTCTATC CTTGGGACA 3300
AAGGCGAGCT CAAGGGTGT CCGTCAGAG CCGTCTATC CTTGGGACA 3360
AGGTATTGA GGCAGGCGAG GTGAAGGCTA GCTTCAAGAA GCTGCTGAAA GCATGTGT 3420
CAGGCTGCG CCGTGTGAG CCGAGCCCG AGGTGTCTG GGTGTGTG GAGGACTCA 3480
AGTGGCTGAT CAGATCCAC AAGCTGTGT AGGTGTCTG GGTGTGTG GAGGACTCA 3540
ATTGAGGCT CCGGTGCTG GTGGGCTGG AGGATGGCTG GGTGTGTG GAGGACTCA 3600
TATCTGTGT CAGCTGCTG TCAAGCCCT TCTAGCTGAC GGTGTGTG GAGGACTCA 3660
TGSTGGAGAA GAGTGCTG TCCTTGGGG ATCGCTTCA GGTGTGTG GAGGACTCA 3720
TGGCGGCTA GAGCAGGGG TTCACAGCT TCTTCTTCA GGTGTGTG GAGGACTCA 3780
AGSTCCAGCT CAGTTTCTT ATGGAGTTT GGTGTGTG GAGGACTCA 3840
GCTACCACTA TGTGTCTG CCGTTTCTT GGTGTGTG GAGGACTCA 3900
TTGAGTGTG GGTGTGTAT GAGGAGAGG GGTGTGTG GAGGACTCA 3960
CTGTGTGGA GATGTGTG CCGCTGAGCA AGAAGAGCT GGTGTGTG GAGGACTCA 4020
ATGGCTGCTA GAGGAGAGG GGTGTGTG GGTGTGTG GAGGACTCA 4080
GAGGCTTCTA CAGTGGAG AGGCTGGGG AGGCTGGGG GGTGTGTG GAGGACTCA 4140
GCGGCTGCT GAGGAGAGG AGGAGAGAG GGTGTGTG GGTGTGTG GAGGACTCA 4200
GCGTGTGTG GCGCTTCTT GACAGCTGCT GCGGGGCTA GGTGTGTG GAGGACTCA 4260

[illegible]

Name: 462

Len: 4611 Check: 650

GTGTGGGCTCG GTTTCTCTTA GCTCTCTCTT CTCTCTCTCT CCCCTCTCTT TCTCTCTGGT 61
TCCCTCTCTTG TACCTGAGTG TACGACCTTG CCGGGGGGGG GCTCTCTCTT TCTCTCTGGT 121
CCCTCTCTTTC TCGCTCGGGG GCGGGAGGCT CBTGGCTGCG TACCGGGGGG CCGGGGAGAG 180
AAGATGGAAG TCGGGGAGGA AGACATATGT AGAGTGTGTC GTACGAGAGG AACAGCTGAG 240
AAAGCGGTTT ATCATCTCTG TGTATGTACT GGCAGTATTA AGTTTATCCA TCAAGAAATGT 300
TTATTTAAAT TCTGAAATA CAGTCGAATA GAATACTGTG AATTATGCAA GCACAGATTT 360
GTTTTTAAG TAATTATT TCCAGATATG CCTTACGGG TCCCAATTCA AGACATATTT 420
GTTTACTTG TTAAAGTAT TGGCACTGCA ATACGATATT GCTTCTCAA STBCTTGTT 480
GCTTTTCTAT GCTTGGGAGT TGTTCCTCTT ACAGCATGCC GCATCTCAA STBCTTGTT 540
ACTGCTCTG TACGCTCACT ACTGACCTG CCATTAGATA TGCTGTCAA GGAATTTT 600
TTGAGAGATT GTTTTCAGGG TGTTTTTTGT GTGAGCTGCA CAATTTGGTT AGAGCATGCT 660
CTGCTGTGGT TGAGAGAGCA GATAGTCCAT GGGGGAGCAC CAATTTGGTT AGAGCATGCT 720
GCCCCACCGT TCAATGCTGC GGGGCATCAC AACCACCAG CTGAGAAGCG AGTGGTGGG 780
GCAGAAATG TGTCTGCTGA TCAGCTGCT GAAGAGGAGG AGGAGGACAA TGAGGAGGAA 840
GAAAGCCCTG ATGCCAGGA TGACCGAGCA GCTAATAACG GAGGCCAGGA TGACATGAAT 900
GATGAGCTG GTGTGGAGGA TCGGGCAGAT GCTAATAACG GAGGCCAGGA TGACATGAAT 960
TGAATCTCT TAAATGGGA CCGAGCTGCT GAAAGCTTA CATGGGAAAT AATCTAGGA1020
CTTGATGAT CACTAGTTT TCTGGAACAT GTCTTCTGGG TGGTATCTT AAATACACTG1080
TTTATTTCTG TTTTTCATT TTGCCCTTAC CATATTGGT TTTGAAGGCC TAATCAAA CATAGTTGGG1200
GGATTGGAAG AACACGTCCA AGCATCTCAT TTTGAAGGCC TGGCAACTCT TGTGAATTT1260
TATATACTTT TAGCAATAAC ACTGATAATT TGTCTGGCT TTAAGGTCTC TTTGTTAGT1320
CATAGATCTC GTCGCTTACT GGGAGTCTGC TATATTGTTG GGTCTGGATAT CTGTTCTTT1380
GTGGTAGAAA TTGAGTATT CCTCTCATT TGTGGTTGTT GGTCTGGATAT CTGTTCTTT1380
GAAATGTTTG ATGCTACTCT GAAAGATCGA GAAGTGAAGT TTCAGTCTGG CTCTCTCATT1500
ACCATGTTTC TGCATGCTG AGTGGGAATG GTATATGCT TCTACTTTTC CTCTCTCATT1500
CTACTACTGA GAGAGGTACT TCGACCTGGT GTCCTGTGCT TTCTAAGGAA TTTGAATGAT1560
CCAGATTTCA ATCCAGTACA GGAAATGATC CATTTGCCAA TATATAGGCA TCTCCGAAGA1620
TTTATTTTGT CAGTGATTGT CTTTGGCTCC ATTGCTCTC TGATGCTTTG GCTTCTTATA1680
CGTATAATTA AGAGTGTGCT GCCTAATTTT CTCCATACA ATGTCATGCT CTACAGTGA1740
GCTCCAGTGA GTGAAGTGT CCTCGAGCTG CTTCTGCTTC AGGTTGTCTT GCCAGCATT1800
CTCGAAGAGG GACACACGAG GCAGTGGCTG AAGGGGCTGG TGCGAGCGTG GACTGTGACC1860
GCCGGTACT TGCTGGAICT TCATTCTTAT TTATTGGGAG ACCAGGAAGA AATGAAAAC1920
AGTGCAAAAT AACAAAGTTAA CAATAATCAG CATGCTCGAA ATAACAACGC TATTCCTGT1980
GTGGGAGAAG GCCTTCATGC AGCCCAACCA GCCATACTCC AGCAGGGAGG GCTGTTGGC2040
TTTCAGCCTT ACCGCGGACC TTTAAATTTT CCACTCAGGA TATTTCTTCT GATTGTCTT2100
ATGTGTATAA CATTACTGAT TGCCAGCCTC ATCTGCCTTA CTTTACCAAT ATTTGCTGG2160
CGTTGGTTAA TGTGTTTTG GACGGGACT GCCAAAATCC ATGAGCTCTA CACAGCTGCT2220
TGTGCTCTCT ATGTTTCTG GCTAACCATA AGGGCTGTGA CGGTGATGCT GGCATGGAT2280
CCTCAGGGAC GCAGAGTGAT CTTCCAGAAG GTTGTCCCTC TCCCTCTGCG GCTCTGTTT2400
ACTTTGATAG TTGCGGTGCT GTTGGCTGGA GTTGTCCCTC AGACTCTCT TTTTATCCA2460
GAGCTGGTCA TTGTGGCTCC CCTGAGGGTT CCTTGGATC TTGCAAGTAT AACATTGAT2520
TGGCAGGACT GGGCACTTGG AGTCTGCTAT GCCAAAATCA TTGCAAGTAT AACATTGAT2520
GGTCTCTAGT GGTGGTTGAA AACTGTAATT GAACAGGTTT ACCGAAATGG CATCCGGAAC2580
ATTGACCTTC ACTATATTGT TCGTAAACTG GCAGCTCCCG TGATCTCTGT GCTGTGCTT2640
TCCCTGTGCT TACTTTATGT CATAGCTTCT GGTGTTGTTT CTTTACTAGG TGTACTGCT2700
GAAATGCAAA ACTTAGTCCA TCGGCGGATT TATCCATTTT TACTGATGCT CGTGTATTT2760
ATGGCAATTT TGTCTTCCA AGTCCGCCAG TTTAAGCGCC TTTATGAACA TATTAATAAT2820
GACAAGTACC TTGTGGTCA ACGACTCGTG AACTACGAAC GTTGTCTCAA CAACTTGAT2880
TCACTCTCAC TACCTCCACA GTCATCCCAA GAATAAAGTA GTTGTCTCAA CAACTTGAT2880
TTCTCTCTTA CATCTCTTT TTTGTGGACT TCTCTCTTTG GAGATTTTTC CCACTTGAT2880
CTCAGGCTTG TTTTAAAGT AAAIGTATTT GACTTGTGTT CTGCTGTCT GAGATTGTA3120
GGTGTAAAGT TCTGCTGTT TCCCTGGATC TTCTGACATT ACTGCTGTCT GAGATTGTA3120
TATGTGTAAA TACAAGTTCC TTSATACCTT AAAACCTTGG ATTAATCTA GTTGTACTT TATTTTGA3240
TACATCTTTA AACAAAATGT ATATTAATTT ATTAATCTA GTTGTACTT TATTTTGA3240
CTGCTGTGAT CTGACAGGA AACGTGCCAC TCTAGCAGC TCTCACTAAG GGAAGTGA3360
GTGAGGCTTT GTGGAACGCA GTTCATGAT CCAAGAACGT TAAAGGAAA AAGTAGAAT3420
ATTCTTTCTT TCTTGGCTAT TCAGACCTTA TGAACCTTAT GCTTCACTGT TAGTTGTTT3480
CAGCACTGGA GTGTCTGTGG TAAGAAAACA TGAACCTTAT GCTTCACTGT TAGTTGTTT3480
TGGAGTTTAT TTTGTATAAC ACCAAAGCTG TTGTACATT CTTACTGCTT GATTTTTTT3540
ATGTGTCTGT GTTTGTAATA TTGTATAGTA TCTTGTGCTA GGTGAGGAAA TATTTTTTAA3600
TTTTGATAAT TTAATATTC TAGTGTGATC AGCATTGGGA GTTGGGTTTC AGTGGGCTAT3660
GTCTATACTT AGAGAAAAAA AGTCCAAATG AAGATTTTCA TGAGTCAGCC CCCCCGCG3720

CAGGCGCTGGT CCGCAAGAGC TTGGGAGGCT TGGATTCTTG GGGTGGGCTT AGGTGGGTGT2880
TTCTCTGAGG ACCAGAACTG CTGATTTTAG CTTGAGTAT GGGTTCAGG GTTGAAGGT2940
CAGCTCAAAAC TGAAGGGGGC CATGCCCTGT CCAGCACTGT TCTGTAGT TCCCGCAG3300
GTGGGGGGTA TGGGGACCAT TCATTCCTTG GCATTAATCC CTTAGAGGGA ATAATAAG3300
TTTTTATTTT TCTG 3074

Name: 264 Len: 6184 Check: 7A5

GGCGAGGGGT	GCACGGCGGC	CACCTGAGTG	GGGCGGCGGT	GTCAGGTTCT	TGCTCAAGTA	60
CCAACTCTAT	GGACCCAGGA	CAGTTTTSTC	CCATGACCTG	CTGTGAACAG	TGTGTTGTCT	120
GATAGAAAT	TGGTTTGGCA	AACCATCTCT	CTATTGCTTT	ACAGAGCAAG	CALASAAGAT	180
GGATTGATTG	AAGAGCCATC	TGACTGTGTG	CTTTCTACCT	TCTGTGCTCT	TTTTAATGCT	240
AGTATCCACT	CTAGGCCACCG	CTAAGAGTGT	GACTAACAGC	ACTTTAAATG	GCACTAACGT	300
GGTCTTGGGC	TCTGTGCTCG	TAATCAITGG	CAGAACTGAC	CATATCATAG	TCAAGGAAGG	360
GAACAGTGCC	TTGATTAAGT	GTAGTGTTTA	TGGCATGCTT	GACCCACAGT	TCAAGTGGTA	420
TAATTCATT	GGCAAGCTGC	TGAAAGAAGA	AGAGGATGAG	AAGGAGAGAG	GAGGAGGAAA	480
ATGGCAATG	CACGACAGCG	GCCTCCTGAA	CATCACCAAG	GTATGCTTCT	CAGACCGAGG	540
TAAATACACG	TGTGTGGCTT	CTAACATCTA	CGGACCCGTG	AACACACCGG	TGACCTTGCG	600
CGTCATCTTC	ACTTCTGGAG	ACATGGGTGT	CTACTACATG	GTCGTGTGCT	TGGTGGCCTT	660
CACCATGCTC	ATGTCCTCA	ATATCACCTG	CCTGTGATG	ATGAGGAGTC	ATCTAAAGAA	720
GACTGAGAAG	GGCATCAATG	AGTTCTTTAG	GACCGAAGGT	GCAGAGAGGC	TGCAGAGGGC	780
ATTTGAGATC	GGCAAGCGCA	TCCCCATCAT	CACCTCCGCC	AAAACTCTAG	AGCTTGCCAA	840
AGTCACCCAG	TTCAAAAACA	TGGAGTTGCT	CCGCTACATC	GAGAGGCTTG	CCAGGAGCGT	900
GCCTCTGCCG	CCTCTCATT	TGAACTGCAG	GACTATCATG	GAGGAGATTA	TGGAGGTGGT	960
TGGGCTGGAG	GAGCAGGGGC	AGAAATTTGT	GAGGCATACT	CCAGAGGGGC	AGGAGGCCGC	1020
AGACAGGGAT	GAGGTCTACA	CAATCCCCAA	CTCTCTGAAG	CGGAGCGACT	CCCCTGCCGC	1080
TGACTCGGAC	GCCTCATCGC	TGCACGAGCA	ACCTCAGCAA	ATTGCCATCA	AGGTGTCAGT	1140
TCACCCGCAG	TCTAAAAAAG	AGCATGCAGA	TGACCAAGAG	GGTGGACAT	TTGAGTCAA	1200
AGATGTAGAG	GAGACAGAAC	TGTCGGCGGA	ACATTCCTCC	GAACTGCGAG	AACCTTCTAC	1260
CGATGTACAG	TCCACCGAGC	TAACATCTGA	AGAGCCAAAC	CCTGTGAGG	TACGAGATAA	1320
GGTACTGCGG	CCAGCTTACC	TGGAAGCCAC	AGAGCCAGCA	GTACACATG	ACAAAAACAC	1380
CTGCATTATT	TACGAAAGCC	ATGTCTAATA	CCAAACCCGA	AAAGCTATGC	ATATCAAGAA	1440
AATCAGGGGC	TGCTCCTTGT	AATACAGATG	TAGTACGCAC	TTGCCGCTAA	GCCTTACCAG	1500
GAGACTCTCA	TCCCTTAGGT	AGGAGTGATG	CCACTTTAAA	AGGAGAAACA	CCTGCCTGCA	1560
GTGAATGGGA	CTGGAATTTT	CCCAGTAGAG	AAGGGTGCGA	GAAACATCAG	GGTGCAGAAT	1620
TGATACCAGA	CAGAAGGTGT	CTATGTGATA	ATGAGTTTCA	GAGGCTGATC	TCTGCCAAT	1680
ACCTTAATTG	GTGATGCCTT	CTTGGCAAAG	AGTACACCAC	TGTAAGATAT	TCTGAGTTCA	1740
AGAACCTGT	CCAGTGCCCC	CTGCATTGCT	TTTCCTTTTA	AAAAGTATAG	GTCTGCTACA	1800
ATAGCAAATG	CACGTACGTG	GGTTTTTTGC	AGTTTTCTCT	CAGTTTTAAT	TTTGCTTTTC	1860
CTTTATAATG	GGGTCAATGT	TATTAATACT	AATTGTCTCT	TCTGGTTTAG	TCCTCATTGC	1920
CACTTTTGTC	CTTATGTTTC	CCTAGAACAC	GTACCTCAGA	GACTTTGTTA	TCAGTCACCA	1980
GTACCCAGGC	TSATATCTAC	AAGTCACATT	ACATTTGTCA	TGTTCCAAAG	TAGTTACGAG	2040
GCTTTGTTAT	TTTTTTTCAT	TCCCCAGGOC	TATTTCCATA	GATAGCTTTT	TTTGTTTTGT	2100
TCCAACGAAG	CTGCTGTTAA	ACGAAACTGA	GAAAACTTTT	GCTGGGAAT	AGCACTTTAA	2160
TAGTCAAAAA	TGTGTTTACC	TGTCTGATTG	AGTGAGCCTT	TTGGTGAGCT	CAGCTGAGAT	2220
GTAGAGGGAG	ATTGTAAGAG	GTTAAATATA	CCCACACCCAC	CCATGAAAGT	CAGTGTTTAA	2280
TTTACATCAT	CCTCCAAATA	AAGACTGATT	CTTTACCTGG	AAAATATATT	GCTTCCAAAG	2340
ACATCAGATT	CAGTGGATTG	CTGTAGGTTA	TAGAATATTG	GCTTCCAAAC	AGGCTTGCA	2400
GGACCATATG	CTGTTGGATG	ACATATAACC	AGGTCCACTT	TTATGAACTG	CATAGCTGAC	2460
TTGGTTGTCC	TTAAAGAGGA	AAGCGAAAGG	TTAGGGTAAT	AGCAAGGGGA	ACTGTGCCAT	2520
CAGATTTTAT	GGCAAAACTG	TTGAATAATT	ATGCAGTCTT	GCAAGAAAGT	GGTTATATGT	2580
GAGGTGGGTG	ATGTTATGGA	AAGAAGACAA	AATTAGTCAT	CCAGAGGCTT	AATACCCACT	2640
GTGCAATAAA	CCAGCTGCTT	GGCTTTGGAC	AAGTCTGGAC	CTCAGGCTCC	TTATCTGTAG	2700
AAGGGGCAGA	TGACATGAGC	TCTGAGCACT	GTTGAAATGG	TATCACTGTC	ACACAGAACC	2760
AAACCAATAT	TCATATCCTT	GCTCCTTTTC	ACATGACTTT	TAAAGATTTT	TGCTTTTCAT	2820
TCTTGGTCCA	CCTAACATTT	TCATGCTTCA	TTACTTAAAT	AAGAATGTTG	GTTTTGAGAA	2880
ATAGCAATTT	AAACAAATTT	TGGATCTTCT	CCTTCCAAAA	AAACCATTAG	GACCACATCT	2940
GCAATTAAGA	TTTAATATTG	GTGAGAATGA	GTGGTTTTAT	TTAATTTTCC	CTTAAAAGCA	3000
AAGGAGACAG	TAATCTTAAT	AAATTCATAG	GGCCCGTGGC	CACATCAGGT	AATGGGGTTA	3060
TGATGTCCAA	GATTGCATGG	ATCACATTGG	TGATGAGAGC	AGACCCAGAT	GTTTAGTCTT	3120
CACCTCTGTCA	CCATCTGAGG	AGGTGACCTT	GGACAACCTC	CTTCTCTCTT	CTGGGATTTA	3180
ATCTTTTTTCA	TCTGTAAAT	ATGCAGGTAG	TACTGAGGGG	TCTACAGGAT	CCCTTCTAGT	3240
TGAAACATTT	ATAGTTTACA	GAAAGTTTTC	AGTCTTCCAG	GATAACCAAC	CCCCGTTGCA	3300
TGAGACAAGC	AAAAATGGG	TCCATGAAAT	TGGATACTTT	TGCCATCCAA	ACTTTACAAC	3360
AAACATTATC	TGGCTCTGTA	ATTGAGAGCA	GTGGGCTTGG	TTTTAAACCT	AGCCTTGATT	3420

AGTTTGTGTTA TAGATAACTG TTGTGGAAGG TGATAGAAGT AGTCATGSAJ TTTGATGAGA344
 CATTTCTTTGA AAAGGACTGA ACTGTTGACT TCTGGTTAGA AGTGCTTTGG GCAGTCACAT354
 AAAGAAATGA GCASTGAGAA ATCAGGAGAA AITATGACTC CTGTTGGGCT TTCTGSACTA360
 GCATTGTATG TTTTGGGTT GCAGAAAAGT TTTAACASCA CCTCTTAGAA TATAAAAAAT366
 TTCCAGTTGT CATGGAGGTC CACAGATTCA TTACCATGGG TTTATATGCT CAAAGCAACA372
 ACAAGAGGACT TAAGTTCATT TTGTGATACT GTATGGATGT TACCCCATCC TATTGAGTTG378
 TCATTTCCAC CAAACCCATG TGTAGGTTTC CACATGGAAA GGAGAAGBCA TCCATTCCAC384
 CTAGACATTG AATAGTGATA ATAAGCTAAA AGTGGGCAGA TTTTCAGTGG AGCAAGAGCA390
 GAAATATGCG GCCAAAGAAT GTTCTGTGAT TGGTTTITCT GCTTTTAGAT GCAGTGGGGA396
 GAGCTTATGT AGATTTTCAA AACTTTCTCC CTCTTTAAGG CATCATAATG CTCTGGGTTT402
 TGATAACAACT TGACATAAAG GGAGGTTGAC TTAAGATGGG AATTTCTCCT TCCAAAAATG408
 CTACACTCTT CCTATCCATC CTACAGCTTC ITTATGAAAT GAGAGGCCCT CCTGCTAGAA414
 TATGAAATGC AGAAGACCTC ATGACTTTCA GCTGATTTT CAAAGATAAA GTGAAGTGT420
 CAGCTTCATA GAAATTCATG CGAGTGTGAC TGAACGTGTG TGCATACACA CTCGTGCACA426
 TTGGAGTCAT TTGGGCAGTT TTAAGGCTT CACACTAAAT CCAAAGCCTC GTCCTTTGGG432
 TCGTATGTAG TCGTTTGTAA AATCAATTT TGGCTTCTGA GTCATCCTGG TCATATCTCT438
 AGCAATGTTT TTCTTGAAT TCTGAAAATG ATTACATAT GTGTGTACAT TTAATTCACT444
 TAGATCATCT GTAAACTTGG ATGGTATTTA TTCTAAATGG GGAAAACAA TTTATATGGA450
 AAAATCTATG TAATTTATAA TGGTTTTGTT TTATATATTA TATTTTCATA TCTCTAGGGC456
 ACATCTATCC TCATCTTTTT GTATACCATA CTTAGCAAAA AGAAATACTA ATACTTGACT462
 AAAATCTCTA GGAACCAAAAC GTGATACATG TGATATATAG CTTCTAGAAA TCGCTCTAAA468
 AATCTCTGAA TGTCTCATCC ATCCCAAGCA TTATTGTGCT GTGTCAATAT GTCCAGAATG474
 ATTTCTCTTG GATGCTTATG AGCATTTGTT TTTCACAACT AAGGTTGAAA GACCTGACAT480
 CTCACACAAT GGGGTTCTGG AATTCCTCTT TCCTCCTTTA TCTGTTTTTA TTGTTTGT486
 CATTTTAAAT TGCACCACTC TATGTTGTGG AAACCTTTGTT TTGAAGGGCA AATGTGAGAT492
 AACAAAGAAAG CAATGTGATG GAAAGACTGG ATGAATTTAC CTATGGCTAT GTAAATTTAT498
 TTAATGSACT GATAAGATGT TTCAAGTCTC ATGCTTGGAT CTTTATTTAT TGGTGAATTA504
 GGATCTGCTC AGCTCTTTAG CACATGAAGA AAATCAGGTA CAAAGGACAT TTGCAATGTT510
 GGAAACAGCAT GCTCTAAGCC CCGTGCAGCC AACACAAATT AACTTGACTG TAGAAACACC516
 AATTCCAGCT GCTGGAAGAA ATGGTTTAGA AAGGCAAACC AGATACCTTT TATTCTGCCC522
 TAGGAAATAC AGTGTGATC AGTGCTAAAA CTCTTCAGTG GCAGTCACTG TGGTTCTTTT528
 AACTGGGGAT TTCTTTTCAG TGTTCATTT GGTACCAAAA CAGAACATTT ACCTTACATT534
 TCAGATACIC TGTTTTCTCA GCATTGTTCA GATACTTTCC TTTACCGCTC TTCACGTACC540
 CTTTTGGCAT TGASTAATTC TATAAATGTT TCTATCCTTG GTTTTTAAAC CAAGTTATTCT546
 ATACTCTTAA AATATCTACC AAATCTCATT GTATTTTCAC ATATTTTGAG CATCAAGATA552
 CTGGTCAATTT TAAAAAATCC TTCAGTAAAT AGCACAGTTT ATTTTCCTAA TGACATTTT558
 AGGGTTTTCTT CATTSATCAA CCAGGTTTGG GTTACACAAA TCAATTGTGG GGGAAAAATC564
 AAATPAAACA ATTGCTTATT ATATTTTCCA AAGGACTGAG CATTTATCTT TTATTCACGA570
 AGATATCATA TGAGGATGAT AATGATCTTT AACAGATTTT TTAGAGATAG AATTTATAAA576
 GAGGCTGATA CTAAGAATAC TACAATCAAA ATTGAAGCTA GAGAATGTAA AAATAGAAAG582
 TAAATAGTTC TAAGAATATT CTGGCATAAA TTATTTTAT TTAGCCAATA AAATAGCCTC588
 CAAATGTATA TCTCAGACAC CATAGAGCTG CTAACAATGA GAATCAAGGA AGATGCTTGC594
 ACTTAGATTT CGTTTGTGTT ATTTTCAGTAG TTCTGGATGT CTTTGTGTA AATTGGAAAA600
 TGGAAAAATG TCTCGACAGA AATGTCAATC TGGTGATTCT GCGAACTGTA AAATGTTTAC606
 TTTTAAAAAT AAAGTTGTAA ACAAGTTACT CATATAAGTT GGTATTACAG TAGCAAAAAC612
 AGAAAAACCAT GTGATCCATC CTGTATTTTG ATTGATGCTT TAATAAAGG TTTGCACAGC618
 TGTG

6134

Name: 245 Len: 4952 Check: 2395
 GAGGTGGGCA CTTACAGATC CTGATGGGCC TCGTTCTGCA GGCTGGGCGG AACACATGGA 60
 ACGACCTCGG AGCTTTGAGT TTGATTTTCG AATAGAGAT GATGAACGG GTTACCGAAG 120
 GCTTGGCTCT GCGAGTGGGA GCATAGATGA TGACAGGGAT AGCTTGGGCC AATGGTGTCT 180
 AGAGGATGCT GAAGAAGAAA TGGGTACATT TGAATCATCT GGAGCATTCG TTTCTCTAAA 240
 AAAAGTATAG AAAGAGGCTA TTCCAGAAGA GCAGGAGATG GACTTCCGGC CTGTGGACGA 300
 AGGGBAGBAG TCTCTGACT CTGAGGGTAG CCATAATGAA GAGGBCAAA AACCCGATAA 360
 GACAAATAAG AAAGAAAGAG AGAAAAAGAG TATAGATGGA GTTGAAGCTA GTGAGGAAAC 420
 TCCCCAGACG TCAATCATCT CTGCTAGACC AGGTACTCCT TCAGACCATC AGTCTCAGGA 480
 AATATCATAG TTTGAGAGGA AAGATGAACC AAAAAGTGA CAAAGCGAAA AAGCTGAAGA 540
 GGAGACTCGG ATGGAATAA GTCTACCAGC CAAAGTGGCC AGCAGAGGGG ATGAAATGGT 600
 TCTGTATGTC CAGCAGGCCC TGTCGCAGAT TCCTTCAGAT ACAGCCTCTC CTCTTCTCAT 660
 ACTTTCACCT CTGTTTCCCA ATCTAGTCC TACTCTCCGG CCAGTTGAAA CACCAAGTGT 720
 AGGTCTCTCT GGTATGGGCA GTGTTTCCAC AGAACCTGAT GATGAAGAA GTCTCAAAAC 780
 TTTGGAGCAG CAACTGAGA AAATGGTGGC TTATCTCCAA GAGAGTGCAC TAGATGATGA 840
 AAGATTGGCA TCAAAATGAC AAGAGCACAG AGCTAAAGGA GTCTCGATTC CATTGATGCA 900

200

TCAGGCAATG TCGAAGTGGT ATTACATAGA TCGTCAGGGA GAAATTCAGG GTTCTTCAA 160
TAATCAATAG ATGTCAGAAAT GTTTTCAGGC GGGTTATTTT ACTATGCTTT TATTGGTGAA1020
GAGAGCTGTT TATTAAGGCT TCCAACTTCT TGGCGATATC ATGAAAATGT GGGGAAGGGT1050
TCCCTTTTCT CCAAGTCCAG CTCCCTCTCT TCATATGGGA GAGCTGGACT AGGAACGACT1140
GAGCAGGCTAG CAAGAATCTA CAGCCTTATA CCAGATGCAG CACCTGCAGT ACCAGCAGTT1260
TTTATATCAA CAACAATATG CACTTCTTCT TCAACAGTTT CAGACCTTSA AGATCAGAA1380
CCAGCAGTAG TAGTAGTTGG CACTTCTTCT TCAACAGTTT TAGGTCTCTG TCCGTGGCAG ATACTGGCTC1390
ATCTATAGAG AACATCATTC CTCTAGTAAC TAGGTCTCTG TCCGTGGCAG ATACTGGCTC1390
TATCTTCTAG TTTCAGTCAA TAGCTTCACT GCTACACTT TGGGAAGGTG TATCTGATG1440
GGATTTCTCT CTGGACACCA CGACACCAGG CCGTGGCCTG GAACAAGGTG AGTATGATG1500
GAAGGCTAAA GCTGGCAAGC TAGAGCAAGA GAGAAGAGAG ACTCGAAGA CAACAGGAAG AAATTTCTTCG1620
GGAGAGGGAA GAGGGAAGAA GGCAGGAAGA AGAGGAAGAA GAAGGAAGAA GAAAGGAAGAA1630
GGGACAGCAG GAAGAAGAAA GGAAAAGGCG AGAGGAAGAA GAAGGAAGAA GAAAGGAAGAA1630
GGAAGAAGCT CTGGCTGGCC AGCGGGAGCA AGAAATTGCA TTAGGGCGAC AGCGAGAAGA1740
GGAAAGAAAG CAGCAGCAAG AAGAAGCTCT TAGAAGACTG GAAGAGAGGA GAAGAGAGGA1800
GGAGCAAGAG CGGAAGCAGG AAGAATTGTT ACGCAAAACAG GAAGAGGAGG CTGCAAAATG1860
GGGCTCTGAA GAAAGAAAG CCCAGGCTCG ATTAGAGGAG AACCGGCTGG GGATGGAAAG1920
GGAGCTAGAG AGACTCTGGG ATGAGGAAGA AGAACGGAG AGAAGGGAGT TGGAGGTCCA1960
GGGCGAGAGG GAGTTAATGC GCCAGAGGCA GCAGCAGCAA GAGGCTCTCT GGAGGTTGCA2040
GCAGCAGCAG CAGCAACAAC AGCTGGCGCA GATGAAGCTT CCTTCTTCTT CAAGCTGGGG2100
CCAGCAGTCC AATACAACAG CATGTCAGTC CCAGGCCACG CTGTCTGTTG CTGAAATCCA2160
AAAACCTAGG GAAGAACGAG AACGGCAGCT TCGAGAAGAG CAAAGGCGCG AGCAGAGGGA2220
GTTGATGAAA GCTCTTCAGC AGCAGCAGCA ACAGCAACAG CAGAAACTCT CAGSTTGGGG2280
GAATGTCAGC AAACTTTCAG GTACCACGAA ATCTCTCTG GAGATCCAGC AGGAAGAGGC2340
CAGGCAATAG CAAAAGCAGC AGCAGCAGCA GCAGCAACAC CAGCAACCAA ACAGAGCTCG2400
TAACAATAGC CATTCCAAAC TGCACACCAG CATTGGGAAT TCTGTTTGGG GCTCTATAAA2460
TACTGCTGCT CTTAAGCAGT GGGCATCTGA CCTAGTCACT AGTATTGGA GTAATGCTGA2520
CACTAAGAAC TCCACATGGG GATTCTGGGA TGATGCACTG AAAGAGGTGG GACCTAGGAA2580
TTCAACCAAT AAAAATAAAA ACAACGCCAG TCTCAGTAAA TCTGTAGGTG TGTCTAACCG2640
GCAGAATAAG AAGTAGAAG AAGAAGAAAA GTTGCTGAAG CTCTTTCAGG GAGTAAATAA2700
AGCCCAAGAT GGATTTACGC AGTGGTGTGA ACAGATGCTT CATGCCCTTA ATAGGCAAAA2760
TAACCTTGAT GTTCCCACTT TTGTTCTTT CCTGAAAGAA GTAGAATCTC CTTATGAGGT2820
CCATGATTAT ATCAGGGCCT ATTTAGGAGA TACTTCTGAG GCCAAGGAGT TTGCCAAGCA2880
GTTCTTTGAG CGCCGTGCCA AACAGAAAGC CAACCAGCAG CGTCAGCAGC AGCAGCTGCC2940
ACAGCAGCAG CAGCAGCAGC CGCCACAGCA GCGCCACAG CAGCCACAAC AGCAGGACTC3000
TGTGTGGGGG ATGAACCACA GTACACTCCA TTCAGTATTT CAGACCAATC AAGCAACAA3060
CCACCAATCC AATTTTSGAG CTGTGCAGAG TGGCAAGAAG AAGAAAAAGC AGAAGATGGT3120
CCGACAGAT CCCAGTTTAT TAGGATTTTC AGTCAATGCA TCATCGGAGC GACTCAACAT3180
CGGTGAAATC GAGACSTTGG ATGACTACTG AGCACCTGCC AGTGGACTGG CCATCCCTCT3240
CCTGTCTGCC GACTATGGAG TCTCCACCTT TGGACACAAC ACTTACTCAC CATTACTCT3300
TTATCACTCT GCAACAAATC ACAGAACCGA TCATCTCAGG CTTTTTCTTC TGGCCCTTTG3360
TGTCCAGAT TCTTTAATCC ATTTTGTG TGGAACATCT CAGACTATAG ATAAGTGGAC3420
TGGACCTGCT GTCTTGGGGG TGGCAGTTGG GATTACTCCG CAACAAGGCT GATTTTAGGC3480
AGCATGCTTT CACTGTGCTG TGATTTTCTC TACTGTCTCC CAGAAAGTGT GTTGGGATCG3540
GCCATTAGCA GTTGTCTTTC TCTTGTCACT TTTTTTCTTC TATTTTGTTC TTTCTTCTC3600
TTTTTTCCCC CATCAGGGCA AATGGTCTAA CTGGTGCAAT CATGAAGAGA GTTAATGGTT3660
AACAGATATT GGGCAATAAC AAAACACCCC ATGGACTGTG ACTCGAGTAT CCAACAGGCA3720
GTCAAGCTCT TCCGGGTCTG AAAGTTGCAT TGCCACTGCT AACTTTGGGA TTGCATCAGA3780
GAGGCTCTGA GTGGGGTTGA GATGAGGTTG GTTTGGTTTG ATGTTACACA CTGCTCACT3840
GTTCTTTCTG AGTGTCTTTT CTCTGAAAGG ATTTATGTTT TTCTTCGTTA GATAGTGAAT3900
TCTGAGCAAG CTGATCTCCC CTGGCAAGCT CCAACCTGAT TGGACAAAGG AAGCTCTAT3960
GCTTCTGAGA GAGACTATTC TTAATTTTTC TTTCTTACAA AAATGATTT TTCCATAAAA4020
TATTTTACT TCAGAGGACT AGSACATTT TSTTTTGGGC CCTCTCTCTG AAAATTTGTC4080
TCTTTTAAGA GGCAGCTAGA ATCTTTACCA TATGATGAA TTTGTATAAT TTCATTTTGA4140
GATAGGATA AACTTTTGTCT TCTGATAAAA GCTTGGAAAT TCATCTGCTC CTCAGAGCAT4200
TGGGTCTCTG TCTTCTGTA GCGCGGAAAA GTTTTGTGT AAAGATTCTG GATGGGCAAG4260
TTCTTCTCT TTTCTGAAAA GAGAACATAC AGAACCTGTC CATCTTTAAG ACCTTCATCG4320
ATGGAATCTA CTATACAGGA GATGTCAGTG GCTGGAGGG GATGGGCGAA AATGGAGCA4380
GGAGGCTTGG CCTGGCTTCT GGTCAATGGG TCTTAAAAAC TTAAACTTCA AGTAGAAAT4440
TACTCTAGCC CTATTTATAA ACAATACTT TTCTTCTCTC CACCAAAACC CTACAGAAAC4500
TCACCTGAGG TTGCACTCA CACTGGGTTG GAGTCATTGG GCAGCTGTGC CTGTGAGAGA4560
GGTCTTCTGG TCTGGGAGC CCTGGAAAA GCACCTTTGC TGGCTGTCT TGTGCTCTGA4620
AGAAGGCTGG AGTTGCTCTG AGAGCAGTTT GGGTTTGGAG TATTATATTT GGCTTCTATT4680

TTTATTATTY TGGATCAACCA TTCTCCCTAT CCTTCTTGG CTCTCTCCCT TCTAAACATG4740
TGTAACTACT ATACAGAGAC TGCTACAAAA TTGTATATAG TTTTGTGATC AAATAGCATG4810
AGGGGAGAGG AAACATTATA AAGTTGGGGC TCTACTCTC CTTTGTCTTG TAAATTCAAA4860
AGTTAGGAT GGGTAAGAGG GATAGTTAAA ATGTTTACAA AACTTTAGTC TCCCTCGGAA4920
CTTTTGCAG TGTGGAGGAA AATAAAAAAG AACTTAAAT 4959

Name: 266

Len: 5676 Check: 1D2F

GGATCTCTTA	GAGCACTGGT	GCGACTTTCA	GGTGAGSTCT	TAGCAGATTA	AAAGGGCTGG	60
CTGTCTCTTG	CGCTAGTAGT	GCCTTCTGCT	CGCACTCGCT	CGTGAGCTAG	GTGTGCAACG	120
GGATCTCTTG	CGAGGCTCGC	GCCTGCTACG	TGCTATGCTG	AGAGGCTGAA	GGCTGCTGAT	180
GGATCTCTTG	CGCTCAGAGG	AGCTTCTGCT	AGGCTGCTGA	CGGGAAGCTG	CTGGCTGCTG	240
CTTGAATCTT	CACTCTCCAT	CCCCGAGGCT	TTGCTCTGCT	CGGCTGCTGCT	CTGTGCTGCT	300
CGGAGGCTCA	GTCTGCTAAA	AGGGGAGGAC	GTGAGGAGCG	CGGCTGCTGCT	CGGAGAGAGC	360
AGCTGGGAGG	AGACATGGCA	GGGTGCGAGC	GCCTGCTGCT	CGCTGCTGCT	CGCTGCTGCT	420
CTTAGGCTTT	TCCACGCCCC	CCCCCTGCCC	GAGGGGCGGG	GCTGAGGCTG	CTGTGCTGCT	480
GAGTGGGCTG	CGGGGGCAGG	GGGGGGCCCC	TGCAGAGTGG	GGACCCCATC	GGCTGCTGCT	540
ATGCTGAGCG	GAGACCAACG	AGGGGGGAGA	CAGAGCGCTG	CGAAGAGCTA	TTGAGTGGCT	600
ACCCAGTAGC	CGGCTGCTGC	GGGGCTCGG	GAAGCTTGGC	ACCCGCTAGG	AGGGAAGATG	660
AAGAGGATTT	CGAGGATCTG	TGCTGAGAG	CTGTCTGCTG	ACGAGGCTG	CTGTGCTGCT	720
CACAGGCTTT	CGAGGCTCAA	TCTCCAGGTT	CTGCTTCTG	ACGTCTTGG	CAAGGATGCT	780
CCCCGCTATG	GCAAGGCTGA	GTTGCTTGG	AGCAAGTGTG	CTTTCTATGT	TGATCGAATC	840
TATCGATCTG	ACACAGTTAT	TGCCCCGATT	GAAGCGCTTT	CTATTGAGCG	CTTGCAAAAG	900
CTGCTACTGG	AGAAGGATCG	CCTCAAGTTC	TGCATTGCTA	GTATGTATCG	GAAGAATAAC	960
GATGACTCTG	GCGGGGAGAT	CAAGGCGGGG	AATGGGACGG	TTGACATGCT	CTCTTACCCG	1020
GATGGGAGAT	ACTCTGCACT	GCTCCAGGAG	GACTTCTGCT	ATTGAGGCTT	TGAGTCTGCT	1080
GTGGAGAAAT	AGGATCAGAT	CCAGGAGCCA	CACAGCTGCT	ATGGTTCTGA	AGGCTCTGCT	1140
AACTGACCCA	GGAGATGCTG	TGTTGTGCTC	GCTTGTGCTG	TTGCTGCTG	TGACTATGAA	1200
GGCATTCTGA	AGGTACCTCG	AAAGGTGGCT	AGAAGTATCT	CTGCTGCTG	TTCTAGCAGG	1260
TGGTCTGACCA	GCATTCTGCT	TGAAGAACCA	GCTTGTGCTG	AGGTTGGCTG	ACCCGACTTA	1320
GCAAGCAGAA	AGGTACCTCG	AGATGGAGAA	AGCATGGAGG	AAGAGAGCTG	TGGTCTCTCT	1380
GTGGAATCTT	TGGATGCAAG	CGTCCAGGCT	AGCCCTCCAC	AACAGAAAGA	TGAGGAGACT	1440
GAGAGAACTG	CAAGGAAGCT	TGGAAAGTGT	GACTGTTGTT	CAGATGATCA	GGCTCCGCAG	1500
CATGGGTGTA	ATCACAAGCT	GGAATTAGCT	CTTAGCATGA	TTAAAGGTCT	TGATTATAAG	1560
CCCATCCAGA	GGCCCCGAGG	GAGCAGGCTT	CCGATTCCAG	TGAAATCCAG	CTACCTGCA	1620
GGCAAGCTTG	GGCCTAGCAT	GACAGATGGA	GTTAGTTCCG	GTTCTCTTAA	CAGGTCTTTG	1680
AAACCCCTTT	ACAAGACACC	TGTGAGTTAT	CCCTTGGAGC	TTTCAGACCT	GCAGGAGCTG	1740
TGGGATGATC	TCTGTGAAGA	TTATTTGCCG	CTCCGGGTCC	AGCCCATGAC	TGAAGAGTTG	1800
CTGAAACAAC	AAAAGCTGAA	TTACATGAG	ACCACTATAA	CTCAGCAGTC	TGTATCTGAT	1860
TCCCATCTTG	CAGAAGCTCA	GGAAAAATC	CAGCAACAG	AGGCCACCAA	CAAGATTCTT	1920
CAAGAGAAAC	TTAATGAAAT	GAGCTATGAA	CTAAAGTGTG	CTCAGGAGTC	GTCTCAAAAG	1980
CAAGATGGTA	CAATTGAGAA	CCTCAAGGAA	ACTCTGAAAA	GCAGGGGACG	TGAGACTGAG	2040
GAGTTGTATC	AGGTAATTGA	AGGTCAAAAT	GACACAATGG	CAAAGCTTCT	AGAAATGCTG	2100
TACCAAGGCT	AGCTTGAGCA	ACTTCACAGC	TCAGAGGCTA	CTTCTCCAGC	TCAGCAACAG	2160
GTAGCTCTCT	TGATCTTCTA	GAGTGTCTTA	TTCTGCAAGC	AACCTGAAAT	ACAGAAGCTC	2220
CAGAGGCTTG	TACGACAGAA	AGAGCGCCAA	CTGCTGATG	CCAAACAAAT	TGTGCAATTT	2280
GTAGAGCTTG	CAGCAGACGA	GAGTGAACAG	CAGAAAGAGG	CTTCTTGGA	ACATAACAGC	2340
GAATTGCGAA	AAGCCTTGCA	GCAGCTACAA	GAAGAATTGC	AGAATAAGAG	CCAACAGCTT	2400
CGTGGCTGGG	AGGCTGAAAA	ATACAATGAG	ATTGGAACCT	AGGAACAAAA	CATCCAGCAC	2460
CTAAACATA	GTCTGAGTCA	CAAGGAGCAG	TTGCTTCAGG	AATTTCTGGA	GCTCTACAGC	2520
TATCGAGATA	ACTCAGACAA	AACCTTGA	GCAAATGAAA	TGTTGCTTGA	GAACCTTCTG	2580
CAGCGATATC	ATGATAAAGC	TGTTGCTCTG	GAGCGGCTTA	TAGATGAAA	ATCTCTGCTG	2640
CTAGAGAGAG	AAGAAAAGA	ACTGCGCCAG	CTTCTCTCTG	CTGTGAGABA	GCAGATCATC	2700
GACTTAGAGA	GACTGCGCGA	TGTCTCTCTC	TCCATGAAAG	CTACTATCTA	AAGTATGAGC	2760
AGTCTCTCTA	GGGCTCAAGG	CCTGGAAGTG	GAACAGTTAT	CTACTATCTG	TCAAAAGCTC	2820
CAGTGGCTGA	AAGAAGAAAT	GGAAACCAAA	TTAGCGCTTT	GGCAGAAAGG	ACAAGAGAST	2880
ATCATTCAGC	AGTTACAGAC	GTCTCTTCAT	GATAGGAACA	AAGAAGTCTA	GGATCTTAGT	2940
GCAACAGTGC	TCTGCAAACT	TSGACCAAGG	CAGAGTGAGA	TAGCAGAGGA	CTGTGCTCAG	3000
CGTCTACAGC	GAAAGGAAAG	GATGCTGCAG	GACCTTCTAA	GTGATCTAAA	TAAACAAGTG	3060
CTGGAACADG	AAATGAGAT	TCAAGGCTCT	CTTCACTCTG	TGAGCAACAG	GGAGCAGGAA	3120
AGCCAAAGCT	CTGCAAGAG	GTTGGTGCAA	GCTTAAATGG	AAAGAAATTC	AGAATTACAG	3180
GGCCTGCGCC	AATATTTAGG	AGGGAGAGAG	TCCCTGATGT	CCCAAGCAAC	CATCTCTAAC	3240
CAACAGCTCT	AAGTTACCCC	CACTGGCCGT	CTTGGAAAAC	AGACTGATCA	AGGTTCAATG	3300
CAGATACCTT	CCAGAGATGA	TAGCACTTCA	TTGACTGCTA	AAGAGGATGT	CAGCATACCC	3360
AGATCCACAT	TAGGAGACTT	GGACACAGTT	GCAGGGCTGG	AAAAAGAACT	GAGTAATGCC	3420

AAAAA AAAAT TTGAACATCAT GGCTAAAAAA GAAAGAGAAA GTGAGAT TGA ACTTTCTGCT3480
CTACAGTCTCA TATGCTCTGT GCAGGAGAGAA GAGTTCGAGG TGCAGGCT30 T3ATATGGAG3540
TCTTTTACCA GGAACATACA GATTAAAGAA GATCTCATAA AG3ACCT3CA AATGCAACT3360
GTTGAACCTG AAGACATACC AGCTATGGAA CGCTT3ACCC AG3AAGTCTT ACTTCTTCTG3360
GAAAAAGTTG CTTACAGTAG ATCCGAGGGT CAAGAAATTT CABGAAACCG A3ACAACAG3720
TTGCTGCTGA TGCTAGAAGG ACTAGTAGAT GAACGAGTC GGTCAATGA GGCCTTACAA3780
GTAAGAGAGC AGCTCTATAG CAGTCTGCTG AAGTTCATG CTTAPCCAGA GAGCTCT3AG3840
AAGAGCCGAA CTCTGAGGT GGAACCTGAA GGGGCTCAGG T3TTACGAG TC3GCTAGAA3900
GAA3TTCTTG GAAGAAGCTT GGAGCGCTTA AACAGGCTGG AGACTT3AG C3CCATT3GA3960
GTTGCA3CTG CAGGCGATGA CACCBAAGAT ACAAGCACTG AGTTCATJA CABTATT3AG4020
GAG3AG3CTG CACACCATAG TCACCAGCAA CTATAGCTTC AGAAGCATTT TTACTTGC3A4080
GAG3AT3GAT ACATTCCTCT TGCGCTTTT GTAACTGAAA CGCACTCAG AAGACAGGGA4140
GTCATCGAA3 GGCTGCTCGG GGAGGTGGCA TCGCTTCTCAG TGAATCTCA TTATACAAAG4200
AAGAAGATTG GAATGCTTCC AAAGCAAGAA TCTTTCTCAG ACTCAGT3AT CAGCAGATGG4320
AGAACCTTAT GCAACTCTGAC AAACCACTGA GGTCATGGTG GCTGAAACAT T3CTTCCACC4380
TACTTCAACA GCAATCCCT GTCAAACCTC AGAAGTTCAG GCTGAAACAT T3CTTCCACC4380
CACCATCACT GAAGATGTAA CTAGCATGTT ACAAGAGTGA ATAATCTGGA CTTCAGAGAT4440
TAAGTCACTA ATAGT3ATCT CAC3ACACT CACCGGAAT CCTATAT3T CTTCCTTTG4500
TCTATGCTAT TTAGCAATCT CATCTCCTAA ATGGACTGT3 CCTAT3ATTC TTAAGGAGAA4560
AGTGAATCAT TGGTAGATAT CCGTGCACAAG CAGCTGGACT TTCCAGTAAT AGCTTTCTTG4620
GGGCTATTAG GAAAAATTAA CAAGAAATGA GGCTTTCTGG GTCTGCTGT AT3CTTCTG4680
CATAAGACCA A3AAGAGACA TCGAATCAAC CAATAAGAAG AGCCCAATA AGCATCCTCA4740
AATCTTTTGG GATTGGCAC TTGGGGACAT GAGTAGTTGT CTGGGATACG TCATATTCTC4800
AAGAGTTTCT TTGTAGTAGT AGGATCACCT TCTTATAATA G3ATCAGCTT CTGTTGCTA4860
TAGCTGTACG CGACCTTCCC TTCTCCCTTG AGTGCTTGCA T3AGCT3CAC TTTTCTTTT4920
GCTTGACAG CTTCTCCTGA GTCTCTCTTA CGGATGGTTG T3ACTTTAAT TATATACATC4980
TCTGTCTCTC CAGACAGATC CCTCTGTCT CACTCTCTGA TTTTATT3AG GATCTTGGGT5040
GAGAGAGAGG GACCTGCAGG ATGAACAAAT GTCTACTCTA A3ACAGCTAG ATTGGGAGGT5100
TGGGCTGGTCA CTGATGGTTA TAATGACTGT GGGACAGGAT T3ACTTCAGA ATAAATGAAC5160
AGGAGACACA GATATGAAGA AAGTTTCTGA TTGATATGGT CTGAAGTACT CCTGGTATTG5220
CAAGTCATTT GCTCTAATTC TCAATTGTAG GCAAACTGAT TTGTAAATTT CTTCTTTCAG5280
CCTTCTTTTC TGTAGCCTAG CATGGAGAAT CTGACCAGAC CCTATTTTGA GAAGGTGAGC5340
CTACACTGGA ATGAACCTTT TACATTAGGG CATTTGTATT TCCCTCACAA TACTTGCCAC5400
ATTACTTGGC ATAGGAGAGA TGCTTAGTGT AATTATAAGT TAACAAGCCT TTGGATCAGG5460
GCTTGACTCA TGATAGACAA AGTATATGCC TGCTGGATGG AAGAACTCTT TGGGCGAGCA5520
CCATTTTCTT TTCCATCACC TTTCTTTGAA AATATATCTT CAGCTTTGGG TAGGAGGAAT5580
CTTGGTGTAT GAAATCATTG CAAATTTACT TCATCTTTTC TGGAGTTTGA AGTTGTGACT5640
CTCCTGCTAC CAATTAAATA AAGCTTACT TGCCAT 5676

Name: 267 Len: 2483 Check: C86

TGGAGTTTGA	CTATTCTGAG	GACAAGAGTA	GTTGGGACAA	CTAGCAG3AA	AA00000CTC	60
CTACCAAAAA	GATAGGCAAA	AAGCCAGTTG	CCAAAATGCC	CCTGAGGAGG	CCAAAAGATGA	120
AAAAGACACC	CGAGAAACTT	GACAACACTC	CTGCCTCACC	TCCAGATCC	CCTGCTGAAC	180
TTAATGACAT	CCCCATTGCT	AAAGGTACTT	ACACCTTTGA	TATTGACAAG	TGGGATGACC	240
CCAAATTTTAA	CCCTTTTCT	TCCACCTCAA	AAATGCAGGA	GTCTCCAAA	CTGCCCAAC	300
AATCATAGAA	CTTTGACCCA	GACACTCTGT	AT3AGTCCGT	TGACCCCTTT	AAGACATCCT	360
CTAAGACCCC	CAGCTCACCT	TCTAAATCCC	CAGCCTCCTT	TGAGATCCCA	GCCAGTGCTA	420
TGGAAGCCAA	TGGAGTGGAC	GGGGATGGGC	TAAACAAGCC	CGCCAAAGAAG	AAGAGACGC	480
CCCTAAAGAC	TGACACATTT	AGGGTGA3AA	AGTCGCCAAA	AGGCTCTCT	CTCTCTGATC	540
CACCTTCCCA	GGACCCCAAC	CCAGCTGCTA	CACCAGAAAC	ACTACCACTG	ATCTCTGCGG	600
TGTTCCACGC	CACAGATGAG	GAAAAGCTGG	CGGTCACCAA	CCAGAACTGG	AGTGATGA	660
TAGTGGACCT	AGAGGCTGAC	AAACAG3ACT	A0003CAGCC	CTCGACCTG	TCCACTTTT	720
TAAACGAGAC	CAAAATCAGT	TCA00CACTG	AG3AGTT3GA	TTACAGAAAC	TCTATGAAA	780
TTGAATATAT	GGAGAAAATT	GGCTCCTCCT	TACCTCAG3A	CGAC3ATGCC	CC3AAGAAGC	840
AGGCCTTTGA	CCTTATGTTT	GACACTTCTC	AGGAGAGCC	T3TCAAGTCA	TCTCCCGTCC	900
GCATGTCAGA	GTCCCGCAGC	CGTGTCTCAG	GGTCAAGTTT	TGAAGAGACT	GAAGCCCTTG	960
TGAACACTGC	TGCGAAAAAC	CAGCATCCTG	TCCACAGAGG	ACTGGCCCT	AA0CAAGAGT	1020
CACACTT3CA	G3TGCCAGAG	AAATCTTCCC	AGAAGGAGCT	GGAGGCCATG	G3TTTGGGCA	1080
CCCTTTCAGA	AGCGATTGAA	ATTACAGCTC	CCGAGG3CTC	CTTTGGCTCT	GCTGACGCC	1140
TCTCAGCAG	GCTAGCTCAC	CCGCTCTCTC	TCTGTGGTGC	ACTTGACTAT	CTGGAGCCCG	1200
ACTTAGCAGA	AAA3AATCCC	CCACTATTGG	CTCAGAAACT	CCAGAGAGAG	GCTGTTCAGC	1260
CAACAGACGT	CTCATCTCC	AAAACAGCCT	T3TACTCCCG	CATCGG3ACC	GCTGAGGTGG	1320
AGAAACCTGC	AGGCCTTCTG	TTCCAGCAGC	CCGACCTG3A	CTCTGCCCTC	CAGATCGCCA	1380
GAGCAGAGAT	CATAACCAAG	GAGAGAGAGG	TCTCAGAAATG	GAAAGATAAA	TATGAAGAAA	1440

ACAAGCGGGA AGTGATGGAA ATGAGGAAAA TAGTGGGGGA STATAGAAAG ADDATCGCTC1500
 AGATGATAGA GGACGAACAG AGAGAGAACT CAGTCTCCCA CCAGACGCTG CAGCAGCTGG1560
 TTCTGGAGAA GGAGTAAGCC CTGGTCGACC TGAATCCCGT GGAGAAGTCT CTGGCTGACC1600
 TCTTCAGAAAG ATATGAGAAAG ATGAAGGAGG TCCTAGAAAG CTTCGGCAAG AATGAAGAGG1640
 TGTGGAAGAG ATGTGCACAG GAGTACCTGT CCGGGGTGAA GAAGGAGGAG CAGAGGTACC1740
 AGGCGCTGAA GSTGCACGCG GAGGAGAAAC TGGACAGGSC CAATGCTGAG ATTGCTCAGG1800
 TTGAGGCAAA GGCCACAGCAG GAGCAAGCCG CCGACGAGGC CAGGCTGCGG AAGGAGCAGG1860
 TGTGAGTGGA CCGGCTGGAA AGGAAGGCTG AGCAGAAAGAA TAAAGAAATA GAAAGAACTCA1920
 CCAAGATTTG TGAAGAACTG ATTGCGAAAA TGGGGAAAAAG CTAAGTCTGA ACCGAAATGTT1980
 TTGGACTTAA CTGTTGCGGC AATATGACTG TGGGACACTG GCTGTTCTTC CAGTTCCATG2040
 GACAGGTTCT GTTTTCACTT TTTCTATGCT ACTACTGTAT TCGCTTTCTA AATAAAATTT2100
 AATTTGATTGT ATGAGTACT AAGGAGACTA TCAGAAATTC TGGCTATTGG TTTGCAATTTT2160
 CCTAGTATAA TTCATAGCAA GTTGACCTCA GAGTTCCTGT ATCAGGAGCA TTGTCTGATT2220
 CTCTAATAAA AGACACATTG CTGACCTTGG CTTTGCCCTT TGTACACAG TTCCGAGGGT2280
 GAGCAGCTTT TGGATTTAAT ATGAACATGT ACAGCGTGCA TAGGGACTCT TGCCTTAAGG2340
 AGTGTAAACT TATCTGCAT TTGCTGATTT GTTTTTAAAA AAACAAGAAA TGCATGTTTC2400
 AAATAAAAT CTCTATTGTA AATAAAATTT TTTCTTTGGA TCTTGAAAAA AAAAAAAA2460
 AAAAAAAA AAAA AAA 2493

Name: 268 Len: 4143 Check: 23CF
 GCTGATGCT GACTGGTGGC CAATGCAGAT ACTAATTAAG TGCCCTAATC AAATTGTGAG 60
 ACAGATGTTT CAGCGTTTGT GTATCCATGT GATTGAGAGG CTGAGACCTG TGCATGCTCA 120
 TCTCTATTTG CAGCCAGGAA TGGAAGATGG GTCAGATGAT ATGGATACCT CAGTAGAAGA 180
 TATTGGTGGT CGTTCATGTG TCACTCGCTT TGTGAGAACC CTGTTATTAA TTATGGAACA 240
 TGGGTGAAAA CCTCACAGTA AACATCTTAC AGAGTATTTT GCCTTCCTTT ACGAATTTGC 300
 AAAAAATGGGT GAAAGAAGAGA GCCAATTTTT GCTTTTCATTG CAAGCTATAT CTACAATGTT 360
 ACATTTTTAC ATGGGAAGCAA AAGGACCTGA AAATCCTCAA GTTGAAGTGT TATCAGAAGA 420
 AGAAGGGGAA GAAAGAAGAG AGGAAGAAGA TATCCTCTCT CTGGCAGAGG AAAAAATACAG 480
 GGCAGCTGCC CTTGAAAAGA TGATAGCTTT AGTTGCTCTT TTGGTTGAAC AGTCTCGATC 540
 AGAAGGGCAT TTGACATTAT CACAGACTGA CATGSCAGCA TTAACAGGAG GAAAGGGATT 600
 TCCCTTCTTG TTCAACATA TTCGTGATGG CATCAATATA AGACAACTT GTAATCTGAT 660
 TTTCAGCCTG TGTCGATACA ATAATCGACT TGCAGAACAT ATTGTATCTA TGCTTTTCAC 720
 ATCAATAGCA AAGTTGACTC CTGAGGCAGC CAATCCTTTC TTTAAGTGTG TGACTATGCT 780
 AATGGAGTTT GCTGGTGGAC CTCCAGGAAT GCCTCCCTTT GCATCTTATA TTCTGCAGAG 840
 GATATGGGAG GTGATTGAAT ACAATCCTTC TCAGTGTCTA GATTGGTTGG CAGTGCAGAG 900
 ACCCCGAAAT AAAGTGGCAC ACAGCTGGGT CTTACAGAAT ATGGAAAAC TGGGTCGAGC 960
 GTTTCTTTTG GCTCACAAAT ATCCTAGAGT GAGGACTTCT GCAGCTTATC TTCTGGTGTCT 1020
 CTTTATACCA AGCAATTCAT TCCGTCAGAT GTTCCGGTCA ACAAGGTCTT TGCACATCCC 1080
 AACCGGTGAC CTTCCACTCA GTCCAGACAC AACAGTAGTC CTACATCAG TCTACAACGT 1140
 GCTCCTTGST TTGCTCTCAA GAGCCAAACT TTATGTTGAT GCTGCTGTTT ATGGCACTAC 1200
 AAAGCTAGTG CCTATTTTGA GCTTTATGAC TTACTGTTTA ATTTCCAAA CTGAGAAGCT 1260
 GATGTTTTTC ACATATTTCA TGGATTTGTG GAACCTTTTC CAGCCTAAC TTTCTGAGCC 1320
 AGCAATAGCT ACAAATCACA ATAAACAGGC TTTGCTTTCA TTTTGGTACA ATGTCTGTGC 1380
 TGAATGTCCA GAAATATCC GCTTATTGT TCAGAACCCA GTGGTAACCA AGAACATGCT 1440
 CTTCAATTAC ATCTTTGCTG ACCATGATGA TCAGGATGTG GTGCTTTTGA ACCGTGGGAT 1500
 GCTGCCAGCG TACTATGGCA TTCTGAGGCT CTGCTGTGAG CAGTCTCTTG CATTTCACAG 1560
 ACAACTGGCT TCTCACCAGA ACATCCAGTG GGCCTTTAAG AATCTTACAC CACATGCCAG 1620
 CCAATACCTT GAGCAGTAG AAGAAGTGT TAACCTGATG CAGCTGTTTA TAGCTCAGAG 1680
 GCCAGATATG AGAGAAGAAG AATTAGAAGA TATTAAACAG TCAAGAAAA CAACCATAG 1740
 TTGTTACTTA CTTTGTCTAG ATGGCCGCTC CTGCTGGACT ACTTTAATAA GTGCTTCAG 1800
 AATACTATTA GAATCTGATG AAGACAGACT TCTTGTGTA TTTAATCCAG GATTGATTCT 1860
 AATGACASAG TCTTTCAACA CTTTGCACAT GATGTATCAC CTAAGCTACAG CTTCCATGTT 1920
 GACTGGAGAT TTAGTAAAC TTCTGTCAAT ATTTCTTTTG GTTTGAAAT CTACACGGCT 1980
 TTATCTTCAG AAAAAAGATG TGAAACAAGC ATTAATCCAG TGGCAGGAGC GAATTGAATT 2040
 TGCCCATAAA CTGTTAACTC TTCTTAATTC CTATAGTCCT CCAGAACTTA GAAATGCTCT 2100
 TATAGATGTC CTCAGGAAC TTGTACTTTT GAGTCCCAT GATTTTCTTC ATACTCTGT 2160
 TCCCTTTCTA CAACACAACC ATTGTACTTA CCATCACAGT AATATACCAA TGTCTTTGG 2220
 ACCTTATTTT CTTTGTGAG AAAATATCAA GCTAATAGGA GGGAAAAACA ATATTGGGCT 2280
 TCCCGGCGCT SAAGTCAATA TGTGCTCTT GCCCACAATG GTGAAAACTA GTAAGGGCAA 2340
 AGATGAAGTT TATGATCGTA TGCTGCTAGA CTACTTCTTT TCTTATCATC AGTTTATCCA 2400
 TCTATTATGC CGAGTTGCAA TCAACTGTGA AAAATTTACT GAAACATTAG TTAAGCTGAG 2460
 TGTCTAGTT CTTATGAAG GTTTGCCACT TCATCTTGCA CTGTTCCCA AACTTTGGAC 2520
 TGAGCTATGC CAGACTCAG CTGCTATGTC AAAAACTGC ATCAAGCTTT TGTGTGAAGA 2580
 TCTGTTTTTC GCAGATATA TTAATGTAT CCTAATGGAT GAAAGAAGTT TTTTAAACAA 2640

GAAATTGTC TACAGCTTCA TGACAGATTT CTTTCTAAG GTTCAAAATC AAGTCTTCTG
 TGAAGCAAAAC TGTGDCAAAT TGATCABCAO TOTTATTACA AACTTGATAA GCCAGTATCA3760
 GAAGCTTATAG TCTGATTTCT CCAACCGAGT TGAAATTTCT AAAGCAAGTG CTCTCTTAA281
 TGGGGATCTG AGGGCACTCG CTCTGCTCTT GTAGTACAC ACTCCCAAC AGTTAAACCC2880
 AGCTCTAATT CCAACTCTGC AAGAGCTTTT AAGCAAATGC AGGACTTGTC TGCAACAGAG2840
 AAACCTCACTC CAAGAGCAAG AAGCCAAAGA AAGAAAAACT AAAGATGATG AAGGAGCAAC3800
 TCCCATTAATA AGGGGGGCTG TTAGCACTGA TTAGGAGCAC ACTGTAGACA GCTGCATCAG3860
 TGACATGAAA ACAGAAACCA GGSAGCTCTT GAGCCCAAC AGCACTTCTG ACAATGAGAC3120
 CAGAGATCTC TCAATTATTG ATCCAGGAAC TGAAGAGAT CTTCCTTCTG CTGAAAATAG3180
 TTCTCTTAAA GATACCGAA TGAAGTTCC ATCTTCGTTT TCAGAAGACA TGTCAAATAT3240
 CAGGTCTACG CATGCAAGAG AACAGTCCAA CATGTGTAGA TATGACGATT GTAAAGAATT3300
 TAAAAGCTCT CACTGTCTCA AGSATTCTAC CTAGCTGAG GAAGAATCTG AGTTCCCTTC3360
 TACTTCTATC TCTGAGTTT TGTCTGACTT AGCTGACTTG AGAAGCTGTG ATG3CCAAGC3400
 TTTGGCTCTC CAGGACCTCT AGGTTGCTTT ATCTCTCAGT TGTGGCCATT CCAGAGGACT3460
 CTTTAGTCTAT ATGCAAGCA ATGACATTTT AGATACCCTG TGTAGGACCA TTGAATCTAC3540
 AATCTATCTC GTCACAAGGA TATCTGGCAA AGGAAACCAA GCTGCTTCTT GACATTAGGT3600
 CTAGCATGTC TACTTTTAAG TCCCTCACCC CCAACCCCCA TGCTGTTTGT ATAAGTTTGT3660
 CTTATTTCTT TTTGTCTCTC AGTTTCTCCA GTCTCTCTTG CTTGAATCTC AAGATAGATT3720
 TATAGGCTTA ATTCTTGGTC AGGCAGAACT CCAGATGAAA AAAACTTCCA TCTTCAGTAT3780
 ACTTCTTAAA GGGCAATCAG ATAATGGATA TGTTTTATGT AATTAAGAGT TCACTTTAGT3840
 GGCTTTCTAT TAATATGGCT GCTGGGAAG AACAGGGTTG CCTAGCCCTG TACAATGTAA3900
 TTTAACTTCA CAGCATTTT ATGTGTATG ATATGGTGTG CTCTGTGCTA GTTTTGTACC3960
 TTATAGAGGC AGATTGCTCT CGATCGCTGT GGTCTTATT ATCAAAATTA AGTTTACTTG4020
 TATAGGSAAC AACCAACAAGA AATTTGATTC TGTAAGAAT CCTCTTTAGC TGTGGCCTGG4080
 CAGTATATAA ATGGTGCTTT ATTTAACAGA ATACCTGTGG AGGAAATAAA GCACACTTGA4140
 TGT 4143

Name: 169 Len: 1605 Check: 1799
 AATGCTGAGA GATGGGAGAG CATCTGCAAG GCACTGGAGG ATATTCAGGT GGATCTGGAG 60
 SCAGTGAATA TCAAGGCAGG CAAAGCCTTC CTGCGTCTCA AGGSCAAGTT CATCCAGATG 120
 CGAAGACCTT TCTTGGAGCG CAGAGACCTC ATCATCCAGC ATATCCCAAG CTCTCTGGGTG 180
 AAAGCATTC TCAACCCACC CAGAATTTCA ATTTTGATCA ACCGACGTGA TGAAGACATT 240
 TTCCGCTACT TGACCAATCT GCAGGTACAG GATCTCAGAC ATATCTCCAT GGGCTACAAA 300
 ATGAAGCTGT ACTTCCAGAC TAACCCCTAC TTCACAAACA TGGTGATTGT CAAGGAGTTG 360
 CAGCGCAACC GCTCAGGCGG GCTGGTGTCT CACTCAACCC CAATCCGCTG GCACCGGGGC 420
 CAGGAACCCC AGGCCCCGTC TCAAGGGAAC CAGGATGCGA GCCACAGCTT TTTCAAGCTG 480
 TTCTCAAACC ATAGCCTCCC AGAGGCTGAC AGGATTGCTG AGATTATCA GAATGATCTG 540
 TGGGTTAAAC CTCTACGCTA CTACCTGAGA GAAAGGGGCT CCAGGATAAA GAGAAAGAAG 600
 CAAGAAATGA AGAAACGTAA AACCAGGGGC AGATGTGAGG TGGTGATCAT GGAAGACGCC 660
 CCTGACTATT ATGCAGTGGA AGACATTTTC AGCGAGATCT CAGACATTGA TGAGACAATT 720
 CATGACATCA AGATCTCTGA CTTTATGGAG ACCACCGACT ACTTCGAGAC CACTGACAT 780
 GAGATAACTG ACATCAATGA GAACATCTGC GACAGCGAGA ATCCTGACCA CAATGAGGTC 840
 CCAACCAACG AGACCACTGA TAACAACGAG AGTGTCTGAT ACCACGAAC CACTGACAAC 900
 AATGAGAGTG CAGATGACAA CAACGAGAAT CTTGAAGACA ATAACAAGAA CACTGATGAC 960
 AACGAAGAGA ACCCTAACAA CAACGAGAAC ACTTACGGCA ACAACTTCTT CAAAGGTGGC1020
 TTCTGSGGCA GGCATGGCAA CAACGAGGAC AGCAGGACCA GTGACAATGA AGCAGATGAG1080
 GCCAGTCAAT ATGAAGATAA TGATGGCAAC GAAGGTGACA ATGAGGGGAG TGATGATGAT1140
 GGCATGAAAG GTGACAATGA AGGCAGCGAT GATGACGACA GAGACATTGA GTACTATGAG1200
 AAAGGTATTG AAGACTTTGA CAGGGATCAG GCTGACTACG AGGACGTGAT AGAGATCATC1260
 TCAAGCAAT CAGTGGGAAG AGAGGGCATT CAGGAAGGCA TCCAGCAAGA TGAGGACATC1320
 TATGAGGAAG GAACTATGA GGAGGAAGCA AGTGAAGATG TCTGGGAAGA AGGGGAAGAT1380
 TGGAGGAGT CTGACCTAGA GGATGTGCTT CAGGTCACAA ACGGTTGSGC CAATCCGGGG1440
 AAGAGGGGGA AAACGGGATA AGGTTTTTCC CTTTCTGGGG ATCACCTCTC TGTATCCCTC1500
 AAGCACTATC CCAATTTGCC TCTCTCTCAG CTAGGGCCAC GCGGACCCAC ATTGCACTTC1560
 TGGGGGGTGA CCACTCTGCT ACACGGGTTT AAAGTTTATT TTTT 1605

Name: 27 Len: 421 Check: F84
 AACGAAAGA ATGGGAATGA CAGTAACAAA CAAGATTTCC CCACTGGATA TTGCGATGG 60
 ACTGCAAGCAG TTTTATCTTT GAAATTCAGA AAGGAAACAA CTCTGTTCCA AACAGCTAAA120
 TATGCAAGTC CAAAAATGA AGGTATGTTT AACTGCCACA TTCACTCBA GGCATTCAT180
 CTCTTTCAGC ATCCCAATGA AGTACACGAT CTGCTTAGCT AAATAAGGTG GCACACGC3240
 TGCACCTCTG ACATCACAGG ACAGTTGCTT ATAAAACTAG ACTTCTGACC GCAGGGCTCC360
 AGCTTCACTT TTTACAGGT CATCATCTC ATCTNGGGAG ASCAGTCTC TGGAGCAAC360
 TCTAAATCA TGTCTGACT TGTGCTGGCC AAAGCTGGGG TCCATGACCA CNTCCAGGTG420
 421

Name: 17 Len: 2433 Check: 1510

3300000000	GGGCTTTTGA	GAATATGGCA	GACGATATTG	ATATTGAAGC	AATGCTTGGG	60
30T000TACA	AGAAGGATGA	GAACAAAGTT	AGCAGTGCCA	ACGGGCGATG	AAGACGTAGC	120
AAAAAGAGGA	AAAAAAGTAA	GAGCAGAAAG	CGTAGTCATG	AAAGAAAGAG	AAGCAAAAGT	180
AAGGACGCGA	AGCGAAGTAG	AGACAGAGAA	AGGAAAAAGA	GCAAAAGCGG	TGAAAGAAAG	240
CGAAGTAGAA	GCAAGAGAGG	GCGACGGAGC	CGCTCAAGAA	GTCGAGATCG	AAGATTTTGA	300
GGGCGCTACA	GAAGTGGTTA	CTCGGACCA	AAATTTAACA	GTGCTCATCG	AGGAAAGATT	360
GGGTTGGGTC	ATAGCATCAA	ATTAAGCAGA	CGACGTTCCC	GAAGCAAAAG	TGCATTGAGA	420
AAAGACAGAA	GCGCTGTGAG	AGAACTTATT	GATAATTTAA	CTGCTGAGGA	AAGAGATGCA	480
AGGACAGTCT	TCTGTATGCA	GCTGGCGGCA	AGAATTCGAC	CAAGGGATTG	GGAAGAGTTT	540
TCTGTATGAG	TAGGAAAGGT	TGAGATGTG	AGGATGATTT	CTGACAGAAA	TTGAGAGCTT	600
TGCAAGGGA	TTGCTTATGT	GGAGTTGCTC	GATGTTAGCT	CAGTGGCTCT	AGCAATAGGA	660
TTAAGTGGCC	AACGAGTTTT	AGGCGTGCCA	ATCATAGTAC	AGGCATCACA	GCGAGAAAAA	720
AACAGAGCTG	CAGCAATGGC	AAACAATTTA	CAAAAGGGAA	GTGCTGGAJC	TATGAGGCTT	780
TATGTGGGCT	CATTACACTT	CAACATAACT	GAAGATATGC	TTGCTGGGAT	CTTTGAGGCT	840
TTTGAAGAA	TTGAAAGTAT	CCAGCTGATG	ATGGACAGTG	AAACTGGTCC	ATCCAAGGGA	900
TATGATTTTA	TTACATTTTT	TGACTCAGAA	TGTGCCAAAA	AGGCTTTTGA	ACAACCTTAT	960
GGATTTGAAC	TAGCAGGAAG	ACCAATGAAA	GTTGGTCAATG	TTAATTGAAG	TACTGATGCT	1020
TGAGTGGCTA	GTTCATTTTT	GGACAGTGAT	GAAGTGGAAA	GGACTGGAAT	TGATTTGGGA	1080
ACCACTGGTC	GTCTTCAGTT	AATGGCAAGA	CTTGACAGAG	GTACAGGTTT	GCAATTTCCG	1140
CTAGCAGCAC	AGCAAGCTCT	ACAGATGAGT	GGCTCTTTGG	CATTTGGTCC	TGTGGCAGAA	1200
TTCTCTTTTT	TTATAGATTT	GCAAACAAGA	CTTTCCCAGC	AGACTGAAAC	TTCAAGCTTT	1260
GCTGAGCTG	CCTCTGTTCA	GCCACTTGCA	ACACAATGTT	TCCAACCTCT	TAACATGTTT	1320
AGGCTCAAAA	CAGAAGAAGA	AGTTGGATGG	GATACCGAGA	TTAAGGATGA	TGTGATTGAA	1380
GAATGTGATA	AACATGGAGG	AGTTATTCAT	ATTTATGTTG	ACAAAAATTC	AGCTCAGGGC	1440
AATGTGTATG	TGAAGTGGCC	ATCAATTGCT	GCAGCTATTG	CTGCTGTCAA	TGCATTGCAAT	1500
GGCAAGTGGT	TTGCTGTGTA	AATGATAACA	GCAGCATATG	TACCTCTTCC	AACTTACCACT	1560
AAGCTGTGTC	CTGATTCTAT	GACAGCAACA	CAGCTACTGG	TTCCAAGTAG	ACGATGAAGG	1620
AAGATATAGT	CCCTTATGTA	TATAGCTTTT	TTTCTTTCTT	GAGAATTCAT	CTTGAGTTAT	1680
CTTTTATTTA	GATAAAAAATA	AAGAGGCAAG	GATCTACTGT	CATTTGTATG	CAATTTCTCT	1740
TTACCTTGAA	AAAATAAAAA	TGTTAACAGG	AATGCAGTGT	GCTCATTCTC	CCTAAATAGT	1800
AAATCCCACT	GTATACAAAA	CTGTTCTCTT	GTTCTGCCTT	TTAAATGTTT	CATGTAGAAA	1860
ATTAATGAAC	TATAGGAATA	GCTCTAGGAG	AACAAATGTG	CTTTCTGTAA	AAAGGCAGAC	1920
CAGGGATGTA	ATGTTTTTTA	TGTTTCAGAA	GCCTAACTTT	TTACACAGTG	GTTACATTTT	1980
ACATTTCACT	AATGTTGATA	TTTGGCTGAT	GGTTGAGCAG	TTTCTGAAAT	ACACATTTAG	2040
TGTATGGAAG	TACAAAGACAG	CTAAAGGGCT	GTTTGGTTAG	CATCTCATCT	TGCATTCTGA	2100
TCAATGGGCA	AGAAAGGGAG	ATTTCAAAAT	TATATTTCTT	GATGGTATCT	TTTCAATTAAT	2160
TGTATCTGTA	AAAGTTTCTT	TGTAAATACT	ATGTGTTCTG	GTGTTCTCTA	AAATTCGAAA	2220
CAATATGATC	CCTGCATTTT	CTGAAGATGT	TTAAACGTGA	GAGTCTGTTA	GCGAAAGCAG	2280
TGTGAGAAAG	AAATAGGAAA	TGCAGAAATA	GGTTTGTGCT	GGTTGCATAT	AATCTTTGCT	2340
CTTCTTAAGC	TGTGTGAGCT	CTGAAATATA	TTTTTGGGTT	ACTTCAGTGT	GTGAGCAAGG	2400
AGAGCTTGAAT	ATTTCTATCA	AACAAATGAC	TTTCATATTG	CAACAATCTT	TGTAAGAACCT	2460
AUTCAATGAA	AAGTCTCTTA	AAAAGGCC				2498

Name: 271 Len: 1759 Check: 158D

30TTCACCC	ATTAGCATT	CTTACGTAGA	TAATTCCTTA	TGCTAGTTA	TTATACATAT	60
TAATTTTTAA	GATATACATT	TAAATTACAC	AATGTTTCAT	TGTGTTTTGT	ATGCGAGAAT	120
GTGTTGTGTT	TTTTAAAAGA	TGCATAATAG	CTGAATGTAT	GCATGACTTT	GAAAGAAGTT	180
AAAAATGGTA	TTTTTTTTCA	CCTCTTGATC	ATTTTAAAC	CAGGCGCAAT	CTATTTGCCA	240
AGCAGTGTAT	CACATAAAG	AAAAGCAGTT	TTTCTTTTA	TTGCASTTTT	TGTTTATCTG	300
CCATAGAAAT	TGCTTATACT	GTGGCTTGGT	ATTACTCAAG	ATTAGCTATT	TGCTGTGTAT	360
TACATCTTTT	TAAAAGCCTA	TTATAACATG	GTTAGCCTAT	AAGGTAGTGT	TGTTGCTCTT	420
CTAATATTGG	CCTCATAAAG	GGGTTCCACT	GTACTTTCCG	CATATTACTG	TGTTGTTGTT	480
TGCTTTTGTG	GATATATAAG	TAAATTGAGC	TTGGGIGATT	TTTATGGAJA	CAATAATTAG	540
ACAATACTGT	ATAATTAGTT	TTACTTAATA	GATTATCATC	TTGTGAGAAG	AGATGTTTAA	600
ACGTGGTAAA	TCACTTCATA	TTACAAAACA	GTTTTACACT	TAATATGTTA	ACATTGGGTG	660
CAATAATTTA	GTAGCATTAG	CTTTAGTTAC	AAATATAACT	GGATCTTTCT	GCTGACAACT	720
TAGGTTGTAT	GAGTTATGCT	TAAAAGCTTT	AAATCTGATG	TTTCTGTAC	CTGOCACACT	780
ATGTTAGAAT	GTGCTCTTCA	AACATATCCT	CCTGCAACTT	CTCAAACTGT	ACTAAATTGA	840
TATTTCTTGA	AGTCTAACTC	TGTGCTAACA	GATCTCCATT	TTAAATAGAA	TACGGTTTTA	900
ATTTTTGATA	AGCTGCTGAA	TTTTAAAGAG	AGTTTTTTGG	GGCCACCAAA	TATTTTGGAT	960
CATGCAGAGA	ATATATATTG	TACTGTAGTA	ATTTTGTATT	TACATTTGTA	TGATGTGACA	1020
TAATAGATGT	GAATGTTAAT	CAGTGTCTGA	CTATGTTAAT	AAAGTTGTTT	AACTATAAAA	1080
AAAAAAAAAA	ACCAACGGCT	CCTTCAGATC	AATCCATCTA	TGCAAAATTA	TGGGGAAAAA	1140

Name: 172	Len: 551	Check: 3F4				
GTCTAGAGTG	GCAGTAAAGG	AGGAAGATGG	CGGGGTGCAG	GGGGTCTCTG	TGCTGCTGCT	60
GCAGGTGGTG	CTGCTGCTGC	GGTGAGCGTG	AGACCCGCAC	CCCCGAGGAG	CTGACCATCC	120
TTGGAGAAAC	ACAGGAGGAG	GAGGATGAGA	TTCTTCCAAG	GAAAGACTAT	GAGAGTTTGG	180
ATTATGATCG	CTGTATCAAT	GACCCTTACC	TGGAAGTTTT	GGAGACCATT	GATAATAAGA	240
AAGGTGGAA	ATATGAGGCG	GTGAAGTGGA	TGGTGGTGTT	TGGCATTTGA	GTCTGCACGT	300
GAATGGGGGG	TCTCTTTTGT	GACTTTTTTT	TGCGATCTTT	CACCCAACTC	AAATTGCGAG	360
TGCTACAGAC	ATCGGTGGAG	GAGTGCAGCC	AGAAAGCGTG	CCTCGCTCTG	TCTCTCCTTG	420
AACTCTGGGG	TTTTAAACCT	ACCTTTGTCT	TCCTGGCAAG	CCTCCTTGTT	CTCATTGAGC	480
CGGTGGGAGC	AGGTTCCGGG	ATACCCGAGG	TCAAATGCTA	TCTGAATGGC	GTAAAGGTGC	540
CAGGAATGGT	CGGTCTCCGG	ACCCTGCTCT	GCAAGGTCCT	TGGAGTGCTG	TTGAGTGTGG	600
CTGGAGGGCT	CTTCGTGGGG	AAGGAAGGCC	CCATGATCCA	CAGTGTTTCG	GTGGTGGGAG	660
CTGGGCTCCC	TCAGTTTCAG	AGCATCTCCT	TACGGAAGAT	CCAGTTTAAAC	TTGACCTATT	720
TCCGAAGCGA	CAGAGACAAG	AGAGACTTTG	TATCAGCAGG	AGCGGCTGCT	GGAGTTGCTG	780
CAGCTTTCTG	GGGCGCAATC	GGGGGTACCT	TGTTTCAGTT	AGAGAGGGST	TCCTCCTTCT	840
TGAACCAAGG	GCTCAGCTGG	AAAGTGCTCT	TTTGTTCAT	GTGTGCCACC	TTCAACCTCA	900
ACTTTCTTGG	TCTTGGGATT	CAGTTTGGAA	GCTGGGGTTT	CTTCCAGCTC	CCTGGATTGC	960
TGAACCTTGG	CGAGTTTAAAG	TGCTCTGACT	CTGATAAAAA	ATGTCATCTC	TGACACAGCTA	1020
TGGATTTGGG	TTTCTTCGTC	GTGATGGGGG	TCATTGGGGG	CCTCCTGGGA	GCCACATTCA	1080
ACTTCTTGAA	CAAGAGGCTT	GCAAAGTACC	GTATGCGAAA	CGTGCAACCC	AAACCTAAGC	1140
TGGTCAAGAG	CTTAGAGAGC	CTCCTTGTGT	CTCTGSTAAC	CACCGTGGTG	GTGTTTGTGG	1200
CCTCGATGGT	GTTAGGAGAA	TGCCGACAGA	TGTCTCTCTT	GAGTCAAACT	GGTAATGACT	1260
CATTCCAGCT	CCAGGTCACA	GAAGATGTGA	ATTTCAAGTAT	CAAGCAATTT	TTTTGTCCCA	1320
ATGATACCTA	CAATGACATG	GCCCACTCTT	TCTTCAACCC	GCAGGAGTCT	GCCATCCTCC	1380
AGCTCTTCCA	CCAGGATGGT	ACTTTACGCC	CGCTCACTCT	GGCCTTGTTT	TGCTTCTCTT	1440
ATTTCTTTGGT	TGCATGTTGG	ACTTACGGCA	TTTCTGTTCC	AAGTGGCCTT	TTTGTGCCTT	1500
CTCTGCTGTG	TGGAGCTGCT	TTTGSACGTT	TAGTTGCCAA	TGTCTTAAAA	AGCTACATTG	1560
GATTGGGGCA	CATCTATTGG	GGGACCTTTG	CCCTGATTGG	TGCAGCGGCT	TTCTTGGGCG	1620
GGGTGGTCCG	CATGACCATC	AGCCTCACGG	TCATCCTGAT	CGASTCCACC	AATGAGATCA	1680
CCTACGGGGT	CCGCATCATG	GTCACACTGA	TGGTGGCCAA	ATGGACAGGG	GACTTTTTCAT	1740
ATAGGGGGAT	TTATGATATC	CACGTGGGCC	TGCGAGGCGT	GGCGCTTCTG	GAATGGGAGA	1800
CAGAGGTGGA	AATGGACAAG	CTGAGAGCCA	GCGAGCTCAT	GAGGCCCAAC	CTGACCTACG	1860
TCTACCTGCA	CACCCGCATC	CAGTCTCTGG	TGAGCATCCT	GCGCACCAAC	GTCCACCATG	1920
CTTTTGGGTT	GCTACAGAG	AACCGCGGTA	ACGAGAAGGA	CTTCATGAAG	GGCAACCAGC	1980
CTATCGGCA	CAACATCAAG	TTCAAGAAAT	CCAGCATCCT	CACCCGGGCT	GGCGAGCAGC	2040
GCAAGCGGAG	CCAGTCCATG	AAGTCTTACC	CATCCAGTGA	GCTACGGGAC	ATGTGTGATG	2100
AGCATATGCG	CTCTGAGGAG	CCAGCCGAGA	AGGAGGACCT	CCTGCAGGAG	ATGCTGGAAA	2160
GGAGATACAC	TCCTTACCCC	AACTTATACC	CTGACCACTG	CCCAAGTGA	GACTGGACCA	2220
TGGAGGGGGG	GTTCCGCGCT	CTGACCTTCC	ACGGCTGTAT	CTTCTGGTGG	CAGCTTGTCA	2280
CCCTGCTTGT	CGGAGGAGTT	TGTTACTCTG	AAAGCCAGTC	GAGTGGCAGC	CAGCCGCGCC	2340
TCTCTTATGC	CGAGATGGCC	GAGGATACCC	CGGGGTATCC	CGACATCTAC	GACCTGGACC	2400
TGAGGTGGCT	CAACCCGCGC	ATGATGGTGG	ATGTACCCCT	ATACATGAAC	CCTTGGCCTT	2460
TCAGGTGCTC	GCCCCACACC	CACGTCTCCC	AAGTCTTCAA	CCTGTTGAGA	ACGATGGGCC	2520
TGGGCCATCT	GCCCGTGGTG	AAOGCTGTGG	GAGAGATCGT	GGGGATCATC	ACAAGGCACA	2580
ACCTCAGCTA	TGAATTTCTG	CAGGCCCGGC	TGAGGCAGCA	CTACCCAGAC	ATGCTGACAGC	2640
TCATCCCAAC	CTCTCTCTGT	GCTGCTCTGG	GAGGCCAAAT	ATGCTCACTC	CGCGCGGCAC	2700
AGCTGGCTGG	GCTCTTTCCG	GGGCATGGAA	GATTCCAGAT	TACCCACTCA	CTCAGAAAGC	2760
CGGGAGTTAT	CGGACACCTT	GCTGGTCAAG	GGCCCTGGGG	TGCTTTTTGA	ACCATCAGAG	2820
CTTGGACTTT	TTTGACTTCC	CGAGCAAGGA	TCTTCCCACT	TCTGTCTCCC	TGTGTTCCCA	2880
CTCTCCATGT	TTGGCACAGG	CCACCCCTCG	GCTCCACCA	AGCCAGAGGC	AGAGGTAGAA	2940
TCAGGGGGGG	CTCGGGGCTG	ACTCCGAGCA	GTGTTCTCTG	CCATCTTTGC	TACTTTCTTA	3000
GAGAAACCGG	CTGTTGCCTT	AAATGTGTGA	GAGGGACTTG	GCCAAGGCAA	AAGCTGGGGA	3060

GATGCGAGTG ACAACATACA GTTCATGACT AGGTTTAGCA ATTGGGCACT GAGAAAAATTC31
 TCAATATTTT AGAGAGTCTT TCCCTTATTT GGGACTCTTA ACACGGTATC CTCGCTAGTT314
 T3TTTTAAAG GAAACACTCT GCTCTTGGGT GTGAGCAGAG GCTCTGTTCT TGGCTGTGG324
 TTTGACTCTC CTTAGAACCA CCGCCCAACA GAAACATAAA GGATTAAAT CACACTAATA3300
 ACCCTTGGAT GGTCAATCTG ATAATAGGAT CAGATTTAAG TCTACCTTAA TTCTTAACAT3360
 TGGAGCTTTT TCTCCATCTG CAGATTATTC CAGTCTCTCC AGTAACAGCT TTCTACCCAG3420
 ATCTTTTTTT ATTTCTTTAA GTTTTGTATC CCGTCTTCTT GATGAAGCAG GCAGAGCTCA3480
 GAGGATTTTG GCAACAGCCA CCAAAAGTTA CTGAAAGCAG GGCACCTCTG GATAAAGCAG3540
 CTTCACTCAA CTCTGGGGAA TGTACCAATT TTTTTTCAA AGTAGAAGG AAGCACTTCT3600
 GAGCCASTTA CCACTGAAAG GTATGTCTTA TGATAAAGCA BATGGCTTAT TTGAGGAAGA3660
 GGGTGTCTTC CCTTCACAAA CACCTCTCTC TCCCTTGCA CAGCTGTCTC AAGCTTACAT3720
 ACAGAGGCTC TTCAGGAGGG CCTCTGTCTC CGCAGGGAGG GTGGGTGGGG AAGATGCTTC3780
 CTGGCAGCAC GTGCTGAAG GTTTCACATG AAGCATGGGA AGGCACTCTC GTGAGCATCT3840
 GAGTCACTTC TTCTCCAGGC TGGCCCGCTC CCTCTGACTA GGCACCCAAA GTGAGCATCT3900
 GGGCATTGGG CATTCTATGCT TATCTTCTCC CACCTTCTAC ATGGTATCAG TCCAGCAGG3960
 CATCTCTGGG GCAGAGCTGC TTTGGCTCAA GATGGCTTCT ATTTACGTTT AGTTTTTTTT4020
 AAAACCTGTG AGGTTGCCCA CGGGCTCTGG CACCTGGCTC TGGCAGCACA GCTCTCAGGC4080
 CTAGCTCTGG GAGACCTCTT TGGCCAAATC TGCCTTTCA CTTGGGGTGA GCATCAGTCC4140
 TGGCTCTGCT GGTCCAGATC TTGCGCTCAG CACACTCTAG GGAATAATTC CACTCCAGAG4200
 ATGGGGCTTC TTCAAGGTCT TTTCTAGCTG ATTGTGGCCC CTCCTTTTCT CCCATTTTCT4260
 TATCTCTCTG ACCAAAATTG CTTTGACTTC TAAATGTTTC TGCTTCTCAG AATGCACCTC4320
 ACTTATGAAA TGGGGATAAT ACTCCAGGA AATAGCGCAG GACATCAAAA GGACCAAAAA4380
 GGAATTTCTT ATTTAAATGT TACTATTTGG CCAGCTGCTG CTGTGTTTTA TGGCAGTGT4440
 CAGAGCTTGA TCACGTTATT TCTTCTTTTT ATTAAGAAGG AAGCCAATTG TCCAAGTCAG4500
 GAGAATGGTG TGATCACCTG TCACAGACAC TTTGTCCCTT CTCCCGCTCC CTTCTGGAG4560
 CTGGCAGAGC TAACGCCCTG CAGGAGGAGC CCGGCTCTCT GAGGGCTTGA TCAGCAGCCG4620
 CTTGCCCTGA GGCTGCCCGG GTGAATGTTA TTGGAATTCA TCCCTCTGTC ACATCCTGTT4680
 GTTTTTAAGT CACCAGATAT TTTGTTCCCA TCAGTTTAGC CCAGAGATAG ACAGTAGAAT4740
 GCAATACCTT CCTCTCCCTA AACTGACTGG ACGGCTGCCA AGGAGGCTCC AAACCCAGGC4800
 CCTATGCAAA GGCACGTGGT TTCCTTTTCT CCTCTCTCTG CATCTGCTCT TTCCAGATAA4860
 GCTCAAAGAC AGCAACTTCT CCACTCATGA CAAATCAACT GTGACCTCTG CTCCTTCCAT4920
 TTCTGTCTAT TAGAAACCAG CCTTTTCAGC ATCTCACCCA TTAGCAGCCC CATCACCCAG4980
 TGATCAGTGG CCTCAGTAAA GCAGATCTGT GGATGGGGAG CCTACGGGTG GTAAGAAGTG5040
 GTGTTTTGTG TTTTATCTCC AGCTTGGTGT TCCATGGCCC CTAGGCGAGG TGATCAGGGA5100
 GTGGGGCCAA TGGGCCCCCG GCCCTGGCTT TGGGACCTTG TGCTGAGGGA TGATTTGCTC5160
 CTGACCTTGA TTAACCTAAC AGTTCCCAGC TGGGAAGGGAC ACTTTCAGGA CCCAGTCCAC5220
 TGTATGGCAT TTGTGATGCA GAATTATGCA CTGACATGAC CCTGGGTGAC AGGAAAGCCT5280
 TTGAGAGAGC CCAAGGTGGC CTCGCCAGCC CTGCAGTATT GATGTGCACT ATTGCAACCAC5340
 AGCTCTGCGG ACCTTGGCCA TTGCCGAGT CCGACCTTCC TTTTCTCTGT TTGCACTGTT5400
 TGTTTTGTAT ATGTTAGCTA ATTCCACTGT GTATATAAAT TGTATTTTTT TTAATTTGTA5460
 AAATGCTATT TTTATTTGAA CCTTTTGAAC TTGGGAGTTC TCATTGTAAC CCTAACATGT5520
 GAGAATAAAA TGTCTTCTGT C 5541

Name: 273 Len: 5047 Check: 2512
 CCGTTGCTGT GCGCGTTGCT GTCGGGGGCG CTGTGCGCTG A3GAAGGCGC GGGCGAGCCG 60
 GAGCAGAAGA ASGAGGGAGG GAGCDA3CCG CTGCAGCCAC CACCGCCACC ATGTCTTACC 120
 AAGGCAAGAA GAACATCCCG CGGATCA33A GTGACCGICT CTTATCAAG GGAGGCAGAA 180
 TGTCAATGA TGATCAGTCC TTTTATGCTG ATATTTACAT GGAAGATGGC TTAATAAAAC 240
 AAATTGGAGA CAATCTGATT GTTCTGGA GAGTGAAGAC CATTGAAGCC AATGGGAAGA 300
 TGGTGATCCC TGGAGGCAAT GATGTCCATA CTCACTTCCA BATGTCATAT AAGGGAATGA 360
 CCACASTAGA TCACTTCTTC CAAGGGACAA AGGCGGCTTT AGCAGGTGGC ACCACCATGA 420
 TCATTGAACA TGTGGTGGCT GAGCCTBA3T CCAGCCTCAC TGAGGCTTAT GAGAAATGGA 480
 GAGASTGGGC TGATGGGAAG AGTTGCTGT ACTATGCTCT GCATGTGGAC ATCACCCACT 540
 GGAATGAGAG CGTCAAGCAG GAAGTGCA3A ACCTCATCAA GACAAAGGG GTTAACTCCT 600
 PCATGGTTTT TATGGCTTAT AAGGATTTGT ATCAAGTATC TAACACAGAG CTCTATGAGA 660
 TCTTCACTTG CTTGGGAGAG CTGGGGGGCA TTGCTCAAGT TCATGCTGAG AATGGGGATA 720
 TCATTGCCCC GAGGCAAAAC CCGATGTTTG AAATGGGGAT AACTGGGCCA GAAGGCCATG 780
 TACTGAGCAG GCGAGAGAG CTGGAAGCTG AGGCTGTGTT CCGTGGCATC ACCATTGCCA 840
 GCAAAACCAA TTGCCCTCTC TACGTCACAA AGGTCAATGAG CAAGAGT3CA GCTGACCTCA 900
 TCTCACAAAG CAGSAAAAAA GGAATGTAG TCTTTGGTGA GCGCATCACT GCGAGCCTCG 960
 GCATAGATGG AACCCATTAT TGGAGCAAGA ACTGGGCCAA GCGGGCT3CA TTTGTGACAT1020
 CCGCAGCCTT GAGCCTTGAC CCAACTACTC CCGACTACAT CAACTCCTTG CTGGCCAGCG1080
 GGGATCT3CA GCTATCTGGG AGTGGCCACT GCACCTTCAG CACTGCCGAG AAAGCAATTG1140
 GGAAGGACAA CTTACAGGCC ATTTCTGAGG GCACCAATGG TGTGGAGGAG CGGATGTCTG1200

TGATCTGGW. CAAGGCTGTG GCCACAGGSA AAATGGACGA AAACCASTT3 GTGGCTGTGA1260
CAAGCACAAG CGCTGCCAAG ATCTTCAACC TGTATCCCCG CAAGGGAAGA ATATCTGTGG1310
GTTCTTACAG CGACCTCGTC ATCTGGGATC CAGATGCTGT GAAGATCGTC TCTGTCAAGA1380
ACCACCAATC TGGGGCAGAG TACAACATCT TTGAAGGGAT GGAGCTGCSC GGGGCTCCTC1440
TGGTGTTCAT CTGCCAGGGC AAGATCATGC TGAAGATGG CAACCTGCAC GTGACCCAGG1500
GGGCTGGGCG CTTCATAACC TGCAGCCCGT TCTCOGACTA TGTCTACAA3 CGCATTAAG1560
CAGGAGGGA GATGGCAGAT CTGCATGGCG TCCCAAGGGG CATGTACGAT GGGCTCTGT1620
TTGACCTGAG TACCATCCCG AAAGGTGGCA CCCCCGACG CTCTGTCTGG GGGCTCTGT1680
CTCTCTGAAA CCGACCTGTG AGGAATCTTC ATCACTCGGG ATTTAGCTTG TCAAGCACCT1740
AAGTGGATGA GGGGCTTCGC TTAGCCAGCA AGGGGATCGT GGGGCTCTCA GGGCTCTGT1800
CTAATATCAG ATCTCTGAT TAAGCAAGCG TTCTCAGAG AGAGGGGCGA AAGCAAGAAG1860
AGATTGTTTT GAAGCCAAAA TGSTACACCG ATATTAAAG AGGAAAGGSA ATCCAAACCG1920
TTGTGATCTA AAGAATCAAT AAGCCTCAAG CCTTATGTTT CTCCAATGTT ACGCTCGCTT1980
GCCTAGCTTT ACGAATATTG CTTTGTTTTT TGTATTATGCA TAGCCTTGAT TTGTTTGACT2040
CCCTCTCCCG CATTTACATG CATGCAATCA GACAGGCCAC TAAGGTAAAA GAGTCTGCTC2100
TATCATAGTG TTGAGAGCGT GTGTAGTGTG GCATCTTATG ACAAGGGGAC AGACAAGCTG2160
GGACCTCAGG GAAATGAACA AAAAGGACGC AGGTATTATG GGGTGAGTGG GTGGTGGGAG2220
CCTGAGGAAA GGTGGAAGGT GCAGAGGGGT TGGGTAGGG CATGTAGGAG GGAAGTGGGT2280
GGGTAGGTG AGTGAAGAG GTGTTTATTA TTGTGTTGAT GACGTACGTT ATTTCCATGG2340
AAGATAGCGT CTGTGGCAGC TGTACATCA CCACAGCTCC CTAGGGTCTG CCGAGAAAGC2400
AGGCAGTCTT TGGGTCTCTT TCTTTGTGAC GTCCCTTACA AGTAAATTTT GTTCTTTGA2460
ACGTTTTATTA AAATGCCAAG ACCCAACCAT TTCTTCCACC TGCTTGATTG TGCCAGTGT2520
TGCTCAGGCG TCTTTCTTAG TGTGTCTTTT AAATCCTTCT CTTTCTCTGG TTGGAAGGC2580
CAGGCTAGGGA CAGAGCAAAAT GACACTTCTT TTCTCTTTCG CCTCCCTGCG TCTTTGGTGC2640
TCTTAAAAAG CAGCAGCTGA GAACATAGCA CAGGCCACAG TGSTGAGGG ACCCAGAGCT2700
TAAAGACGCT TCTTCTTAAA CACGGCGAGG TCACCTCTCA CTCTTCTGTG TTGCAAAACC2760
GAGAAAGAGT GCATGCTTCT GGCATCCCCA GTCAGGATTT TAGCTCAGAT GAGGCAGAAT2820
GAAGGGGCTC TCTTACAGGC AGTTTGTGTT TGATTCTCTC GATCTCTGGA CATCCATGAT2880
AAATAGGAGT TTTTGAAGT TGGTTTTAT AGGTGTTCCC TAATTTTTAT CGTAATAGGT2940
CATCTCAGCT TATATGAAAG TCAAGTGGGG AACTGGGAAA GCCAAAGTCA GTCTTGAGCA3000
GAGGGAGCAC ATTTTGTGGA CCTGGTTCCA CCTTTCCATT CTAAGATCTC CCCAAGTGA3060
TCCATTAGCA GAAACTCTGG GGGAACTTTG TGTCTCAGTC CTAGAATCTC CCCAAGTGA3120
TGGAAGTGAC ATGATGCAAT CTTCCTCATG GGGCACCTGA AAGAAATTAG TGTGGGTGCT3180
TCGATCTACC TTGTCTGTCA GAGTTGAATA TCTCTTTCCC TATCATGCTG CTTCTGAAA3240
TTCAGTTTTG GAGCAAGTCC TGTGAGCAAG ATAAGAATCT CTCTGGGGAA TCCAAGTGGT3300
TTCAGAAGAA ATATGTTCAA CCTGGGATCA GACTTCCATG CTCTGGGGAA TCCAAGTGGT3360
AGCACCTGTA ACCCTGTGTA CTAAGTGCTT TGAAGAGAAG AGCAGGCCTC AGACACCTTT3420
TAATTGGTTA GGAGAAACCA TTGTCTCTCA CTGCAGGTTT GAATAAGTTG AAGACCAGAG3480
AAAAGTACAC ACTGGGCTAC AAAGGAATTT GGAGATAGCC AAGGAACAGG ATTTCCCTCA3540
GCAAGCTACC TTCTGTTCAA ATCATGAAAA AAGACTATTT CCCCCTAGAA TAGGGAAGCT3600
TGCTATTTTA AAGCTCTTGT AGTGCTTTTC TTTTAAGGGA GATGTAGTAA AAGGGAAAAT3660
GTAGCTCTTA GTTTACACTT CAAAGATGTG GGGGTCTTTC AGAGAACTAA GAATAACAGT3720
TTTATGTGCA GAGAGAGTTT GCCAGATCTG AAGCATATAC CTCATTGACT AGGCTGTTAC3780
TTTGGGATAG GTTGCACTAC CAGCTACAGC CAGCAGATAG AGGAAAAGAC ACACATAAAC3840
TGGCTCTGTA GGGTCCACTT CTGCACTCTC TGCTCTGCTG TTAATCAGGC CCTGAGTCTG3900
ACTCATCTGT GCACAACCTC TGTGTGCCAT GAAGATAAGT CTTCATGCG CCTGAGTCTG3960
ATCCGCACTG CCTTGGGAC TTCCGAAGTG AACCATTCCA CCAGAAAGCT TGATTCTGCA4020
CAAGATTTCT TTGCTCTGGB AACAAACCCC AATGCCCCCT GGGAGGAATA ACATGAGCTC4080
AGGAAGGCTC TCTTTCTTCA CTTACCATTA CTAACCTCTC AAGCATABAA ATCCCTGGGA4140
ATTGCGAGAA TAACTCCAC TATTTTAAAA TTTATATTCA GATTTGTTTC GTTTCATAAG4200
ACACATCAAA CAGGCTATA CAAAAGGTTT AGGAAAAGAA AACAAATGCT AGTCCGCGCT4260
CTCTGGAAT TCACTGGGAC CTATGCAAG TGTAGGAAGG CACGCTGGAT CGTCTATCT4320
ATTGAAAAGC TGCTCTTTC CATCTCATCC GTTGGCCTGC CCTCCAACTC TGAGGATGCT4380
CCTGCCATCC CCGCAACCTC CTCATATTGC CTCTGAACCC AGATGGCAAT CCATCCCGGT4440
TCTCTCTGAG GGCCACGGGC ITGGGTAGTG GAAAGGGTGT TTGGGAAATT GTTAAATCA4500
TTACCCCTAG TAGAGCTATT TCTTCTACTT CTAAGTTTTT TAGAAGTGGA AGGATTGTAG4560
TCATCTTGAA AATGGGTTTA CTTCAAAATC CTTAGCCTT GTTCTTCAAG ACTGTCTATA4620
CTGAGAGTGT CATGTCTTCA CAAAGGGCTG ACACCTGAGC CTGGATTTTC ACTCATCCCT4680
GAGAAAGCCT TTCCAGTAGG GTGGGCAATT CCAACTTCC TTGCCACAAG CTGCCAGGCT4740
TTTCTCCCTT GGAAGAACTC AGCTTGAAGT CCAGATACAC TCATGGGCTG CCTGGGCAAG4800
CCAGCATTTA TTGTAAGTTT CTTCTTTGAA AACTGGTGTG TGGGTGTTCA GTTCTGTGT4860
TGSTGCTAT GGACAGACAG TAATCTCTG TGATCTGTGC TAGCTGTGAG GCAGCTCTG4920
AACGTGAAGA GCTGTTTTGT TTGAACCTGT AACAAAAGT GTTTTTGAT TTAGCTGACA4980

TTAAAGAAAA A TTGATCA GTGACTTTT AATGTAAACC TGGTTATTAA AATAACTATG5341
AAATTAT
5047

Name: 274 Len: 1201 Check: 18CE
GACAAATATGG CCACAAATGGG GGTATCAGTA AATGCTCTTC TGGTCAAGCC AACCCACAGTC 61
CCGGTGGGGGG CTTCAAGCTTC AGTTTCAGCG CCAACGCCAG CACCCGCTTC GGCTCCGGTT 120
CCCGCTGGGG CTTCAAGCTTC ATCCTCAGAG CCTCGGGCAG CAGTGGCTTC AACTGGGGCT 150
CCTGGGCAATA CTTGGGGCTTC AGCGCAAGTT CCAGGGCAGA CCGCAGGGCT CGCTCTGGCT 240
GGTCTTGTTC TTTCAGGGCT CTTCTCGGGT GGTCTGGTGG TCAAGCTTCA CCGAGTCTAT 280
TTGGCTTTTA TTCTGATAG CTACGAGAGA CCGAATGAGG TTCTTGGGGT AGTTATGGGG 340
AATCTGTTTG GAATCTTCTGA CAAACACTCA GTGGAGGTCA CCAATTGCTT TTCAGTGGCG 400
CACAATGATTT CAGAAGATGA AGTGGCTGTT GACATGGAAT TTGCTAAGAA TATGTATGAA 480
CTGCATAAAA AATTTTCTTC AAATGAGCTT ATCTTGGGGT GGTACGCTAC GGGCATGAG 540
ATCAGAGAGC ACTCTGTGCT GATCCATGAG TACTACAGCC GAGAGGGGCC CAAACCCATC 600
CACCTCACTG TGGAGCAAG TCTCCAGAAC GGCCGCATGA GCATCAAAAT CTAGCTCAGC 660
ACTTTAATGG GAGTGGCTGG GAGGACCATG GGAGTGATGT TCACGGCTCT GACAGTGAAG 720
TACGGCTACT AGGACACTGA ACGCATCGGA GTTGACCTGA TCATGAAGAG CTGCTTTAGC 780
CCCAACAGAG TCAATGCACT CTCAAGTGAT TTGCAGCAAG TAGGAGGGGG ATCAGCTCGG 840
ATCTAGGATG CTTGATGAT AGTGTTCGAA TTGTGAGAGG ATGTACTGTT TGGAAAGGTT 900
TCAGCTGACA ATACTGTGGG CCGCTTCCTG ATGAGCCTTG ATGAGCTTTT GATGGTGACC1020
GTTCCGGATG ACTTTGAGAC CATGCTCAAT AGCAACATCA ATGAGCTTTT GATGGTGACC1020
TACCTGGGCA ACTTCACACA GTCACAGATT GCACTCAATG AAAAAGTTGT AAACCTGTGA1080
ATGGACCCCA AGCAGTACAC TTGCTGGTCT AGGTATTAAC CCGAGGACTG AGAAGTGAAG1140
GAGAAATGGG TTTTGTGGG TCTTGAGTCA CACTGAGATA GTCAGTTGTG TGTGACTCTA1200
ATAAACGGAG CTTACCTTTT GTAAAAAAA A 1201

Name: 275 Len: 8363 Check: 1FA2
GGGATCCGGG TGGCAAGGGG CCGTCAATGG TCACCTGGTG CTCTCAGGAA CAGCAGCGCA 60
ACCTCTGGCT CTTGGCTGGC CTCCCGCGGG CTTAGCTGGC TGGCACTTTA ATTAAAGGGC 120
CGTCCCTCTG CCGAGGCTGC AGCACCAGCC CCGCGCTTC TCGCGCTCA AAATGAGTAG 180
CTCCCACTCT CCGGCGGGCC AGAGCGCAGG AGGCGCGCT CCGGGCGGGT GCGTGACAC 240
GGGGACGGCC CAGATGCCGG CCACCGAGAA GGACCTGGCG GAGGACGCC CTGGAAGAA 300
GATCCAGCAG AACACTTTCA CGCGCTGGTG CAACGAGCAC CTGAAGTGCT TGAGCAAGCG 360
CATCGCCAA CTTGCAGACG ACCTGAGCGA CCGGCTGGCG CTTATGCGCC TGTGGAGGT 420
GCTCAGCCAG AAGAAGATGC ACCGCAAGCA CAACGAGCG CCACTTTCT GCGAAATGCA 480
GCTTGACAAC GTGCTGGTGG CGCTCGAGTT CCTGGACCGC GAGAGCATCA AACTGGTGTC 540
CATCGACAGC AAGGGCATCG TGGACGGGAA CCTGAAGCTG ATCTGGGGT TCATCTGGAC 600
CCTGATCTG CACTACTCCA TCTCCATGCC CATGTGGGAC GAGGAGGAG ATGAGGAGGC 660
CAAGAAAGCAG ACCCCCAAGC AGAGGCTCCT GGGCTGGATC CAGAACAAGC TGCCGACGCT 720
GCCCATCAAC AACTTCAGCC GGGACTGGCA GAGCGGCGG GCGCTGGGG CCGTGGTGA 780
CAGCTGTGCT CCGGGCTGTG GTCTGACTG GGACTCTTGG GAGCGCAGCA AGCCCGTTAC 840
CAATGCGGCA CAGGCTATGC AGCAGGCGGA TGAAGGCTG GGCATCCCTC AGGTGATCAC 900
CGCTGAGGAG ATTGTGSAAC CCAACGTGGA CGAGCACTCT GTCATGACTT ACCTGTCCCA 960
GTTCCGCAAG CCAAGGTGA AGCCAGGGGC TCCCTTGGCG CCGAAACTGA ACCCGAAGAA1020
AGCCCGTGCT TACGGGCTAG GCATCGAGCC CACAGGCAAC ATGGTGAAGA AGCGGCGAGA1080
GTTCACTGTG CAGACCAAGG GTGCTGGCCA GGGCAGGTTG CTGGTGTAGC TGGAGGACCC1140
GGCGGACAC CAGGAGGAG CAAAGGTGAC CCGCAATAAC CACAAGAACT GCACCTTCTC1200
CGTCTGGTAT CTCCCGGAGG TGACGGGGAC TCATAAGGTT ACTGTGCTCT TTGCTGGCCA1260
GCATATCGCC AAGAGCTCCT TCGAGGTGTA CCGTGAATAA TCACAGGGTG ACGCCAGCAA1320
AGTGACABCC CAAGGTCCCG GCCTGGAGCC CAGTGGCAAC ATCGCCAAAC AGACCACTA1380
CTTTGAGATC TTTAGGGCAG GAGCTGGCAC GGGCGAGGTC GAGGTTGTGA TCCAGGACCC1440
CATGCAACAG AAGGGCAGGG TAGAGCCTCA GTGGAGGCC CCGGGCGATA GCATATACCG1500
CTGCACTATC TAGTCCACCA TGGAGGGCGT CCACACCGTG CAGCTCACTT TCGCGGGT1560
GGCAAGCTCT CCAAGCTCCT ACACTGTAC TGTGGGCAAA GCGTGTAAAC CAGTGTACTT1620
CGGGTGGGTT CCGCGGGGCC TCAGCCCAA GGTGTGTGG GTGAAGGAGA CAGCTGACTT1680
CAAGGTGTAC ATAAAGGGCG CTGGCAGTGG GGAGCTGAAG GTCACGTTGA AGGCGCCCAA1740
GGGACAGGAG TGGTGAAGC AGAAGGACCT GGGGATGGC GTGTATGGCT TCGAGTATTA1800
CCCATGCTG CTTGGAACCT ATATCGTCAC CATCACTGG GGTGGTCAGA ACATCGGSCG1860
CAGTCTCTTC CAAGTGAAGG TGGGCACCGA GTGTGGCAAT CAGAAGGTAC GGGCCTGGGG1920
CCTGGGGCTG CAGGGCGGGC TCGTTGGCAA GTCAACAGAC TTTGTGCTG AGGCTATCGG1980
GGACGAGCTG CCAAGCTGG GCTTCTCGGT GGAAGGGCCA TGGCAGGCTA AGATCGAATG2040
TGAGTGAAG CCGCAGGGCT CTTGTGATGT GCGCTACTGG CCGCAGGAGG CTGGCGAGTA2100
TGGCTTCAAC GTGCTGTGCA ACAGCGAAGA CACCGGCTTC AGGCGCTTA TGGCTGAGAT2160
CGGTGACGCG CCGCAGGACT TCCACCCAGA CAGGGTGAAG GCAGGTGGGC CTGGATTGGA2220
GAAGACAGGT GTGGCTGCA ACAAGCCAGC AGAGTTCAAC GTGGATGCA AGCACGGTGG2280

TAAGTCCCA	TTGGGGTCC	AAGTCCAGGA	CAATGAAGGC	TGCGCTGT	AGGCTTGGT
TAAGTCCCA	GGTATGGCA	CTTACAGCTG	CTCTACGGT	TCAGGAAGC	GGGTGAAGCA
TAAGTCCCA	GTATTTGGG	GAGGCGTCA	CTCTCCCAAG	AGTCCCTTCA	GGGTGAATGT
TAAGTCCCA	ATTAAGCCCA	ACAAGGTCAA	AGTATAAGGC	CCCGAGTAG	CCAGAGAGAG
TAAGTCCCA	CATAGCCCA	CTACTTTCA	TGTGAGTGC	GGCGAGGCTG	GGCAGGGGAG
TAAGTCCCA	GGTCAAGT	GTCCCGTGG	AGTGTAGGC	CCCGCCGAA	CTGATCTCAG
TAAGTCCCA	ATTCGAATG	ACAATGACAC	CTTCAAGGTG	AAATACACGC	CCCGGGGGCT
TAAGTCCCA	ATTAATATGG	TCTCTTTTGC	TGACCAAGGC	AGGCGCACCA	GGCTATCTCT
TAAGTCCCA	ATTAATATGG	ATGACGTCA	TAAGGTGAAG	CTCGAGGCTG	CTCTCTCTCT
TAAGTCCCA	TTGGAGCTTG	GCAGGCTCA	CCACTTCAAG	GTAAATGCA	AACTGTGTGG
TAAGTCCCA	CTGGAGTCC	AGTTCTCAG	ACTCAAGAG	GGGATGCA	TGTGAGATGT
TAAGTCCCA	ATCAAGCAT	ACAATACCTA	CACAGTCAAG	TACAGGCTG	TCCAGCAGGG
TAAGTCCCA	GTCAATGTCA	CTTATGAGAG	GGATCCCATC	CCTAAGAGCT	CTTTCTCAGT
TAAGTCCCA	GGCAGTATCT	CTAAGGCTGG	GATCAAGGTG	TCTGGCCTGG	GAGAGAGGGT
TAAGTCCCA	GGAGCTTTGG	AAAGAGCCAG	AGTTCACAGT	CAAATCAAAG	GTCAAGGCCA
TAAGTCCCA	AGATTGTGG	GGCCTCTCGG	GGCCTCTCGG	TGCAGCGGTG	CCCTGCAAGG
TAAGTCCCA	GAACAAGTG	TGGTGCGGTT	CTTGCCCCGT	GAGGAAGGCT	CTATGAGGTG
TAAGTCCCA	TATGAGCGG	TGGCGCTGG	TGGGAGCCCT	TTCTCTCTGG	AACTGTGTGG
TAAGTCCCA	CTAGCAAGG	TGAAGGCGTT	TGGGCGCGGG	CTGCAGGGAG	CACTGTGGGG
TAAGTCCCA	GGCTCTACCA	TGACAGCAAA	GGGCGCGGGC	ACAGGTGGCT	TGGGCTGAC
TAAGTCCCA	GGCTCTGAGG	CGCAGCTCGA	GTGCTTGGAC	AATGGGGATG	GCACATGTT
TAAGTCCCA	GTGGCCACCG	AGCCCGGGGA	CTACAACATC	AACATCCTCT	TGCTGACAC
TAAGTCCCA	GGCTCTCCAT	TCAAGGCCCA	CGTGGTTCCC	TGCTTTGACG	CATCCAAAGT
TAAGTCCCA	GGCGCGGGG	TGGAGCGGGC	CACCGCTGGG	GAGGTGGGCT	AATTCAGAGT
TAAGTCCCA	AGGCGGGGCA	GGCGGGAGCT	GACCATTGAG	ATCTGCTGG	AGGCGGGGCT
TAAGTCCCA	GTGTACATCC	AGGAGCCAGG	TGATGGCAGG	CACACCATTA	CTACATTCCT
TAAGTCCCA	GGGGGCTACA	CGCTCACCTG	CAAGTAAGGC	GGGCAAGCTG	TGGGCAACTT
TAAGTCCCA	CTGGAGGTGG	AACTGCGGCT	GGACACTTCC	GGTGTCCAGT	GTATGGGGCT
TAAGTCCCA	GGGAGGGTG	TCTTCCCTGA	GGCCACCACT	GAGTTTCAAGT	TGGAGCCCGA
TAAGTCCCA	CAGAGCGGAG	GGCCGCACGT	CAAGGCCCGT	GTGGCCAACC	CCTCAGGCCA
TAAGTCCCA	AGCTACGTTT	AGGACCGTGG	CGATGGCATG	TACAAAGTGG	AGTACACGCC
TAAGTCCCA	GGACTGCACT	CGGTGGACGT	GACCTATGAC	GGCAGTCCCT	TGCCACAGCA
TAAGTCCCA	GTGGCGGTGA	CGGAGGGCTG	CGACCCCTCC	CGGGTGGCTG	TCCACGGGCT
TAAGTCCCA	AGTGGCACCA	CCAACAAGCC	CAACAAGTTT	ACTGTGGAGA	CCAGGGGAGC
TAAGTCCCA	GGCTTGGGCC	TGGCTGTAGA	GGGCCCTTCC	GAGGCCAAGA	TGTCTGTCAT
TAAGTCCCA	GACGGCAGCT	GCTCGGTGGA	GTACATCCCT	TATGAGGCTG	GCACCTACAG
TAAGTCCCA	AGCTATGGTG	GCCATCAAGT	GCCAGGCAGT	CCTTTCAAGG	TCCCTGTGCA
TAAGTCCCA	GATGCTTCCA	AGGTCAAGTG	CTCTGGGCC	GGCCTGAGCT	CAGGCATGGT
TAAGTCCCA	CTCGCTCAGT	CCTTCCAGGT	GGACACAAGC	AAGGCTGGTG	TGGGCCCCAT
TAAGTCCCA	GTGCAAGGGC	CCAAGGGCCT	GGTGGAGCCA	GTGGAGCTGG	TAGACAACGC
TAAGTCCCA	CAGACCGTCA	ATTATGTGCC	CAGCCGAGAA	GGGCCCTACA	GCATCTCAGT
TAAGTCCCA	GATGAAGAGG	TACCCCGGAG	CCCTTCAAG	GTCAAGGTGC	TGCTACTTCA
TAAGTCCCA	AAGGTGAAGG	CTAGTGGCCC	GGGCTTCAAC	ACCACTGGCG	TGCTGCCAG
TAAGTCCCA	GAGTTTCAACA	TGATGTCAAA	GGGAGCCGGG	GAGGGCCTGC	TGCTGTCCA
TAAGTCCCA	CTGGAAGGCA	AGCCGAGAGAA	GACACACATC	CAAGACAACC	ATGACGGCAC
TAAGTCCCA	GGCTACGTGC	CAGACGTGAC	AGGTGCTTAC	ACCATCCTCA	TCAAGTACGG
TAAGTCCCA	ATCCCTTTCT	CCCGGTACCG	CGTGGGTGCC	GTGCCACCC	GGGAGGCCAG
TAAGTCCCA	GTCACTAGTG	CAATCGGAGG	TCACGGGCTA	GGTGTGTGCA	TGGGCCCCAG
TAAGTCCCA	GGGAGGAGA	CGGTGATCAC	TGTGGACACT	AAGGCGGCA	CGAAGGCAAG
TAAGTCCCA	AGGCTGTGCA	CGCTTATGG	CTCAGAGGTG	GATGTGGACG	TGGTGGAGAA
TAAGTCCCA	ACTTTTGACA	TCTTCTACAC	GGGCCCCAG	CCGGGCAAA	AGCTTATCTG
TAAGTCCCA	GGTGTGAGC	AGGTTGCAAA	CAGGCCCCCT	CAAGTGAACG	CTCTGGCTGG
TAAGTCCCA	TGGGTGCAAG	CCCTCTAAG	GTCTCAGCAG	CTGGCCCCAC	AGTACACCTA
TAAGTCCCA	GGGAGGAGCA	CTTGGGGCCC	GGAGAGGCCC	CTGGTGGGTG	TCAATGGGCT
TAAGTCCCA	AGGCTGAGGC	CCTTTTGAAG	TGTCTATCCC	TTCACCATCA	AGAAGGGCAG
TAAGTCCCA	GAGGTTCGGA	TGGCCTCAGG	CAAGGTGGCG	CAGCCCCACA	TCAGTACAA
TAAGTCCCA	AGGCTGAGCG	TGGGATATGC	ACCCAGCGAG	GCTGGGCTGC	ACAGATGGA
TAAGTCCCA	GACCAACATGC	ACATCCGAGG	AAGGCCCTTG	CAGTTTATAT	TGGATTACGT
TAAGTCCCA	CATCTTCACTG	CCTATGGGCT	TGGCCTCACC	CATGGAGTAG	TGAACAAGCC
TAAGTCCCA	ATCTGCAACA	CCAAAGGATG	AGGAGAGGGG	GGCCTGTCTT	TGGGCAATTG
TAAGTCCCA	AAAGGAGAAA	TCAAGTGCAC	TGACAACCAAG	GATGGGACAT	GCAGCTGTCT
TAAGTCCCA	GTGCTGCGGG	GGGACTACAG	CATTCTAGTC	AAGTACAATG	AACAGCACGT
TAAGTCCCA	CTCTTCACTG	CTCGGGTCA	AGGTG		

```

AAAGGTCGGG TATGTCGGG ACATGCGCAT CAAGATCTCA GAGAGGATC TCAGGCTGCT-120
GAGGGGAAAT GTGNTTGGG CTTGCGGGCG GAGGAGGCT TCTTTGCTGA AGCGGCTGCG-120
TAATGTCGAC GTGAGGATTT CATTTGTTGT CAAGGAGACG GGGGAGGACG TGGTGCATGT-120
GAAGGAAAAAT GGCAGGACAG TGGGAGGACG CCGCATGCGG GTGGTGAACA GCGAGTGGGA-120
AATTGGGGAT GCGAGTGTGT TTGGGTTCTG TGGTCAAGGG CTTCAAGGAG GCGACACCTT-120
TGAGGCTGGA GAGTTTATCA TTGATAACCG CGATGCAGGC TATGTTGGGC TCAGGCTGTC-120
CATGAGGTTG CCGAGGAAAG TGGACATCAA CACAGAGGAC CTGGAGGACG GAGGCTGAG-120
GTTGACCTAC TCGGTCACAG AGCGAGGAA CTACATCATC AACATCAAT TGGGAGCA-120
GTAATGTTCT GCGAGTGGCT TTTTGTGAA GGTGACAGGC GAGGCTGGGC TGAAGGAG-120
CATGACCTTC AGGCTGGGG CTTCTTCACT GGCGAACCTT GGTATCAT TGAAGCTGAG-120
CTTGAATAT CCGGAAATTA GATTCAGGA TATGACAGCG CAGGTGACCA GCGCATCG-120
CAAGACCTAT GAGGCGGAGA TGGTGAAGG GAGAAACCA ACCTACTGCA TCGGCTTT-120
TCCGCTGAG ATGGGACAC ACACAGTCA GGTCAAGTAC AAGGGGACAG ACGTGCCT-120
GAGGCTCTTC CAGTTACCG TGGGCGGCT AGGGGAAGGG GGAGGCGACA AGCTCGAG-120
TGGGGGCGCT GCGCTGGAGA GAGCTGAAG TGGAGTGCCA GCGGAATTCA GTATCTGG-120
TGGGGAAGCT GTGCTGGAG GCCTGGGCT TGGTGTGAG GCGCGGAGCA AGGCTGAG-120
CTCTTTTGAG GAGCGCAAGG ACGGCTCTCT TGGTGTGAG TATGTGGT AGGAGCCAG-120
TGAATATTA CTCTCACTCA AGTTCAACGA GGAACACAT CCGGACAGCT CTTTCTGT-120
GCTGTGCTGT TCTGCTCTG GCGAGCGCG CCGCTCACT GTTTCTAGCT TTCAGGAG-120
AGGGCTAAAG GTCAACACAG CAGCTCTTT TGCAGTCAGC CTGAACGGGG CCAAGGGG-120
GATCGATGCT AAGGTGCACA GCGGCTCAGG AGCCTGAGG AATGCGCTT ACGTGAAT-120
TGACCAAGAT AAGTATGCTG TGGGCTTCAT CCGTCGGGAG AATGCGCTT ACGTGAAT-120
CGTCAAGTTC AAGGCTACCC ACATCCCTGG AAGCCCTTTC AAGATCCGAG TTGGGGAG-120
TGGGCTATGA GGGGACCCAG GCTTGGTGTC TGCTTACGGA GCAGGTCTG AGGGGCTG-120
CACAGGGGAG CAGGCTGAGT TCGTGTGAA CAGGAGCAAT GCGGGAGCT GTGCCCTG-120
GCTGACCAT GAGGCGGCT CCAAGGTGAA GATGGATTGC CAGGAGTGC CTAAGGCT-120
CTGGGTCAGC TATACGCGCA TGGCAGCTGG CAGCTACCT ATCTCCATCA AATACGCT-120
CGGCTACGAG ATGGGGGCA GCGGCTTCAA GGCCAAAGTC ACAGGCCCCG GTCTCGTC-120
CAAGGACAGC CTCCAGGAGA CATCATCAGT GTTTGTAGAC TCTCTGACCA AGGCCAC-120
TGCCCCCAG CATGGGGCCC CGGTCTCTGG GCCTGCTGAC GCGAGCAAGG TGGTGGCC-120
GGGCTGAGG CTGAGCAAGG CCTACGTAGG CCAGAAGAGC AGCTTCACAG TAGACTGC-120
CAAGGAGGAG AACAACATGC TGCTGGTGGG GGTTCATGGC CCAAGGACCT CCTGCGAG-120
GATGCTGGTG AAGCACGTGG GCAGCGGCT CTACAGCGTG TCTACCTGC TCAAGGAC-120
GGGGGAGTAC AACTGGTGG TCAAATGGGG GCACGAGCAC ATCCGAGGCA GCGGCAAG-120
CGTTGTGGTG CCGTGAATCT GGGGCGGCTG CCAGCGGCA GCGGCAAGC CTGCCCCG-120
ACCGAGGAG CCGCGGCTC TTCCCTCAA CCGCGGCCCA GCGGCGGCTG GCGGCGG-120
TGTCACTGCA GCTGCGGCTG CCGTGTGCGG TGCTGCGCTC ACCTGCCTCC CCAGCCAG-120
GCTGACCTCT CCGCTTTTAC TTGGGCGAG GAGCCATTT GGTGGGCTG CTTGTCTT-120
TTGGTTCTGG GAGGGGTGAG GGATGGGG
8368
Name: 276 Len: 4303 Check: FF4
GCGGCTGCTT AGTTGACGCA CCGATTGAGT CGCTGGGCTT TTTGACGCGC TTCAGCGTTT 60
TCCGCTGGAG GCGGCTTCCA TCGTTGGAGG CCGTAGTGGG TCGGAGAAAG GAGCGGGAGC 120
CGCGGACAGA GAGCGGTGGC CAATTGGGAG CCGACTCTGG GTGGGACTG TGGGAGCTGA 180
CTCTGGGTAG CCGGCTGGCG GTGGCTGGGG AGGCGAGGCC GAGCGCACCT CTGTTTGGGG 240
GCTCTGAGAG ATTAATGATT CATCAAGGGA TAGTTGTAAT GTTCTCGTGG GAATCACTTC 300
ATCATGCGAA ATCTGAAATT ATTTGGGACC CTGGAATTC GGGATATTC AAGTCCAGGG 360
AATGCTGAGT GCTTCTCTCT CCGAATGAA CAGGGGACGG TGCTCATTGG TTCAGAACAT 420
GGGCTGATAG AAGTAGACCC TGTCTCAAGA GAAGTGAAAA ATGAAGTTTC TTTGGTGGCA 480
GAAGGCTTTT TCGAGAGGA TGGAGTGGC CGCATTGTTG GTGTTGAGGA CTTGCTGGAT 540
TAGGAGTGTG TGTGTGTGGC CACAGGCTCT GAGAGGTCDA TACTCTGCAG TCTCAGACA 600
CAAGAGTTGG AGTGTGTTGG GAGTGTAGCC AGTGTATCT CTGTTATGAG TTGGAGTCTT 660
TATCAAGAGC TCGTGTGTTG TCGACAGGT CAACAGACCC TGATTATGAT GACAAAAGAT 720
TTTGAAGCAA TCGTGGAGCA GCAGATCCAT CAGGATGATT TTGGTGAAG CAAGTTTATC 780
ACTGTTGGAT GGGGTAGGAA GGAGACACAG TTCCATGGAT CAGAAGGCAG ACAAGCAGCT 840
TTTCAGATGC AAATGCATGA GTCTGCTTTG CCGTGGGATG ACCATAGACC ACAAGTTACC 900
TGGGCGGGGG ATGGAAGTT TTTTGTGTG AGTGTGTTT GCGGAGAAC AGGGGCTCGG 960
AAGGTCAGAG TGTGGAACCG AGAGTTTGCT TTGCAGTCAA CCAAGTGAAG TGTGGCAGGA 1020
CTGGGAGCAG CCGTGGCTTG GAAATCTTCA GCGAGTTTGA TTGATCTAC ACAAGATAAA 1080
CTCAAGCAGC AGGATATTGT GTTTTTTGAG AAAAATGGAC TCCTTCATGG ACACTTTACA 1140
CTTCCCTTTC TTAAAGATGA GGTAAAGGTA AATGACTTGC TCTGGAATGC AGATTCTCTT 1200
TGTCTTGGAG TCGGCTGGA AGACCTTCAG AGAGAAAAAA GCTCCATTCC GAAAACCTGT 1260
CTTCAGCTCT GAGCTGTTGG AAATATCAC TGGTATCTCA AGCAAAGTTT ATCTTCAGC 1320
ACCTGTGGGA AGAGCAAGAT TGTGTCTCTG ATGTGGGACC CTGTGACCCC ATACCGGCTG 1380

```

CATGTTCTCT GTCCAGCGCTG GCATTACCTC GCGTATGATT GGCAGTGGAT GAGTGAAGG 1440
 AGCGTGGGAG ATAATTCAAG TACTTGTCT AATCTGGCTG TCATTGATGG AAACAGGGT 1450
 TTGGTGACAG TCTTGGGCA GATGTTGGTT CCGCTTCCCA TGTGCACCTA CCAATGCTG 1460
 TTCTCACACC CTGTGAATCA AGTCACATTC TTAGCACACC CTCAAAAGAG TAATGATCT 1470
 GCTTTCTTAG ATGCCASTAA CCAGATTCTT GTTTATAAAT GTGGTGAATG TCCAAGTGT 1480
 GACCTACAG TGAAACTGGG AGCTGTGGGT GGAAGTGGAT TTAAAGTTTG CTTAGAACT 1490
 CTTATTTTG AAAAGAGATA CAAAATCCAG TTTGAGAATA ATGAGATCA ASATGTAAC 1500
 CCGTTGAAG TAGGCTTCT CATTGGATT GAAGAAGAG TCTTCTGCT TGTAAAGCT 1510
 AGTGAATCA GCGCTTCT TGTATTTCAD CATTGACTG TGGATGGGT TGGATGGAT 1520
 GAAAGCATG SACACTTAA TGTCAGTTCA TCTGAGCGG TGGATGGGT TGGATGGAT 1530
 CTATGTTGCA ATTCCAAAGAC CAATTCAGTA GTATTACAG TGGCTGATG CAGATAATT 1540
 AAGTACCTT GGGATCCACC TTCTCTGGCT ATTAACCAT GGAAGAACT TGGTGGATT 1550
 CCTGTTGGGT TTCTTATCC ATGCACCCAG ACCGAATTGG CCATGATTG AGAAGAGGA 1560
 TGTGCTCTG GTCTGACTGA CAGGTGTCTG TTTTTCATCA ATGACATTGA GGTTCGCT 1570
 AATATCACGT CATTGTCAGT ATATGATGAG TTTTATTGT TGACAACTCA TCCCATAC 1580
 TGCCAGTGT TTTGCCGTGAG GGATGCTTCA TTTAAACAT TACAGGCGG COTGAGCAG 1590
 AATCATGTGT CCGATGGGGA AGTTCTGCGG AAAGTGGAGA GGGGTTCAAG GATTGTCACT 1600
 GTTCTGCTCC AGGACACAAA CTTTSTATTA CAGATGCCAA GGGGAAACT AGAAGTTG 1610
 CATCATCAG CCGTGGTTTT AGCTCAGATT CGGAAGTGGT TGGACAACT TATGTTAA 1620
 GAGGCAATTT AATGCATGAG AAAGCTGAGA ATCAATCTCA ATCGATTGA TGATCATA 1630
 CCTAAGGTGT TTCTTGAAG TGTGGAAGC TTCATTAAAC AGATAGATT TGTGAATCA 1640
 ATTAAGTTBT TTTTACAGA ATTGAAAGAA GAAGATGTCA CGAAGACCAT GTACCTGC 1650
 CCAGTTACCA GCAGTGTCTA CCTGTCCAGG GATCCTGACG ATAAATCCTC ATAAATCTG 1660
 TGCGATGCTA TGAGAGCAGT CATGGAGAGC ATAAATCCTC ATAAATCTG 1670
 CTTACATCTC ATGTAAGAA GACAACCCCA GAACTGGAAA TTGTACTGCA AAAAGTAC 1680
 GAGCTTCAAG GAAATGCTCC CTCTGATCTT GATGCTGTA GTGCTGAAG GGGCTTGA 1690
 TATTTGCTGC ATCTGCTAGA TGTAAATGAA TTATATGATC ATTCTCTTG CACTATGA 1700
 TTTGATTTG TCTCATGCT AGCTGAGAAG TCACAGAGG ATCCCAAGA ATCTCTCA 1710
 TTTCTTAATA CACTTAAGAA AATGGAACT AATTATCAGC GGTITACTAT AGACAAAT 1720
 TTGAAACGAT ATGAAAAAGC CATTGGCCAC CTCAGCAAAT GTGGACCTGA GTTATCT 1730
 GAATGCTTAA ACTTGATAAA AGATAAAAC TTGTATAACG AAGCTCTGAA GTTATCT 1740
 CCAAGCTCAC AACAGTACCA GGATATCAGC ATTGCTTATG GGGAGCACT GATSCAG 1750
 CACATGTATG AGCCAGCGGG GCTCATGTTT GCCCGTTGCG GTGCGCAGC CAGGAAAG 1760
 TCAGCCTTTC TCACATGTGG CAACTGGAAG AGAAGTCTGG CAGGAAAGCT GGTGAGCA 1770
 TTTACCAAAG ACCAGCTGGT GGGCTCGGC CATGTTTTG GAAGAGTGTG CCCAGGAT 1780
 AGGAAGCACA TTGATGCGGC AGCTGCCTGG GAAGAAGCTT TGAGGCTGGT ATACAAAT 1790
 TGTCTCTTGC TGTAGAAGG AGCTGCCTGG GAAGAAGCTT TGAGGCTGGT ATACAAAT 1800
 AACAGACTGG ATATTATAGA AACCAACGTA AAGCCTTCCA TTTTAGAAGC CCAGAAAA 1810
 TATATGGCAT TTCTGGACTC TCAGACAGCC ACATTACAGT GCCACAAGAA ACGTTTAT 1820
 GTAGTTGAG AGCTCAAGGA GCAAGCCAG CAGGCAGGTC TGGATGATGA GGTACCCCA 1830
 GGGCAAGAGT CAGACCTCTT CTCTGAAACT AGCAGTGTG TGAGTGGCAG TGAGATGAG 1840
 GSCAAATACT CCGATAGTAA CTCTCAGGATA TCAGCGAGAT CATCCAAGAA TSCCGAAA 1850
 GTGGAGCGGA AGAAGCAGAG CCGCAAGGAA GGCAGTCCGC TGGAGGAGCT GGGCTCT 1860
 GAGGCACTGA GTGAAGTGGT GCAGAACACT GAAAACCTGA AAGATGAAST ATACCAT 1870
 TTAAGGTAG TCTTTCTCTT TGAGTTGAT GAACAAGGAA GGAATTACA GAAGGCT 1880
 GAAGATACCT TGCAGTTGAT GGAAGGTCA CTCCAGAAA TTTGGACTCT TACTTAC 1890
 CAGAAATCA CTACCCCGGT TCTAGGTCCC AATTCTACTG CAAATAGTAT CATGGCAT 1900
 TATCAGCAAC AGAAGACTTC GGTCTCTGTT CTGATGCTG AGCTTTTTAT ACCACCAA 1910
 ATCAACAGAA GAATCCAGTG GAAGCTGAGC CTGCTAGACT GAGTGAAGT AGTTAGGAG 1920
 GATCCGACAG AGAAGACCAT TTCACTCAT TCTGTTGTC CTACCACTTC TTGCTCTT 1930
 AGGGCTGGCT ATTGABAAC TGAAGAGTA AAATGATAAC TTACCTTAGC ATTGCCAA 1940
 ACTTCAAGCAG AGAAGCAAGCA ATTCTATTTA TTTTATGTT TGTATACAT TTGATCAT 1950
 GCAAGACATG AAGCTTTAAT TATTATGGCA CCATTTTGTG AGAATGATT TTCTTTCA 1960
 TGGGCTGTTT GAGAGCATAA TTATGGTAAT CATGAGATTA ATGTTTCATG ATTTCTAC 1970
 CCAAGGTGTG AAGACAGTA AAACAATGTT TCTAAATTGT CTTATTTTGT TGGCGGAG 1980
 GATTACAATG GCTATTAGTG CTACATTTGG TCAATGTAA TCACTTAAAT AGCTTCT 1990
 CACCTTAAAC TAAAGCAAG TAAAAAGTAT CTTTGAAT TAAAAAAAC AAAAAAGCT 2000

Name: 277

Len: 3548 Check: 1972

TGGCCGAAAC AGGCGGACAG CAAGGAGCGG TCAGGCGGGG ACCATGCGCG AAGGCGGCT 60
 GGAGCGGGCT GAGCGGCGCA TGTCAAGAT GGAGGTGGAC TACAGCGCCA CGGTGGATTA 120
 CGCGCTACCC GAGTGTGCGA AGTAGCCAA GGAAGGAAGA CTTCAAGAAG TCATTGAAA 130
 CTTCTCTCT CTGGAAGAG AGACTCGTAC TGCTTCCGAT ATGGTATCGA CATCCCGTAT 140

CTAGTTTCA GTAGTGAAGA TGTGCTATGA GGCTAAAGAA TGGGATTAC TTAATCAAAA 301
 TATTATGTTT TTGTCCAAAA GGGGGAGTCA GTTAAAAZAA GCTGTTGCCA AAATGTTTCA 360
 ACAGTGTCTT ACTTATGTTG AGGAAATCAG AGACCTTCTT ATCAAACTTC GATTAAATGA 420
 TACTGTACGA ATGGTATCCG AAGGCAAGAT TTAIGTTGAA ATTGAGGCTG CGGACTGAC 480
 TAAACATTA GCAACTATAA AAGAACAATA TGGTGTATGT AAAGAGGCTAG CCTCCATTTT 540
 ACAGGAGTTA CAGGTGGAAA CCTACGGGTC AATGGAAAAG AAAGAGGCTAG TGGAAATTTAT 600
 TTTGAGGCAA ATGAGGCTCT GCCTAGCTGT GAAGGATTAC ATTGGAACAC AAATCATCAG 660
 CAAGAAAAAT AACACCAAT TTTTCCAGGA AGAAAATACA GAGAAATTAA AGTTGAATTA 720
 CTATATTTTA ATGATTCAGC TGGATCAACA TTAGGGATCC TATTTGTCTA TTTGTAAGCA 780
 CTACGAGGCA ATATATGATA CTCCCTGTAT ACAGGCAGAA AGTGAATAAT GCCAGCAGGC 840
 TCTGAGAGT GTTGTACTCT ATGTTATCTT GGTCTCTTTT GACAATGAAC AGTCAGATTT 900
 GGTTCACGCA ATAAGTGGTG ACAAGAAGTT AGAAGAAATT CCAAAATACA AGGATCTTTT 960
 AAAGCTTTTT ACCACAATGG AGTTGATGCG TTGTCACACA CTTGTTGAGG ACTATGGAAT1020
 GGAATTAAGA AAAGGTTCCG TTGAGAGTCC TGCAACGGAT GTTTTTGGTT CTACAGAGGA1080
 AGGTGAAAAA AGGTGGAAAAG ACTTGAAGAA CAGAGTTGTT GAACATAATA TTAGAATAAT1140
 GGTCAAGTAT TATACTCGGA TAACAATGAA AAGGATGGCA CAGCTTCTGG ATCTATCTGT1200
 TGTGAGTCC GAAGCTTTT TGTCAAATCT AGTAGTTAAC AAGACCATCT TTGCTAAAGT1260
 AATAGATTA TCAAGGAATTA TCAACTTCCA GAGACCCAAG CATCCAAATA ATTTATTAAA1320
 TACTGTCTCT CAGAAACTGA ACTCATTAA GTCTCTGGTT AACAAAACTA CACTATCTAT1380
 AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGTCT TAGTGCTTTA GAAAAAAGTT1440
 AAAATTTGGA GTCATTAATA AAAGACTGTT ATAATGTTGT ATATGTTGGG GTTTTTTTTC1500
 TAAGCTTCTT TGTCTTAAAT TTTAAATAG TGAATATGTT TGAGACTCCC TTTGACCTTT1560
 CAGTTCCCCA AGTTTATTGT TAACTTTGCA TTTGCAATTG GTGCAAAAAT ACAGATTTCT1620
 GTGCTCTGAA TACACAAAAA GTTGTGTCT AACTTACCCA GATATGTTTT TCTATCATTT1680
 GAAAGCTTTT TAGCTACTGT TTGTTTTCT TCAACTAACA AACATATTCC AATAATAAAA1740
 GCAATATATA CATATTTTCT TTCTACAGTT AACTCTGATT CTCAACATTT TGTGGGGTAG1800
 TGATTTGGCA AGTGTTTTTT AAATAAACA AATCTCATTG TAAAGTTATC AGTCATTTAG1860
 TAGAATAGAA AAGCAACATA GAGCATACAA GAACATTTGG GATAGAGTTG TGATTTGTGA1920
 AGAATTTGTA CTTTGATATT GTGGCGSAAA GTCTAGACTG AGTGTGTATG CTGTAAGT1980
 GTAGACTTTT TTTTGTGTTT TTGAGTCCGG CTGGTTCCAA TCACAGTAGC TTSATTGCTT2040
 TCAGGCTCTA CCTCTCACT TGATCAGTTG TTCAACAGAA TCAGCTGACA TAATTGACAC2100
 AGTTTATTGG GTGTTAAGTC CGCTCTATAG GGATAGTGAC TACTTTTTTT TTTTTTTTTT2160
 TTTTGTCTCT TCTTCTCTCT CCTTTTCTTT ATATGGGTTT AAATTAAACA TAAAGTTGTT2220
 TTTATAAGGC TTATTGTGG CTTTAACTTG TAAGTCTGAT TACATCATTA TTGTTCCAAA2280
 TTCATTATCT CTGTAGGAAC TTTTAGTTCC ATTATATGAA CACTGGATAA CCTAATTTTT2340
 TTTAATGCTT TAAAAAATG GCAAAAAGAC GCTGCTGTC AAAGAAACAC CTGAGATGAA2400
 TATTAAAAA TTTTCACGGA ATTAAGTA TGATTTATTT CAGAGAAAAT AGAAAAAAC2460
 TTTGTTGAA CGAATTTTGC AAGTTTAAT ATATAAGAAA GTGTGAGGTC TACTTTAAAC2520
 ATGTTAGAAG GTTATTTAAA ATGATACTCA AATAAGAAA ATGGCATTTT TCTAATTA2580
 AAATTCAAAT GAAGAGAAAA AGAAAAACAG CATTCTAGAA ATGGCATTTT TCTAATTA2640
 TTTTCCACTT AATGGAAGAT TATCAATTGT CCTATTTTAT AATAATGACA TACAGTACTG2700
 TTTTGGGATA TGTGTATAT TTATCTGTG AGTCATTGTG AATGCAATTG TCACACTAAT AACATCAAC2760
 AATGTAATCTG ATTTTATTCT TTSGAAATTC CAAAAAGGC TGGGATTACA GGCATGAGCC2820
 TGTGCTATCA CTTATCTTTT TAAACTAAC CAAAAAGGC TGGGATTACA GGCATGAGCC2880
 ACTGACGCTA ACTGCTCTTT CGTCTTTCTT TAACACACAC TAGGCTCTTT GTGTATTATG2940
 ATTGATGCTT ATTTGTAAC GTGTCTCCAGT GACCAAAATG CACTCGACTC GATCAGCTGT3000
 TCATCCATTT CGTGTTTTTT CCTGTCAAAAT ATTAATCCAG CAAATATATG AGGTATTATG3060
 CAATTTATTT TCTTAGTATT ACAAATAAT TCATTAGCAT AAAGTACAAT AGTGAAATAT3120
 TTTAGTTGTT CGGAACCTCA ATTAATCTCT TTTTACATTT CAGACCTAAA GGTGGCAATC3180
 AGGAGAGAGAA GCACTTTGTT TTAATGTGG AGAAGATAAC ACTTGATTCT ATTTCAATTG3240
 CATTAGTGTA TTAACAGCA GGAGAGGTGA TGAGGCATTT TCAAAATGAA ATACCTTTA3300
 TTTCCATATA ATTTTTTTAT TTAGAGTTT AATAGCTGTT TGTATGATTA TCTCAATTT3360
 GATATGTTA CTGAATCTGA AAAACATCTT TAAATTTCAA ACAGTTGCTT TTTCTCTCT3420
 TAAAGTTGTA AATGTGATAA AAGTACATAT TTTAATTTGT TTTGAGCTCT TGGATATAG3480
 AGCAATAAAA ACACTAATTT GTGGGTATTT AAGAAAACCT GGAGAATAAA CTCATACTTT3540
 AAAAGATC

Name: 278 Len: 4032 Check: 2A0
 CTAGTTTCA GTAGTGAAGA TGTGCTATGA GGCTAAAGAA TGGGATTAC TTAATCAAAA 301
 TATTATGTTT TTGTCCAAAA GGGGGAGTCA GTTAAAAZAA GCTGTTGCCA AAATGTTTCA 360
 ACAGTGTCTT ACTTATGTTG AGGAAATCAG AGACCTTCTT ATCAAACTTC GATTAAATGA 420
 TACTGTACGA ATGGTATCCG AAGGCAAGAT TTAIGTTGAA ATTGAGGCTG CGGACTGAC 480
 TAAACATTA GCAACTATAA AAGAACAATA TGGTGTATGT AAAGAGGCTAG CCTCCATTTT 540
 ACAGGAGTTA CAGGTGGAAA CCTACGGGTC AATGGAAAAG AAAGAGGCTAG TGGAAATTTAT 600
 TTTGAGGCAA ATGAGGCTCT GCCTAGCTGT GAAGGATTAC ATTGGAACAC AAATCATCAG 660
 CAAGAAAAAT AACACCAAT TTTTCCAGGA AGAAAATACA GAGAAATTAA AGTTGAATTA 720
 CTATATTTTA ATGATTCAGC TGGATCAACA TTAGGGATCC TATTTGTCTA TTTGTAAGCA 780
 CTACGAGGCA ATATATGATA CTCCCTGTAT ACAGGCAGAA AGTGAATAAT GCCAGCAGGC 840
 TCTGAGAGT GTTGTACTCT ATGTTATCTT GGTCTCTTTT GACAATGAAC AGTCAGATTT 900
 GGTTCACGCA ATAAGTGGTG ACAAGAAGTT AGAAGAAATT CCAAAATACA AGGATCTTTT 960
 AAAGCTTTTT ACCACAATGG AGTTGATGCG TTGTCACACA CTTGTTGAGG ACTATGGAAT1020
 GGAATTAAGA AAAGGTTCCG TTGAGAGTCC TGCAACGGAT GTTTTTGGTT CTACAGAGGA1080
 AGGTGAAAAA AGGTGGAAAAG ACTTGAAGAA CAGAGTTGTT GAACATAATA TTAGAATAAT1140
 GGTCAAGTAT TATACTCGGA TAACAATGAA AAGGATGGCA CAGCTTCTGG ATCTATCTGT1200
 TGTGAGTCC GAAGCTTTT TGTCAAATCT AGTAGTTAAC AAGACCATCT TTGCTAAAGT1260
 AATAGATTA TCAAGGAATTA TCAACTTCCA GAGACCCAAG CATCCAAATA ATTTATTAAA1320
 TACTGTCTCT CAGAAACTGA ACTCATTAA GTCTCTGGTT AACAAAACTA CACTATCTAT1380
 AGCCAAAGAG GAGATGATAC ATAATCTACA ATAAGGTCT TAGTGCTTTA GAAAAAAGTT1440
 AAAATTTGGA GTCATTAATA AAAGACTGTT ATAATGTTGT ATATGTTGGG GTTTTTTTTC1500
 TAAGCTTCTT TGTCTTAAAT TTTAAATAG TGAATATGTT TGAGACTCCC TTTGACCTTT1560
 CAGTTCCCCA AGTTTATTGT TAACTTTGCA TTTGCAATTG GTGCAAAAAT ACAGATTTCT1620
 GTGCTCTGAA TACACAAAAA GTTGTGTCT AACTTACCCA GATATGTTTT TCTATCATTT1680
 GAAAGCTTTT TAGCTACTGT TTGTTTTCT TCAACTAACA AACATATTCC AATAATAAAA1740
 GCAATATATA CATATTTTCT TTCTACAGTT AACTCTGATT CTCAACATTT TGTGGGGTAG1800
 TGATTTGGCA AGTGTTTTTT AAATAAACA AATCTCATTG TAAAGTTATC AGTCATTTAG1860
 TAGAATAGAA AAGCAACATA GAGCATACAA GAACATTTGG GATAGAGTTG TGATTTGTGA1920
 AGAATTTGTA CTTTGATATT GTGGCGSAAA GTCTAGACTG AGTGTGTATG CTGTAAGT1980
 GTAGACTTTT TTTTGTGTTT TTGAGTCCGG CTGGTTCCAA TCACAGTAGC TTSATTGCTT2040
 TCAGGCTCTA CCTCTCACT TGATCAGTTG TTCAACAGAA TCAGCTGACA TAATTGACAC2100
 AGTTTATTGG GTGTTAAGTC CGCTCTATAG GGATAGTGAC TACTTTTTTT TTTTTTTTTT2160
 TTTTGTCTCT TCTTCTCTCT CCTTTTCTTT ATATGGGTTT AAATTAAACA TAAAGTTGTT2220
 TTTATAAGGC TTATTGTGG CTTTAACTTG TAAGTCTGAT TACATCATTA TTGTTCCAAA2280
 TTCATTATCT CTGTAGGAAC TTTTAGTTCC ATTATATGAA CACTGGATAA CCTAATTTTT2340
 TTTAATGCTT TAAAAAATG GCAAAAAGAC GCTGCTGTC AAAGAAACAC CTGAGATGAA2400
 TATTAAAAA TTTTCACGGA ATTAAGTA TGATTTATTT CAGAGAAAAT AGAAAAAAC2460
 TTTGTTGAA CGAATTTTGC AAGTTTAAT ATATAAGAAA GTGTGAGGTC TACTTTAAAC2520
 ATGTTAGAAG GTTATTTAAA ATGATACTCA AATAAGAAA ATGGCATTTT TCTAATTA2580
 AAATTCAAAT GAAGAGAAAA AGAAAAACAG CATTCTAGAA ATGGCATTTT TCTAATTA2640
 TTTTCCACTT AATGGAAGAT TATCAATTGT CCTATTTTAT AATAATGACA TACAGTACTG2700
 TTTTGGGATA TGTGTATAT TTATCTGTG AGTCATTGTG AATGCAATTG TCACACTAAT AACATCAAC2760
 AATGTAATCTG ATTTTATTCT TTSGAAATTC CAAAAAGGC TGGGATTACA GGCATGAGCC2820
 TGTGCTATCA CTTATCTTTT TAAACTAAC CAAAAAGGC TGGGATTACA GGCATGAGCC2880
 ACTGACGCTA ACTGCTCTTT CGTCTTTCTT TAACACACAC TAGGCTCTTT GTGTATTATG2940
 ATTGATGCTT ATTTGTAAC GTGTCTCCAGT GACCAAAATG CACTCGACTC GATCAGCTGT3000
 TCATCCATTT CGTGTTTTTT CCTGTCAAAAT ATTAATCCAG CAAATATATG AGGTATTATG3060
 CAATTTATTT TCTTAGTATT ACAAATAAT TCATTAGCAT AAAGTACAAT AGTGAAATAT3120
 TTTAGTTGTT CGGAACCTCA ATTAATCTCT TTTTACATTT CAGACCTAAA GGTGGCAATC3180
 AGGAGAGAGAA GCACTTTGTT TTAATGTGG AGAAGATAAC ACTTGATTCT ATTTCAATTG3240
 CATTAGTGTA TTAACAGCA GGAGAGGTGA TGAGGCATTT TCAAAATGAA ATACCTTTA3300
 TTTCCATATA ATTTTTTTAT TTAGAGTTT AATAGCTGTT TGTATGATTA TCTCAATTT3360
 GATATGTTA CTGAATCTGA AAAACATCTT TAAATTTCAA ACAGTTGCTT TTTCTCTCT3420
 TAAAGTTGTA AATGTGATAA AAGTACATAT TTTAATTTGT TTTGAGCTCT TGGATATAG3480
 AGCAATAAAA ACACTAATTT GTGGGTATTT AAGAAAACCT GGAGAATAAA CTCATACTTT3540
 AAAAGATC

AGCTGCGGAGG GATATGGAGG ATGACACCGAG TTGGGCGTCC GAGGCGAGCTT TTCAGTTCCAC 419
 TGTGCGAGCGG TTAGGAGAGC TGAGTGAGTGG GGTGCTTAGC CCTCGTCTTT TTGTGGGAAA 420
 TGTGCGAGCGG AAGATTAATGG TGATGGGACG CTTTTATGCA GACGAGCGAC ACCAAAAAAG 549
 OCTAGGATTC TTCTGCAAST GCAATGCTGA ATCTGATTCG ACCTGATGCT CTGGGATGCG 660
 ACAAGCGAGTG CTGAAGATAA TAAATTACAG AGATGATGAA AAGTGGTTCA GTCTGTGAT 660
 TAGTCATTTG TTCTTCCATA AAGAAAATGA TTGGGCGATTT TCCAAATTTTA TGGGCTGGAG 720
 TGAAGTGAGC GATCTGAGAG AAGGATTTAT AGATGATGAC AAAGTTACCT TTGAAGTCTT 760
 TGTACAGCGG GATGCTGCGC ATGGAGTTGC GTGGGATTCA AAGGAGTACA CAGGCTATCT 840
 CCGCTTAAGG AATTAGGAGG CGACTTCTTA CATGAACAGC CTGCTAAGA CATTATTTTT 900
 CACGAATCGG CTACGAAAGG CTGTGTACAT GATGCGAAGC GAGGGGAGT ATTCTCTAA 960
 AAGCGTTCTT TTAGCATTAAC AAAGAATGTT CTATGAATTA CAGCATAGTG ATAACTCTGT 1020
 AGGAACGAAA AGGTTAAGCA AGTCATTTGG GTGGGAAACT TTAGATAGCT TCATGCAACA 1080
 TGAATGTTAG GAGCTTTGTC GAGTGTGCTC CGATTAATGT GAAAAATAAG TGAAGGCGAC 1140
 CTGTGTAGAG GGCACCATAC CCAAATTATT CCGCGGCAAA ATGGTGTCTT ATATCAAGTG 1200
 TAAAGAGGTA GACTATCGGT CTGATAGAAG AGAAGATTAT TATGATATCC AGCTAAGTAT 1260
 CAAAGGAAAG AAAAAATAT ITGAATCAT TGTGATTAT GTGGCAGTAG AACAGCTCGA 1320
 TGGGGACAAT AAATACGACG CTGGGGAACA TGGCTTACAG GAAGCAGAGA AAGGTGTGAA 1380
 ATTCCTAACA TTGCGACGAG TGTACATCT ACAGCTGATG AGATTTATGT ATGAGCTCTA 1440
 GACGAGCTAA AATATCAAGA TCAATGATAG GTTGAATTC CCAGAGGAGT TACCACTTGA 1500
 GGTTCATAGT GAGATAATC ATGGTGGACA TTATGTGTT TATCTAAAGC CCAAGGGGGA 1560
 TGGCAAAATGG TGTAAATTTG ATGACGACGT GGTGTCAAGG TGTACTAAG AGGAAGCAAT 1620
 TGAGCACAAT TATGGGGGTC ACCGATGACGA CCTGTCTGTT CGACACTGCA CTAATGCTTA 1680
 CATGTTAGTC TACATCAGGG AATCAAAACT GAGTGAAGTT TTACAGGCGG TCACCGACCA 1740
 TGATATTGCT CAGCGAGTTGG TGGAGCGATT ACAAGAAGAG AAAAGGATCG AGGCTCAGAA 1800
 GCGGAGGAGG CCGCAGGAGG CCCATCTCTA TATGCAAGTG CAGATAGTGG CAGAGGACCA 1860
 GTTTGTGGG CACCAAGGGA ATGACATGTA CGATGAAGAA AAAGTGAAAT ACATGTGT 1920
 CAAAGTATTG AAGAACTGCT CGCTTGCTGA GTTTGTTGAG AGCCTCTCTC AGACCATG 2040
 ATTTCCACAA GATCAAAATC GATTGTGGCC CATGCAAGCA AGGAGTAATG GAACAAAAAG 2100
 ACCAGCAATG TTAGATAATG AAGCCGACGG CAATAAAACA ATGATTGAGC TCAGTGATAA 2160
 TGAAAACCTT TGGACAATAT TCCTGGAAAC AGTTGATCCC GAGCTGGCTG CTAGTGGAGC 2220
 GACCTTAACC AAGTTTGATA AAGATCATGA TGTAAATGTTA TTTTGAAGA TGTATGAT 2280
 CAAAACGCGG AGCTTGAAAT ACTGTGGGCA TATCTACACA CCAATATCCT GTAAATACG 2340
 TGACTTGCTC CCAGTTATGT GTGACAGAGC AGGATTTATT CAAGATACTA GCCTTATCCT 2400
 CTATGAGGAA GTTAAACCGA ATTTAACAGA GAGAAATTCAG GACTATGAG TGTCTCTG 2460
 TAAAGCCCTT GATGAACATA TGGATGGTGA CATCATAGTA TTTCAGAAAG ATGACCTGA 2520
 AAATGATAAC AGTGAATTAC CCACCGCAAA GGAGTATTTT CGAGATCTCT ACCACCGCT 2580
 TGATGTCATT TTCTGTGATA AAACAATCCC TAATGATCCT GGAITTTGTC TTACCTTATC 2640
 AAATAAATG AATTATTTTC AGGTTGCAAA GACAGTTGCA CAGAGGCTCA ACACAGATCC 2700
 AATGTTGCTG CAGTTTTTCA AGTCTCAAGG TTATAGGGAT GGCCAGGTA ATCTCTTAG 2760
 ACATAATTAT GAAGGTACTT TAAGAGATCT TCTACAGTTC TTCAAGCCTA GACAACCTAA 2820
 GAACTTTTAC TATCAACAGC TTAAGATGAA AATCACAGAC TTTGAGAAAC GGCGAAGTTT 2880
 TAAATGATA TGGTTAAACA GCCAATTTAG GGAAGAGGAA ATAACACTAT ATCCAGACAA 2940
 GCATGGGTGT GTCCGGGAGC TGTTAGAAGA ATGTAAAGAG GCGGTGGAAC TTGGGGAGAA 3000
 AGCATTAAGG AACTTAGGC TGCTAGAAAT TGTAAGCTAC AAAATCATTG CTGTTTATCA 3060
 AGAAGATGAA CTATTAGAAT GTTTATCTCC TGCAACGAGC CGGACCTTTC GAATAGAGGA 3120
 AATCCCTTTG CACCAAGTGG ACATAGACAA AGAAGATGAG ATGCTTCTCA CAGTGGGCA 3180
 TTCCACAAA CAGGTCTTGG GAACGTTCCG AATCCGTTTT TTGCTGAGGA TACACAGGG 3240
 TGAGTATTTT CGAGAGTGA TGAAGCGAAT CCAAGGCTG CTGAGATTC AGGAGAAAG 3300
 GTTTGAGAG TTTAAATTTG CAATTGTAAT GACCGGCGGA CACCAAGTGA TAAATGAAG 3360
 CGAGTATGAA GTAAATTTGA AAGACTTTGA GGCACAGGCC GGTAAATAT CTCTCTCG 3420
 GCTTTGCTA GGGGTGAGC ACTTCAACAA AGCCCGAAG AGGAGTGGT ACTATTCT 3480
 TGAAAAGGCG ATTAATAATC ATAATGATT TCCAAGCTGG TGTGTTGAG CTGCTCTA 3540
 TGTGTGGTG GGGCTTTAAC AGCCTAGAAC TTTGGTGCAC GTGCTCTA 3600
 TCAGCAAGAG GATTCCTGC TGGTGTAAAT TTTATTTTAT TGAGGCTGTT CAGTTTGGCT 3660
 TCTCTGTATC TATGAGTGC CTTTTTGA GAAAAATGAAG ATTTTTTTAT AAAATTTGA 3720
 TGCAATGAG AGTTATTTTA TGGTAACCA AGTCAAGGC AATGTGAG GCAATGGGG 3780
 AGAAGAGGTT AGGGATGCG GGGTCCCTG CTCAAGGCTCT CTGGCTCTC CTAGTGGG 3840
 ACGAGTGGCT CCGCTGCTT CCTGGGGTCT CGTGCAACAG CCGTGAAGT AGCAATCT 3900
 GTGTTTAGGC TCGTGTGAGC TATTTCTTT AGTTATACTT TCAATGAGT TTTGTGATC 3960
 TGTTAAGGCA AAACAGAGAA ACTCACAACT TAATAAATAG CGCTTTTCC TTCAAAAAAA 4020

AA
 Name: 279

Len: 3403 Check:

725

1022

```

AAGGTCTAG GCGAAGCTAG GTGAGCGGTG TGAAGAAAAG AGGCAGGAGG TAGGGCGCGG 60
GTCTTCTCC TCCCAGGAGT TGGAAAGGCT GAAGTTGACC TTCCAGTCCC TAGCGGCGGT 120
GCGGCGCTTA GGCCTGACTT CTGAGCGGCT TCGGGTGTCT GGTGCGCGCC TAAGCGGGGC 180
AAGGTGAGAA CAGGGGCTTC GGCGACGCT TCTCTTGGCG ACAGGATTTT GCTGTGAAGT 240
CGCTCCGGGA AAGCGAGGAA AAAAGAGTTT GCGGAGGCT GTCTGCTAAT AACGTTCTT 300
GATACATATT TGCCAGACTT CAAGATTTC AAAAAAGGCT GAAAGAGAAG ATTGCAACTT 360
TGAGTCAGAC CTGTAGGCTT GATAGACTGA TTAACGAGA GAAGGTGACC TGCTGAGAAA 420
AGTGGTACAA ATACTGAGAA AAACCTGCTC TTCTGCTTA AGTGGGAGAC AATGTACAAA 480
CTTAAAGCTT TTAATTCTA TGATGCTCC TCGATTTC AATTTTTTTT ATCTTGGAT 540
GATGAAGGAG ATACTCAAAA CATAGATTCA TGGTTTGAAG AGAAGCGGAA TTTGAGAAAT 600
AAGTTACTGG GGAAGAATGG AACTGGAGGG CTTTTTCAGG GCAAAACTCC TTTGAGAAAG 660
GCTAATTTTC AGCAAGCTAT TGTACACACT TCGAAAGCAG TTGACAAAC TTAATACAAA 720
GAGGCGAGAA AAGAAAATCT TGTGGAACAA TCCATTCCGT CAAATGCTTT TTCTTCCCTG 780
GAAGTTGAGG CAGCCATATC AAGAAAAATC GGAACAGAAA ATCTGATGAA ATTCTACCTT CTAAGAAAAT 840
AGATGTGCCC ATCTCTAAT CATCGATGAA ATTCTACCTT CTAAGAAAAT GAAAGTTTCT 900
AACATCAAAA AGAAGCCAGA GGAAGAAGGC AGTGTCTATC AAGATACTGC TGAACAACAT 960
GCATCTTCCC CAGAGAAAGC CAAGGCTAGA CATACTGTCT CTGTATGCTT ACCTGCAAAAT 1020
CAGAACTTTT TAAAAAGTAC TGAGGAGCAA GAGCTGGAGA AGAGTATGAA AACTTGCTCT 1080
GAGGTCTTGG AGATGGGGAA AAAGAATGAA GAATTCAGAA AACTTGCTCT GGCTGGAAT 1140
GGGCAACTCT TGAAGAAATC AGTGAGCCAG GTCACCAAAT CAGTTGACTT CCCTTCCGC 1200
ACAGATGAGC GAATCAAAAC ACATCCTAAG AACCAGGAGG AATATAAGGA AGTGAACCTT 1260
ACATCTGAAC TACGAAAGCA TCCTTCTATC CTGCGCCGAG TGACTAAGGG ATGTACCATT 1320
CTTAAAGCTT TCAACCTGTC CCAAGGAAAG AAAAGAACAT TTGATGAAG AGTTTCTACA 1380
TATGTGCCCC TTGCACAGCA AGTTGAAGAC TTCCATAAAC GAACCCCTAA CAGATATCAT 1440
TTGAGGAGCA AGAAGGATGA TATTAACCTT TTACCTCTCA AATCTTCTCT GATCAAGATT 1500
TGCAAGAGAC CACAGACTCC TGTACTGCAA ACCAAACACG GTGCACGGGC TGTACCTGCT 1560
AAAAGTACAG CAGAGCTGGA GGCTGAGGAG CTGAGAAAT TGCAACAATA CAATTCAAA 1620
GCACGTGAAC TTGATCCCAG AATACTTGAA GGTGGGCCCA TCTTGCCCA GAAACCACT 1680
GTGAAGCCAC CCACCGAGCC TATTGGCTTT GATTTGAAA TTGAGAAAAG AATCCAGGAG 1740
CGAGATCAA AGAAGAAAA AGAGGATGAA CACTTTGAAT TTCATTCCAG ACCTTGCCCT 1800
ACTAAGATTT TGAAGAAATG TGTGGGTGTT CCTGAAAAGA AGGTACTTCC AATCACCCT 1860
CCCAAGTCAC CAGCCTTTGC ATTGAAGAAC AGAATTCGAA TGCCACCAA AGAAGATGAG 1920
GAAGAGGACG AACCGGTAGT GATAAAAGCT CAACCTGTGC CACATTATGG GGTGCCTTT 1980
AAGCCCCAAA TCCCAGAGGC AAGAACTGTG GAAATATGCC CTTTCTCGTT TGATTCTCGA 2040
GACAAAGAAC GTCAGTTACA GAAGGAGAAG AAAATAAAG AACTGCAGAA AGGGGAGGTG 2100
CCCAAGTTCA AGGCACTTCC CTGCTCAT TTTGACACCA TTAACCTGCC AGAGAAGAAG 2160
GTAAAGAAATG TGACCCAGAT TGAACCTTTT TGTGAGAGA CTGACAGAAG AGGTGCTCTG 2220
AAGGTCAGCA CTTGGAAGCA CCAGCTGGAA GAAGAAGTGA GACAGCAGAA AGAAGCAGCT 2280
TGTTTCAAGG CTGCTCCAAA CACCGTCATC TCTCAGGAGC CTTTTTTTCC CAAGAAAGAG 2340
AAGAAATCAG TTGCTGAGGG CTTTTCTGGT TCTCTAGTTC AGGAACTTTT TCAGCTGGCT 2400
ACTGAGAAAG GAGCCAAAGA GCGGCAGGAG CTGGAGAAAG GAATGGGTGA GGTAGAACCC 2460
CAGAAAGGCC AGCAGTTGGA GGAGGTCAGA CTACAGGAGG AAGAGCAGAA AAAAGAGGAG 2520
CTGGCTAGGC TACGGAGAGA ACTGGTGCAAT AAGGCAAAAT CAATACGCAA GTACAGGGT 2580
CTGAGATATA AGTCAAGTGA CCAGCTCTG ACTGTGCTG TATCTCCCAA ATTCTCCACT 2640
TGATTTCAGT GCTAAACTCA GCTGTGAGCT GCGGATACCG CCGGGAATG GAGCCTGCTC 2700
TTAAGCTCAA ACCTAGGAGC GTCTTGCTTT GTCTATTGGG ATGGAGAGAA CCCATTTCTC 2760
CAGACTTTTA CCTACCGGTG CCTGAGAAAG CATACTTGAC AACTGTGGAC TCCAGTTTTG 2820
TTGAGAAATG TTTTCTTACA TTAATAAGGC TAATAAGGAG ATGTAAGTCA TGAATGTCTC 2880
GATTAGACTC CATGTAGTTA CTTCCTTTAA ACCATGAGCC GGCTTTTAT ATGGTCTTC 2940
ACTCTTACTA GAATTTAGTC TCTGTGTGAG CACAGGTGTA TTTCTATTGC TATTGCCCC 3000
TACGATCTCT ACCCTCTCCC CACTTTTTTT AAAAATTTA ACCAGAAAAT AAAATAGATT 3060
AAATCTTAAG ATAGAGATTA AGTCATGCTT TAPATGAGGA ACAATCAGTA AATCAGATT 3120
PGTCTCTTTC TCTGCATACC GTGAATTTAT AGTTAAGGAT CCTTTGCTG TGAGGGTAGA 3180
AAACTCTACC AACTGCACCA GTGAGGAAGA AGACTGCTG GATTGATGGG GAGGCTCACA 3240
CAGGCTACGC AGCAGGCTCT GGTGGGGCT GGTGTTAAGG CACAGTTCTT TCCTTACTGG 3300
TGCTGATAAC AACAGGGAAC TGTGCACTGT GATTTTAAAG ACC 3360

```

Name: 25

Len: 426 Check: 1220

```

TTGATTTGTT GCGCATGCAA GCAAGGAGTA ATGGAACAAA AGSACCAGCA ATGTTAGATA 60
ATGAAGCGGA CGNAATAAAA CAATGATTGA GCTCAGTGAT AATGAAAACC CTGGACAAT 120
ATTCCTGGAA ACAGTTGATC CCGAGCTGGC TGCTAGTGA GCGACCTTAC CCAAGTTTGA 180
TAAAGATCAT GATGTAATGT TATTTTTGAA GATGTATGAT CCAAAAACGC GGACTTTGAA 240
TTACTGTGGG CATATCTACA CACCAATATC CTGTAAAATA CTGACTTGC TCCAGTTAT 300

```

TTTGTGACAAA CTAGGATTTA TTCAAGATAC TAGCCTTTAT CTTCTATGAA CCAAGTTAAA360
CCGAATTTAA CAAAGAGAAT TCCAGACTA TGACGTGTCT CTTTGATAAA CTTCTTTGAT4...
GAACTA 428

Name: 280

Len: 6428 Check: 1E04

GCTAGTGGAA	GTACTGCGG	CGCTACCGAG	TCCGGACCGG	ASACTTTGGG	GCCTAACTAG	60
TGAATGGTAG	TCTCTAGAAA	GGGTATGTCC	CTTCAAGAGA	GAGGTGCTAA	TCTCCAAACCG	120
GCCTAATAAC	AATCCAGGGG	GGTACTTGGG	ACGTTTCACAG	AGGAACACTG	CCGGGGCCCA	180
ACCAAAAGAC	GATTCATAG	GAGGAAGAAA	CTGCAGTTCA	TATCTGCTG	TGATAGTTCC	240
ACAAATAGAG	GATTCAGAAA	GAGTCAATAC	TTCAAGAAA	CAAAAAAGG	TGAGGTGCT	300
TAAGAAAGAC	AATCTCTAG	GAGTCAAGGG	CAGTGTCTAGT	CCAGACTACA	ACAGGACCAA	360
TTCTCTTAGC	TCTGCAAAAA	AACCAAAAGC	ACTTCAGCAT	ACTGAATCTG	TCTCAGAAAC	420
AAATAGGCA	CATAGTAACT	CAAGAGAGAG	ACATTTAGAC	TAGGAGCAAC	AACTGAAATC	480
TGCAATATCA	CCATCAACAA	GCAAGGCTCA	TACCAGGAAG	AGTGGGGCCA	CTGGCGGTTT	540
ACGAGTACG	AAAAGAAAAA	GGACAGAGAG	TTCTTGTGTA	AAGAGTGGCT	CCGGGTCTGA	600
ATCAACTGGT	GCAGAGAGAG	GATCTGGGAA	ACCTACCAAG	CTGGCTTCAA	AATCAGCCAC	660
CTCAGGCAAA	GCTGGGTGTA	GCACCATCAC	TGATTCTTCT	TCTGCTGCTT	CTACTTCCCT	720
CTGCTCTTCT	GCTGTAGCCT	CGGCTCTCTC	CACTGTACCA	CCAGGTGCTA	GAGTGAACA	780
ACGAGAGAT	CAAGACAGAG	CCAGGCTTTC	CGGTCAGCG	TCCAGTCTA	CCCTCAGAAG	840
AAGTAGCAGG	GAAGAGGAAC	AGAGTAAAC	TGGTGGCTCT	TCAAAATTTG	ATTGGGCTGC	900
TGCTTTTCAG	CCATAAGTTA	GCCTTCCTAA	AACAAACTG	TCTCTTCCAG	GGTCTTCTAA	960
GTCAGAGACA	TCAAAAGCTG	GACCTTCTGG	ATTACAGGCT	AAATTAGCAA	GTTTAAGAAA	1020
ATCTAGGAAG	AAACGCACTG	AGTCTCCACC	TGCTGAGCTC	CCAGTTTGA	GGCGGAGCAC	1080
ACGCAAAAG	ACCACGGGCT	CCTGTGCTAG	TACCAGTCGG	CGAGGCTCTG	GCCTGGGCAA	1140
AAAGAGAGCA	GCTGAAGCTC	GTCGACAGGA	GAAGATGGCA	GACCTGAAA	CCAACAGGAA	1200
GGCAGTAAAT	TCTTCAGCTG	CTCGACAGAG	TGAAGCTCCC	CAAGGAGCTG	CAGGGGTGT	1260
TGCAATGAC	ACCTCTGGGG	AGAATGAATC	AGATGATTTC	GAGATGGGAC	GTCTGCAAGC	1320
TTCTCTAGAG	GAAGGCTGTC	TTCCCTCTCA	CCTATTGCTT	CTCTTGGGTC	CTCGGATGTC	1380
ACAGCTTTTC	CATAGAACAA	TTGGAAGTGG	AGCTAGTTCT	AAGGCTCAGC	AGCTACTACA	1440
AGGATTGCAA	GCCAGTGAAG	AAAGTCAACA	GCTTCAGGCA	GTTATTGAGA	TGCTCAGTT	1500
ACTGGTCAAT	GGAAATGAGG	AGACACTGGG	AGGGTTTCTT	GTCAAGAGTG	TTGTTCCAGC	1560
TTTGATTACG	TTACTTACAG	TGGAGCACAA	TTTTGATATT	ATGAACCATG	CTGTGCGAGC	1620
CTTAACATAC	ATGATGGAAG	CACCTCCTCG	ATCTTCTGCT	GTTGTAGTAG	ATGCTATTCC	1680
TGTCTTTTTA	GAAGAGCTGC	AAGTTATTCA	GTGTATTGAT	GTGGCAGAGC	AGGCTTTGAC	1740
TGCCCTGGAG	ATGTTGTGAC	GGAGACATAG	TAAAGCCATT	CTACAGGCGG	GTGGTTTGGC	1800
AGACTGCTTG	CTGTACCTAG	AATTCTTCAG	CATAAATGCC	CAAGAGAAATG	CATTAGCAAT	1860
TGCAGCTAAT	TGCTGACAGA	GTATCAAGCC	AGATGAATTT	CATTTTGTGG	CAGATTCACT	1920
CCCATTGCTA	ACCCAAAGGC	TAACACATCA	GGATAAAAG	TCAGTAGAAA	GCATTGCTT	1980
TTGTTTTGCA	CGCTAGTGG	ACAACTTCCA	GCATGAGGAG	AATTTACTCC	AGCAGGTTGC	2040
TTCCAAAGAT	CTGCTTACAA	ATGTTCAACA	GCTGTGGGTA	GTGACTCCAC	CCATTTTAAG	2100
TTCTGGGATG	TTTATAATGG	TGGTTGCGAT	GTTTCTCTG	ATGTGTTCCA	ACTGTCCAAC	2160
TTTAGCTGTT	CAACTTATGA	AACAAAACAT	TGCAGAAAAC	CTTCACTTTC	TCTGTGTGGG	2220
TGCTTCCAT	GGAGTTGTC	AGGAACAGAT	TGATCTTGTT	CCACGAAGCC	CTCAAGAGTT	2280
GTATGAAGTG	ACATCTCTGA	TTTGTGAAGT	TATGCCATGT	TTACCAAAAG	AAAGCATTTT	2340
TGCACTTGAT	ACCATGTTGA	AGAAGGGAAA	TGCACAGAAC	ACAGATGGTG	CGATATGGCA	2400
GTGGGCTGAT	GATCGGGGCC	TCTGGCATCC	ATATAACAGG	ATTGACAGCC	GGATCATTGA	2460
GCAATCAAT	GAGGACACGG	GAACAGCAGG	TGCCATTGAG	AGAAAAACCTA	ACCCGTTAGC	2520
CAATAGTAAC	ACTAGTGGAT	ATTGAGAGTC	AAAGAAGGAT	GATGCTCAG	CACAGCTTAT	2580
GAGAGAGGAT	CCGAACTGG	CTAAGTCTTT	TATTAAGACA	TTATTTGGTG	TTCTTTATGA	2640
AGTSTATAGT	TCTTAGGAG	GACCTGCGGT	CAGACATAAG	TGCCCTAGAG	CAATTCTTAG	2700
GATAACTTAT	TTTGGGATG	CTGAATTTCT	GAAGGATGTT	CTGAAAAATC	ATGCTGTTTC	2760
AACTGACATT	GCTTGGATGC	TGTCAGGCA	AGACCTGAAG	ATAGTAGTGG	GAGCACTTCA	2820
GATGGGAGAA	ATTTCAATGC	AGAAGTTAGC	TGATATTTTT	AGTGTTTACT	TCAGAAAGAG	2880
AGGTGTAATG	CATCAAGTAA	AACACTTAGC	AGAATCAGAG	TCTTTTGTGA	CAAGTCCACG	2940
AAAGGCATGT	ACGAATGGAT	CGGGATCCAT	GGGATCCACA	ACTTCAGTCA	GCAGTGGGAC	3000
AGGACAGCT	GCCACTCATG	CTGCACTGTA	CTTGGGATCA	CCAGCTTGG	AGCAGAGCAG	3060
GGATGATTCT	TTAGATCTCA	GCCCTCAAGG	TGATTAAGT	GATSTTCTAA	AGAGAAAACG	3120
ACTGCCAAAA	CGAGGSCCAA	GAAGGCCAAA	GTAATCACCT	CCAAGAGATG	ATGACAAAGT	3180
AGACAATCAA	GCTAAAAGCC	CCAGCACTAC	TCAGTCACCT	AAATCTTCTT	TCTTGGCAAG	3240
CTTGAATCCA	AAAATATGGC	GAAGSTTAAG	TACACAGTCC	AACAGCAACA	ACATTGAGCC	3300
AGCAAGGACT	GCGGGAGGTA	GTGSCCTTGC	CAGGCTGCC	TCAAAAGGATA	CCATCTCCAA	3360
TAATAAGAG	AAAATTAAG	GTGATTAAG	GAGGAGGCA	CATAAATTTG	TAGAAGCTTA	3420
TTTCACTTCT	GAGAATATGG	ATGGAAGCAA	CCCTGCATTG	AATGTCTTTC	AGAGACTTTG	3480
TCTGCAACCC	GAACAACTCA	ACCTCCAGGT	GGATGGTGGA	GCTGAGTGCC	TTGTAGAAAT	3540

TGTAGGATA GTCTCAGAGT CAGATGTTTC ATCATTTTAA ATCCACATA CTCGATTTCT3600
 GAAGTGGCTG TTGCTTTTATT TGACATCTAA AAGTGA AAAA GATGCTGTGA CTAGAGAGAT3600
 CAGATTAAAG CATTCTTTTC ATGATTTTTT TTCTTCTCCA CTTCTTGAG AAGAGCCAT3710
 TGGAAAGAGT GAACAGTGG GTAATGCAC TTTGTTG3CA TTAGTTTACA AGATGAACAA3730
 CTGCTTCAGC CAGATGGAAC AATTTCCAGT CAAASTACAT GATTTTCCCTA GTGGAAAT353840
 GACAGGAGGC AGCTTTTCTC TCAACAGAGG ATCAGAGGCT TTAAATTTTT TCAACACACA3900
 TCAATTAAAA TGCCAGTTAC AAAGGCATCT AGACTGT3CA AATGT3AAGC AGT3GAAGGG3960
 T3GACCTCTC AAGATTGACC CTCTGCTTTT GGTACAAGCC ATCGAGAGAT ACCTTGTAGT4020
 TAGA333TAT GGAAGASTAA GAGAAGATGA GGAAGACACG GATGACGAT3 GATCAGAT3A4080
 G3AAATAGAT GAGTCTCT3G CTGCTCAGTT CTTAAATTCA GGAAT3TAA AGGACAGTAC4200
 GCAGTTTTAT ATT3GASAAC ATTTGCT3CC GTATAACATG ACTGT3TATC GATCAGAT3A4080
 GCAGTTTAGT ATACAGGCTG AAGATGAAG AGAATCCACA GAT3ATGAGA GCAATCCTCT4260
 AGGCAGAGCT GGTATTT3GA CAAAGACTCA TACAATAT3G TATAAACTTG TGAGAGAGGA4320
 TSAAGAAAGT AATAAAGATT GTGTTGGTGG TAAAAGAGGA AGAGCCCTAA CAGCTCCAAC4380
 GAAAACCTTC CCTAGAAATG CAAAAA3CA TGATGAGTTA TGGCACGATG GAGTGTGCC4440
 ATCAGTATCA AATCTTTTAG AAGTTTACCT CATTCACACA CCACCTGAAA ATATAACATT4500
 TGAAGACCCG TCATTAGATG TGATCCTTCT TTTAAGAGTT TTACATGCTA TCAGTCGATA4560
 CT33TATTAC TTCTAT3ATA ATGCAAT3TB CAG3AAATT ATTCACATA GT3AATTTAT4620
 TAACAGTAAG TTAACAGCAA AAGCAAAATG GCAACTTCAA GATCCTTTAG TAATCATGAC4680
 AGGAAACATC CCAACATGGC TTACTGAGCT AGGAAAAACC TGCCCATTTT TCTTTCTTT4740
 TGATACCCGG CAAATGCTTT TTTATGTAAC TGCATTTGAT CGGGACCGAG CAATGCAAAG4800
 ATTACTTGAT ACCAACCCAG AAATCAACCA GTCTGATTCT CAAGATAGCA GAGTGCACC4860
 TAGATTGGAT AGAAAAAAAC GTACTGTGAA CCGAGAGGAG CTGCTGAAAC AGCGGAGTC4920
 TGTGAT3CAG GACCTCGGCA GCTCACGGGC CATGTTAGAA ATCCAGTATG AAAATGAGGT4980
 TGCTACAGGT CTGGG3CCTA CACTGGAGTT TTATGCGCTT GTATCTCAGG AACTACAGAG5040
 AGCTGACTTG G3TCTTTTGA GAGGTGAAGA AGTAACTCTT AGCAATCCAA AAGGGAGCCA5100
 AGAAGG3ACC AAGTATATTC AAAACCTCCA GGGCT3TCTT GCGCTTCCCT TTGGTAGGAC5160
 AGCAAGGCCA GCTCATATCG CAAAGGTTAA GATGAAGTTT CGCTTCTTAG GAAAATTAAT5220
 G3CCAA3GCT ATCATG3ATT TCAGATTG3T G3ACCTTCCC CTTG3CTTAC CTTTTTATAA5280
 ATG3ATGCTA C3GCAAGAAA CTTCACTGAC ATCACACGAT TTGTTTGACA TCGACCCAGT5340
 TGTAGCCAGA TCAGTTTATC ACCTAGAAGA CATTGTCA3A CAGA33AAA GACTTGAACA5400
 AGATAAATCC CAGACCAAAG AGAGTCTACA GTATGCATTA GAAACCTTGA CTATGAATGG5460
 CTGCTCAGTT GAAGATCTAG GACTGGATTT CACTCTGCCA GGGTTTCCCA ATATCGAACT5520
 GAAGAAAGGA G3GAAGGATA TACCAGTCAC TATCCACAAT TTAGAGGAGT ATCTAAGACT5580
 GGTATATATC TGGGCACTAA ATGAAGGC3T TTCTAGGCAA TTTGATTCTG TCAGAGATGG5640
 ATTTGAATCA GTCTTCCCAC TCAGTCATCT TCAGTACTTC TACCC3GAGG AACTGGATCA5700
 GCTCCTTTGT GGCAGTAAAG CAGACACT3G G3ATGCAAG ACACGTATGG AATGCTGTAG5760
 GCTGATCAT AGTTTACTCT ATGACAGTGG GGCTGTGA3 TTTTGTGTTG AGATTCTCAG5820
 TAGTTTTGAT AATG3CAGC AGAGGTTATT TCTCCAGTTT GTGACTGGTA 3CCCAAGATT5880
 GCTGTTTGA G3ATTCCGGA GTTTGAATCC ACCTTTGACA ATTGTCCGAA AGACGTTTGA5940
 ATCAACAGAA AACCTAGATG ACTTCTTGCC CTCTGTAATG ACTTGTGTGA ACTATCTTAA6000
 GTTGCCG3AC TATTCAAGCA TTGAGATAAT GCGTGAAAA CTGTTGATAG CAGCAAGAGA6060
 AGGG3AGCAG TCGTTCCATC TTTCTTGATT ATAGCAAGAA ATGCA3TGTC T3CCTGTTAC6120
 AGCAAAAGAA ACAAAATCATG ATTTCTTTTC TAATGTTATC ACCTGAGTCA AGGAAACATG6180
 TTAC3CTTTC TTGTTGTAGG AAAACCGGCT TGCAGATTAT AAAGAGACAT TTGGTTGATA6240
 TTCATTAATG G3CCCATGGA CTTAAAGT3A TCAGGCCCTA AAAC3TTGTT GTGATGAGGT6300
 TTCTTTAGCA AGTTCTTGTT TAAATTATCA TTTATTTGAT GAGT3AAGTT TTTAACATGT6360
 TTTGCTGTGT GAAATTTAAA AAAG3GAT3T TTTTCCAGGC TGGACAATA AATGTGGCT6420
 TGCAGTTT

Name: 281

Len: 1266 Check: 1000

TGGGCGACAA 60
 TGGGCGACAA 120
 TGGGCGACAA 180
 TGGGCGACAA 240
 TGGGCGACAA 300
 TGGGCGACAA 360
 TGGGCGACAA 420
 TGGGCGACAA 480
 TGGGCGACAA 540
 TGGGCGACAA 600
 TGGGCGACAA 660
 TGGGCGACAA 720
 TGGGCGACAA 780

CTCCATTATT CAGGTATACC CTGGAGGAGG ACCTTTTCGG SCAGGAAADAG CATGTTTTGG 840
 ATTTTCCAAA TTTTTTTTCA GTGGT TTTA TGAATTCCCT CTCACCAAAG TGGACAGTCT 900
 TCTACATGGA ACATTTTCTG CCAAGATGTT ATCITCAGAG CCAAAAAGADA GTGTTTTGGT 960
 TGAAGAAAGT AATGGGACAC TGGAGGAAAA ACAGGTTTCT GGGCAAGAGA ATGAAGACAG1020
 CATGGCAGAG GCTTCAGAGA GCAACCAACC AGAAGACCAG GGAACAATG GAAACAATT1080
 CTCAGATCC AGACATAAG GGGGCTAAAG AGAGAGGAAG CAAAAAAGAT TATATTTAG1140
 CGAAAAACAG AGGAGACAA GGAAGAGCA GCGGAAAAAG CTTTTGGGGT TGGGTTTTG1200
 CTTGATTGA AAGGAAACGT CATTGTTTT ATTTGTTAGC TTGTTTTTTT CCAACCCAT1260
 TCTCTT 1280

Name: 282

Len: 3962 Check:

E05

AGGAATTCCG GTGAGCTGAG CGCGGCGCGC GGGGCGGCGG GGGAGCGGGG GGGGCGGCGG 80
 CCTCAGCATG GAGGACGGCT TCTCCAGCTA CAGCAGGCTG TACGACAGCT CCTGCTCTCT 120
 CCAGTTCTGC AAGGATGACA GCGGTTCTGC TGCAAGTAGC ATGGAGGTGA CAGACCGCAT 180
 TGCTTCACTG GAGCAGAGAG TCCAGATGCA AGAAGACGAC ATCCAGCTGC TCAAAATCAGC 240
 TCTAGCTGAT GTGTTTGGG GGGTGAACAT TACTGAGGAA CAGCAGGCTG TGCTTAACAG 300
 GAAAGGACCT ACCAAAGCAA GACCACTGAT GCAGACCTG CTTTTTAGAT CCACGGTCAA 360
 CAATGGCACT GTGTTACCAA AGATACCTAC TGGCTCTCTA CCATCCCTTT CCGGGTTGAG 420
 GAAAGATACT GTGTGTCTAG CAACAAAAAG TACCTCAAG AGGACAGCT AGAGGAAAG GGAATGAG 480
 AGTGTCTCTT GGGGGTCTGA GGGAAAGCAA TGGGGATTCC AGAGGAAAG GGAATGAG 540
 AGGCTCCACC AGCAGCTCTT CCAGTGGCAA AAAAGAACAG TGAAAGCAGA CCAAGGAGC 600
 CTGTATTGAG TGCAGAAGAA GGTATGTAA AATTGTTTCT TCGTGGAGCT CCGTTTACCA 660
 TGTACATGCC CAAAGATCAA GTGGATTCTT ACAGCTTGA AGCAAAAGTA GAATTCCTAA 720
 CCAAGAGACT CAAGCTGGAA TGGGTCTATG GGTACAGGG TCGAGACTGC CGTAACAACC 780
 TGTACTTGCT TCGGACGGGA GAGACCGTCT ACTTCATGCG ATCCGTGGTG GTGTTATACA 840
 ACGTGGAGGA GCAACTGCAG AGGCATTACG CTGGGCACAA CGATGACGTG AAGTGCCTAG 900
 CAGTTCTATC TGATGGGATC ACGATAGCAA CAGGACAAGT TCGGGGCAAG TCGAAGGATG 960
 GAAACAATT GGGGGGACAT GTGGGATCTT GGGATTCTGT GACATTGAAT ACTCTCCAG1020
 TCATTGGAAT AGGTTTTTTT GACCGAGCAG TCACCTGTAT TGCATTCTTA AAATCTAAT1080
 GAGGAACCAA TCTCTGTGCT GTGGATGACT CCAAGGACCA TGTGCTCTCT STATGGGACT1140
 GGCAGAAAGA AGAAAACTA GCAGATGTGA AGTGCTCTAA TGAAGCTGTG TTTGCTGCGG1200
 ATTTCCACCC CACGGACACC AACATCATAG TTACTTGTGG AGAAATCACA TCTCTACTTT1260
 TGGACACTAG AAGGAAGCTC CCATTAATAA GAAGCAAGGA TTATTCGAGA ACAAGAAAAG1320
 CCAAGTTGT CTTCTGTGTG ACTTTCTCTG AAAACGGTGA CACCATTACT GGAGATTCAA1380
 GTGGCAACAT CTTAGTATGG GGAAAAGGTA CAAATCGAAT AAGCTATGCA GTTCAGGGG1440
 CCCATGAGGG TGGCATTCTT CCACTTTGTA TGTTAAGAGA TGGCACACTG GTGTGCGGAG1500
 GTGGGAAAGA CCGAAAGCTC ATTTCTTGGA GCGGAAACTA TCAAAACTT CGTAAACGG1560
 AGATTCCAGA ACAGTTTGGT CCAATACGGA CAGTGCCCGA GGGGAAAGGC GATGTGATCT1620
 TGATTGGCAC AACTCGAAAC TTTGTCTGCT AGGGCACTCT GTCAGGGGAC TTCACACCCA1680
 TTAATCAGGG TCACACTGAT GAGCTCTGGG GACTGCGCAT CCATGCCTTA AAACCTCAGT1740
 TCTTGACCTG TGGGCATGAC AAGCATGCCA CTCTCTGGGA CGCTGTGGGT CACCGTCCCG1800
 TCTGGGACAA AATAATAGAG GATCCAGCTC AGTCTTCTGG TTTTCATCTT TCAGGGTCTG1860
 TGTTTGCACT CGGAACTCTC ACTGGGAGGT GGTTTGTGTT TGACACAGAA ACAAAAGACT1920
 TGCTCACCCT TCACAGAGAT GGAAACGAAC AGCTCTCTGT AATGCGATAC TCACCAGATG1980
 GGAATTTCTT ASCATAGGC TCACATGACA ACTGCATCTA TATATATGGC GTTAGTGACA2040
 ACGGGAGGAA GTACAGGGA GTGGGCAAGT GCTCGGGTCA TTCCAGCTTC ATTACTCACC2100
 TGGACTGGTC TGTAAACTCA CAGTTCTCTG TGTCAAATTC CGGAGACTAC GAAATCCTCT2160
 ACTGGGTTCC CTCTGCTGT AAGCAAGTCC TAAGTGTGGA AACTACAAGA GACATTGAAT2220
 GGGCTACCTA TACTGCACT TTGGGATTCC ATGTTTTTGG AGTGTGGGCA GAAGGCTCGG2280
 ACGGAACCGA CATCAATGCC GTCTGTCCGG CCCATGAGAA GAAACTCTTG TCAACAGCGG2340
 ACGACTTTGG CAAAGTGCAC CTCTTCTCAT ACCCTGCTC GCACTTCAGG CCTCCAGCGG2400
 ACATCTACGG CGGCACTAGC AGCTATGTCG CCAATGTCGA TTTCTCTCTT CAGACAGCGG2460
 ACTCTATCTC CATGGGCGG AAAGACACAA GCATCATGCA GTGGCGGCTT ATTTAGTACC2520
 CACCGAGAGC TGTGGGAGC AGCATGGGCA AGGAAGACAC AGACTCGCAT TACCTTGGT2580
 CACTGTGATT TGTGTTTTGT TTAATAAATT CTTACAAACC TCAGGAAAGT TGTGCTCTCC2640
 CCGGGCTACC TTABTTTAGC GTGTGAGCGG GCGCCACAGC GGAATCAGCG GTTCCGTGTT2700
 CACTTTTGTG GTACAATATA TGACACAGTG CACATTGAAT ACCAACAAGG TTCTATGGAA2760
 TACATTATAG CCAATCAAC AGAATAACT GGTATATTC TTAGTAACCT TTCTATGGAA2820
 CTCTTCAAAA ATGGGTGACA GATGGGCTT TTAACAATT TGAGGTACTG AACCACGATG2880
 TCACCTTTTA GGTGCTAAG TTCAATATTT ATCATGATAA TGAGGTACTG AACTGATTTG2940
 GCTGTTGAGG AATGGTCTT AAAAGACAG ATCACTTCAG AAGAGTGAAT AACTGATTTG3000
 TACAGCTGAA TCAGGAGACA CAAAGATGAG ACTGTGTTTG GTTACATTTT CCAAGTTTTC3060
 ATTCATTTCT CCGTTGGGGA GGCTGTGAGA GAGGGCTTGT ATCCCTCTTG TGCTAAGCAG3120
 ACTCTACTCC TAACTGACTT CAATATTTCA GCAGGGTACA CAGGGCTTTC CAAGTTTTCAG3180

TCACACCGTCT GTGCGTAACC AGATGCGGTC AGCGCTCTTCA CACCGACCTT TTTGCAACCT344
CNCATCTCTT GTTACACAGC TGTGATTAC GGTGACATAT TTTGCGACCT TTTTGTGTAT3300
ATTACTTGGG ATGAGATGAT ATTGTACTT3 TATAGGATTC TAGCAATTCA TAATAAATAT334
GTAAGACTAG GCTTTACTGT CTTATGCTTA T3GACATTGT ATATTTGTAT TTTATGACCA341
A3TAGACCAA CTCAGAAAGA TCTCTCTGA GCGCACCATA AACCTGCGA3 GAGAAGTCTC344
GAAAGGCTCT ACCAAGGTAC CAAGGGCAGC TGCTTTTCCT GTCTTTTCTG CAT3GGCGAT354
CCATTACAT ATGAGATAAG ATT3AGTTCT CAT3CGTTAA ACGGAGTGG CAGAAATTTG364
TCAGAAATCT CTTATCCATT TCGATTGTGT BACABATTGA AATTTATTGT TTACATT3G364
GAATGTATCT CAAATTTTAA AATAGAAAG3 TAATAACAG ACTTTAAAGC AATATATA3371
ATTTTACTCT ATTTAAGGCA AGTAAATGAA TGGAAATTAT TGAGCTTTAT GGCAGTGT373
GTTTACAGT3 ACT3ATGAA3 TGCACCTTTC AAAACACATT TTGATGCGAT CACGAGCCTA384
CTGAGAAAT GCA3GGCACA GTAAACACCA TGTATTATTG AAGAT3ATCT GTTTTGTAT3390
TATCTTGTCT AAATATATTC TATAATGGA TAAAAAATCC TGGAAAGT33 GGTTTTCTCT3360
AA 3362

Name: 183 Len: 1637 Check: 32D
ATGGATGGAT TTTATGACCA GCAAGTGCCT TACATGGTCA CCAATAGTCA GCGTGGGAGA 60
AATTGTAAAG AGAAACCAAC AAATGTGAG3 AAAA3AAAT TCATTAAAG AGATCTGGCT 120
CATGATTAG AAGAACTCT TCAAGATCTA AGT3ATTAC AGGAAACAT3 GCTTGCAGAA 180
GCTCAGGTAC CTGACAAATGA TGAGCAGTTT GTAGGAGACT ATCAGGCT3A AAGTTTGGCT 240
TTTCATGGCT TGCCACTGAA AATCAAGAAA GAACCCACACA GTCCATGTTT AGAAATCAGC 300
TCTGCTGCA GTCAAGAACA GCGCTTTAAA TTCAGCTATG GAGAAAA3TC CCTGTACAAT 360
GTGAGTGCCT AT3ATCAGAA CCCACAAGTG GGAATGAGGC CCTGCAACCT CCCCACACCA 420
TCCAGCACG3 CAGTGTCCCC ACTGCATCAT GCATCTCCAA ACTCAACTCA TACACCGAAA 480
CTGACCGG3 CCTTCCCAGC TCACCTCCCT CCAT3GCAGT CCATACCA3A TAGCAGCTAC 540
CCCATGGAC ACAGATTTCT CCGCCAGCTT TGT3AACCT GTAACCTCTT TCTCCTTTG 600
CTGACGATCT CAAGGGAAG3 ACCTCTATG TACTAACGCC AGATGTCT3A GCGAAACATC 660
CCCTTCCCAC CACAAGGCTT TAAGCAGGAG TACCAAGACC CAGTGTATGA ACACACACCC 720
ATGCTTGGTA GTGCGGCCAG CCAAGCTTT CCGCTCTCTC TGATGATT3A ACAGGAACCC 780
AGAGATTTT3 CATATGACTC AGAAGTGCCT AGCT3CCACT CCATTTATAT GAGGCAAGAA 840
GGCTTCTCTG CTCATCCCAG CAGAACAGAA GGCTGTATGT TTGAAAAGGG CCCCAGGCAG 900
TTTTATGAT3 ACACCTGTGT TGTCCCAGAA AAATTCGATG GAGACATCA ACAAGAGCCA 960
GGAAATGTAT GGGGAAGGACC CACATACCAA CCGGAGGAT CACTTCAGCT CTGGCAGTTT1020
TTGGTAGCTC TTCTGGATGA CCCTTCAAAT TCTCATTTTA TTGCTG3AC TTGCTGAGGCT1080
ATGSAATTTA AACTGATTGA GCCTGAAGAG GTGGCCCGAC GTTGGGGCAT TCAGAAAAAC1140
AGGCCAGCTA TGAACATATG TAACTTAGC CGTTCACTCC GCTATTACTA TGAGAAAGGA1200
ATTATGCAAA AGGTGGCTGG AGAGAGATAT GTCTACAAGT TTGTGT3TA TCCAGAAGCC1260
CTTTTCTCCA TGGCCTTCTC AGATAATCAG CGTCCACTGC TGAAGACAA3A CATGGAACGT1320
CACATCAAG3 AGGAGGACAC AGTGCCTCTT TCTCACTTTG ATGAGAGCAT GGCTACATG1380
CCGGAAGG3 GCTGCTGCAA CCCCCACCCC TACACGAAG GCTACGT3TA TTAACACAAG1440
TGACAGTCAA GCAGGGCGTT TTTTGCCTT TCTCTTTTTT CTGCAAGATA CAGAGAATTG1500
CTGAATCTTT GTTTTATTTT TGTGTGTGAT ATTTATTTTT AAATAATAAT ACACAAAAAG1560
GGCTTTTTT3 TGTGCAATTA TTCTATGGTC TGGCATGGAC TGTGCACTTT ATTTGAGSGT1620
GGGTGGGAT AATCTAACA TTTATTCTGT GTACAGGAA GCTAATGGGT GAATGGGCAG1680
AGSGATT 1687

Name: 184 Len: 3737 Check: 1213
GGGGGCGTCT GGGGGCGGG3 GTTCCCTTCT GT3GGGGGCG GGCTGCGCGC CCGCGCCCCC 60
GGGGGCTCTA TTGCTTTTGT GTCCCGCGG3 GGGTGG33CG CCGCGCGCAC TCTCAGCCCT 120
GGGGGCTG33 GCTTGGCGG3 CGGCTCCCG3 GCGTGGGCTA GCAGCCCGCG CCGGCATTGT 180
GTGAGGCTCT CCGGGCGG3A GCGGCGGGCG GGGCTCTGCT GAGGGCTGCG GGCGCGTCC 240
GGTGGGCTG CCGGCGCGG3 GCGGCGGGCG GCGGCGGCTC TCGCTG33G GCGCGCGGCG 300
GGGTGGGCTC GAGCGGGG3 AGCGGAGTGG GGGGGGAGC GCGGGG33G CAACATGGCG 360
ACGCTGGCTG TGTATGCTGT CT3CGGGTGT CCGTACGAG TTACCGGCTT TATGATCGAG 420
TGTATGCTT GCAAGGACTG GTTCCAGCG3 AGCTGTGTG GGGTGG3AAG GGAAGAGGCA 480
CTAGATATCG ACATTTAGCA CT3CCCGAAG TCG3AGAAAA CCGAT33CA GTCCACACTC 540
AAGAAAAAG3 G3ACTTGGTA CAACACAGG3 CCGTGGGCAA CACCGGAGT GAAACCASTG 600
CAGATG3DA CTCAGCTGTT CATCAAGGAG GT33GAGCC GAACCTT1CC CAGTGTGAA 660
GAGTGTGTGT GGTGTGTGCT AGGTAGGCT3 GTTACGCTGG GCTACAT3GA GGA3CATGGC 720
TTTACTGAG3 CCACTCTTGT CCCCCAAGAAA GAT333CTGG GCTTACCTGT CCGTGGCCCCA 780
ACATTTCTA3 T3ASTGACST CGAGAACTAC GT333CGCGG AACG3AGTGT GGATGTGACA 840
CAT3TCACTA AGCAGAAAG3A CTGCAAGATG AAGCTGAAG3 AGTTTGT3A CTATTACTAC 900
ACACCAAC3 CAAGCGGG3T CCTCAAGCTC A3CAACCTG3 AGTTCTCT3A CACCGAAT3 960
TCCAGTTCT3 T3GAGCCAC3 TGACATTGTA AAGAACTGT CAT333TAGA AAATACTGG1020
CTAGATGAT3 CATTTGCTGG CAAGCCCAAA GTGACCAAGT ACT3CCTAAT CTGGGTGAAG1080

CTACAAAGTA BATGATGAAA TTATTGCTAT TAACAACACC AAGTTTTGAT ATAACGATTCT140
AAAAAGAGTGA GAGGAAGGCA TGGCTAAGGC TCAAGAAACT GGACACCTAG TGATGGATGT140
GAGGCGCTAT GAAAGAGGCTG GTTCACCTGA AATAAAGTGG AITGATGCAA CTCTCGAAT1140
TTACAACTCA BAAAAATCTT CAAATCTATC TTTAAACAACT GATTTCTGCG AAAAGCTTTCA1200
GAGTTCTAAT ATTGAATCCA AAGAAATCAA TGGAATTCAT GATGAAAGCA ATGCTTTTGA1260
ATCAPAAGCA TGTGAATCCA TTTCTTTTGA AACTTAAAAA AGGCGATCAC AATTTTTTGA1320
ACRAGGAAGG TGTGATGGG TGSTTCTGTA TCTTCCAGTT CCAACCATCA GTGCGCGAG1380
TCGCTGCTG TGGATCAAG AGGAGGAGCG GAAGCGGCGAG GAGAGGTGGG AGAAGGAGCA1440
GGACCGCTCA CTGCAAGAAA AATATCAACG TGAGCAGGAG AAATGAGGG AAGAGTGGCA1500
AAAGGCTCAA CAGGAGGCTAG AGAGAGAGAA TTCCAAGTAC TTGATGAGG AACTGATGTT1560
CTTAAGGCTCA AATAGCATGT CTCTGATCAC AGGCGAGCCC TCTCTTGCTA CTTGGGAAAG1620
TACCTGAGAT GAAGGGTCCA AGTCTTGAGA CAGAGAAGGA ACCCGAGCA GAGAGAGGAG1680
GAGGAGATAG TCACAAGAGG AAGTTGTTCA TGAGGACCAA GGAAAGAGG CCGAGGATCA1740
GCTGTGTTAT GAGAGAGAGA GGAATGGGA GCAACAGCTT CAGGAAGAGC AAGAGCAAAA1800
GCGGCTTCAG GCTGAGGCTG AGGAGCAGAA GGTCTCTGCG GAGGAGCAGA AGCGCCAGGC1860
AGAGATAGAG CCGGAAACAT CAGTCAGAAAT ATACCAGTAC AGGAGGCTG TTGATTCTTA1920
TGATATACCA AAGACAGAAG AAGCATCTTC AGGTTTTCTT AATGGAAACA ATAAATATTT2040
CAGATCTACT ACTGAACTGG ATGATTACTC CACAAATAAA GAGGAGATCC AAGAAAGAGC AAGTACCAT2100
AGACCAATTT GGAACACGA CCTCTTCACT TCAGGAAATG AGGAAGAGAA CACCCCTTCA2160
AGGAGCAGAA TTGGAGAGGC AACAAATCCT TCAGGAAATG AGGAAGAGAA CACCCCTTCA2160
CAATGACAAC AGGTGGATCC GACAGCGCAG TCCAGTGTG AACAAGAGC CTGTTAGTCT2220
TCCTGGGATC ATGAGAGAGG GCGAATCTTT AGATAACCTG GACTCCCCCT GATCCAAAT2280
TTGGAGACAG CTTCTTTGGC TCAATCAGCC CACAGGATTC TATGCTTCTT CTTCTGTGCA2340
AGACTTTAGT CCCCCAACCAC CTCAGCTGGT GTCCACATCA AACCTGTGCT ACATGCGGAA2400
CCCCCTCTCC AGCTGTGCCCC CACCTTCAGC TGCTCTCGTG AAGACCTCCA CCACAGGTGT2460
GGCTACACCA CACTCCCCCA CCCCAGAGAA CCAATTCCTT TCAGCTTCAC AGTCAGGCT2520
TCAGCTGCTT AACAGGTGAG TCAGTGGGAA GCGCATATGC TCCTACTGCA ATAACATTT2580
GGGCAAGGSA GCGCGCATGA TCATCGAGTC CTTGGGTCTT TGTTATCATT TGCATTGTT2640
TAAGTGTGTT GCTGTGTAGT GTGACCTCGG AGGCTCTTCC TCAGGAGCTG AAGTCAGGAT2700
CAGAAACCCAC CAACTGTACT GCAACGACTG CTATCTCAGA TTCAAATCTG GACGGCCAAC2760
CGCCATGTGA TGTAAGCCTC CATACGAAAG CACTGTTGCA GATAGAAGAA GAGGTGTTG2820
CTGCTCATGT AGATCTATAA ATATGTGTTG TATGCTTTT ATAGAAGCAT AAAGTGCAGT ATTTACCTGT3000
AGAATPACTT TTTTTCCTC TTTAGATTAC TGTGTGGGGA CCTACGAATA TTTTGGAGGC3060
TATTTTTGTT GTTTATTTAT AAGGTAATTG CACAAGGGAA AAAATAAGAA CCTACGAATA TTTTGGAGGC3060
TGAATTCAGC ATCTTGAGAG TTTCTAGTTA GTGGTGTGTT GAAGAGGGTA TTTTATGTT3120
AGATAATGAT CTAGTTTGAC TTTCTAGTTA GTGGTGTGTT GAAGAGGGTA TTTTATGTT3120
TTTTAAAAAA AGGTTCTTAA ACATTATTTG AAATAGTTAA TATAAATACA TAATTGCATT3180
TGCTCTTTTT ATTGTAATGT ATTCTAATTT AATGCAGAAC CATATGGAAA ATTTCAATTA3240
AATCTATCCC CAAATGTGCT TTCTGTATCC TTCTTCTAC CTATTATTCT GATTTTTTAA3300
AATGCAGTTA ATGTACCAAT TATTTGCTTG ATGAAGGGAG CTCTATTTTC TTTACCAGAA3360
ATGTTGCTAA STAATTCCCA ATAGAAAGCT GCTTATTTTC ATTAATGAAA AATAACCATG3420
GTTTGTATAC TAAAGTCTT CTTGAGAAAC TGGTGAGGCT TTCTGTCAA TTGCATTT3480
AAATAAACTT GCTGATGCT TTAACGAGTG GCTCTCTTT TTCTTAGGTA TATGTSTCTG3540
ACCTCAGGCT TTTTATGCT ATTTAGTAT GTGGCTTTT TTGATGTTAT GTTTTATCCA3600
GTAGCTTTAT TAAGGTATAA TTGATGTAAT AAAGTGCATA TATTTAAAGT GTATACCTTG3660
ACAAATTTTG ACATGCTGTA TACCTTCGAA ACTATGCCAC AGTCTGGATG TGTTTACTGA3720
AACATTTTAA TAAGGAAGTT TATTTTGTAT AAAGTTATGT TTTTGGATAC AATATATTT3780
TATGCTGAGA GTGATGAATT GTTGGATCAT TTGAATAAAA TCTTTTACTA ACCCATGAT3840
AAAAGGAGAA GACAAATAGT AGCTTAGAAT ATCTATAAAG CAAAAA 3836

Name: 186

Len: 3193 Check:

40E

AACTGTAATA TCCAGGTGGA GGACATTCGG ATTCGAGCCA TCTCTCAAC CTACCGCAAG 60
TGCACCTCAG TATGAGAGGG CTACGTGGAG GTGAAGGAGG GCAAGACCTG GAAGCAGATC 120
TGTGACAAGC AITGGACGGC CAAGAATTCC CCGGTGGTCT GCGGCATGTT TGGCTTCCTT 180
GGGAGAGGGA CATACAATAC CAAAGTGTAC AAAATGTTTG AAAATGTTTG ACATCTCCAG CTGCAAGCTG 240
TACTGGCCAT TCTGCATGGA CTGCACCGGG ACAGAGGCC CACATCTCCAG CTGCAAGCTG 300
GGGCGGAGG TGTCACTGGA CCGCATGAAG AATGTCACT GCGAGAATGG GCAGCGGGCT 360
GTGGTGAAGT GTGTGCTGCG GCAAGTCTTC AGGCTGAGG GACCTCGAG ATTCGGGAAA 420
GCATACAAAG CAGAGCAACC CTTGGTGCGA CTGAAGGGCG GTGGCTACAT CCGGAGAGG 480
GTGGTGGAGG GTGTCAAAAA TGGAGAGTGG GGGACCGTCT GCGACGACAA GTGGAGAGG 540
GTGTGGGCA GTGTGGTCTG CAGAGAGCTG GGCTTTGGGA GTGCCAAGA GTGCACAGG 600
GGCTTCGAC TGGGGCAAGG GATCGGACCC ATCCACCTCA ACGAGATCCA GTGCACAGG 660
AATGAGAAGT CCATTATAGA CTGCAAGTTC AATGCCGAG CTCAGGGCTG CAACCAAGAG 720
GAGGATGCTG GTGTGAGATG CAACACCCCT GCCATGGGCT TGCAGAAGAA GTGCGGCTG 780

```

AAAGGTTGGG  GCAATCCCTA  CGAGGGGCCA  GTGGAGGTGG  TGGTGGAGAG  AAACGGGTCC  840
CTTGTGTGGG  GGATGGTGTG  TGGCCAAAAC  TGGGGJATGG  TGGAGGCGAT  GGTGGTCTGG  900
GCGCAGCTGG  GCTTGGGATT  CGCCAGCAAC  GCGTTCCABG  AGACTTGGTA  TTGGCAGGGA  960
GATGTCAANA  GCAACAAAGT  GGTGATGAGT  GGAATGAAGT  GGTGGGGAAC  GGAGCTGTGG  1020
CTGGCGTACT  GCGGCCAAGA  CGGGGAGGAC  GTGGCCTGGC  CTGAGGGGCG  AGTGCACTAC  1080
GGGCGCGGAG  TTGCGTGGTC  AGAAACCGCC  CCTGACCTGG  TCGTCAATGG  GGAGATGGTG  1140
CAGCAGACCA  CTTACCTGGA  GGAGCGGGCT  ATGTTGATGG  TGGAGTGTGG  CATGGAGGAG  1200
AAATGCTTTT  GCGGCTCAGC  CGCGCAGAGC  GACCCCACTA  CCGGCTATGG  CGGGCTCTGG  1260
CGTTTCTGCT  GCGAGATGTA  CAACAATGGC  CACTCTGACT  TCGGGCCGAA  GAACGCTGGG  1320
CAGCGCTGGA  TCTGGCACGA  CTGTCAACAG  CACTACCGCA  GATGGAGGCT  GTTCAACCCAC  1380
TATGAGCTGG  TGAACCTCAA  TGGCACCAGG  GTGGCAGAGG  GCGAAAAGGC  CAGCTTCTGG  1440
TTGGAGGACA  CAGAATGTGA  AGGAGACATC  CAGAAGAAAT  AGGAGTGTGG  CAACTTGGGG  1500
GATCAGGGGA  TCACCATGGG  CTGCTGGGAC  ATGTACCGCC  ATGACATCBA  CTGCCAGTGG  1560
GTTGACATCA  CTGACGTGGC  CCCTGGAGAC  TACCTGTTC  AGGTTGTAT  TAACCCCAAC  1620
TTGAGGTTG  CAGAATCCGA  TTACTCCAAC  AACATCATGA  AATGACAGG  CCGCTATGAC  1680
GCGCACTGGA  TCTGGATGTA  CAACTCCCA  ATAGGTGGTT  CCTTCAGGCA  AGAGACGGA  1740
AAAAATTTG  AGCACTTCAG  CGGGCTCTTA  AACAAACAGC  TGTCCCGGCC  AGTAAAGAAG  1800
CCTGCTGCT  CAACCTCTGT  CTTGAGGCGC  CAGCAGATCT  TCGATGGGAC  TTCTCCCAAA  1860
CAACTGAGTC  TGAACGAATG  CCAGGTGGCC  TCACCCAGCC  CGGCCCGCAC  CCTGTCCAGA  1920
CCCCTACAGC  TGTGTCTAAG  CTCAGGAGGA  AAGGGACCT  CCGATCATTC  ATGGGGGGCT  1980
GCTACTTGAC  CTTTGGGGCC  TGAGAAGGCC  TTGGCGGGGT  GGGGTTTGT  CACAGAGCTG  2040
CTGGAGCGAG  ACCAAGAGCC  AGTCTTGACC  GGGATGAGGC  CCACAGACAG  GTTGTATCA  2100
GTGATCTGTG  GACAAATGCG  CGAGCTCACC  ACAGACACAG  TGGAGCCGG  CTCTTCTCCA  2160
TTTCTCTCTC  TCTTACCTCA  TTTTCAGCAA  ACTTGAATAT  CAGAGCTCT  CTTCCAATGA  2220
AACTCTGAG  TCTATTATAG  TCACATAGAT  AATGCTGGCA  CGTGTTTTCT  GATTTGGTGA  2280
GCTCAGACTT  GTGCTTCCC  TATCCACAGC  CCGCAACGCT  TGTTTTTCPA  GATCTGTGG  2340
TTATATTTTC  ACAGACTTTT  AGGAAAACC  AACCCACTGT  GTAGTGAAT  CATCTTCTGT  2400
CCTTCTGAG  TACAAATCTA  AGGAAAACC  AACCCACTGT  GTAGTGAAT  CATCTTCTGT  2460
TTGTCTCAAT  TCTGTGGGTT  TTTGATTCAA  CGGTGCTATA  ACCAGGGTCC  TGGGTGACAG  2520
GGAGATACAT  GAGCACCATG  TGTCTATACA  GACACTTACA  CATACTTGA  ACTTGGAAAT  2580
AAAGTAAAGT  TTATGAAACG  TGTCTGTGTT  TCCTTTGACC  CACAGCACCT  GTGGTTTTCT  2640
CAGCAGGCTT  COTATGTTCA  GTGGCCAGAA  GCAGAGCTTC  AGGTACATTC  GTGGTTTTCT  2700
CGGGTGGACA  TGGGTCTCTA  GATCCCTTCC  AGCCCAAGTT  AGCAATCTAA  GGAGATCACA  2760
CAATGACTC  CAAAAGGGGC  AGCTCTTACC  ATCTGGGAGA  AGCAATCTAA  GGAGATCACA  2820
AAAAGTAAAG  GAACAGGAGT  CATAATCTTT  CTTGAACCTC  TGTGGTTTTT  ACTGAAACTT  2880
GTCAGAGGC  ATAGGAGTTG  TGCGAGGGCT  GGATGGGAAG  TCTAGATTTA  AACAGCCACC  2940
AGGCACTTTA  TCAAAGCAAG  AGGGCATCCG  TTCACAGGAC  AGGCTCTCC  AGCAATCTCC  3000
AGTGGTGTG  GGGGTGGCT  GGCCCAAGCC  CCAAGTCAAC  CAGACACAGG  GGACTTCCCT  3060
TTGTCTCAAC  AGCATGCTAG  GGCCCAAGCA  ACTAGAGGGT  AGGTAGGACT  AGCTTGGCAC  3120
CAACTCTACT  CAAACCAC

```

3198

Name: 237

Len: 4231 Check: 177A

```

GGACAGGCT  GCGGGGCGGA  GCGCCAGCAT  CCTGCTTGA  GGTCCAGGAG  CCGAGCGCGC  60
GGCCAGGCG  GCGTGTATAG  CGCGACCCCG  GCGCGCGCGC  GCGCGCGCGC  GCGAGATGCT  120
GCGTGTATAG  GAGGAGGTGA  AGCCCAACCC  GGTGCAAGAG  GCGAAGATCT  GGTCAAGGCT  180
GTTCTTCTGG  TGGCTCAATC  CCTTGTTTAA  AATTGGCCAT  AAACGGAGAT  TAGAGGAAGA  240
TGATATGTAT  TCAGTGTCTG  CAGAAGACCG  CTCACAGCAC  CTTGGAGAGG  AGTTGCAAGG  300
GTTCTGGAT  AAAGAAGTTT  TAAGAGCTGA  GAATGACGCA  CAGAAGCCTT  CTTTAACAA  360
AGCAATCTA  AAGTGTACT  GGAATCTTT  TTTAGTTTT  GGAATTTTT  GGTAAATTGA  420
GGAAATGGC  AAGTAATCC  AGCCCATATT  TTTGGGAAA  ATTATTAAT  ATTTGAAA  480
TTATTAAGC  ATGATTTCT  TGGCTTTGAA  CACAGCGTAC  GCTATGCGA  CCGTGTGAG  540
TTTCTGAGC  CTTATTTGG  CTATACTGCA  TCACCTATAT  TTTTATCAG  TTTCTTTAG  600
TGGATGAGG  TTACGAGTAG  CCATGTGCCA  TATGATTTAT  CCGAAGGCAC  TTTCTTTAG  660
TAACATGGC  ATGGGGAAGA  CAACCACAGG  CCAGATAGTC  AATCTGCTGT  CCAATGATGT  720
GAACAGTTT  ATCAGGTGA  CAGTGTTCCT  ACCTTCTCT  TGGGCGAGG  CACTGCGAGG  780
GATGAGTGT  ACTGCTTAC  TCTGATGGA  GATAGGAATA  TGGTGGCTT  CTGGGATGG  840
AGTTCTAAT  ATTCTCTGT  CCTTGCAAAG  CTGTTTTGG  AAGTTGTCT  CATCACTGAG  900
GAGTAAACT  GCAACTTTCA  CGGATGCCAG  GATCAGGACC  ATGAATGAAG  TTATAACTGG  960
GAGAAAGAG  AGAATTTCT  ACGCTGGGA  AAAGTCATTT  TCAAACTTT  TTACCAATTT  1020
TTCTTTTTT  AGTGAAGCA  AAATCATGCT  GTTTGTGACC  TTCACACCT  AGTGTCTCT  1080
CGGCACTGT  ATCAGAGCA  GCGCGTGT  CGTGGCAGTG  AGCTGTATG  GGGCTGTGG  1140
GCTGACGTT  ACCCTCTCT  TCCCTCAGC  CATTGAGAGG  GTGTGAGAG  CAATCGTCAG  1200

```

CATCCGAGAG ATCCAGACCT TTTTCTACT TGATGAGATA TCACAGCGGA ACCCTAGGCT1320
 GCGCTCAGAT GGTAAAAAGA TGGTGCATCT GCAGGATTTT ACTGTTTTTT GGGATAAGG1380
 ATCAGAGACC CCAACTCTAC AAGGCTTTT CTTTACTGTC AACCTTGGG AATTGTTAGG1440
 TGTGGTGGG CCGGTGGGAG CAGGGAAGT ATCACTGTTA ASTGGGTTG TGGGGGAATT1500
 GGCCCAAGT CACGGGCTGG TCAGCJTSCA TGGGAAGAATT GCGTATGTGT CTCAGCAGCC1560
 CTGGGTCTTC TCGGGAATC TGAGGAGTAA TATTTTATTT GGGGAAGAAAT ATGAAAAAG1620
 ACATATGAA AAAGTCATAA AGGCTTGTGC TGTGAAAAAG GATTACAGC TTTTGGAGGA1680
 TGGTATCTG ACTGTGATAG GAGATGGGG AACACGCTG AGTGGAGGGC AGAAAACAG1740
 GGTAAATCTT GCAAGAGCAG TGTATCAAGA TGCTGACATC TATCTCTTG ACCGATCTCT1800
 CAGTGCAGTA GATGCGGAAG TTAGCAGACA CTGTTCGAA CTGTGTATTT GTCAAATTTT1860
 GCATGAGAA ATCACAATTT TAGTACTCA TCAGTTGCA TACCTCAAG CTGCAASTCA1920
 GATTCTGATA TTGAAAGATG GTAAATGCT GCAGAAGGGG ACTTACATG AGTTCCTAAA1980
 ATCTGTATA TATTTGGCT CCGTTTTAAA GAAGGATAAT GAGTCTTCGG TTTGGTCTCA2040
 AGTTCCAGGA ACTCCACAC TAAGGAATCG TACCTTCTCA GAGTCTTCGG TTTGGTCTCA2100
 ACAATCTTCT AGACCTCTCT TSAAAGATGG TGCTCTGGAG AGCCAAGATA CAGAGAATGT2160
 CCCAGTTACA CTATCAGAGG AGAACCGTTC TGAAGGAAAA GTTGGTTTTT AGGCTATAA2220
 GAATTACTTC ASAGCTGGTG CTCACTGGAT TGTCTTCATT TCTCTTATT TCTAAACAC2280
 TGCAGCTCAG GTTGCCTATG TGCTTCAGA TGTGTGGCT TCATACTGGC CAACCAACAC2340
 AAGTATGCTA AATGTCACTG TAAATGGAG AGGAAATGTA ACCGAGAAGC TAGATCTTAA2400
 CTGGTACTTA GGAATTTATT CAGSTTTAAC TGTAGCTACC GTTCTTTTTG GCATAGCAAG2460
 ATCTCTATTG GTATTCTACG TCCTTGTTAA CTCTTCACAA ACTTTGCACA ACAAAATGTT2520
 TAGTCAATTT CTGAAAGCTC CCGTATTATT CTTTGATAGA AATCCAATAG GAAGAATTTT2580
 AAATCGTTTT TCCAAAGACA TTGGACACTT GGATGATTG CTGCCGCTGA CGTTTTTAGA2640
 TTTCTCCAG ACAITGCTAC AAGTGGTTGG TGTGGTCTCT GTGGCTGTGG CCGTGATTCC2700
 TTGGATCGCA ATACCTTTGG TTCCCTTGG AATCATTTTT ATTTTTCTT GCGGATATTT2760
 TTTGGAAAGC TCAAGAGATG TSAAGGGCTT GACCATCCGG GCATACAAAG CAGAGAGAG2820
 CCACTTGTCA TCTTCTCTCC AGGGCTCTG CACAGCAGGA TTTACATTCA GAGGCTTGGT TCTTGTTTT2880
 GTGTCAAGAA CTGTTTGATG CACAGCAGGA TTTACATTCA GAGGCTTGGT TGTGTCTCAT3000
 GACAACCTCC CGCTGGTTGG CCGTCCGTCT GGATGCCATC TGTGCCATGT GCGGGGCGAG2960
 CGTTGCCCTT GGGTCCCTGA TTCTGGCAAA AACTCTGGAT TGTGTTCGAC AAAGTGTGA3120
 ACTGTCTTAT GCCCTCACGC TCATGGGGAT GTTTCAGTGG TGTGTTCGAC AAAGTGTGA3180
 AGTTGAGAAT ATGATGATCT CAGTAGAAAG GGTCAATTGA TACACAGACC TTGAAAAAGA3240
 AGCACCTTGG GAATATCAGA AACGCCACCC ACCAGCTTGG CCCCATGAAG GAGTGATAAT3300
 CTTTGACAAT GTGAATTTCA TGTACAGTCC AGGTGGGCTT CTGGTACTGA AGCATCTGAC3360
 AGCACTCATT AAATCACAAG AAAAGGTTGG CATTGTGGGA AGAACCGGAG CTGGAAAAAG3420
 TTCCCTCATC TCAGCCCTTT TTAGATTGTC AGAACCCGAA GGTAAATTTT GGATTGATAA3480
 GATCTTGACA ACTGAAATTT GACTTCACGA TTTAAGGAAG AAAATGTCAA TCATACCTCA3540
 GGAACTCTGT TTGTTCACTG GAACAATGAG GAAAAAAGT GATCCCTTTA AGGAGCAGAC3600
 GGATGAGGAA CTGTGGAATG CTTTACAAGA GGTACAACTT AAAGAAACCA TTGAAGATCT3660
 TCCTGGTAAA ATGATGACTG AATTAGCAGA ATCAGGATCC CAGATATTGA TTATTGATGA3720
 ACAACTGGTG TGCTTTGCCA GGGCAATTCT CAGSAAAAAT CAAAAAATAA TCCGGGAGAA3780
 AGCGACGGCA AATGTGGATC CAAGAACTGA TTAGTTAATA CAAAAAATAA TTTGACAGCA3840
 ATTTGCCAC TCACCGTTC TAAGCAATTC ACACAGATTG AACACCATTA TTGACAGCA3900
 CAAGATAATG GTTTTAGATT CAGGAAGACT GAAAGAATAT GATGAGCCCT ATGTTTGTCT3960
 GCAAAATAAA GAGAGCCTAT TTTACAAGAT GTTCAAAAGA CTGGGCAAGG CAGAAGCCCT3020
 TGCCCTCACT GAAACAGCAA AACAGGTATA CTTCAAAAGA AATTATCCAC ATATTGTTCA4080
 CACTGACCAC ATGTTTACAA ACTTTCGAA TGGACAGCCC TGACCTTAA CTATTTTCGA4140
 GACAGCACTG TGAATCCAAC CAAATGTCA AGTCCGTTCT GAAGGCATT TCCACTAGTT4200
 TTTGACTAT GTAAACCACA TTGTACTTTT TTTTACTTTT GCAACAAATA TTTATACATA4260
 CAAGATGCTA GTTCATTGTA ATATTCTCC C

Name: 238

Len: 4337

Check:

EBC

GCGTGTGACA CTAATACTTA ACATGCTGGT TGTGTCTCTT TATGCCTGAC TCAATCAGTT 60
 GAAATCCAAA AGTAAGTTCT TCCTTGATTT ACCTGCCAAG AACTGAGTTC AGGCCCTCAG 120
 GTGTCTGAGG TTTTCTTTT TGGGAGAAAA TGCCACAGAG TGGCGGGTTA GGATGGAGC 180
 TCCGTTGAAG GCGGGGCCCC CCGTCCCGAA CCGCCGGCGA CCAACCCCGT ACAACCCCCC 240
 CAGATCGGGA ATAACACACC GGAGACTTTT GGGGGGAAAC TAGTTCGATG GTGGGGGGCG 300
 CCGGATCGGC AGCTGAGGAT TGCTTTTGG GTTATTTTAA AAGTTTTGAG TTGTACAGCA 360
 CTTGATTATT TTGCTGCATT GTGAAAGGAC CTCTCCAGCA ATGATTACTT CAGAATTAGC 420
 AGTGTACAG GATTCACATA ATGAAACTAC TGCCCATTCG GATGCTGSCA GCGAGCTTGA 480
 AGAAACAGAG GTCAAAAGGAA AAAGAAAAAG GGGTGTCTCT GCGCGGGCTC CATCTACAAA 540
 TAAGAAACCT CGAAATCTC CAGGTGAGAA GAGCAGAATT GAAGCTGGAA TTAGAGGAGC 600
 AGGCGGTGGA AGAGCTAATG GACAGCTCTA ACAGAATGGG GAAGGGGAGC CTGTACATT 660
 ATTTGAGGTG GTGAAACTGG GGAAAGTGC AATGCACTCC GTGGTGGATG ACTGGATTGA 720

ATCATATAAA AAGACAGGG ACATCGCACT TCTGGATTTA ATCAACTTTT TTATCCASTG 760
TTCCASATGP CGAGTACTG TGAGAATAGA GATGTTTCBA AATATGCAGA ATGCAGAAAT 840
CATCAGAAAA ATGACTGAAG AATTTGATGA GGACAGTGGT GATTATCCCTC TTACCATGGC 920
TGGATCTCAG TGGAAAAAAT TTCGTTCAAA CTTTTGTGAA TTTATTGGAG TCTGATTGCG 980
ACAGTSTCAG TATAGCATAA TTTATGATGA GTATATGATG GACACASTAA TCTCCCTTTT1020
GAAGTSTTGG TCAGACTCCC AGGTGAGAGC TTTTAGGCAT ACAAGTACCC TGGCTGCCAT1080
GAAGTTCATG ACTGCTCTGG TGAATGTTGC CTTAAACCTC AGTATTCACT AGGATAATAC1140
CCAGAGACAA TATGAAGCCC AGAGAAATAA AATGATTGGG AAGAGAGGCA ATGAAAGGTT1200
GAGTTCATTA CTTGAGAAAC GCAAGAGGCT GCAAGAAAT CAGGATGAAA TCGAAAAAT1260
GATGAACTCT AITTTTAAGG STATATTTGT TCATAGATAC CGTGATGCTA TTGCTGAGAT1320
TAGATCTATT TGTATTGAAG AAATTGGAGT ATGGATGAAA ATGTATAGTG ATGCTTCTCT1380
AAATGACAT TACCTAAAA ATGTTGGCTG GACTCTTCAT GACAGGCAAG GGAAGTCAG1440
GCTGAACTGT TTGAAAGCTC TGCAGAGTCT ATATACCAAT AGAGAAATAT TCCCCAATT1500
GGAACATATC ACTAACCGAT TCAAGGATCG CATTGTATCA ATGACACTTG ATAAAGAATA1560
TGATCTTGCT GTGAAAGCTA TCGATTGGT TACTCTGATA CTTTCATGGA GTGAAGAAGC1620
TCTTTCCAAAT GAAGACTGTG AAAATGTTTT CCACTTGGTG TACTCGGCAG ATCGCCCTGT1680
TGCTGTGGCA GCTGGAGAGT TCCTTCACAA AAAGCTATTT AGCAGACATG ACCCACAAAGC1740
AGAAAGAGCA TTAGCAGAGA GGAGGGGAAG AAATGAGCCG AATGGAAAGC TCATTAGGAT1800
GCTGCTCTCT TTTTCTCTTG AAAGTGAAT ACATGAACAT GCAGCCTACT TGGTGGACAG1860
TTTATGGGAG AGCTCTCAAG AACTGTTGAA AGACTGGGAA TGTATGACAG AGTTGCTATT1920
AGAAAGACCT GTTCAAGGAG AGGAAGCAAT GTCTGATCGT CAAGAGASTG CTCTTATAGA1980
GCTAATGGTT TGTACAATTC GTCAAGCTGC TGAGGCACAT CCTCCAGTGG GAAGGGGTAC2040
CGGCAAGAGA GTGCTAACTG CCAAAGAAAG GTTACTGTCA AAGTATTCTG CAGATGCAGA2100
GACTGAACAT TTTATTATTA CACTTCCTAT GTTACTGTCA AAGTATTCTG CAGATGCAGA2160
GAAGGTAGCA AACTTGCTAC AAATCCACCA GTATTTTGAT TTAGAAATCT ACAGCACAGG2220
TAGAATGGAA AAGCATCTGG ATGCTTTTAT AAAACAGATT AAGTTTGTGG TGGAGAAACA2280
CGTAGAATCA GATGTTCTAG AAGCTGCGAG TCGAAGCCAG CTGATTGATG AGTTTGTAGA2340
ATATACCATC CAGAACAGAG TTGACATAGC GCAAGAGGGA GAAGAAGCTG ATGATGATGA2400
TCGATTCAAT CATTCTGTGG AAGACCTATT GTTAACCTCT TTTCAGAATG CACATGATCT2460
CATTACAAAT GTTCTTTCTA CATTAAAGCG GTTAACCTCT TTTCAGAATG CACATGATCT2520
CACAAAATGG GATCTCTTTG GTAATTGCTA CAGATTATTG AAGACTGGAA TTGAACATGG2580
AGCCATGCCA GPACAGATAG TCGTGCAAGC ACTGCACTGT TCCCATATT CGATTCTTTG2640
GCAGTTGGTG AAAATTAAGT ATGGCTCTCC TTCCAAAGAG GATTGTTGG TATTGAGGAA2700
AACGGTGAAA TCCTTTTTTG CTGTTTGCCA TCTTCTGATG AITTTTCAGC ACCAATTAAT2760
GAAAGAACAG GCTTTTCATG TACTCTGTGA TCTTCTGATG AITTTTCAGC ACCAATTAAT2820
GACAGGTGGC AGAGAGGGCC TTCAGCCTTT GGTGTTCAAT CCAGATACTG GACTCCCAATC2880
TGAATCTCTC AGTTTGTGTA TGGATCACGT TTTTATTGAC CAAGACGAGG AGAACCAGAG2940
CATGGAGGGT GATGAAGAAG ATGAAGCTAA TAAATTGAG GCCTTACATA AAAGAAGGA3000
TCTACTTGCT GCTTTCAGCA AACTTATCAT TTATGACATT GTTGACATGC ATGCAGCTG3060
AGACATCTTC AAACACTACA TGAAGTATTA CAATGACTAT GGTGATATTA TTAAGGAAAC3120
ACTGAGTAAA ACCAGGCAGA TTGATAAAAT TCAGTGTGCC AAGACTCTCA TTCTCAGTTT3180
GCAACAGTTA ITTAATGAAC TTGTTCAAGA GCAAGGTCCC AACCTAGATA GGACATCTGC3240
CCATGTCACT GGCATTAAAG AACTGGCAGC TCGCTTTGCC CTTACATTTG GATTGGACCA3300
GATTAAAGCA CGAGAAGCAG TTGCCACACT TCACAAGGAT GGCATAGAGT TTGCATTTAA3360
ATAACAAAAT CAGAAAGGAC AAGAGTATCC ACCTCTAAT CTGGCTTTTC TTGAAGTACT3420
AAGTGAATTT TCTTCTAAAC TTCTTCGACA GGACAAAAAG ACAGTTCATT CATACCTAGA3480
GAAATTCCTT ACCGAGCAGA TGATGGAAAG GAGGGAGGAT GTATGGCTTC CACTCATCTC3540
CTATAGAAAT TCATTAGTCA CTGGGGGTGA AGATGATAGA ATGTCTGTGA ACAGTGGAAAG3600
TAGCAGCAGC AAAACTTCAT CAGTAAGGAA TAAGAAAGGA CGACCTCCAC TTCATAAAAA3660
ACGAGTAGAA GATGAGAGTC TGGATAACAC CACATCCACT GTACTGGGGG AGAACAGTC3720
GACTCTCTGGC TCCCTCCAG CACCACAAC STCTGAACAT GGTTCGAAAG CAGACTTTT3780
GCATCATGGG GACCAAGATC AAGAACCTCA STCTGAACAT GGTTCGAAAG CAGACTTTT3840
ACACAATCCT CAGATGCAGA TCTCTTGCTT AGGCCAGCCG AAGTTAGAAG ACTTAAATCC3900
GAAGGACAGA ACAGGAATGA ACTACATGAA AGTGAAGACT GGAGTGAGGC ATGCTGTCTC3960
GGSTCTAATG GAGGAAGATG CTGAGCCCAT CTTTGAAGAT GTGATGATGT CATCCGAAAG4020
CCAGTTAGAA GATATGAATG AAGAAATTTGA GGACACCATG GTTATTGATC TGCTCCATC4080
AAGAAATCGG CGAGAGAGAG CTGAGCTAAG GCGAGACTTC TTTGACTCTG CAGCTATCAT4140
AGAGATGAT TCAGGATTTG GAATGCCAT GTTCTGAAGT CTGAABAAAA TTTAGAAAT4200
TGGAACTCTA TTATTTAGAG CTAGAGGCTT ATATACTGTG ATAGCTTGTA TGGGGAAABA4260
CAACTTTTGA TGTATCTGA TTTGTTTTTT AATCAAATGA TTAAGSTCAA TCCCTTTTTT4320
CAGTACAGA AGAGGAG

Name: 339

Len: 1090 Check: C2

GCTCTGGAG ACTTCCGGCA GGGCGGGGCG GGGTCTTGS CGAACGGTCT TCGGAAGCGG 50

CTTTGGG 100 ATTACCAATC TACGGGGCTT TACCTGGGAC TACCTGTTCT GCTTCAGAAA 100
 CATTAAATTG GATCACTTA CAGAAACTTA TGCGATTCCCT TTCTACCTAC AATACCTGCG 120
 CCACTTACCA GATATTTTCA TTCTTGCAGA GGCACTCTGGT GGAGAATTAA TGGGTATAT 240
 TATGTTAAAG GCAGAGGCT CASTAGCTAG GGAAGAATGG CACGGGCACG TCACAGCTCT 360
 GTCTGTTGCG CCAGAAATTC GACGCTTTGG TTTGGCTGCT AAACCTATGG AGTTACTAGA 360
 GGASATTTCA GAAAGAAAAG GTGGATTTTT TGTGGATCTC TTTGTAAGAG TATCTAACCA 420
 AGTGGAGTT AATATGTACA AGCAGTTGCG CTACAGTGTG TATAGGACCG TCATAGAGTA 480
 CTATTTTGGC AGCAACGGCG AGCCTGATGA GATGCTTAT GATATGAGGA AAGCACTTTC 540
 CAGTATATT GAAAGAAAT CCACTATACC ATTACTCTAT CCTGTGAGGG CTGAAGAGAT 600
 TGAATACCTC TGCGAGTGG TTCTTAGGCA GATCTCTAG ATGCTTTATG GACAATATTA 660
 TTTCTATTGG ATATTTCTGG AGCTCTATTA GGAGAAAAGT AATCAITTTA GGTCTTAAAG 720
 AATTCAAGAA AATACAGGTT ATCAATTTAT CATTGTAACA AAATTCATC AAAAAGGCAG CTAGGTGAGA 840
 TCATACCTAT TAAAGCTGTT CATTGTAACA AAATTCATC AAAAAGGCAG CTAGGTGAGA 840
 AGGAAACATA CCACTCTCAT GGTTCATAGT ATTCACTGTA TGTATGCTAG GGAAAAGACT 960
 TGCTGAGTGC TCTCTCTCAG TTCTGTGCGT GAGAACCACT GCTGCATATA TTTGTTTTTA 960
 AATTTTGTAT TBAAGTGTG ATTGAAGCTT TAAAGCATA TATGAAATGT ATAAATCTAA1020
 GATGTATAAT ACATTATTGA CTCTAAAAAA AAAAAAATA AAAAAAATA AAAAAAATA1080
 AAAAAAATA 1080

Name: 12 Len: 559 Check: 1348
 GAGTGNBNCG GNGGTGGGCG CTGCGGACCT AACTAGCTCC AGGTTAGGCC GAGCTTTGNG 60
 GGAAAGCAGC GCACTTGAAA ATACTGGAAA TCTGTCCGGA TCCAAATTAT TTTGCAAGCC120
 AGATGAGTAA CCAGAGGGCA TGAAAGGTTG AGAACATTTG ACTTCCCTGC AAACCTTGGT180
 ATAGATCACT TCTTTTTCTG TAGGAAAGGA AAGGCACCAA AGAGCACAAT GAGTACAAGA240
 AAGGCTGGTG GTGGAGCAAT AAATTTCTAGA CAAGCTCAGA AGCGAAGCTG GGAAGCAACC300
 TCCACCCCGG AGATCTCCTT GGAAGCAGAA CCAATAGAAC TCGTGGAAAC TGCTGGAGAT360
 GAAATTTGTG AACTCACTTG TGAATCTTTA GAGCTCTGGT TGGTTGATCT GACTCACAAT420
 GACTCTGTTG TATTGTTGA CGAAAGAAJA AAGCAAGGA GGAATGCTAG GAGGCTGCC480
 CAGGACCATG CTGACAGCTG TGTGGTGAGC AGTCAAGATG AGGAGTTGTC CAGGGACAGA540
 GAGGTATATG TCACTACT 558

Name: 190 Len: 2150 Check: 214D
 CTCGAGCCAC GAAGGCCCG CTGTCTGTG TAGCAGATAC TTGCACGGTT TACAGAAATT 60
 CGGTCCCTGG GTCTGTGTCAG GAAACTGGAA AAAAGGTCAT AAGCATGAAG CGCAGTTCAG 120
 TTTCCAGCGG TGCTGTGCG CGCCTCTCCA TGCAGGAGTT AAGATCCCAG GATGTAAATA 180
 AACAAAGCCCT CTATACCCCT CAAACCAAAG AGAAACCAAC CTTTGGAAAG TTGAGTATA 240
 ACAAAACGAC ATCTGAAAGA AAAGTCTCGC TATTTGGCAA AAGAACTAGT GGACATGGAT 300
 CCGGAAATAG TCAACTTGGT ATATTTTCCA GTTCTGAGAA AATCAAGGAC CCGAGACCAC 360
 TTAATGACAA AGCATTCAIT CAGCAGTGTG TCGACAACT CTGTGAGTTT CTTACAGAAA 420
 ATGCTTATGC ACATAATTGT TCCATGAAAT CTCTACAAGC TCCCTCTGTT AAAGACTTCC 480
 TGAAGATCTT CACATTTCTT TATGGCTTCC TGTGCCCTC ATACGAAGCT CTGACACAA 540
 AGTTTGAAGA AGAGGTTTCA AGAATCTTTA AAGACCTTGG GTATCTTTT GCACTATCCA 600
 AAAGCTCCAT GTACACAGTG GGGGCTCTC ATACATGGCC TCACATTGTC GCAGCCTTAG 660
 TTTGGCTAAT AGACTGCATC AAGATACATA CTGCCATGAA AGAAAGCTCA CCTTTATTT 720
 ATGATGCGCA GCTTGGGGA GAAGAAACTG AAGATGGAAT TATGCATAT AAGTTGTTTT 780
 TGGACTACAC CATAAAATGC TATCAGAGTT TATGAGTGG TGCCGACAGC TTTGATGAGA 840
 TGAATGCAGA GTTGCACTCA AAAGTGAAGG ATTTATTTTA TGTGGATGCT TTTAAGCTGG 900
 AATCATTAGA AGCAAAAAAC AGAGCATTGA ATGAACAGAT TGCAAGATTG GAACAAGAAA 960
 GAGAAAAAGA ACGAATCGT CTAGAGTGGT TGAGAAAAAT GAAGGCTTCC TTACAAGGAG1020
 ATGTTCAAAA GTATCAGGCA TACATGAGCA ATTTGGAGTC TCATTGAGCC ATTCTTGACC1080
 AGAAATTAAA TGTCTCAAT CAGGAAATTC CTAGAGTGA ACTAGAATBT GAAACAATAA1140
 AACAGGAGAA CACTCGACTA CAGAAATATCA TTGACAAACA GAAGTACTCA GTTGACAGACA1200
 TTGATGGAAT AAATCATGAA AGAAATGAAT TGCAGAGAC TATTAATAAA TTAACCAAGG1260
 ACCTGGAAAGC TGAACAAACAG AAGTTGTGGA AAGAGAGTT AAAATATGCC AGAGGCARAG1320
 AAGCATTGA AACACAATTA GCAGAGTATC ACAAATTTGG TAGAAAATTA AAACCTATTCT1380
 CTAAGGCTGC TGAATTTCC AAAGGTTATG ACTTTGAAAT TAAGTTTAAAT CCGGAGGCTG1440
 GTGCTCACTG CTTGTCTCAA TACAGGGCTC AAGTTTATST ACCTCTTAAG GAACCTCTGA1500
 ATGAAGCTGA AGAAGAAATT AATAAAGCCC TAAATAAAAA AATGGGTTTG GAGGATACTT1560
 TAGAACAATT GAATGCAATG ATAACAGAAA GCAAGAGAAG TGTGAGAACT CTGAAAGAAAG1620
 AAGTTCAAAA GCTGGATGAT CTTTACCAAC AAAAAATTAA GGAAGCAGAG GAAAGGATG1680
 AAAAATGTGC CAGTGAGCTT GAGTCTTTGG AGAAACACAA GCACCTGCTA GAAAGTACTG1740
 TTAAGCAAGG GCTCAGTGA GCTATGAATG AATTAGATGC GTTTCAGGCG GAATACCAAC1800
 TAGATGAGT TGCTACACAT GTTGGGTCTG TAGAGAAACA TTTGAGGAG CAGATTGCTA1860
 AAGTTGATAG AGAATATGAA GAATGCATGT CAGAGATCT CTCGGAATAT ATTAAGAGAG1920

TTAAGATATAA TATGAGAGAG AAGGCTACTC TAATTAAAGTC TTCTGAA AA TGAAGATATAA2040
ATGTTTGAACA TGTATATATA TCATAGTGA ATAAATTTGT CTCAGTAA AA AAAAAAAAAA2150
AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA 2150

Name: 291 Len: 3800 Check: 1389

GTCCGAGGCA	GAGGCGGCGG	CGGCGGCGG	GGAGCAAGAG	GCCGAGGCGA	CTGCGGCGG	60
TG33BAAGSA	GACAATGGGC	CGGSCCTGCA	GGGSCCATCT	CGGGAGGCGC	CGCTGGCGGA	120
CAACTTTGTAC	GACGAAGACG	ACGACGACGA	GGGCGAGGAG	GAGGAAGAGG	CGGCGGCGG	180
GCCGATTGCG	TACCGAGATA	ACCTTCTGTT	CGGTGATGAA	ATTATCACTA	ATGGTTTTCA	240
TTCTTGTGAA	AGTATGAGG	AGGATAGAGC	CTCAGATGCA	AGCTCTAGTG	ACTGGAATCG	300
AAGGCGACG	ATAGGTCCAT	ATACTTTTGT	TCAGCAACAT	CTTATGATTG	GCACAGATCG	360
TGGAACAATT	CTTAAAGATT	TATTGCGGGA	AACAATAACCT	CCACCTGAGT	TGGATGATAT	420
GACACTGTGG	CAGATTGTTA	TTAATATGCT	TTGAAACCA	CCAAAAAGGA	AAAAAAGAAA	480
AGATATTAA	ACAATTGAAG	ATGCCGTGAA	ATTACTGCAA	GAGTGCAAAA	AAATTATAGT	540
TCCTAAGTGA	GCTGGGCTGT	CTGTTTCATG	TGGAATACCT	GACTTCAGGT	CAAGGGATGG	600
TATTTATGCT	CGCCTTGCTG	TAGACTTCCC	AGATCTTCCA	GATCCTCAAG	CGATGTTTTGA	660
TATTGAATAT	TTGAGAAAAG	ATCCAAGACC	ATTCTTCAAG	TTTGCAAGG	AAATATATCC	720
TGGACAATTG	CAGCCATCTC	TCTGTACAAA	ATTCATAGCC	TTGTGAGATA	AGGAAGGAAA	780
ACTACTTCTG	AATATAGGCG	AGAACATAGA	CACGCTGGAA	CAGGTTGCGG	GAATCCAAAG	840
GATAACTCAG	TGTCATGCTT	CCTTTGCAAC	AGCATCTTGC	CTGATTTGTA	AATACAAAGT	900
TGACTGTGAA	GCTGTACGAG	GAGATATTTT	TAATCAGGTA	GTTCTCTCAT	GTCTAGGTG	960
CCCACTGAT	GAACCGTTG	CTATCATGAA	ACCAGAGATT	GTGTTTTTTG	GTGAAATTTT	1020
ACCAAGACAG	TTTCATAGAG	CCATGAAGTA	TGACAAAGAT	GAAGTTGACC	TCCTCATTGT	1080
TATTGGGTCT	TCCCTCAAAG	TAAGACCAGT	AGCACTAATT	CCAAGTTCCA	TACCCCATGA	1140
AGTGGCTCAG	ATATTAATTA	ATAGAGAACC	TTTGCCTCAT	CTGCATTTTG	ATGTAGAGCT	1200
TCTTGAAGAC	TGTGATGTCA	TAATTAATGA	ATTGTGTCTAT	AGGTTAGGTG	GTGAATATGC	1260
CAACTTTTGC	TGTAACCTTG	TAAAGCTTTC	AGAAATTACT	GAAAAACCTC	CACGAACACA	1320
AAAGGAATTG	GTTTATTTGT	CAGAGTTGCC	ACCCACACCT	CTTCATGTTT	CAGAAGACTC	1380
AAGTTCAACA	GAAAGAACTT	CACCACCAGA	TTCTTCAGTG	ATTGTACAC	TTTTAGACCA	1440
AGCAGCTAAG	AGTAATGATG	ATTAGATGT	GCTGGAATCA	AAAGGTTGTA	TGGAAGAAAA	1500
ACCAAGGAA	GTACAAACTT	CTAGGAATGT	TGAAAGTATT	GCTGAACAGA	TGGAAATCC	1560
GGATTTGAAG	AATGTTGGTT	CTAGTACTGG	GGAGAAAAAT	GAAAGAACTT	CAGTGGCTGG	1620
AACAATGAGA	AAATGCTGGC	CTAATAGAGT	GGCAAAGGAG	CAGATTAGTA	GGCGGCTTGA	1680
TGTAATCAG	TATCTGTTTT	TGCCACCAAA	TCGTTACATT	TTCCATGGCG	CTGAGGTATA	1740
TTGAGACTCT	GAAGATGACG	TCTTATCCTC	TAGTTCTTGT	GGCAGTAACA	GTGATAGTGG	1800
GACATGCCAG	AGTCCAAGTT	TAGAAGAACC	CATGGAGGAT	GAAAGTGAAA	TTGAAGAATT	1860
CTACAATGGC	TTAGAAGATG	AGCCTGATGT	TCCAGAGAGA	GCTGGAGGAG	CTGGATTTGG	1920
GACTGATGGA	GATGATCAAG	AGGCAATTAA	TGAAGCTATA	TCTGTGAAAC	AGGAAGTAAC	1980
AGACATGAAC	TATCCATCAA	ACAAATCATA	GTGTAATAAT	TGTGCAGGTA	CAGGAATTGT	2040
TCCACCAAGCA	TTAGGAACCT	TAGCATGTCA	AAATGAATGT	TTACTTGTGA	ACTCGATAGA	2100
GCAAGGAAAC	CAGAAAGGTG	TAATATTTAT	AGGTTGGTAA	AATAGATTGT	TTTTTCATGGA	2160
TAATTTTTTA	CTTCATTATT	TCTGTACTTG	TACAAACTCA	ACACTAACTT	TTTTTTTTTT	2220
AAAAAAAAAA	AGGTACTAAG	TATCTTCAAT	CAGCTGTTGG	GTCAAGACTA	ACTTTCTTTT	2280
AAAGGTTTCT	TTGTATGATA	AATTCATATG	TGTATATATA	ATTTTTTTTG	TTTTTGTCTAG	2340
TGAGTTTCAA	CATTTTTTAA	GTTTTCAAAA	AGCCATCGGA	ATGTTAAATT	AATGTAAAGG	2400
GACAGCTAAT	CTAGACCAAA	GAATGGTATT	TTCACTTTTT	TTTGTAAACAT	TGAATGGTTT	2460
GAACTACTCA	AAATCTGTTA	CGCTAAACTT	TTGATTTCTT	AACACAATTA	TTTTTAAACAC	2520
CTGGCATTTT	CCAAAACTGT	GGCAGCTAAC	TTTTTAAAT	CTCAAAATGAC	ATGCAGTGTG	2580
AGTAAAGCA	AGTCAAAAT	ATGTGGGGAG	AGCACTCGGT	TGTCTTTACT	TTTTAAAGTA	2640
ATACTTGGTG	CTAAGAATTT	CAGGATTATT	GTATTTACGT	TCAAATGAAG	ATGGCTTTTG	2700
TACTTCTGCT	GGACATGTAG	TAATGTCTAT	ATTGGCTCAT	AAAACTAAC	TGAAAAACAA	2760
ATAAATGCTT	TGGAATGTT	TCAGTTGCTT	TAGAAACATT	AGTGGCTGCC	TGGATGCGCT	2820
TAGTTTGGAA	ATAATTTCCA	TTGTTGTTTA	AATACCTATC	ACTGTGCTAG	AGCTTGCATT	2880
ATCTTTTCTC	ACAAGATATTA	AACTGCCAAA	ATGTGAATAT	GCAAAGCCTT	TCTGAATCTA	2940
TAATAATGGT	ACTTCTACTG	GGGAGAGTGT	AATATTTTGG	ACTGCTGTTT	TCCATTAAAT	3000
AGGAGAGCAA	CAGGCTGCTG	ATTATACAGT	TCCAAAGTAA	TAAGATGTTA	ATTGTAATTC	3060
AGCCAGAAAG	TACATGTCTC	CCATTGGGAG	GATTTGGTGT	TAAATACCAA	ACTGTAGGCC	3120
CTAGTATTAT	GGAGATGAAC	ATGATGATGT	AACTTGTAAT	AGCAGAATAG	TTAATGAATG	3180
AAACTAGTTC	TTATAATTTA	TCTTTATTTA	AAAGCTTAGC	CTGCCTTAAA	ACTAGAGATC	3240
AACTTTTCTA	GCTGCAAAAAC	CTTCTAGTCT	TTCAAGAAGT	TCATACTTTA	TGAAATTGCA	3300
CAGTAAGCAT	TTATTTTTCA	GACCATTTTT	GAACATCACT	CCTAAATTTA	TAAAGTATTC	3360
CTCTGTTGCT	TTAGTATTTA	TTACAATAAA	AGGGTTTGA	AATATAGGTG	TTCTTTATGC	3420
ATAAAACACC	CAGCTAGGAC	CATTACTGCC	AGAGAAAAAA	ATCGTATTGA	ATGGCCATTT	3480
CCCTACTTAT	AAGATGTCTC	AATCTGAATT	TATTTGGCTA	CACTAAAGAA	TGCAGTATAT	3540

TTATTTTGGG ATTTTGCATGA TGTTTTGTGTG CTATATATGA TATTTTAAAT TGAAAAAGTTT5600
 GTTTTAAATTT ATTTTTTACAG TGAAGACTGT TTTTCACTGT TTTTATATTG TACATAGTCT3600
 TTTATTTAAAT TTAATTTGCAT ATGTTTTGTGA GACTTTTAA TGAATGGGATA TCTTCTTCA3700
 ACTTTTGAAT TACAAAACCA GTTTTTTTTA CTTGTACACT GTTTTAAAGT CTATTTAAAT3750
 TGTCAATTTGA CTTTTTTCTG 3800

Name: 292 Len: 1731 Check: 2078
 GGGGAC33CT GTGATGGGTT GACAGGTGGG TGACASTGGG AGCTGCTCTC GGGACAAGCA 60
 TTTAC33CAA AGGCAAGAGT AACAGCA33G CCGTCCCGTC C3ADAG33AG GCGCGG3ABA 120
 ATTAT33ACT CTAC3TATAT GAATATCT3C TTTAT3TAGG AGCTCA3AAA TCA33TCAAA 180
 CATTTT3TATC AGAGATAAGA TGGGAAAAAA ATATCACATT GGGG3AATCA C3AG3AT3CT 240
 TACATTTCTTG GTGGTGTGTA TTTTGG3ATC TTTACTGT3C AGCTCCAGAG AGAG3T3AAA 300
 CATGT3AACA CTCAA3TGAA GCAAAAAGCT TCCATGATTA CAGTGT3CA GCA33T33CA 360
 CTCCAGT3GT AGGAAACATT CCCCCAGGAG ATGGCATGCC AGTAGGT3CT GTAC3AC3AG 420
 GGTCTTTTCA GCGTTTTATG TCACCTCGGT ACCCTGGAGG TCCAAG3CCC CCATTGAG3A 480
 TACCTAATCA GGCACCTTGA GGTGTCCCAG GAAGTCAGCC ATTACT3CCC AGAGGAAT3G 540
 ATCCAACTCG ACAACAAGGA CATCCAAATA TGGGTGGGCC AATGCAGAGA ATGACTCCTC 600
 CAAGAG3AAT GGTGCCCTTA GGACCACAGA ACTATGGAGG TGCAAT3AGA CCC3CACTGA 660
 ATGCTTTT3G TGGGCTT3GA ATGCTTGGAA T3AATAT3G3 TCCAG3T3GT G3TAGACCTT 720
 GGGCAAA3CC AACAAATGCC AATTCAATAC CATACTCCTC AGCATCTCCT GGGAAATTATG 780
 TAGGTCTCTC AGGAGGTGGA GGGCCACCAG GAACACCCAT CATGCC3AGT CCAG3CAGAT 840
 CAACCAACTC TGGTGATAAC ATGTATACTT TAATGAATGC AGTACCTCCT GGACCTAACA 900
 GACCTAATTT TCCAATGGGC CCTGGGTCAG ATGGTCCCAT GGGTGGATTA GGAGGAAT3G 960
 AGTCACATCA CATGAATGGC TCTTTAGGCT CAGGAGATAT GGACAGTATT TCCAAGAATT1020
 CTCCCAATAA TATGAGCCTG AGTAATCAAC CCGGCACTCC AAGGGATGAT GGC3AAATGG1080
 GGGGAAATTT CTAAATCCT TTTCAAGATG AGASTTACTC CCTAGCATG ACAATGAGCG1140
 T3TGATCTAT TACCAAGTCT CCTCATGAAA ACCACAGTGA GTCAGCCCTT CACAGAACTA1200
 CTAC3GAAGA AAATTATTCA TCACAGTGTA CAGTTAAACA AAGGAATCTC AGTCACACCA1260
 AACCAACTTT TTCATTTCTT GCTCTCTCCC CTCTTTTGTG AAGAAAGCGG GTCCAGAT3T1320
 GATTCAAAACA ACTGTACGGA GTGGCATATT AGAATTGCC TAAACTGAAC TGCAATAAT1380
 TATGTGTGTA TGTATATGTG TGGGAAAGAG AATGTACTGT ATATGTGTAT GTTATACAGA1440
 CATATACACA TACATACATT GACCCACAGG ACATTTGAAA ATATTATCAC ATGACATCTT1500
 AAGTAGAAAT AAGTAGGGAC TTTTATTCCA TCCTTTTTTT CACGTTTACA TTTTAATTAT1560
 TACAAGTTGC TCCTGCCCCC TCCCTGAAGT ATTTGTGTCT GTGTATATCA CTGCTTTATA1620
 TAAGTTATIT TTTAAGGTGA ACTCAGATGT TATGGTTTGT TATATGTCTG CAATCATGGA1680
 TAGGAATAAA ATCGCTTATT TGAGAGCTTT CAAAAAAA C 1731

Name: 293 Len: 3416 Check: 2559
 GGTTTACACG TACCTCCGCC TCATCGTGGG CCACCATGGG ACTGCCCCAGC TCCAGGCCCT 60
 GCGACAGAAG GAAGTAGACT TCTGCATCTC ACTGCTTCGG GAACGGTCA TGGAATGTCT 120
 GATGATTG3T C3GGATCTCG TAAGACTACT TCAGAAATGT GCTAGGATAC CAGAATTTGA 180
 ACTGCTTT3G AAAGATATTA TCCATAATCC TCAGSCCTG AGTCTCACT TCACAGGTAT 240
 CTACAGCTT CTTCAGTCAA GAACATCCCG AAAATTCCCTA GCATGTCTGT TAACCCCGGA 300
 CATGGAGACT AAACCTCCTCT TCATGACATC CCGG3TGC3A TTTGGTCAAC AAAAGCGATA 360
 CCAAGATT3G TTCCAG33CC AGTACCTGTC AACT3CAGAT AGTCAGTCTC TGGGCTGTGA 420
 CCTCATTC3C TACATCTGTG GGGTAGTCCA CCGTTCTAAT GAAGTACTGA GTTCAGATAT 480
 CTT333333G TGGG33CATCA TTGGTT33CT CTTGACAAC3 T3CACT3CAA ATGT33CTGC 540
 CTCCAA333C AAGCT33CT TGTTTTATGA CTG3CTGTTT TTTAGTCCAG ACAAGGATAG 600
 CATAT3AAC ATAGAACCAG CCATCCT3GT CATGCACCA3 TCCATGAAGC CCCACCCAGC 660
 CATCACT3CC ACACTCCTGG ACTTCAT3TG CCGCATCATT C3CAACTCT ATCCACCAAT 720
 G3AG3333AC GTGCG333AG GTGTCTTTTC CTCCCTCAAC CACATT3T3G AGAAACGG3T 780
 CTTG3333GT AAAAAGTATT G3CTCTACCT CAGACT33CT G3CATAT3TC TTCTTGG3CT 840
 T3AG3333AAT TTCT3333T3 CCATCGTATT ACAAAGACAC CTAGCT33CC T3TTT3ACAA 900
 CCGTAA33T3 GATAAG33AG T33333CAAT GCT3AGAGAG AAGTTTCTGT AGTTCT33AG 960
 CTCAC3333C CCACT333TG AAGTCAAAAT T3AG33AG3CA GTTTCCATGG AGATGGACAA1020
 C3ATAT333G GATAAG33AT AGAST33CTA T3ACAATGCA GAG33AG3CT TCAGT3ACGA1080
 T3AA3333AT CTCAACAGCA AAGGAAAGAA GAGG3AGTTT CGCTT33ACC CTATCAAGGA1140
 GACAGTT3TG GAGGAG33AG TTGATATCAC TCCTTACCTT GACCA33TGG ATGAGTCTCT1200
 GAGG3ACAAA GTACTCCAGC TACAGAA33G GAGT3ATACG GAGG3333AGT GTGAG33CAT1260
 GCAG33AAIT GT333333AG T3CTG333GA AGACTTT3AC T3333333AG TGTCTGTCTT1320
 T3CTT3333C CTACAG33AG T3TTCAAGGC CCACTTTTCA GGGGAG33TC TGCTGAGGA1380
 GATTACT3AG GAGT3333TG AGGASTCTGT AGGAAAG3CT CTGTACCTAA TATTTAGGAA1440
 CTAT3333AG AT333333AG ACAACAG3CA CTCTCTCTTA CTCTAGACCT TTCTCT333A1500
 GCTATA33AG AAGCAG33CA AGATTG3CTA CCACTGCTC TACTACCTGA GGGCCAGCAA1560
 A3333333CA GGGAAAGATGA ACCTGTACGA GTCATTTGTC CAGGCTACCC AGCTGGG33A1620

TCTGCAJACC TGGCTGATGA TGGACATGAA GGGCTGGCCAG GAGGACGATG TGGGCTGCT1620
 GTGGTCACTC AGGCTCTGDA TCTACACAGA GTTTCCAGAT GAAAGCTTGA GAGGCGGAGA1740
 GGTGCTGAAC ATGATGCTG GCTGTATTGA CTCTGCACAG CTCCAGGAGT TGGTCTGCCA1800
 GGTGCTGATG GGTAAAGCTG TTATGTTTTG AAAAGACTCA GTTCTCAACA TACTCATTCA1860
 GAGGCTAGAC TGGGAJACCT TTGAGCAGTA TTGTGCTGG CAGCTCTTTT TGGGCCACAA1920
 TATTCTGCTG GAGACCATAA TCCCCATCTT GCAGCACCTC AAATACAAGG AGCACCCAGA1980
 GGGCTCTGCT TGGCTACTGC TTCAACTGCG AAGAGAAAAA CCGAGCAGG AGATGGTGAAC2040
 BATGGTCTTG AGGCGGCTCT GGCATCCTGA CGACCACTTC ACCACAGCA TCTTGGGCAE100
 CTGCTGCTAT AAACATGAAG AGCTGCTGCT CGAGCACATC AAGTCCCTG TCATCAAGAA1160
 CAACAGCTTG CCTGCGAAAG GACAGAGGCT GAGGAGCTCT AGGAGCAAGC TGGGCCAGCT2220
 GACTCTGAGC CAGATCTCTG AGCACTTGA CAATCTGCGG CTCAACCTGA CCAACACCAA2280
 GCAAACTTTT TTTAGGCGGA CGCCAATTCT CCAGGCGCTG CAGCATGTCT AAGCGAGCTG2340
 TGAAGGAGGC CACAAGATGA AATTCACTGA TCTCTTCTCC CTGGCGGAGG AATATGAGGA2400
 CTCTTCTACC AAGCCACCCA AGAGCCGGCG AAAAGCAGCT CTGTCCAGCC CTGGAAGTCT2460
 AAAGATGCTC ACACAGCTCC CCAATGCCGA AGAAGAGTCG GGTCTCCAGCA GTGCTTCAGA2520
 AGAGGAGAGC AGGAAACCGA AGCCTACCAA GCGGAAACGA AAAGGGTCTT CTGCAGTGGG2580
 CTCTGACAGT GACTGAGGCT CTGCATTCCC CATCCCACCC CCGGCTGGAC TGGCTCTCTC2640
 TTCTTCTGTA TTCAAAAGTT AATAGAGGCT GAGGAGATTG CAGGGGAAAC ACTTTGCTG2700
 CATGCCCCAAG CTCCCCCCTT GGAAGGAGGA GCTTTCTCCT CTGGCTGAGT TTGAGAAGCT2760
 GCCATGCAAGC CCGCTGAGCT TTCCCTCTCT CAGGGGCTCT TAAAATCAGA CCATAGTGGG2820
 CCCAGTGATA TTTGGGATCT GACTGAAGCC AGAGGCTCTG TAAATCAGA CCATAGTGGG2880
 AGTCTGAGC CCGCTGGGCC CTTCCGCAAT CTCCTCCCCC AGTCTCCCAA AGAGCCATT2940
 CAACAGAGAA GGGAAATGAC AAAGGGGCAG CTGGCCAGAT AAGCTAGGAT GAGAGCAGAG3000
 ACTCAGTGTG TGGGTGTGCT TTCCTGCTTC CCCTTCAGGT CTTGGTTTGT TCTGAAGGGA3060
 CGTTTTATAG TCACTATGCA CATGCCAGTG TGAATGGGC ATCTATGAG TGGTCAGGGT3120
 GTCCATCTCT AATCATGGGG CAGATGCCAC AAGCATTCAG AAAGGAGTCT GAAAGGGTGG3180
 CCACAGCTCC AGTGGGTGTG CCTGGAGGC TTAGGTTGGT CTGAGGTTGG CACCTCAATC3240
 TACACAGAG CCCAGGGAGT CCCAGAGGCA AGTTTCACAG AATTGTCAAA TGATCCCAT3300
 TCTTGTAGTC TGTCTTTTTT TTTTGTTTTT TTTTGGCAG AGATAATCGT3360
 GTCTTAAAG TTGTTTTTAA ATGACAATAA AACAAGCCAG AATGTCAAAA AAAAAA 3416

Name: 294

Len: 1927 Check:

12B5

GTAAACGAGC CCGAGCGGCG CCGCAGCGGC AGGACCGCCG TGGCGCCTAG AGTAGCGACC 60
 CCGGGGGGAGC GCGGGGCGAC GCTGGCTGCA GGGACCCGGT GACAGCGTGA GAGGTTCCGA 120
 GAGTACTAGG TTTTGACAAG CTGTCATCAT GCGTGAGTAT AAGCTAGTCG TTCTTGGCTC 180
 AGGAGGCGSTT GGAAAGTCTG CTTTGACTGT ACAATTTGTT CAAGGAATTT TTGTAGAAAA 240
 ATACGATCTT ACGATAGAAG ATTCTTATAG AAAGCAAGTT GAAGTAGATG CACAACAGTG 300
 TATGCTTGAA ATCTTGGATA CTGCAGGAAC GGAGCAATTT ACAGCAATGA GGGATTTATA 360
 CATGAAPAAAT GGACAAGGAT TTGCATTAGT TTATTCCATC ACAGCACAGT CCACATTTAA 420
 CGATTTACAA GACCTGAGAG AACAGATTCT TCGAGTTAAA GACACTGATG ATGTTCCAAT 480
 GATTCTTCTT GGTAAATAAGT GTGACTTGGA AGATGAAAGA GTTGTAGGGA AGGAACAAGG 540
 TCAAAATCTA GCAAGACAAT GGAACAACCT TGCATTCTTA GAATCTTCTG CAAAATCAAA 600
 AATAAATCTT AATGAGATCT TTTATGACCT AGTGCGGCAA ATTAACAGAA AAACCTCAGT 660
 GCGTGGGAAG GCTGCGCAAA AGTCATCATG TCAGCTGCTT TAATATACTA AATGCAATTG 720
 AGCTCTGAGC CAGGTCTGAA GAACTGTTGC CCAATTCAAC AGTGGGAGCA TTCCAACCTT 780
 GTTAAACCTA CCAACATTTT AAATGGAATT TCTGTGGTGT GTACCCCTTA AGAGGCGGAT 840
 GAAAGCTACT ATATCAGTTT GCACATTCTA ATCACTTTCC AGTATCACAA GAGAGATTTT 900
 TACTTATATA ATAGTCTTAG AGTTTGCAGC TGGTAAAACC AGAGGCTACA TCCAGTATTA 960
 CTGCTAAGAG ACATTCTTCA TCCACCAATG TTGTACATGT ATGAAAATGG TGTACTGTAT1020
 ACTTTAAACAT GGGCCATACT TTGTATTGGA GAGTACAATA ATGTAAATCC TAAAGCACCC1080
 ACTATTTTAG CATAATAAAA GAAAGTCCAA AGAGCTCCTA TATAGACTAC TCCAGATAAC1140
 TTGGCTTCTT TGATACTTGT AGCTTATTGT AATTTTTTTT AAGAAATGCA AGGTCAATTAT1200
 TATTGTACAA AATAAGGCTT TTGATTAACA CAGCTATATA GTTTTTTTAA TTTTTAAAAA1260
 AGCTGTGAGC ACGGTGATCT TGTCTTTAAA ACATGATAGT CTTTTAGTA TAATGTCTTA1320
 GATTAAGGAC GTTGGCTTTA ATATCTGTTG GGAAGGAAAT GTCCAGACTT TTCAAATCTC1380
 TTACTACATG TTTCTTTTTT TTGTTTACAT AGGGAACAAT GTTTATAGTC GTGTGTACA31440
 TGGGGTCTTA CAACAAGGAG TGTATATTTT CAAACAATTT TTTAATGATT TAACAATTTT1500
 TGTAAATCAT TTTGAGGCTT CTGCAGCTGT AGATTCTCAC TGTGAATGCC TTGCTTGCTC1560
 ATGCATAAGT GTATTTTCAA TACCAATAT ACAGGTTTAG TATTTTTGCC TGTAGTGTAT1620
 TGTTTGACAT GTGTAAGGTT TTGGTTGAGA TGTAAATGG TGGACGAGTA CTGTGGATGT1680
 GAATGTTGGG AGTAATTTTA ATCATATGTA ATTGGTCACA AGGCTCAATT TGCAGTAACT1740
 ATTGCTGTTT TATTTAAACA TGCTTTGTTG CTTTGTATGC ATTAATGTTT GATGTAAA31800
 ATTGTGTGTC TATTCAGGAG GGAGCCACAG TATTTAAATT GACCAACCTA ATGTTACAA31860
 TACTTTGAGG TGGCCAAATG TAAACTAAAA GCCTTAATTA AAGTGTGTCA ATTTTGTAAA1920

AAAAAA

1927

Name: 295 Len: 1453 Check: 42C

GGTGTGTGGT	GGGGGTGGG	TGGGGGGGG	ASTGGGCTGC	ACGTGGGGG	GGGGGGCATG	60
CGTCACTCAT	CGGAGGAAAG	AGAAATGAATA	TCACTCAAGC	CCGGGTTCGT	GTGGGTGCAG	120
TGGTGGGGTT	GSTGGGTGTC	CTGCTCTACG	CCTCCATCCA	CAAGATTGAG	GAGGGGCCAT	180
TGGTGTGTATA	CTACAGGGGA	GGAGCTTTAC	TAACTAGCCC	CAGTGGACCA	GGCTATGATA	240
TCATGTTGCC	TTTCATTACT	ACGTTTCAGAT	CTGTGCAGAC	AACACTACAA	ATTGATGAAG	300
TTAAAAATGT	GGTTTGGGA	ACAAGTGGTG	GGGTCAATGAT	CTATATTGAC	CGAATAGAA	360
TTTAAATAT	TTTGGGTCT	TATGCACTGT	TTGATATCGT	GAGGAACAT	ACTGCAATTT	420
ATGACAAAGC	TTTAATCTTC	AATAAAATTC	ACATGAGCT	GACCACTTC	TGGGTGGG	480
ACACACTTCA	GGAAGTTTAC	ATTGAATTGT	TTGATCAAA	AGATGAAAC	CTGAAAGCA	540
CTGTGCAAAA	AGCTTTAAAC	CTCATGGGCT	CAGGTCTCAC	TATACAGGCT	GTGGGTGTTA	600
CAAAAATCCAA	AATCCAGAAA	GCCATAAGAA	GAAATTTTGA	GTTAATGGAG	GCTGAGAAAG	660
CAAAAATCTCT	TATAGCTGCA	CAGAAACAAA	AGGTTGTGGA	AAAAGAGCT	GAGACAGAGA	720
GGAAAAAGGC	AGTTATAGAA	GCAGAGAAGA	TTGCACAAGT	GGCAAAATTT	CGGTTTCAAG	780
AGAAAGTGAT	GGAAAAAGAA	ACTGAAAAGC	GCATTTCTGA	AATGGAAGAT	GCTGCATTCC	840
TGGGCGGAGA	GAAAGCGAAA	GCAGATGCTG	AATATTATGC	TGCACACAAA	TATGCCACCT	900
CAAAAGCAACA	CAAGTTGACC	CGGGAATAT	TGGAGCTCAA	AAATACCCG	GCTATTGCTT	960
CTAACAGTAA	GATCTATTTT	GSCAGCAACA	TCCCTAACAT	GTTGCTGGAC	TCTCATGTG	1020
CTTTGAAATA	TTGAGATATT	AGGACTGGAA	GACAAAGCTC	ACTCCCTCT	AAGGAGGCTC	1080
TTGAAACCTC	TTGAGATAAC	GTCATCCAAA	AGAAAGAGAG	CACAGGTTGA	TGCAAGAGGT	1140
GGAAATGTTC	TCCATATCAA	GATGTGGCC	AAGGGGTTAA	GTGGGAACAA	TGATTATAG	1200
GACTCTTCAG	ATTTACAGAG	AACTTACACT	TCATCTGTTC	CACCTCTCCT	GCGATAGTCC	1260
TGGGTGCTCC	ACTGATTGGA	GGATAGAGCC	AGCTGTCTGA	CACACAAATG	GTCTTTTCAG	1320
CCACAGTCTT	ATCAAGTATC	CTATATGTAT	TCCTTTCTAA	ACTGCTACTC	ATGAATGAGG	1380
AAAGTCTGAT	GCTAAGATAC	TGCTTGCAT	GGAATGTTAA	ACACTAAATA	TATAACAAAG	1440
TGTGTTTTGG	TAA					1453

Name: 296 Len: 3120 Check: 678

CGGAGAGGG	CGGGGGCTAC	GGGGCAGCC	CGGGCGATGA	GGGGCGGGCG	TTGACCGGGA	60
AGAGCGGGCA	CGCGGGCAGT	GGCTCCGAGG	GGACCCGCGA	TGGCAGCGCC	CTGAGAGGAG	120
GCTCCAGGCA	GGGCGGGCTG	CGCTGGCAGC	GGCCGCTGAG	GTGCTGGCCG	GCCGGCTGGC	180
TGGGACGGG	GGCAGAAGCG	ACGAGAGGGG	CGCTCGGCAC	CGGCACCCCC	GTGCCCCCGC	240
CTCAGTTGTC	TAAACTTGGG	GCTCTCTTCC	ACCGTCTGCG	CGCCAGAGT	CAACAACCTC	300
TTACCCGCC	TGGCCCCCG	CCCTTCCCTC	CGTCAGCCCC	GGGAGCTCGC	CGCGGCCCGG	360
GGACAGGAA	CCTCCAGGCG	TGAGATGTGG	CGGTGAGGCG	TTGGCGGGCG	CGSAGGAGAA	420
GCTCGGCGGC	GTCCCGGGGC	CGSAGGGCCG	TGGGGCCGGG	GCGCAGGGGC	GCGAGCACCC	480
CGGCGCTCTC	CGCCGCTCTC	TCTTGCCCTG	TCCCGCGCTG	CGGCTGCCCT	GCAAGCAGCA	540
CGGCGAGCTG	CGAAGCCTCA	GCGCCGCGGA	GATGTCGTCT	TGCTCGCCGC	CGGCGGGGGC	600
TGCCAGCGCC	GCCATCTCGG	CCTCGGAGAA	AGTGGACGGC	TTTACCCGGA	AATCGGTCGG	660
CAAGGCGCAG	AGGCAAGAGC	GCTCCAGGG	CTCGTCGCAG	TTTGCAGGCC	AGGGCAGCCA	720
GGCAGAGCTG	CACCCGCTGC	CGCAGCTCAA	AGATGCCACT	TCAAATGAAC	AACAAGAGCT	780
TTTCTGTGAG	AAGTTGCAAG	AGTGTGTGAT	ACTGTTTGAT	TTTATGGACT	CTGTTTCAAG	840
CTTGAAGAGC	AAAGAAATTA	AAAGAGCAAG	ACTGAATGAA	CTGTTTGAGT	ATGTTTCAAG	900
TAATGCTGGT	GTAATTGTTG	AATCAGCGTA	TTCTGATATA	GTAAAAATGA	TTAGTGCTAA	960
CATCTTCTGT	ACACTTCTCT	CAAGTGATAA	TCCAGATTTT	GATCCAGAA	AGGATGAACC	1020
CACGCTTGGG	GCTCTTTGG	CTCACATACA	TTTGTATAT	GAATTCTTCT	TGAGATTTTT	1080
GGAGAGCCCT	GATTTCCAGC	CTAGCATTTG	AAAAAGATAC	ATTGATCAGA	AATTCGTACA	1140
ACAGCTCTCT	GAGCTTTTTG	ATAGTGAAGA	TCCAGAGAGAA	CGTGACTTCC	TGAAGACTGT	1200
TCTGCACCGA	ATTTATGGGA	AATTTCTTGG	ATTAAGAGCA	TTTATCAGAA	AACAAATTA	1260
CAACATTTTC	CTCAGGTTTA	TATATGAAGC	AGAACATTTT	AATGGTGTTC	CTGAATTTCT	1320
TGAATATTTA	GGAAGTATTA	TCAATGGCTT	TGCAATGGCA	CTGAAAGCAG	AACATAAACA	1380
ATTTCTAATG	AAAGTTCTTA	TTCTATGCA	TACTGCAAAA	GGATTAGCTT	TGTTTCTATG	1440
TGAGCTAGCA	TATTGTGTTG	TACAGTTCTT	GAGAAAGAT	ACAACACTAA	CAGAGCCAT	1500
GATCAAGGA	CTGCTGAAAT	TTTGGGCAAA	AACCTGCAAT	CAGAAAGAGG	TGATGTTTTT	1560
AGGAGAAATT	GAAGAAATCT	TAGATGTCT	TGAACCAACA	CAGTTCAAAA	AAATTGAAGA	1620
GCCATTTTTT	AAGCAGATAT	CCAAGTGTGT	ATCCAGTTCT	CATTTTCAAG	TTGAGAAAG	1680
GCCATTTGAT	TTCTGGAATA	ACGAATATAT	TCTTAGTTTG	ATTGAGGAGA	ACATTGATAA	1740
AATTCTGCA	ATTATTTTGG	CCAGTTTCTA	CAAAATTTCC	AAAGAACACT	GGAATCCGAC	1800
CATTGTAGCA	CTGGTATACA	ATGTGCTGAA	AAACCTAATG	GAAATGAATG	GCAAGCTTTT	1860
CGATGACCTT	ACTAGCTCAT	ACAAAGCTGA	AAGACAGAGA	GAGAAAAAGA	AGGAATTGGA	1920
ACGTGAAGAA	TTATGAAAAA	AATTAGAGGA	GCTAAAGCTA	AAGAAAGCTC	TAGAAAAACA	1980
GAATAGTGT	TACAACATCT	CAGCAATACA	AGTGCCGAAT	AAAAAAAAG	AAAAAAAAG	2040
GCTCCACCT	CTGCGGATA	GCCAGAGTTT	TGTATGCTTT	TTTGAATAT	GTAAAAATTA	2100

AGTGAAGATTT TTTGAAACAT GGGTGCACCC CTGGGASTGG GCTTGGGTCTT CTTCTTTTGTG 200
 TCTTCATTGG GATCTATGTT TCTTCCAGCT ACCACCGTGG CTGGTGCAC TCTTTACTCA 260
 GTGGCAATGT ACGGTGGATT AGTTCTTTTC AGCATGTTCC TTCTGTATGA TAOCACAGAAA1020
 GTATCAAGCG TSCAGAAATA TCACCAATGT ATGGAGTTCA AAAATATGAT CCAATTAAC1150
 CGATGCTGAG TATCTACATG GATACATTAA ATATATTTAT GCGAGTTGTA ACTATGCTGG1140
 CAACTGGAGG CAACAGAAAG AAATGAAGTG ACTCAGCTTC TGGCTTCTCT GCTACATCAA1200
 ATATCTTGT TAAATGGGGCA GATATGCATT AAATAGTTTG TACAAGCAGT TTTGGTTGAA1260
 GTTTAAGAAT TAAGAAACAT GTCATCATAT TTAAATGTTC TGGTAATGT ATGCTCAGG1320
 TCTGCTTTT TTTCTGGAGA ATAAATGCAG TAATCTCTC CCAATAAGT ACACACATTT1380
 TCAATCTCTA TGTCTGAGTG ATTTTAAAT GTTTTGGTGA ATGTGAAGT TAAAGTTTGT1440
 GTCATGAGAA TGTAAGTCTT TTTTCTACTT TAAATTTAG TAGTTTCACT GAGTAAC1500
 AATTTACCAA ACGTGTGTTT GCATATTTT TTGGAGTGA GAATATGTA ATTAATGTCA1560
 TAAGTATTTT GGAGCTTTGG TAAAGGGACC AGTCACTGC AGTCTTTTGT1620
 TTTTAAAT ACTTAGAAT TAGCACTTGT GTTATTGATT AGTGAGGAGC CAGTAAGAAA1680
 CATCTGGGTA TTTGGAAACA AGTGGTCATT GTTACATTCA TCTGCTGAG TTAACAAAAC1740
 TGTTCATCTT GAAACAGGCA CAGGTGATGC ATTCTCCTGC TGTGCTTCT CAGTGTCTC1800
 TTTCCAAATAT AGATGTGGTC ATGTTTGAAT TGTACAGAAT GTTAATCATA CAGAGAATCC1860
 TTGATGGAAT TATATATGTG TGTCTTACTT TTGAATGTTA CAAAGGAAA TAACTTTAA1920
 ACTATTCTCA AGAGAAAATA TTCAAAGCAT GAAATATGTT GAAATATGTT TAACTTTAA1980
 AGTATATCTA TGAATTGCTA AGTGTTTTTT TATTTTGGCA TATTTATGA ACTGTCTAAT2040
 TGAATACAGC TTGCTCTTGT CACCTCTTCA AGCTTTCAAG CCTTTATAGA AAAGCTTCTT2100
 TGTGGGCTAC ACTGGAAAT ATGAAAGCAG TTTTCTCCT AAGACTTTTG GTTTCTCGCA2160
 TTGCTCTCA GACTAAGCAC TAAAAAGCAA AGCAAAACAG AACTAGTTCT GTCTTAATGA2220
 AATATATCAA CCAAAAAGTG TAATGAGGAA AATGCTTCAT TAGTTTCCDC TAGCAGACTT2280
 TTAATCTCT TACACTGCTA CACCATTACT TTCTTGAGAC ATTTGTAAGT CCTTTGATAC2340
 AGAAGAGTTA TATTTAGGAG GCTTTAATGA AGGG 2374

Name: 299

Len: 5112

Check:

15A6

GTAGCTGGGG TGAGGCCGTC GTCGCCGCAC GGGCTGGTGG GGGCTGTCTC TGTGGGAGGC 60
 GCGCGGGTGA TGGCGGTGGA GACTCTGTCC CCGGACTGGG AGTTTGAAGC CTTTGACGAC 120
 GGCTCGCAGA AAATTCATGC CGAAGTCCAA CTTAAGAATT ATGGGAATTT TCTTGAGGAG 180
 TATACCTCTC AACTGAGAAG AATTGAGGAC GCTCTGGATG ACTCAATTTG AGATGTTTGG 240
 GATTTCAATC TTGATCCTAT AGCATTAAAG CTTTGTGCTT ATGAACAGTC CTCTCTTTTG 300
 GAAGTCATAA AGACTGAAAA CAAGGTCTTA AACAAAGTCA TCACTGTCTT TGCTGCACCT 360
 TGTGTGAAA TCAAGAAATT AAAATATGAG GCTGAAACTA AATTTTACAA TGGTCTCTTG 420
 TTTTATGGAG AAGGAGCTAC AGATGCCAGC ATGGTGGAAG GTGATTGCTA AATTCAAATG 480
 GGGAGATTTA TTTCATTCTT ACAGGAAGTG TCTTGCTTGT TTACGAGGTG CTATGAAGTG 540
 GTGATGAACG TAGTCCACCA GTTGGCTGCC CTCTATATCA GTAACAAGAT TGCACCCAAA 600
 AITATAGAGA CAATCTGAGT TCATTTTCAG ACTATGTATG AGCACTTGGG AGAAGTCTA 660
 ACAGTTTTCG TCACCTTGGA TGAAATTATT GATAATCATA TCACACTGAA AGACCACTGG 720
 ACTATGTACA AAAGGTTACT GAAATCTGTC CATCACAATC CTTCAAAATT TGAATTCAG 780
 GAAGAAAAAT TAAAGCCATT TGAAAAGTTC TTGCTGAAGC TAGAAGGGA ATTACTGGAT 840
 GSAATGATAT TCCAGGCTCG TATAGAACAA CAATTTGATT CTCTCAATGG AGGAGTATCT 900
 GTCTCAAAAA ATAGTACTTT TGCTGAGGAA TTTGCACATA GTATTGCTC AATTTTGTCA 960
 AATGTAGAAG CCAACTTGG AGAAGCTTCT GAAATTTGACC AGAGAGACAA GTATGTTGGA1020
 ATTTGTGAC TCTTTGATTT GCACCTTTCG ATTTTTCGAA CTATTGATTA AAAGTTTAT1080
 AAGTCTTTAT TGAACATTTG TAAGAAGGTA CCAGCCATCA CTCTAACTGC TAATATTATT1140
 TGGTCTTCTG ATAATTTTCT GATCCAGAAA ATACCAGCAG CTGCAAACT GCTAGACAGA1200
 AAAAATCTTC AAGCCATTAA AATACACAGG GATACTTTTC TACAACABAA AGCTCAATCA1260
 CTTACCCAAAG ATGTACAGTC TTACTACGTC TTTGTGASCT CATGGATGAT GAAAATGGAA1320
 TCTATTTTGT CTAAAGAGCA GAGAATGGAT AAATTTGCTG AAGATCTCAC CAATAGATGT1380
 AATTTTCTTA TACAGGCTT CTGTGTATGCA TATAGTATTA GTACCATTA TAAAACACAA1440
 ATGATCTCTT ACATCTCCAT GCAAAAGCCA ATGACCAAAA CTTAGTTTA GGCATTGTG1500
 AGGCTTGTGT AACTTCTCAA GGCAATAGAG CATATGTTCT ACAGGAGAG CATGGTTGT1560
 GCTGATTCAG TTTCAATAT AACACAGCAC CTTCAACATC AGGCTCTTCA TTCTATTTCT1620
 GTGGCCAAAG AAAGAGTGAT TTCTGACAAA AAATACAGCG AACAGGCTCT TGATGTGCT1680
 TCTGCTCTAG TTTTGGCTGA AAACACTCTA AATGGACCAA GCACAAAGTA ACGGCGAGTT1740
 ATTTGTTCTT TGGCACTAAG TGTGTGCACA CAAATGAAAA CATTTAAAG TGAAGAACT1800
 TTTCCACTTC AAGTAGTCAT GAAAAAACTG GATCTTATTA GTGAACCTAG AGAAGAGTCT1860
 CAAACACCAAT GTGACTGTTC TTTTATATC TGGCATCGAG CTGTCTTCCC AATTTATTTA1920
 GATGATGAT ATGAAAATGC TGTGTATGCA GCCAGATTAC ATTACATCT CAGTGTCTT1980
 CCGACTGTG TACCTGCTAT GATGCTATG AGSCATTTAG AGTCTTATGA GATACTTCT2040
 GATTGCTATG ACAAGGAAAT TATGGAAATT TTAAATGAGC ATTTGCTGGA CAAATTATGCT2100
 AAAGAAATAG AGAAAGATCT GCGACTTTCT GTGTATACTC ATTTAAAGCT GGATGACCGA2160

AACGCTTTTCA AAGTTGGCAT GAAAGACATG GATTTTTTTT TCTCTCTTAA TCCAACTTGGG1220
 TTTTTCATTC GTTTCATTGA CATTTCGGGCT TACCTAACTC ACTACCTAGA CAAGACTTTG22-0
 TACAATCTAA CAACTGTAGC CTTTCATGAC TGGGCCACTT ATAGTGGAT TGGAAACTTA2340
 GCTACTCAGC GTTATGGACT GGTATGACA GAGGACATC TTCCAGTCA GACTTTGGAA1400
 CAGGGGCTTG ATGTTTTAGA AATTATGAGA AACATTCATA TATTTGTGTG DGGATACCTC1460
 TATPATCTCA ACAATCAGAT TTTTATTGAA CGAACCAAGCA ATAACAAGCA TTTGAATACT2510
 ATTAATATTG GGCATATTGC TAATTCAATT CGAACACATG GCAAGGAAAT TATGAATAC2550
 ACTTTTAATT TACCTACCA GTTTTTGAAA AAGAAGTTCT ATATATTAG CCAATTTAT3160
 TATPATGAAC ACATCAAAAT CAGATTGATT AAGACATTC GATTTTTCAG GSAATTAAG3270
 GACCAAAATG ATCATAAGIA TCTTTT3AT AGAGCAGAAA AATTCAGCG AGGCATCAG2780
 AAAGTTGGAA TAACACCTGA GGGACAGAGC TACCTTGATC AATTCAGCGA ACTCATCAG2820
 CAGATTGGTA ATGCTATGGG CTATGTAGCA ATGATAAGAT CTGGTGGTCT TCATTGTAGC2880
 AGCAATGGCA TTAGATTTGT TCTGTATCTT GAAGATATTG TAAATTTTGA AGAACTAGTA2940
 AAAGAAGAAG GTCTTGCAGA AGAAACATTA AAAGCAGCAA GGCATTTTGA TTCAGTCTC3000
 AGTGATCACA CAGGAAATTG TSCCGAAGGC ACAGAAATATT TCAAAATGCT TGTAGACGT3060
 TTTGCTCCAG AATTTCGAAG GCCAAAGAAT ATACATCTCC GAAATTTCTA TATAATTGTT3120
 CCCCCTCTGA CCGTCAACTT TGTAGAGCAT TCCATTAGTT GCAGAGAAA ATTAATAAA3180
 AAAAATGAAA TTGGAGCTGC CTTTACTGAT GATGGCTTTG CCATGGGTCT GGCTTACATT3240
 CTAAAGCTTT TGGATCAGTA TCGGGAGTTT GATTCACTTC ACTGGTTCCA GTCTGTTAGA3300
 GAGAAATACC TGAAGGAGAT AAGAGCAGTT GCTAAGCAAC AGCGACTGGA TGTCTATCTA3420
 CAAGATGAAA AACTCTTACA AACCATGAAT CTCACCTCAGA GAATTTTCTT CAGAGCAGAC3480
 CAGGAATTTG AATTGCTGTA TTTCTCACTG AGCAGTGCAA GAATTTTCTT TAAAACAAGC3540
 AAGACTGGGG CTGAAGAAAA CCAAGAAAAA AAAGAGAAGG AAGAAGAAAC TAAACAAGC3600
 AATGGAGAAC TGTCTGACAG CACTGTGTCT GCTGATCCTG TGTGAAATG ATACGGATGG3660
 TATTCACCTGC ACATATGATG AAATCATCAG AATTGTTAAA ACTTTTGCCA GTGGAATGA3660
 TAACTATTG ATGAATTGTT TCTGGGTCA CATCTCTGGA AAATAGATGT TACAGTTCTT3720
 AAAGGCAGTG CTTTAAAGTG AAGTTCATTG TGTTCCTCAA GGCTCTACTT TCAAAGGTTA3780
 AGAATCAGAT TTTAAATTTG GATTTTGGCC TGGACTTGAG GGTACAGAT GTTTCTATT3840
 GAAGTGAAGT TATAAAAGGG CAAATCCAGA TTCATAAACT ATCACCTGG ATTTCTTGT3900
 ATCTACATGT TTGTAATTTG TATTTGCATA GATCTTTGAT CTATAGTTAT TTCAAGTCAT3960
 GGGAAATTCA ATGCATATAC TATATACAGC CAGTAAATAC ATGCTTAAJA AAAGGAATGA4020
 GCTGAAAGTT CATAAAGAAT ACATATCAAT ATTCTTATAA AAGGAATATA TGAAGATGG4080
 ITTGATACTA GAGGTGAGGC ACAAGTGTG TATGTACTCT CAGTGTACAG TATAACTGAT4140
 GATCCTTCTT TCATTGTAA TTTCATGIGA CTCACAAGAG CTGCTGATGT CTTTGATGAG4200
 ACATTTTATA ACTAGTTTAC ATTGCTTTGA GAACATTTAA CCTCCAACAG CTGCTTTAAA4260
 TTTAAGATTT ACTTAATACT CAGAAAATTC AGATAAAGCC ATAGAGTCT GTTTGAAGCT4320
 TCACTTCTAT TTTGGTTGAA GGCATGATGT ATGATGTCAG AAAAAAATT GAATGAATTA4380
 TTTCTADATC CAACTCAGG TTTCTTCTAC ATTAGATTGA ATTGAAATTT TGGTGATG4440
 TTGGGTAGAC TTTTTTTTTA TATCAAGTAT AATTTAAAPC ATCAGATTAA ATAATTACAC4500
 TGTTCA33CT TTTAAAAAAA TACCCTGTG AGAATAAAGC GTAGATAAGA TACATCACT4560
 ACTGATTTTA AAAATACAGA AAGATTTTGA GTAAATTTTG TGCCAGCAA GCTGTTAGTT4620
 TTATTTTGT AAAGGTATGT AAGTTATTAA ATGGTTAATC ATGGCCTTTT AAAAAATAA4680
 TAAAGTGATA CTTTACAAAT GAAGAGAAAA GTTTAAACT TTCTAATACA AACACCATTT4740
 TGGGAAATGC TTGATTTTTT TCTATTGCAT TTGCTGCTA AACATTTCTT TGGATAAAT4800
 TGGCAAAATC TTCTAACATT ATTCTTTGAT TCCAGCTTTT AGAATGGGTG TACAATGCC4860
 TTTTGTACT TAATGGTTAG GGTGAGGTA ACTTCCAGC CCAAGATAAA TACTTTAAT4920
 GTTAAAGTC AGAAGAGACA GAATATGTAG GAAATGTTTT TTGTTTTATA TGTAACATG4980
 GTTACAGAA TTATGAACAG TGGATAGATT AAAGGCATTT AATATTTGTA ATTCATAATA5040
 ACTGTAGAAA TGGCCCTAAA GCATGCTGCA TAATTAATAA TTTATATTTT CATTTATTA5100
 AGTGTTTATA TT

Name: 3 Len: 360 Check: 1EBA
 GGCACGAGGC ATAGGGCTCG GCGTGCTTTC ADAGGTGGTT TCTTGGGCAA GATGGGCCCA 60
 CTTTCAAGTA TTCTGGGATC AAGTTCAAGT GCTTTGAATT TGTATTGTTT CAATTTCTG3120
 AGCTCTTCAG CTTCCAGCTC TGCTGTACTT TTGAGGTCA CAGCCCTGTC ACGGTGTTG3180
 TTTTTCAGTA CAGGAGTCTG TGGGTCTCTG CAAATCTTGG TCACAGAA3A TTTGGAGGGT240
 AACAGGTTAA TATCATCTT CTTGCTCTCT CAAATGATAT CTGTTAGGGT TTCSTTTAT3300
 GAACTCTTCA ACTTGTCTGT CAAGGTGGGC ACATNATGTA GAAACTGTTT CANCAATGT3360
 Name: 30 Len: 477 Check: 1EA7
 CCAGTGTCTT AGTTACATTA ATGAGAACAG AAACATAAAC TATGACCTAG GGGTTTTCT31 60
 TGGATAGCTT GTAATTAAGA ACGGAGAAAAG AACCAACAAAG ACATATTTTCT CAGTTTTTTTT120
 TTTCTTTACT TAAACTCTGA AAACAACAGA AACTTTGTCT TCTACTCTT ACATTTCTAAA130
 CCGATGAAAT CTTTAAACAGA TTCACTTTA AATATCTACT CATCATTTCT TCTCTCAGAG240
 TCTAGCTTG AGTTGCACTG CATGTATCNT GTGCATCTTG TTCTCTCAT TTAATGCTGT300

ACTGTTTCTG TGAAGTCTGA GGAAGTATCT TGAGAGATGT AATGAAAGA AAGCGTGGT360
 TTAATTCGCG TACTGCTTAA GAGAGTANTT TCATAATCAA TGATGAGTTC ATAGAGAAAC120
 TAASTTTTAT GAACCTGAGC TCTTTTATGG TTAATACGAC TAAGCAAGAA TNGA3GG 177
 Name: 100 Len: 4834 Check: F35

GATGTGAGC	TGSGGTCCCT	GCAASTCATG	AAACAAAACGA	GAAAGATTAT	GGAAACATGG3	60
GGGSCCACT	TCATCAATGG	CTTTGTGACT	ACACCCATGT	GCTGCCCCCT	ACGCTCCTCC	120
ATGTTTACTG	GGAGTATGT	GCACAATCAC	AATGTCTACA	CCAACAACGA	GAACTGCTCT	180
TCCCTTTGCT	GGCAGGCTAT	GCATGAGCT	CGGATTTTGT	CTGTATATCT	TAACAAACAT	240
GGCTAAGAA	CAGCTTTTTT	TGGAAATAC	CTCAATGAAT	ATAATGGAG	CTAATCTCT	300
CCTGGTGGC	GAGAAATGGT	TGGATTAAAT	AAGAAATCTC	GCTTCTATAA	TTATCTCTT	360
TCTGTAAATG	GCATCRAAGA	AAAGCATGGA	TCTGATTATG	CAAAAGACTA	CTTACAGAC	420
TTAATTAATA	ACGAGAGCAT	TAATTACTCT	AAAATGTCTA	AGAGAATSTA	TCCCATAGG	480
CCCGTTATGA	TGGTGAATCAG	CCAGGCTGGC	CCCCACGGCC	CCGAGGACTC	AGCCCTCACAG	540
TTTTCTAAAC	TGTACCCCAA	TGCTTCCCAA	CACATAACTC	CTAGTTATAA	CTATGCACCA	600
AATATGGATA	AACACTGGAT	TATGCAGTAT	ACAGGACCAA	TGCTGCCCAT	CCACATGGAA	660
TTTACAAACA	TTCTACAGCG	CAAAAGGCTC	CAGACTTTGA	TGTCAGTGA	TGATTCTGTG	720
GAGAGGCTGT	ATAACATGCT	CGTGGAGACG	GGGGAGCTGG	AGAATACTTA	CATCATTTC	780
ACCGTTGAGC	ATGGTTACCA	TATTTGGTAG	TTTGGACTGG	TCAAGGGGAA	ATCCATGCCA	840
TATGACTTTG	ATATTTGGGT	GCCTTTTTTT	ATTGCTGGTC	CAAGTGTAGA	ACCAAGATCA	900
ATAGTCCAC	AGATCGTTCT	CAACATTGAC	TTGGCCCCCA	CGATCTGGA	TATTGCTGGG	960
CTCGACACAC	CTCCTGATGT	GGACGGCAAG	TCTTCTCTCA	AACTTCTGGA	CCCAGAAAAG1020	
CCAGGTAACA	GGTTTCCGAC	AAACAAGAGG	GCCAAAATTT	GGCGTGATAC	ATTCCTAGTG1080	
GAAAGAGGCA	AATTTCTACG	TAAGAAGGAA	GAATCCAGCA	AGAATATCCA	ACAGTCAAAT1140	
CACCTTCCCA	AATATGAACG	GGTCAAAGAA	CTATGCCAGC	AGGCCAGGTA	CCAGACAGCC1200	
TGTGAACAAAC	CGGGGCAGAA	GTGGCAATGC	ATTGAGGATA	CATCTGGCAA	GCTTGAAT1260	
CACAGTGTGA	AAGGACCCAG	TGACCTGCTC	ACAGTCCGGC	AGAGCAGCGG	GAACTCTAC1320	
GCTCGGGCT	TCCATGACAA	AGACAAAGAG	TGCAGTTGTA	GGGAGTCTGG	TTACCGTGGC1380	
AGCAGAGGCC	AAAGAAAGAG	TCAACGGCRA	TTCTTGAGAA	ACCAGGGGAC	TCCAAAGTAC1440	
AAGCCAGAT	TTGTCCATAC	TGSCAGACA	CGTTCCCTGT	CCGTCCGAAT	TGAAGGTGAA1500	
ATATATGACA	TAAATCTGGA	AGAAGAAGAA	GAATTGCAAG	TGTTGCAACC	AAGAAACATT1560	
GCTAAGCGTC	ATGATGAAGG	CCACAAGGGG	CCAAGAGATC	TCCAGGCTTC	CAGTGGTGGC1620	
AACAGGGGCA	GGATGCTGGC	AGATAGCAGC	AACGCCGTGG	GCCCCCTAC	CACTGTCCGA1680	
GTGACACACA	AGTGTTTTAT	TCTTCCCAAT	GACTCTATCC	ATTGTGAGAG	AGAAGTGTAC1740	
CAATCGGCCA	GAGCGTGGAA	GGACCATAAG	GCATACATTG	ACAAAGAGAT	TGAAGCTCTG1800	
CAAGATAAAA	TTAAGAATTT	AAGAGAAGTG	AGAGGACATC	TGAAGAGAAG	GAAGCCTGAG1860	
GAATGTAGCT	GCAGTAAACA	AAGCTATTAC	AATAAAGAGA	AAGGTGTAAA	AAAGCAAGAG1920	
AAATTAAAGA	GCCATCTTCA	CCCATTCAAG	GAGGCTGCTC	AGGAAGTAGA	TAGCAAAGT1980	
CAACTTTTCA	AGGAGAACAA	CCGTAGGAGG	AAGAAGGAGA	GGAGGAGAG	GAGACGGCAG2040	
AGGAAGGGGG	AAGAGTGCAG	CTGCTCTGGC	CTCACTTGCT	TCAAGCATGA	CAACAACCCAC2100	
TGGCAGACAG	CCCCCTTCTG	GAACCTGGGA	TCTTCTGTG	CTTGCACGAG	TTCTAACAAAT2160	
AACACCTACT	GGTGTTTTGG	TACAGTTAAT	GAGACGCATA	ATTTCTTTT	CTGTGAGTTT2220	
GCTACTGGCT	TTTTGGAGTA	TTTTGATATG	AATACAGATC	CTTATCAGCT	CACAAATACA2280	
GTGACACCGG	TAGAAGGAGG	CATTTTGAAT	CAGCTACACG	TACAACCTAAT	GGAGCTCAGA2340	
AGCTGTCAAG	GATATAAGCA	GTGCAACCCA	AGACCTAAGA	ATCTTGATGT	TGGAAATAAA2400	
GATGAGGGA	GCTATGACCT	ATACAGAGGA	CAGTTATGGG	ATGGATGGGA	AGGTTAATCA2460	
GGCCCTCTCT	ACTGACAGACA	TCAACTGGCA	AGGCTTAGAG	GAGCTACACA	GTGTGAATGA2520	
AAACATCTAT	GASTACAGAC	AAAACTACAG	ACTTAGTCTG	GTGGACTGGA	CTAATTACTT2580	
GAAGGATTTA	GATAGAGTAT	TTGCACTGCT	GAAGAGTCAC	TATGAGCAAA	ATAAAACAAA2640	
TAAGATTCAA	ACTGCTCAAA	GTGACGGGTT	CTTGGTTGTC	TCTCTGAGC	ACGCTGTGCT2700	
AATGAGATG	GGCTCTGCTG	ACTCAGATGA	AGACCCAAGG	CATAAGGTTG	GGAAACACCC2760	
TCATTTGACC	TTGGCAGCTG	ACCTTCAAA	CTGCAATTTG	AACCGACCAA	CATTAACTC2820	
AGAGATGAAA	CTTGAATGGA	ATAACGACAT	TCCAGAAAGT	AATCATTTGA	ATTCTGAACA2880	
CTGGAAGAAA	ACCGAAAAAT	GGACGGGGCA	TGAAGAGACT	AATCATCTGG	AAACCGATT2940	
CAGTGGCGAT	GGCATACAG	AGCTAGAGCT	GGGGCCCCAGC	CCGAGGCTGC	AGCCCATTC3000	
CAGGCAACCG	AAAGAACTTC	CCAGTATGG	TGGTCTGGGA	AAGGACATTT	TTGAAGATCA3060	
ACTATATCTT	CCTGTGCAAT	CCGATCGAAT	TTGAGTTCAT	CAGATGTTCA	CCATGGGCA3120	
CTAGAAACAC	CGAAGTAATT	CCAGCATAGC	GGGGAAGATG	TTGACCAAGG	TGGAGAAGAA3180	
TCAGGAAAAG	GAGAAAGTCA	AGCACTAGA	AGGCACGGCC	TCTCTTCAAC	TCTCTCTGA3240	
TTAGATGAAA	CTGTTACCTT	ACCTAAACA	CAGTATTTCT	TTTTAACTTT	TTTATTTGTA3300	
AACTAATAAA	GGTAATCACA	GCTACCAACA	TTCCAAGCTA	CCCTGGGTAC	CTTTGTGCA3360	
TAGAGGCTAG	TGAGTATGTG	AGCAAGGGGT	GTGCACACGG	AGACTCATGG	TTATAATTTA3420	
CTATCTGCCA	AGAGTAGAAA	GAAAGGCTGG	GGATATTTGG	GTTGGCTTGG	TTTTGATTTT3480	
TTCTTTGTTT	GTTTGTTTTG	TACTAAAAACA	GTATTATCTT	TTGAATATCG	TAGGGACATA3540	

AGTATATACA TGTATATCCAA TCAAGATGGG TAGAATGGTC CCTTTCTGAG TGTCTAAAC3800
 TTGACACCCC TGTAAATCT TTCAACACAC TTCAACTCTG TGTAAATGA AGTTTTGATT2460
 CATTTTTTAA CACTGGAATT TTTCATATTC GTCAATTTTCA GTTAGATGAT TTTGCACTTT3720
 GAGATTAAAA TGCCATGTCT ATTTGATTAG TCTTATTTTT TTATTTTTTAC AGGCTTATCA3730
 GTCTCACTGT TGGCTGTCTAT TGTGACAAAG TCAAAATAAAC CCCCAGGAC GACACACAT3840
 ATGGATCACA TATTGTTTGA CATTAAAGCTT TTGCCAGAAA ATGTTGCTAT3 TGTTTTACCT3900
 CGACTTCTTA AAATCGATTA GCAGAAAGGG ATGCTTAATA ATGTTGCTGT TCAAAATATA3960
 TAAATAAGTA AACAAAATGA AGATTGCTGT CTCTCTCTGT GCTAGCTCTA AAAGGCTT3A4020
 TCATACATCA TACCTTTAAG ATTGCTATAT TTTGGTTAT TTTCTTACCA GAAGAAATGA4080
 ATCTAAAGAT CTTTTATTTT CATCTTTTTT GGTTTTTCTG GCATGACTAA GAAGCTTAAA4140
 TGTTCATAAA ATATGACTAG TTTTGAATTT ACACCAAGAA CTTCTCAATA AAAGAAATC4200
 ATGAATGCTC CACAATTTCA ACATACACCA AGAGAAATTA ATTTCTTAAC ATTGTGTT4260
 ATGATTATTT GTAAGACCTT CACCAAGTTC TGATATCTTT TAAAGACATA GTTCAAAAT4320
 GCTTTTGAAA ATCTGTATTC TTGAAAATAT CTTTGTGTGT TATTAGGTTT TTAATACCA4380
 GCTAAAGGAT TACCTCACTG AGTCATCAGT ACCCTCCTAT TCAGCTCCCC AAGATGAT4440
 GTTTTTGCTT ACCCTAAGAG AGGTTTTCTT CTTATTTTTA GATAATTCTA GTGCTTAGAT4500
 AAATTATGTT TTCTTTAAGT GTTTATGGTA AACTCTTTTA AAGAAATTT AATATGTTAT4560
 AGCTGAATCT TTTTGGTAAC TTTAAATCTT TATCATAGAC TCTGTACATA TGTTCAAAT4620
 AGCTGCTTGC CTGATGTGTG TATCATCGGT GGGATGACAG AACAAACATA TTTATGATCA4680
 TGAATAATGT GCTTTGTAAA AAGATTTCAA GTTATTAGGA AGCATACTCT GTTTTTTAAT4740
 CATGTATAAT ATTCCATGAT ACTTTTATAG AACAATTCTG GCTTCAGGAA AGTCTAGAAG4800
 CAATATTTCT TCAAAATAAAA GGTGTTTAAA CTTT 4834

Name: 301

Len: 4112

Check:

13B5

CAAGGCGGCT	CGGACTCGGT	CCGAGGTGGG	CGGGCGGGCG	GCGGCGGGCT	CGGCGGGGGG	60
CCCCGGGGGG	CGGGGGGGGG	CAGTACGCTG	CGGCGGGAAC	CACGCGGACG	CCAGGAGGCG	120
AGAGCAGGGG	GGCCACACTG	CCCAGGGGTC	GGCCCTCGGT	CCCGGGGCTC	GGAGCGCGCT	180
GGCTGCGCTG	GCTTTAATGG	CTGCTCGGGG	GAGCAGCGCC	TAGGGCTGGA	AAGCGGCTCT	240
GGCTCAGGAA	GTCAACCGAG	CAAGCCTCCT	TGGGGGCGGG	CGGCAACCGC	CGGCGGCGGG	300
TCCATGGGGG	CGCGCTCCCG	CCGGGCGGGG	CGCTGACCGG	GGACGCGCGG	GGCGGCTCGC	360
TGGCGGGGGG	CGCGTCCCGG	CCATGAACTG	AGCCCGCGGG	CCAGCCCCCG	GGCTGCTCGG	420
CGCGCGGCTT	TCTTCTCGCG	CCTCCTCCCG	CGGCGGCGGG	CGGGCGGGGG	TCCCGGGGGG	480
CTGGGGGGGG	CGGGGCTCGG	CGGCGGCGGG	GGCCCGGGGG	GGGGGGGGGG	GGCGGGGGGG	540
GGCGGGGGGG	TCCGGGCGGG	GCGGCTGAC	CATGAACCTA	CAGCAGCAGC	TGGCCAACTC	600
GGCTGCGATC	CGGGCGGAGA	TCCAGCGGCT	CGAGTGGGTC	CACCCCAACA	TCTACTCCAT	660
CTACGAGCTG	CTGGAGCGCG	TGGAGGAGCC	GGTGTCTGAG	AACCAGATCC	GGGAGCACCT	720
CATCGGCTAT	GAAGATGCCT	TGGTGAACAG	CCAGGAATGG	ACGCTGAGTC	GATCTGTCTC	780
GGAGCTCAAA	GTGGGAATTG	TGGGTAACTT	GGCCAGCGGG	AAGTCTGGCC	TGGTGCACCG	840
GTACCTGAGG	GGCACATATG	TCCAGGAGGA	GTCTCCGGAA	GGTGGCAGGT	TCAAGAAAGA	900
GATTGTGCTT	GATGGACAGA	GCTATCTGCT	GCTGATCAGA	GATGAAGGGG	GGCCCCGGGA	960
GGCGCAGTTT	GCCATGTGGG	TGGACGCTGT	TATATTTGTC	TTCAGCTTGG	AGGATGAAAT	1020
AATTTCTGAG	ACCGTTTACC	ACTACTACAG	TGCAATGGCC	AACATCGGA	ACACGAGCGA	1080
GATTCCTCTG	GTCTGTGGTG	GAACCCAGGA	TGGCATAAGT	TCTGCTAADC	CGAGGGTCTA	1140
CGATGACGGC	AGGGCGAGGA	AGCTCTCCAA	CGAOCCTGAA	CGGTGCACTT	ACTACGAGAC	1200
GTGTGCTACA	TACGGGCTGA	ATGTGGAGAG	GGTCTTCCAG	GACGTTGGCC	AGAAGATTGT	1260
TGCCACAAGG	AAGAAGCAGC	AGCTGTCCAT	AGGACCCCTG	AAGTCGCTAC	CTAATTCTCC	1320
CAGCCATTCC	TCCGTCTGTT	CGGCGCAGGT	GTCTGCCCTG	CACATCAGCC	AGACAAGTAA	1380
TGGAGGTGGG	AGTTTAAAGG	ACTATTCTTC	CTCGGTTCCA	TGGACTCCCA	GCATCAGCCA	1440
GAAGGAATTT	CGGATCGATG	TTCTCTCTAC	TGGCAACAGG	CGGACGCGCG	TTCCGAAGCA	1500
GTCTAAGGCG	CGGTCCAAAC	TGTTCAACCT	TGGGAAAGGG	AGCGAAGCGG	ACAAAGAGAA	1560
GAAGGGCTTG	GAGAGTGGTG	CGGACAGCAT	TGGGAGCGGG	CGAGGCACTC	CAATTAAGCA	1620
GGGCACTGCT	TGGAAGCGAA	GTGGCAAAAT	GTGAAATAAA	GAGTGGAAAA	AGAAATATGT	1680
TACCTGTGCT	GACAATGGCG	TGCTGACCTA	TCATCTCACT	TTACATGATT	ACATGACAGAA	1740
TGTTGATGCT	AAGGAGATTG	AGCTTCTGAG	AACCACTGCT	AAAGTCCCGG	GGAGAGGGCT	1800
AGCTGCACTC	ACGTGAGCCT	GGGCAACCAT	CTCCAGGCTT	AAAAACCAAT	GGCTATCCAA	1860
GGACATGAGC	AGTTTACACA	TCTCACCCAA	TTCAACACAA	GGGCTGGGTT	ACTCCGTATG	1920
CTCCAGGCGG	AGTATCTCCA	GCACCAACAG	CCCCAAGCTC	GACCCGCGCG	CCTCCCTCA	1980
CTCCAAACAA	AAGAAGCAAC	GAAGGAAGAA	AAGCACTAGC	AACCTCAAGG	CGGACGGGCT	2040
GTCCGGCACT	CTCAAGAAAC	AAGAAGAAAA	TTTTGAGTTT	ATCATTGTGT	CCCTCACTGG	2100
CTAAACATGG	CACCTTTGAG	CCACGACGTA	TGAGGAGGGG	GACGCTCTGG	TCCAAGCCAT	2160
CGAGAGGCGG	ATCTTGGGCA	GGTGGAGTCT	GTGGGAGAGC	AGCAAGAAAT	AGTCCCGGCT	2220
GACGAGGCGG	AGCGAGGCGA	TGGGCTCTCA	GTGGATCTGG	AACATGCGCG	GGAACTCCCA	2280
CTGTGTGAGC	TGGGAGACCC	AGAATCCCAA	CTGGGCGAGT	TTGAACTTGG	GAGCCCTCAT	2340
GTGCATCGAA	TGCTCAGGGA	TCCACCGGAA	TCTTGGGCACT	CACCTTTCCT	GAGTCCSAT	2400

TCTGGACCTG	GAAGACTGGC	CAATCGAGCT	CATCAAGGTG	ATGTCATCCA	CCGGGACGAA2460
GCTAGCCAAAC	AGCGTCTGTG	AAGAGAGTAG	CCAGGGGGGG	ACGAAACCAT	CCTAGACTC2517
CACAAGGSA	GAGAAAGAAC	GSTGGATCGG	TGCCAAGTAC	GAGCAGAAAG	TCTTCTCTGG2580
CCCGCTGAC	TGCACGGAGC	TGTCTCTGGG	CCAGCACCTG	CTGGGGGGCA	CCGCCGACGA2640
GGACCTGCG	ACGGCCATCC	TGCTGCTGGC	ACACGGCTCC	CGGGACGAGG	TGAACGAGAC2700
CTGGGGGAG	GGAGACGGCC	GCACGGCGCT	GCATCTGGCC	TGCGGCAAGG	GSAATGTGGT2760
CCGGGGGAG	CTCTTATCT	GGTACGAGCT	GGACGTCACG	GGCGGAGATG	CCACCGGAA2820
CACAGCTCTG	GGCTACGCCC	GGCAGGGCTT	CAGCGAGGAG	TGCATCGAGG	TCTTCTGCA2880
GTATGGCTTG	CCCGACGAGC	GCTTCTGTCT	CATGGGCAAC	CTTAACCTCT	CCAGGAGAA2940
CAATAACCTG	AACAACAGCA	GTGGGAGGCT	GCCCAACCAT	ATCTGAGGAA	CACTCTGTCT3000
CCCTTGTCTG	CCGCACCTGG	GACGGGGGAG	CCTCGCGGCA	TCTCTGCTCA	GAACTCGCAG3060
CAGCTGAGTC	CCGTCTCATC	CCCTCTCTCT	TCTTGGTGGC	CACCTCCCTC	CCGCCCACTCT3120
ACTCTCACCC	CAAAACAAAT	CACAAACCTT	GGACATCCCT	CAAGGGGGCA	AGAGGGGGCT3180
GGGAGACTGC	AGAAGTGGCT	CCTTTTCTAT	AACCTCCCTA	AACCAACACG	AGGAGAGAGC3240
GACGGGGCTC	GGCCCTTTGA	TGATAGCACA	TGGCGCAGGA	CCCTTGTCTT	GCTGGCACAA3300
GGGATGGGGA	CGCGAGGGGG	AGGGGAGGGG	AGGAACAAGG	AGAAGGGGCA	ACTTTCTCTA3360
ACTGGCAGTT	GAGCACATAG	TACATTTCCC	CTCTACCAAA	CGGAACACTT	GATTTCCTAT3420
TCTTCTCTGA	GGAGCTCGAC	GGCATAAAAT	AGAAGCAAGC	ACAGAGTTTG	TAGGTTTGA3480
AGCCCTATAG	ATGGTGTGTG	TCAAATCAGT	TGTAGCTAAT	CTGTCCAGGG	AGAATACTGG3540
CTTCATTACA	CTTGTACAGC	CGAGTTCTTC	CCGCATTACT	GCTGTTTAAAT	AGAACGTGAT3600
TAGTCATCGC	CGAGAAGAAA	GCATATTAGC	CGAGGAGGTA	GTCACGCGGC	ACGCGCGGCT3660
GATTGCCACG	ATGTGATTGC	AATACTCTTA	GAAGCACCAT	ATTATCCGAG	ACATGTTCTT3720
TCAAGCCCTT	GGAGCCCTCT	CTAAATTCAG	TGTCATCATT	TAGTATCTGT	TTAATTTTTC3780
AGTCCAAAGA	GAGGAAATCA	GTCGCTGAGT	ATTATTTGAC	TCCGGTCTCC	TTGGTGCAAA3840
AAACAAATGG	GAAAAATAAA	TAAGAATAAC	TCAGAAACTC	AAAAGGAAAC	CACAAATTC3900
CCTAATAATA	GCATTTCCAG	TATATTTCTG	AAACTAAGGA	AATACACAAA	AGGCTGTTTT3960
TTTCCGACTG	TAAGAGATAT	TTGATGTCTT	TTTGCCGAGG	TGGATGTGTT	AGTCTCAGGC4020
CCTCTCGAC	CACGTTGGCC	AAGTCACACA	GGCTTCTGTG	TTATGTATTT	AGATAAGATG4080
TGTGAAATA	TATTTGAATA	AAAGAAGTTC	AT		4112

Name: 302 Len: 1096 Check: 238D

GGGGGAGCAC	TAGCAGCAGC	CGGAGTCGGG	GGAAAGCACC	CGGGGCGAGC	CGGAGCCGGT	60
GCCGCGAGTG	CGATGGCCGT	GGCCGTGGGG	AGACCGTCTA	ATGAAGAGCT	TCGAAACTTG	120
TCTTTGTCTG	GCCATGTGGG	ATTTGACAGC	CTCCCTGACC	AGCTGGTCAA	CAAGTCTACT	180
TCTCAAGGAT	TCTGTTTCAA	CATCCTTTGT	GTTGGTGAGA	CAGGCATTGG	CAAATCCACG	240
TTAATGGACA	CTTTGTTCAA	CACCAAATTT	GAAAGTGACC	CAGCTACTCA	CAATGAACCA	300
GGTGTTCGGT	TAAAAGCCAG	AAGTTATGAG	CTTCAGGAAA	GCAATGTACG	GCTGAAGTTA	360
ACCATTGTTG	ACACCGTGGG	ATTTGGAGAC	CAGATAAATA	AAGATGACAG	CTATAAGCCG	420
ATAGTAGAAT	ATATTGATGC	CCAGTTGGAG	GCCTACCTGC	AAGAGGAATT	GAAGATTAAA	480
CGTTCTCTCT	TCAACCACTA	TGACACGAGG	ATCCATGCTT	GCCTCTACTT	TATTGCCCTT	540
ACTGGACATT	CACTAAAGTC	CCTGGATCTG	GTCACCATGA	AAAAGCTGGA	CAGTAAGGTG	600
AACATCATTC	CAATAATTGC	AAAAGCTGAC	ACCATTGCCA	AGAATGAACT	GCACAAATTC	660
AAGAGTAAGA	TCATGAGTGA	ACTGGTCAAG	AATGGGGTCC	AGATATATCA	GTTTCCCACT	720
GATGAAGAAA	CGGTGCGAGA	GATTAAAGCA	ACAATGAGTG	TCCATCTCTC	ATTTGCACTG	780
GTGGGCAGCA	CGGAAGAGGT	GAAGATTGGC	AACCAAGATG	CAAGGGCCAG	GCAGTACCCC	840
TGGGGTGTGG	TGCAGGTTGA	GAATGAAAAAT	CATTGCGATT	TTGTGAAACT	TGCAGAGATT	900
CTGATCGCGG	TGAACATGGA	GGACTTGTGA	GAGCAGACTC	ACACCGGCGA	CTATGAATTG	960
TACCAAGCTG	TAAGCTTGAA	GAGATGGGGT	TCAAGGACAC	TGACCGTGAC	AGCAAAACCT	1020
TCACTCTTCA	GGGGACATAT	GAAGCAAAAA	GGAATGAATT	CCTGGGAGAA	CTGCAGAAAA	1080
AAAAAATAAA	AAAAAA					1146

Name: 303 Len: 4873 Check: 16D0

GAAGCGAATG	TGATTCTTCC	CCAGAACTGA	AAGCTTTTGC	TCAGACTCTT	AGGCGGAGGA	60
GTGGTTTCTC	ATCATCTCCA	GAGCTCAACT	ACAAGTGTCT	TACCCCCGAG	AGAGAAABAA	120
CGGGGTCAAG	ATCATAGATT	GATCAGAAAA	CTGTGGGTCC	GACTCCCTCT	GGGCGAGAGAA	180
GTGGTTGGGG	ATCTCTCTCA	GAAGTTGATG	TGAAACCCAG	TGCATCCCTT	CAGGAAAGAA	240
GTGAGTCAAG	CTCTTCTCCA	GATTCTAAAG	CCAAGACACG	AACCCCACTT	CGGCGAGAGGA	300
GTGGGTCTGG	ATCATCTCCA	GAGGTTGACA	GCATAATCTG	ACTATCCCTT	CGGCGCAGTA	360
GGTCTGCTTC	CTCCCTTGAA	GTGAAAGATA	AGCCAAAGAG	AGCACCCAGG	GCACAGAGTG	420
TTCTGATTC	GTCTCTCTGA	CTTAAAGCTC	CAGCCCTCTG	GGCCCTTCCC	AGAGGAAGCA	480
GATCAGGTTT	ATCAAGCAAA	GGCAGAGGCT	CTTCTCTCTG	AGGAAGCAGC	AGTACCGAGT	540
CTCTCTCTGA	ACATCCGCCC	AAATCCAGAA	CTGCTCGCAG	AGGTTCCAGG	TCATCACCAAG	600
AGCCCAAGAC	CAAGTCTCTT	ACACGACCTC	GACSTCGCAG	CTCTCGATCA	TCTCCGAGGC	660
TAACAAGGAA	GGCCAGAGTG	TCCCGTAGAA	CCCGCTCTGC	CTCATCTCTA	CCAGAAACTC	720
GCTCTAGAAC	TCCCCCAAGG	CACCGGAGAA	GTCCCTCAGT	GTCTTCCCGG	GAGCCAGCCG	780

AAAAATGAG GTCTTTACGG CGACGGGGGT CAGCTTCATC TCGACGCACT AAGACAACCT 840
CAATGAGAGG CTGCTCTCTT TCGGCAAGAG CTCTTGGAAT CTABAGGTCC CGTTCCCGCT 840
CAAGGAGAGA GAAAACAAGA ACAACCCGAC GTGAGATAG GTTGGATCT TCTCACTCAA 840
CTTCTCGGGG AAGACAGGG AGCCGGTCAA GGTGCGGGT TACTCGGCTG CGGAGGGGAG1020
GTCTTGTTTA TCACTCAAGG TCACCTGCCG GGCAGSAAAG TTCCCGGATT TCCTCTGAC1030
GTGAAAGAG GCGCTCTCGG ACACCCCGAA CCACTCGGAA GCGTTCTGCG TCACGCACAT1140
CAATGAGAGG GTGAAAGAG TCTAGATCTC GAGCTCTGCG AGCTACTCAT CGGCGATCCA1200
GTAAAGGAGG AAGGTTGAG ACTTCACTGA CTGAGAGAG ATCTCGGTGA AGAGCATPCC1300
CACTGAGAGG AAGGCGATCC AGATCCAGAA GCGCACCACT AAGCGCGCTT CGTTCAAGGT1340
CTAGAAAGG AACAACAGCG CGCGGCTCCG GTTCTAGAAG TCAACCACTG ACTCGCAGAA1440
GCTTCAGATC CAGGACTCCA CCACTAACCA GGAGGCGATC TCGAAGCASA ACTTCGCTA1500
TCACTCGCAG AAGATCAAGA TCCAGAACAT CTCCGGTCAC CGGAAGSAGA TCTCGATCTC1560
GCACATCTCC AGTAACTCGA AGAAGGTCCG GCTCTCGAAC CTGACCACTG ACACGCCGCC1620
GCTCTAGGTC CCGGACACCT CCAGCTATTC GCGCGCGCTC TAGATCTGSA ACGCCACTGT1680
TACCAAGGCA AAGTTCTCGA AGTCGCTCAC CACTTGCTAT CGCGCGCTCC TCCAGATCCC1740
GCTCTGAGG AACAGCTCGG GGTAAACGGT CTTTAAACAAG ATCTCTCTCA GCCATCCGCA1800
GCTCTGAGG ATCTGGAAGT AGTTCTGATC GTTCACTGAT TGTACTCTCT CCGCAACAA1860
GAAATCATTC TGGTTTACGG ACACCTCCAG TAGCACTCAA CAGTTCCASA ATGAGCTGCT1920
TCACTGCTCC TAGCATGTCC CCAACACCTC TTGATCGCTG CAGATCACCT GGAATGCTTG1980
AAGCGCTTGG CAGCTCTAGA ACACCCATGT CTGTCTGCA GCAAGCCGCG GGCTCCATGA2040
TGGATGCTCC AAGTCCCCGA ATACCTGACC ACCAGAGAAC ATCTGTGCTA GAAATCATG2100
CTCAGTCCAG GATTGCACTT GCCCTGACAG CTATCAGTCT TGGCACCGCT CGGCTCCTC2160
CTCTCATGTC TGCTGCTGGC CTTGCTGCAA GAATGTCCCA GGTTCAGGCT CGGCTGCTC2220
TCACTGAGTC CAGAACCGCA CCAGCAGCCA ACCTTSCCAG CAGGATCTCT GCAGCTCTG2280
TGGCAGGCAAT GAACCTAGCC AGCGCCAGGA CACTGCCAT TCGAACAGTA GTGAACCTGG2340
CTGATCTCTG AACGCCAGCT GCAGCAGCGG CCACTGAACCT GGCAGGCCCG AGAACAGCGG2400
TGGCAGCTTC GGCTGTGAAC CTGGCTGACC CTGCGACTCC CACAGCCCCA GCTGTGAACC2460
TAGCAGGGGC CAGAACCCCA GCTGCCTTGG CAGCTCTGAG TCTCACAGGC TCTGGCACAC2520
CAACCAACTG TGCAAACTAT CCCTCCAGCT CCAGAACACC ACAGGCTCCA GCCTCTGAA2580
ACCTGCTGGG TCCTCGGTCT GCACATGCCA CAGCTCTCTG GAATATTGCC GGCTCCAGAA2640
CGCGCGGAGC CTTGGGCCCC AGGGTGCCCC TTTCTGCCTA CGAGCTGTCT AGTGGCAGAA2700
GTGCAAACTT CACCAAGCCC CGAGCTAGGT CCAGAACACC ACCGTCTGCC CCAAGCCAAT2820
GCTCACCAAC GCTCCTTGAC CGAGCTAGGT CTTCTCTAG AATGGGCCAG GCTCCTTAC2880
CTAGGATGAC CTCTGAACGG GCTCCCTCCC CTTCCTCTAG TGTGCTTCT GCTTTTTCAG2940
AGTCTCTTCT CCTCTAGCA CAGGATCAGC CGAGGTCTCC TGTGCTTCT AGGCTCTCAG TCCCTTTCT3000
AACAATGCGG TTGTTTGATT GCCCAGACCA CCGCTGTAGC AGGCTCTCAG CATGGCATG CTCTCTGTCC3060
CTGGGCGAGT GGCAACGACC TCTGATGTGG GGGAGGCCAC TGCTCTTACT TGGGCGCAG3120
CTGGGCGGTC GGTGCCCCAC TCTGATGTGG GGGAGGCCAC TGCTCTTACT TGGGCGCAG3180
AGCTTCTGTC ATTAGCGGCC CTGCAGCTAG CAAAGGAGCG GCTGCTCTCT TCTCTCTG3240
GCTGCTCTCT TAGCTCTCTC TACTCTTCTC CATGCTGCTC GCTTCTCTGT GCTTCTCTG3300
AGGAGGTCCT CAGCGCCGAC CCAGCCCTAA AGGAGGCTGT TCGAGAGGGA GCTCTCCGG3360
AGGCAAGGCT AGGCAAGGCT AAGAGGCGCT CTAGCAGTTC CAGTTCTAGC TCTCTCTCT3420
GATCTGCTCT CTCTCTCTCT TCCTCTCTCT CTCTCTCTCT CTCTCTCTCT TCTTCTCTCT3480
GCTCTCTCTCT TCTCTCTCTCT TCTCTCTCTCT TCTCTCTCTCT TCTCTCTCTCT TCTCTCTCTCT3540
AGGCTTCTGTC CAAACCTGCA AGCCCAAGA AGCCCAAGCC TGGGAGGCGG AGGTCCCGCA3600
GCGGCGGAGG GCAATAGAC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG3720
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG3780
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG3840
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG3900
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG3960
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4020
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4080
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4140
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4200
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4260
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4320
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4380
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4440
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4500
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4560
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4620
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4680
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4740
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4800
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4860
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4920
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG4980
AGGCTTCTGTC TCCCTCAGGG ACTCTGCTC CCAAGGAGCG AGCAGTGAAG5040

Name: 304 Len: 9027 Check: 13E4
GCGGCGGAGG CGGGGTGCGA GTGGCGCACT CGGAGCCCGT TCGGCGGCT GAGGAAGCGA 50
GGAGGCTGTC GCTCTGCTG AGGCGGGCGG ACCGCGGAGG CGAGGCGGCG GCGGCGGCG 120

GAGAGGACTC GGGATGTCGA GCAGGCGGCGG CTGCAAGACC TCTCCCCCTC GGAGGCGGCG 180
 GGGGAGGCG GCAGGAGCGG TGGTGGGCGG CTGGGCGGAG GGGGATGTA CAAGGCGATC 190
 GGGGTTGCGA GGGTGTGGGG GAGGGGCGATC AACGGGCTAG TGGAGGCGAA GGTGTGGGTC 200
 GTGGGGGGGCT GGGGGGGTGA GCGGGGCTGAG TACAAGGGAG AGGAGGAACT GGGGGGGGTC 210
 GAGGTTGGCG TGGTGAAGCG GCTAATGCT GACATGCTGG ACCAGGAGCG CAGGGGGGCG 220
 GTGGAGCTGT GATGGGCTGA GCTGGGAGGAG ATGATGGAAG AGCAGGGGTA GAGGGAACAG 230
 CAAATTCAGG AAAAGTGGG GAGGTTTGA CTGATGTTGC TGGAGAAGGA TGTGAAGGCT 240
 GGGGGTAAAG AGGAGAGCGG AGGGGAGAGG CAGAGGCTCA CTAGTTGGCA 250
 GAAATTAATG AGAAGAAGAA TGAAGAGACT GGTGTGTGCT TTGGGATGAG TGATTTTAC 260
 GTAGATGGCA GGTTTTTTGA TCTTCAGGCT GGTGGGCGAG AAGCTAAACA ACCAGGCTCT 270
 GAGGCTGGCA AACCTTACAG GCTTGTTCGG GAGTCTAGCA GTTCTGGCTC ACCAAGCGCA 280
 AAGGAGAGGA AGAAGAAAAA GAAGAAAGAT AGAGGACGCA GGTGAGAGAG CAGGCTCTCT 290
 CGAGGGGAGA GAAAGAAAAA CTCAAAGAAG AAGAAGCACA GGTGAGAATC TGAGTCCAG 300
 AAAGCTAAGC ATAGGTCTCC CACTCCAAAG AGCAAAAGTA AATCTAAGGA CAAAAAGCA 310
 AAGGGTCTTC GAAGTACAAC ACCAGCGCCC AAGAGCGGCC GGGGCCACCG TTCAACTTCT 320
 GGTGACTCTG CTTCTCTCTC CGATCTCTCC CGCAGTGGGT CTCGAAGTGC TGCAGCTAAA 330
 ACTGATACAA CTGGCTTGGC TGGGCGAAGT CTTTCCCCTG CTTCAGGGCG AGCGGGGAG 340
 GGAGATGGCT TTTTCACTGA ACCAGGTAAT ACCAGGACAC AACGGGCTAG TAGGGGAG 350
 ACTGCTAGCA AACAGGCTAG CAGGCGCTTAT GAAGACAAAG ATAAAGACAA GAAGGAGAAA 360
 TGTGCAACTC GAGCTAGGCG CTCTCCGGAA AGGAGGAGCA CAGGCGGAGA ACCAGCTGCT 370
 CCCACTCGCG TCCTTGCTGA GCGACATGGC GGCTCCCCAC AACCCCTTGC AACCAAGCCC 380
 TTAAGGCGAG AGGAGGTGAA CCCCCCATCT GAGGCTCTCT CAACTCGGGA CGGTTACCA 390
 CCTAAGTCTC CCGAGAAACT TCCCCAGTCT TCTTCTCTAG AGAGCAGGCG ACCATCCCTT 400
 CAAGCTAGCA AAGTTTCTCG GCATGCCAGC GCTTCCCCAG AAAGTCTTAA ACCTGCTCCA 410
 GCTCCAGGGT CCCAGCGAGA GATTTCTTCT TCTCCACAT CTAAGAATCG CTCACATGGC 420
 CGAGGAAAC GGGATAAATC ACATTCTCAT ACCCCCTCCC GTAGGATGGG GAGGTCCTGT 430
 AGGCTGCGCA CCGCTAAGAG AGGGCGATCT CGGTCTCGAA CCCCTACCAA GAGAGGTCT 440
 TCTCGATGCG GATCTCCCCA GTGGCGTAGG TCCAGGTCTG CACAGAGGTG GGGAGATCT 450
 AGAAGCGCGC AGGAGGCTGG CCGCTCTAGG TCTCTCTAGC GACCAGGCTG GTCTAGGAGC 460
 AGAATATCCC AGAGAAAGAG CAGGTCTAGG TCAGCAAGGC GAGGGAGGTC CCACTCTAGA 470
 TCCCCAGGCA CTAGGGGTAG ATCTCGTTCT AGAACACCG AGAGGAGGTC CCACTCTAGA 480
 TCTAGAACAC CTGCCAGGCG GAGATCAGCA TCCAGAATC CCACCAGGCG TAGGTCTCGG 490
 TCTAGAACAC CAGCGCGGAG GGGCAGGTCT CGGTCTAGAA CACCTGCTAG GCGCAGATCT 500
 AGGACCCGAT CACCACTAGC ACGCAGGTCT CGTAGTAGAT CACCAGCCAG GAGAAGTGGC 510
 AGGTGACGCT CTAGAATCCC AGCTAGACGT GGCGGCTCAC GCTCCAGAAC CCCAGCTAGA 520
 CGTGGGCGCT CAGGCTCTAG AACCCAGCT AGAGGCACTG GTCGCTCAGC CTCCAGAAC 530
 CCAGGCGAGG GAGGGAGGTC TCGGTCTAGG ACACCAAGAC GAGGAAGATC CCGCAGTAG 540
 AGCTTAGTTA GAGGTGGAAG ATCTCACTCT AGAACACCTC AAAGAAGAG GAGATCTGGC 550
 TCATCTTCAG AGCGGAAAAA CAAATCCAGA ACATCTCAAA GAAGAAGCAG GTCCAATTCA 560
 AGCGCAGAAA TGAAGAAATC TCGCATTTCT TCAAGGCGGA GCAGGTCTCT CTCTTCACCA 570
 CGGTCCAAAG CAAATCTCTG CTTGTCTTTG AGGGCGAGCC TTTCAGGCTC TTCCCATGCT 580
 CTTAAGCAAA AGTCAAGAGC ACCACCCAGG CCGAGTGGCT CTGGATCTCT CTAACCTAAA 590
 GCTAATCTTA GAAGGCTACC CAGAGGCACT CGGTCCAGTT CTTCTCGGCT ACCTAAGCAG 600
 AAATCTAAGA CACCATCAAG ACAAGTCTAT TCCAGTTCAT CTCTCTATCT TAAAGTGA 610
 TCTGGAACAC CACCGAGGCA AGGGTCCATA ACAAGTCCCC AGGCCAATGA GCAATCTGTA 620
 AGGCTACAGA GACGGAGGTC TTTGAATCA TCAGCTGACC CTGAGTTGAA ATCTAGGACC 630
 CCTTCTAGAC ATAGCTGCTC AGGTTCTCTT CAGCTCTAGG TGAAATCTAG CACCTCTCT 640
 AGAGAGAGCG CATCTAGGTC ATGATCTCCA CAAGCCAAAG TGAAGGCAAT AATATCA 650
 AGACAAAGAA GGCATTCTGG CTCTCTTTCT CCAAGTCTTA GTAGGGTGAC GTGAGAGACA 660
 ACTTCTAGGC GAAGGAGATC ATATCTCTCC TGGTCAATG TGAATCTAG ATTGTGCT 670
 AGATACAGTC ATTCTGGGTC TCTCTCAACA GATACAAAG TGAAGGCTGA AATCTGCT 680
 AGACAAAGTC ACTGAGGCTC TATTTCACTA TACCCCAAG TAAAGGCTCA AATCTGCT 690
 GGGGCAAGTC TTTCTGATC AAGGTCACCA TGTCCCCAAG AGAAGTCTAA AGACTCTTA 700
 GTTCAAGGTT GCGCTGATC CTTCTCTCTC TGTGGAGGAG TAAATCTAG CACAGGCTCA 710
 GGGGAGAGCT ATTTTGTGT CTGATCTCTG CAACTGAAAG GACAATCTCA AATTTCTA 720
 GAGGAGAGAT CTGATCTCTC AAGTCCAGAA GTGAGACAGA GTCATCTAGA ATCACTAT 730
 CTGAGAGGCA AATCTTAAAC ATCACTAAG GAGGTCGGT CCAGGTCTTC ATCTCACT 740
 ACTGAGGCTG CATGAGATC TCCAATAAGA CAAGATAGAG GTGAGTTCTC AGGAGTCT 750
 ATGTTGAAAT CTGGAATGTC TCTGAGGAG AGGAGGTTCT AGTCTGACTC TTCTTCAT 760
 CTTAGAGTGG ACTGGAATTC TCTGAGGAG CAGAGTAGAT TGGAGACTGC TGAATCAAAA 770
 GAGAAAAAGG CCTTACCCCTC TTAGGAGGAT GCTACTGCTC CACTCTCTAG ACAGAAAG 780
 AAATTTAGTC CCTTTCCAGT ACAGGATAGT CTTGAGTCTT CACTGGTATT CAAAGAGACA 790
 CTTAGAACCC CCGCAAGAGA AAGAAGTGCT GCTGGGTCAT CTCAGAAAC AAAAGAGCAA 800

AATAATGCAAT	TGGCTACGTC	AAGCJAAGAT	GAAGAGTTAA	TGGAGGTGST	AGAGAAGTCT3860
GAAGAAACCG	CAGGSCAAAAT	CGTGTCTCAT	TTTCTCTTCAG	AACTTAAABA	AATGTCCACA4000
AGTAACTTTG	AATCATCTCC	TGAAGTAGAA	GAAAGGCGTG	CTGTGTCTTT	GACTCTTGTAT4080
CAGAGCCAGT	CACAGGCTTC	TTTGGAAAGCA	GTAGAAGTCC	CTTCAATGSC	CTCATCTTGG4140
GGTGGSCCAG	ATTTTCTCTC	A3AACATAAA	GAAGTGTCTA	ACTCCCCAST	CAGGGAGAAAC4200
AGCTTTGGAT	CACCTTTAGA	ATTAGAAAAC	TCAGGCCCCAC	TTGGTACAGA	AA7GAATACT4260
GGATTTTCTT	CTGAGGTTAA	AGAAATTTTG	AATGGACCGT	TTCTTAATCA	GCTGGAAACA4320
GATCCATCTC	TAGACATGAA	AGAAACAATC	ACAAGATCCT	CTGGACACAG	CAGTTCTGAG4380
TTATTTCCAG	ATTCAGTGG	AAAGSCAGGG	ATCTCTTCAA	ATCAGAGCAT	CTCTTCACT4440
GTGCTTATAT	CTGTACCCAG	AACAACCTCG	AGAGAAAAGAA	GTAGTTCTGC	ATCTTCTCCT4500
GAAATGAAAG	ATGCTTTTAC	CAGAACTCCA	TCAAGGAGAA	GCAGGTCTGG	GTCTTCTCCA4560
GGACTTAGAG	ATGCTCTCTG	GACTCCTCTG	AGGCACAGCC	TGTCTGGGTC	CTCTCCTGGA4620
ATGAAGAGATA	TACCTAGAAC	GCCATTTAGA	GGGAGAAAGCG	AATGTGATTC	TTCCCCAGAA4680
CCGAAAGCTT	TGCTTCAGAC	TGCTAGGCGG	AGGAGTCGTT	CTCCATCATC	CCCAGAGCTC4740
AACAACCAAGT	GTCTTACCCC	CCAGAGAGAA	AGAAGCGGGT	CAGAATCATC	AGTTGATCAG4800
AAAACCTGTG	CTCGGACTCC	CCTGGGGCAG	AGAAGTCGTT	CGGGATCCTC	TCAAGAACTT4860
GATGTGAAAC	CCAGTGCATC	CCCTCAGGAA	AGAAGTGAGT	CAGACTCTTC	TCCAGATTCT4920
AAAGCDAAGA	CACCAACCCG	ACTTGGGCG	AGGAGTCGGT	CTGGATCATC	TCCAGAGGTT4980
GACAGCAAAAT	CTCGACTATC	CCCTCGGCGC	AGTAGGTCTG	GTTCCTCCCC	TGAAGTGAAA5040
GATAAGCCAA	GAGCAGCACC	CAGGGCACAG	AGTGGTTCTG	ATTCCTCTCC	TGAACCTAAA5100
GCTCCAGCCG	CTCGGGCCCT	TCCCAAGCA	AGCAGATCAG	GTTCAATCAAG	CAAAGGCAGAA5160
GGCCCTTCTC	CTGAAGGAAG	CAGCAGTACC	GAGTCTCTCT	CTGAACATCC	GGCCAAATCC5220
AGAACTGTCT	GCAGAGGTTT	CAGGTCTATC	CCAGAGCCCA	AGACCAAGTC	TGTACACCA5280
CTCTGAGCTC	GCAGCTCTCG	ATCATCTCCG	GAGCTAACAA	GGAGGGCCAG	ACTGTCCCGT5340
AGAAAGCGCT	CTGCTCATC	CTCAGCAGAA	ACTCGCTCTA	GAACCTCCCC	AAAGCACCCG5400
AGAACTCCCT	CAGTGTCTTC	CCCGGAGCCA	GCCGAAAAAT	CGAGGTCTTC	ACGCGCAGCG5460
CGCTCAGCTT	CATCTCCACG	CACCTAAGACA	ACCTCAAGGA	GAGGCCGCTC	TCCTTCGCCA5520
AAGCCTCGTG	GACTCCAGAG	GTCCCGTTCC	CGCTCAAGGA	GAGAGAAAAC	AAGAACAACC5580
CGACCTCGAG	ATAGGTCTGG	ATCTTCTCAG	TCAACCTCTC	GGCGAAGACA	GGGAGCCCGG5640
TCAAGGTCCG	GGGTACTCTG	GCGGCGGAGG	GGAGGCTCTG	GTTATCACTC	AAGGTCACTC5700
GCGCGGCGAG	AAAGTTCCCG	GACCTCTCTT	CGACGCCGAA	GAGGCCGCTC	TGGACACCC5760
CGAACCAGTC	GGAAGCGTTT	TCGCTCAAGC	ACATCACCCAG	CCCCGTGGAA	ACGCTCTAGA5820
TCTCGAGCCT	CTCCAGCCAC	TCACCGGCGA	TCCAGGTCCA	GAACCCCCCT	GATAAGCCGA5880
CGTAGGTCCA	GATCTCGAAC	TTCACCAATC	AGCCGGAGAC	GGTCAAGGTC	CAGGACTTCA5940
GTGACTCGAC	GAAGATCCCG	GTCAAGAGCA	TCCCCAGTGA	GCAGAAGGCG	ATCCAGATCC6000
AGAAAGCCAC	CAGTAACCCG	CCGTCTTTCA	AGGTCTAGAA	CGCCACAAC	ACGCCGCCCG6060
TCCCGTTCTA	GAACCTCCAC	AGTGACTCGC	AGAAGGTCCA	GATCCAGGAC	TCCACCAAGTA6120
ACCAAGAGGC	GATCTCGAAG	CAGAACCTCG	CTTATCACTC	GCAGAAGATC	AAATCCAGAA6180
ACATCTCCGG	TACCCCGAAG	GAGATCTCGA	TCTCGCACAT	CTCCAGTAA	TGGAAGAAGG6240
TCCCGCTCTC	GAACCTCAC	AGTGACACGC	CGCCGCTCTA	GCTCCCGGAC	ACCTCCAGCT6300
ATTCCGGCGC	GCTCTAGATC	TGGAACGCCA	CTGTTACCA	GCAAACGTTT	TGGAAGTCGC6360
TCCCACTTTT	CTATCCGCCG	CCGCTCCAGA	TCCCGTACTC	CACGAACAGC	TGGGGGTAAA6420
CGGTCTTTAA	CAAGATCTCC	TCCAGCCATC	CGCAGGCGTT	CTGCATCTGG	AAGTAGTTCT6480
GATGCTTCAC	GATCTGCTAC	TCCCTCAGCA	ACAAGAAATC	ATTCTGTTTC	ACGGACACCT6540
CCAGTAGCAC	TCAACAGTTC	CAGAATGAGC	TGCTTCAGTC	GTCTTAGCAT	GTCCCCAACA6600
CTCTTTGATC	GCTGCAGATC	ACCTGGAATG	CTTGAACCCG	TTGGCAGCTC	TAGAACAACG6660
ATGTCTGTCC	TSCAGCAAGC	CGGCGGCTCC	ATGATGGATG	GTCCAGGTCC	CGGAATAACT6720
GACCAACGAG	GAACATCTGT	GCCAGAAAAT	CATGCTCAGT	CCAGGATTGC	ACTTGCCCTG6780
ACAGCTATCA	GTCTTGGCAC	CGCTCGGCTT	CTTCCTTCCA	TGTCTGCTGC	TGGCTTGTCT6840
GCAGAAATGT	CCCAAGTTCC	AGCCCTCGTG	CTCTCATCA	GTCTCAGAAC	CGCAACGAGA6900
GCAGAACTTG	CCAGCAGGAT	TCTTCAGCC	TCTGCGGCA	CCATGAACCT	AGCCAGGCGC6960
AGGACACCTG	CCATTCCAAC	AGCAATGAAC	CTGGCTGACT	CTCGAACGCC	AGCTGCAGCA7020
GGGGCCATGA	ACTTGGCCAG	CCCCAGAAAC	GCGGTGGCAC	CTTGGGCTGT	GAACCTGCT7080
GACCTCTGCA	CTCCACAGC	CCCAGCTGTG	AACCTAGCA	GGGCCAGAAC	CCCAGCTGCC7140
TTGGCACTCT	TGAGTCTCAC	AGGCTCTGGC	ACACCAACAA	CTGCTGCAAA	CTATCCCTGC7200
AGCTTCAGAA	CACCAAGGCG	TCCAGCTCTT	GCAAACTGG	TGGGTCTCTG	GTCTGCACAT7260
GCCACAGCTC	CTGTGAATAT	TGCCGGCTCC	AGAACCCTCG	CAGGCTTGGC	CCCGCGCAGC7320
CTCAGCAGTG	CTAGGATGGC	TCCAGCATTG	TCTGGTGCAA	ACCTCAGCAG	CCCCAGGGTG7380
CCCCCTTTCT	CCTACGAGCG	TGTCAAGTGG	AGAACTTCA	CACCGCTCCT	TGAACGAGCT7440
AGGTTCAGAA	CACCAACCGT	TGCCCAAGC	CAATCTAGGA	TGACCTCTGA	ACGGGCTCCC7500
TCCCTTCTCT	CTAGAATGGG	CCAGGCTCCT	TCACAGTCTC	TTCTCCCTCC	AGCACAGGAT7560
CAGCCGAGGT	CTCCTGTGCC	TTCTGCTTTT	TCAGACCAAT	CCCGTTGTTT	GATTGCTCA37620
ACCAACCCCT	TAGCAGGGTC	TCAGTCCCTT	TCTCTGCGG	CAGTGGCAAC	GACCACGTCCT7680

TTTGCTGGTG ATCACAATGG CATGCTCTCT GTCCCTGCCC CTGGGCTAGG CCACTCTGAT7740
 GTGGGGGAGG CACCTGCTCT TACTGGGGGC CAGCAGCCTT CTGCATTAGC CGCCTGCA67850
 CCAGCAAAGG AGCGGGGGAG TTCTCTCTCG TCGTCTCTCT CTTCTAGCTC CTCTCTCTCT7850
 TCATCATCTG CGTCTGCTCT CTCTCTCTCT TCTGGCTCCA GTTCTAGTGA CTCAGAGGGCT7920
 TCTAGCCTTC CTGTGCAACC TGAGGTGGCA CTGAAGAGGG TCCCCAGGCC CACCCCAAGC7980
 CCAAAGGAGG CTGTTCCAGA GGGACGTCCT CCGGAGCCAA CCCCAGCCAA ACGGAAGAGG8040
 CGCTCTAGCA GTTCCAGTTC CAGCTCTCTC TCTTCATCTT CTTCTCTCTC CTCTCTCTCT8100
 TCTTTCTCTT CTTCTCTCTT CTCTCTCTT TCTTCTCTT CATCTTCTCT CTCTCTCTCT8150
 TCTTCTCTCT CTTCTCTCTT TAACTCTCTT CTTCTCTCTT TCTTCTCTT TCTTCTCTCT8220
 AAGAAGGCCA CTTCTCTCTT GCGGAGGTCT CCGAGCCCTC GGAAGCCCAT AGACTCTCT8280
 AGGGACTCTC GGTCTCTCTT CTACTCTCTT GTGGAGCTCT GCGCTCTCTT GCGCTCTCTT8340
 TCACCAAGGG ACCAGCAGAG CAGCAGCCTT GAGCGGGGTT CCGGAGAGGG CCAGCTGGGG8400
 GACAGCGCTT CCCCCAGCCA CAAGCGCAGG AGGGAGACAC CTAGCCTCTC GCGCATGAGA8460
 CACCGCTCTT CCAGGTCTCT ATAAATTGTC TTTGGGGGAT TCCACCACAC CCAATGCTCT8520
 GGAGCCACAA GGAGTGTCTT TTCTTCCCCA GCAGAGCCGT GGGAGGCTCT TTGTCTGCTC8580
 TCCTTTGAAC CTTGGCAGCC CTTGGATGGA GGGCTCTCTT TCTCTCTCTT TTTTCTCTCT8640
 TTTGTTCTCT TGAAATGTTA ATCTCTCTGA GTTCTCTCTT GTTCATGTGT TCTGGGGGGT8700
 TTGGGGTGGG AGGGAATGCA GATGGGAGTT GGGGGAGGGG AGGATACAT TCAGGATACC8760
 CCAGCCTGGA CTCAGGGCCA GGGAGGCGAT GCCCCACTTG TATCCAGAAG TTCCCAGGGG8820
 TGATTGTGAT GGTGGTTGGG ACTGGAGGTT GTATAAGGTG TTCTTGAAG GAAGGGGCAG8880
 GAGTTGGAAT TAGTTGCTCT CTACTGTCTT CCATGAGGTT GTGAACCTCT CCCCCAACT8940
 TTTCTATTTT CTTAAAGGCA TTTTGGTTTT TTAATATCTG TACAGCAAGA GCAACTTTTT9000
 CTGTCAAATA AAAATGAGAA ATGCAGG

Name: 395 Len: 2380 Check: 3AC
 TCTCTGCTCT CAGTGTCTGCT TAGAGGTGCT CGCGCCGCTC TGCTGCTGCT GCTGCCGCC 60
 CGGCTCTTAG CCGGAGCCTC GTCTCTCTCT CGCGGGTCCC TCAGCGCGGC CTCTGCGGC 120
 CCGATCTCCT TCGCGCGCGC CGCTCTCGGG AGCAGCATGG ACGGCGCGGG GGCTGAGGAG 180
 GTGCTGGCAC CTCTGAGGCT AGCAGTGGGC CAGCAGGGAG ATCTTGTGCG AAAACTCAAA 240
 GAAGATAAAG CACCCCAAGT AGACGTAGAC AAAGCAGTGG CTGAGCTCAA AGCCCGCAAG 300
 AAGGTTCTGG AAGCAAAAGG GCTGGCCTTA CAGCCCAAAG ATGATATTGT AGACCGAGCA 360
 AAAATGGAAAG ATACCTTGAA GAGGAGGTTT TTCTATGATC AAGCTTTTGC TATTTATGGA 420
 GGTGTTAGTG GTCTGTATGA CTTTGGGCCA GTTGGCTGTG CTTTGAAGAA CAATATTATT 480
 CAGACCTGGA GGCAGCACTT TATCCAAGAG GAACAGATCC TGGAGATCGA TTGCACCATG 540
 CTCACCCCTG AGCCAGTTTT AAAGACCTCT GGCCATGTAG ACAAATTTGC TGACTTCATG 600
 GTGAAAGAGC TAAAAAATGG AGAATGTTTT CGTGCTGACC ATCTATTAAA AGCTCATTTA 660
 CAGAAATTGA TGTCTGATAA GAAGTGTCTT GTCGAAAAGA AATCAGAAAT GGAAAGTGT 720
 TTGGCCOCAG TTGATAACTA TGGACAGCAA GAACCTGCGG ATCTTTTTGT GAACATAAT 780
 GTAAAACTCT CCATTAAGTG AAATGATCTA TCCCTCCAG TGTCTTTTAA CTTAATGTT 840
 AAGACTTTCA TTGGGCTGAG AGGAAACATG CCGGGTACT TGAGACCAGA AACTGCACAG 900
 GGGATTTTCT TGAATTTCAA ACGACTTTTG GAGTTCAACC AAGGAAAGTT GCTTTTGTCT 960
 GCTGCCCAGA TTGGAATTC TTTTAGAAAT GAGATCTCCC CTGATCTGAG ACTGATCAGA1020
 GTGAGAGAAT TCACAATGGC AGAAATTGAG CACTTTGTAG ATCCAGTGA GAAAGACCA1080
 CCAAGTTTCC AGAATGTGGC AGAATCTCAC CTTTATTTGT ATTACAGCAA AGCCAGGCT1140
 AGCGGACAGT CCGCTCGGAA AATCGGCTCG GGAGATGCTG TTGAACAGGG TGTGATTAAT1200
 AACACAGTAT TAGGCTATTT CATTGGCGGC ATCTACCTCT AACTCAGGAA GGTGGAATA1260
 TCTCCAGATA AACTCGGCTT CCGGCAGCAC ATGGGAATG AGATGGGCCA TTATGCTGT1320
 GACTGTTGGG ATGAGAAAT CAAAACATCC TACSGTTGGA TTGAGATTGT TGGATGTCT1380
 GATCGTTTCT GTTATGACT CTCCTGTCTT GCACGAGCCA CCAAAGTCC ACTTGTAGCT1440
 GAGAAACCTC TGAAGAAAC CAAAACAGTC AATGTTGTTT AGTTTGAAC CAGTAAGGGA1500
 GCAATTGTA AGGCAATATA GAAGGATGCA AAAGTGGTGA TGGAGTATCT TGGCATTTGT1560
 GATGAGTGT ACATTACAGA AATGGAATG CTGCTGAATG AGAAAGGGGA ATTCACAATT1620
 GAAACTGAAG GGAAGACATT TCAGTTAACA AAAGACATGA TCAATGTGAA GAGATTCCAG1680
 AAAACACTAT ATGTGGAAGA AATTGTTTCC AATGTAATTG AACCTTCTT CCGCTGGGT1740
 AGGATCATGT ATATGGTATT TGAACATACA TTCCATGTAC GAGAAGGAGA TGAACAGAGA1800
 ACATTCTTCA GTTTCTCTCT TGTAGTTGCT CCATTCAAAT GTTCTGCTCT CCACTGAGCT1860
 CAAAACCCAG AGTTCTAGC ATTTGTCAAG GAATTATCGG AAGCCCTGAC CAGGCTGGA1920
 GTATCTCACA AAGTAGACGA TTCTCTGCG TCAATCGGAA GCGGCTATGC CAGGACTGAT1980
 GAGATTGGCG TGGCTTTTGG TGTACCACTT GACTTTGACA CAGTGAACAA GAGCCCTCAC2040
 ACTGCAACTC TGAGGAGCCG TGAATCAATG CCGCAGATAA GAGCAGAGAT CTCTGAGCTG2100
 CCGAGCATAG TCCAAAGACT AGCCAATGGC AACATCACAT GGGCTGATGT GGAGGCCAGG2160
 TATCTCTCTT TTGAAGGGCA AGAGACTGCT AAAAAAGAGA CAAATCGAGGA ATGAGGACAA2220
 TTTTGACAAC TTTTGACAC TTGCGCTAAT AAAAAAATAA AAATCTCTT TATGTCCACT2280
 TTACAAAAGA AAACAGCATT GTGATTACTC CCAGGGACCG TATTTTATCT TCAGTGGCTG2340

CTTATTTTAA TCCCCACAAAT TAAAGTTTAA GGAATCCTGA 2387
Name: 406 Len: 2000 Check: 1B22
GSTATCGATG ACSTGGACAT TGACCTCCAC ATCAACATCA GCTTCTCTCA TSAGGAAGT 60
TCTACAGCCT GGAAGSTCCT CCGGACAGAA CTTATTGTGT TGAGGCTGCG ATTTTCTCTC 120
TCCAGTACCT TAGATGGACC AGAACCATCC ATTGAGGTTT TCCAGCCTAT AAATAAGGAA 180
GGATTGGGCT TGGGTCTTCA GTTGA AAAAG ATCCTGGTA TGTTTACAT CCAACAATGG 240
AAATATCTTA GCAATGATTT CTTGAAGACC CAGCAGGAGA AGAGGCACAG TTGGTTCAAG 300
GCAATGGCTA CCATCAAGAA GTTCGAGCT GGCCTCAGCA TCTTTTCACT CATCCCCAAG 360
TCTTTCAGTT TCCCTATCAT ACAGGACTCC ATCTTGAAG GCAAACTAGG TGTACCAAG 420
CTTGGGCTTG GGCCTCAT GAAACGCTCC ATCTCTCTTA CCATGAAGAA CTTCAAAGT 480
GAAGTGTCTG GCTACTCTCC CAGCCCCCAG GCAAGTCTCC TGTGCTCTCA GCAAGTGGGC 540
CTCCTCTCCCT CAGCAGGGAC CTCTCTTTTG CTCAGTGGTC ACTGCAAGAA CATTCCTCAT 600
CTGGAGTATG GATTCTCTGT TCAGATCATG AAGTATGCAG AACAGAGGAT TCCAACATTG 660
AATGAGTACT GTGTGGTGTG TGATGAGCAG CATCTCTTCC AAAATGGATC TATGCTGAAG 720
CCAGCTGTCT GTACTCGTGA ACTATGCTTT TTCTCTTTCT ACACACTGGG CGTCATGTCT 780
GSACTGCTAG AGSAGGTGGC CACTGGAGCA GAGGTGGTGG ATCTGCTGCT GGCCATGTGT 840
AGGCTAGCTT TAGAGTCCCC TAGAAAGAGC ATCATCTTTG AGCTTTATCC CTCTGTGGTG 900
GAGCTCACTG ATCTTAAGAC TCTGGCTTTT AACCTAAGA AGAAGAATTA TGAGCGGCTT 960
CAGAAAGCTC TGGATAGTGT GATGTCTATT CCGGAGATGA CCGAGGGCTC ATATTGGAA1020
ATCAAGAAAC AGATGGACAA GTTGGATCCC CTGSCCCATC CTCTCTCTCA GTGGATCATC1080
TCTAGCAACA GGTCACACAT TGTCAAACCT CCTCTCAGCA GGCTGAAGTT CATGCACACC1140
TCACACCAAT TCCTCTGTCT GAGCAGCCTT CTTGCCAAGG AGGCTCGGTT CCGGACCGCC1200
AAGAAGCTCT ATGGCAGCAC CTTTGCCTTC CATGGGTCCC ACATTGAGAA CTGGCATTCTG1260
ATCTTGCTCA ATGGGCTGGT CAATGCATCC TACACCAAC TGCAGCTCCA TGGAGCAGCC1320
TATGSCAAG GCATCTACCT GAGCCCCATC TCCAGTATTT CTTTGGATA CTCAGGAATG1380
GGAAAGGCTC AGCAGAGGAT GCCCTCCAGG GATGAGCTGG TCCAGAGATA CAACAGGATG1440
AATAACATCC CCCAGACCCG ATCCATTCA GCAAGGTTC TCCAGAGTCC GAATCTAAAC1500
TGTATAGCAT TTTGTGAAGT GATTACATCT AAGGACCTCC AGAAGCATGG GAACATCTGG1560
GTGTGCTCTG TGTCCGACCA TGTCTGCACA AGATTCTTCT TTGTATATTA GGATGGTCAG1620
GTGGGCGATG CCAACATTAA TACTCAGGAC CCCAAGATAC AGAAGGAAT CATGCGTGTG1680
ATCGSAACTC AGGTTTACAC AAAGTGGGG GGGCCAGCC CTCTGACCC CCCTGTTACC1740
CCAGGATCCA TCTGCCCTCA TAAAAGTGT CAGGTACAGC AGCTGAGGCT GCCCTGAGGA1800
ATCAAGGGGG CATTACCAAG GGGCAGGAAA AGGATATGTA AGAGGTGGCC TTCATGGTAG1860
AGCTTGACCC AAGAACTACT CCACATTCCG ATGGCCCGA CTGACTCCAT CCCCTGACTT1920
TCCCTTTGAC TTCACCTCTG TTGTAAATAA AACATAAAA TGAAGGTTC TGTGGACTGG1980
AAAAAAAAA AAAAAAAAAA 2000

Name: 307 Len: 2268 Check: 12EC
ATGGCCAGCT TCCACGAGAG CCTCTACTTC AATCCCATGA TGACCAATGG GGTGTGTCAC 60
GCCAATGTCT TAGGCATCAA GGACTGGGTG ACGCCGTACA AGATCGGGGT GCTGGTGCTG 120
CTTACGAGA TGAGCCGCAC AGGCGAGGGC GCCCTCAGCC TCATGGAGCG GCGGAGGCTC 180
AAGTAGCTCT TCCTGCCCCCT GCTGCAGGGC CCAGATATTA CACTGTCAA ACTTTACAAG 240
TTAATTGAAG AGTCTTGTCC ACAGCTGGTA AATTCAGTGC AGATCAGAA CAAACTGATG 300
GCTGAAGGCT AGTTGAAGGA TATGGAACAG TTTTGTGATG ACCTTTGAGA TTCTTTCTCT 360
GGAAGTGAGC CAGAGGTTCA CAAAACAAGT GTAGTAGGTT TGTCTCTGG TCACATGATC 420
TTGCTCTACA GTAGCTTTT TTTAGCCAA GTGTTTAAAC TGTACACTCT CCTTCAGCAG 480
TACTTCCAGA ATGGTGAAG AAAGACAGTG GAGGATGCTG ATATGGAAT GACCACTAGA 540
GATGAGGCTG AAAGAAAAAT GGAAAAAGAA GAAGTTGATG TATCTGTAG AGAAGAGGAG 600
GTATCTTGA GTGGGCTCT GTCCCAAAA CAAGCAGAAT TTTTCTTTT TCAACAGGCT 660
TCTTGTCTAA AGAATGATGA GACTAAGGCT CTCACTCCAG CTCTCTGGA GAAGGAATTA 720
AAGCAATTTT TGAATTTTAA TCTGATTTT GCTGAAGCGC ATTATCTAG CTAATTAAAC 780
AAGCTTCTGT TCCAAGATGT TTTAGTTTCA ACACACAGTC TCTTCCATTA TTTTATCGT 840
CTTATTTCTA TCGGAGCCGA AAGCAAAAGT AATGGGAAG AGGGCTATGG CCGGAGCTTG 900
AGATAGGCTG CTCTGAATCT TGGCGCCCTG CACTGCGCT TCGTTACTA TCAACAGGCA 960
GAGTGGCTC TCGAGGAGGC AATTAGGATT GCGCAGGAGT CCAAGATTA CGTGTGTCTC1020
CACTACTGTT TGAGCTGGCT TTATGTGCTG GGGCAGAAGA GATCGATAG CTATGTTCTG1080
CTGAGCAAT CTGTGAAGAA GGCATACAT TTTGGTTAC CGTACCTGCT CTCCCTGGGA1140
ATACATCTCT TTGTTCAACA GAGAGCTTTT GCTGGGAAGA GGGCAAAACA GCTGATGGAT1200
GCCCTAAAG ACTTCGACCT CCTGCACTGG AAACACAGCC TGTAGAGCT CATCGATATC1260
AGCATGCAAC AGAAAAAGGC CATCTGGAAG CTGTATGGCC GCAGCACCAT GGCAGTCAA1320
CAGGCGCAAG GTTGTCTGAG CATGAACAGC CTGGAGGCGG TGAATGCGGG CGTGCAGCAG1380
AACAACACAG AGTCTTTTGC TGTGCACTC TGCCACCTCG CAGAGCTACA CCGGAGCAG1440
GGCTGTTTTG CTGAGCTTC TGAAGTGTTA AAGCACTTGA AGGAACGATT TCCGCCTAAT1500
AGTCAGCAGC CCGAGTTATG GATGCTATGT GATCAAAAA TACAGTTTGA CAGAGCAATG1560

AATGATGGGA	AATATCATT	GGCTGATTCA	CTTSTTACAG	GAATCAGAGC	TCTCAATAGC1820
ATAGAGGGTG	TTTATAGGAA	AGGGGTTGTA	TTACAAGCTC	AGAACCARAT	GTGAGAGGCA1820
CATAAGCTTT	TACAAAAATT	GTTGGTTTCT	TGTGAGAAAC	TGAAGAACAC	AGAAATGGTG1740
ATCAGTGTCC	TACTGTCCGT	GGCAGAGCTG	TACTGGCGAT	CTTCTCTCCC	TACCATCGCG1800
CTGGCCATGC	TCTGSCAGGC	TCTGGCCCTC	TCCAAGGAGT	ACCGGTTACA	GTACTTGGCC1860
TCTGAAACAG	TGCTGAACCT	GGCTTTTGCG	CAGCTCATT	TTGGAATCCC	AGAACAGGCC1920
TTAAATCTTC	TCCACATGGC	CATCGAGGCC	ATCTTGGCTG	ACGGGGCTAT	CCTGGACAAA1980
GGTCTGTCCA	TSTTCTTAGT	GGCCAAGTTC	CAGGTGGCTT	CAGCAGCTTC	CTACGATCAG2040
CCGAAGAAAG	CAGAAGCTCT	GGAGGCTGCT	ATCGAGAACC	TCAATGAAGC	CAAGAACTAT2100
TTTGCAAGG	TTGACTGCAA	AGAGCGCATC	AGGGACGTCC	TTTACTTCCA	GGCCAGACTC2160
TACCATACCC	TGGGGAAGAC	CCAGGAGAGG	AACCGGTGTG	CGATGCTCTT	CCGGCAGCTG2220
CATCAGGAGC	TGCOCTCTCA	TGGGGTACCC	TTGATAAACC	ATCTCTAG	2268

Name: 303

Len: 3176

Check:

1822

GGTGGTGGGG	GGGGGGCAAG	GGTGAGGGGG	GGCCCAAGAAC	GGCAGGTAGG	TAGAGCAAGA 60
AGATGGTGGT	TCTGGCCCTC	AAATGGTCCC	TTGCAATCAT	GTCAATTTCTA	CTTTCTCTCAC 120
TGTTGGCTCT	CTTAACTGTG	TCCACTCCTT	CATGGTGTCA	GAGCACTGAA	GCATCTCCAA 180
AACGTAGTGA	TGGGACACCA	TTTCTTTGGA	ATAAAATACG	ACTTCTCTGAG	TACGTCTATCC 240
CASTTCATTA	TGATCTCTTG	ATCCATGCAA	ACCTTACCAC	GCTGACCTTC	TGGGGAACCA 300
CGAAASTAGA	AATCAGAGCC	AGTCAGCCCA	CCAGCACCAT	CATCTCTCAT	AGTCACCACC 360
TGCAGATATC	TAGGGCCACC	CTCAGGAAGG	GAGCTGGAGA	GAGGCTATCG	GAAGAACCCC 420
TGCAGGTCTC	GGAACACCCC	CCTCAGGAGC	AAATTGCACT	GCTGGCTCCC	GAGCCCCCTCC 480
TTGTGGGGCT	CCCGTACACA	GTTGTCTTTC	ACTATGCTGG	CAATCTTTTC	GAGACTTTCC 540
ACGGATTTTA	CAAAAGCAC	TACAGAACCA	AGGAAGGGGA	ACTGAGGATA	CTAGCATCAA 600
CACAATTTGA	ACCCACTGCA	GCTAGAATGG	CCTTTCCCTG	CTTTGATGAA	CCTGCCTTCA 660
AAGCAAGTTT	CTCAATCAAA	ATTAGAAGAG	AGCCAAGGCA	CCTAGCCATC	TCCAATATGC 720
CATTGGTGAA	ATCTGTGACT	GTTGCTGAAG	GACTCATAGA	AGACCATTTT	GATGTCACTG 780
TGAAGATGAG	CACCTATCTG	GTGGCTTTCA	TCATTTGAGA	TTTTGAGTCT	GTGAGCAAGA 840
TAACCAAAG	TGGAGTCAAG	GTTTCTGTTT	ATGCTGTGCC	AGACAAGATA	AATCAAGCAG 900
ATTATGCACT	GGATGCTGCG	GTGACTCTTC	TAGAATTTTA	TGAGGATTAT	TTGAGCATAC 960
CGTATCCCCC	ACCCAAACAA	GATCTTGCTG	CTATTCCCGA	CTTTCACTCT	GGTGGCTATG1020
AAAACTGGGG	ACTGACACAA	TATAGAGAA	CTGCTCTGTT	GTTTGATGCA	GAAAAGTCTT1080
CTGCATCAAG	TAAGCTTGGC	ATCACAATGA	CTGTGGCCCA	TGAAGTGGCC	CACCAGTGGT1140
TTGGGAACCT	GGTCACTATG	GAATGGTGGA	ATGATCTTTG	GCTAAATGAA	GGATTTGCCA1200
AATTTATGGA	GTTTGTGTCT	GTCAGTGTGA	CCCATCCTGA	ACTGAAAGTT	GGAGATTATT1260
TCTTTGGCAA	ATGTTTTGAC	GCAATGGAGG	TAGATGCTTT	AAATTCCTCA	CATCTGTGT1320
CTACACCTGT	GGAAAACTCT	GCTCAGATCC	GGGAGATGTT	TGATGATGTT	TCTTATGATA1380
AGGGAGCTTG	TATTCTGAAT	ATGCTAAGGG	AGTATCTTAG	TGCTGACGCA	TTTAAAGTG1440
GTATTGTACA	GTATCTCCAG	AAGCATAGCT	ATAAAAAATC	AAAAAACGAG	GACCTGTGGG1500
ATAGTATGGC	AAGTATTTCG	CCTACAGATG	GTGTAAAAAG	GATGGATGGC	TTTTGCTCTA1560
GAACTGCAACA	TTCTCTTTCA	TOCTCACATT	GGCATCAGGA	AGGGGTGGAT	GTGAAAACCA1620
TGATGAACAC	TTGGACACTG	CAGAAGGGTT	TTCCCTAAT	AAACATCACA	GTGAGGGGGA1680
GGAAATGTACA	CATGAAGCAA	GAGCACTACA	TGAAGGGCTC	TGACGGGCCC	CCGGACACTG1740
GGTACCTGTG	GCATGTTCCA	TTGACATTCA	TCACAGCAA	ATCCGACATG	GTCCATCGAT1800
TTTTGTGAAA	AACAAAAACA	GATGTGCTCA	TCCTCCAGGA	AGAGGTGGAA	TGGATCAAA1860
TTAATGTGGG	CATGAATGGC	TATTACATTG	TGCATTACGA	GGATGATGGA	TGGGACTCTT1920
TGACTGGGCT	TTTAAAAGGA	ACACACACAG	CAGTCAGCAG	TAATGATCGG	GGGAGTCTCA1980
TTAACAAATG	ATTTGAGCTC	GTCAGCATTG	GGAAAGCTGT	CATTGAAAAG	GGCTTGGATT2040
TATCCTCTTA	CTTGAAACAT	GAAACTGAAA	TTATGCCCGT	GTTTCAAGGT	TTGAATGAGC2100
TGATTCTCTA	GTATAAGTTA	ATGGAGAAAA	GAGATATGAA	TGAAGTGGAA	ACTCAATTCA2160
AGGCTTCTCT	CATCAGGCTG	CTAAGGGAGC	TCATTGATAA	GCAGACATGG	ACAGACGAGG2220
GCTCAGTCTC	AGAGCGAATG	CTGCGAGTCT	AACTACTACT	CCTCGCTCTT	GTGCAAACT2280
ATCAGCCCTG	CGTACAGAGG	GCAGAAAGCT	ATTTGAGAAA	GTGGAAAGGA	TCCAATGGAA2340
ACTTGAGGCT	GGCTGTGAGC	GTGAOCTTGG	CAGTGTTTTG	TGTGGGGGGC	CAGAGCACAG2400
AAGGCTGGGA	TTTTCTTTAT	AGTAAATATC	AGTTTTCTTT	GTCCAGTACT	GAGAAAAGGC2460
AAATTGAATT	TGCTCTCTGC	AGAACCCAAA	ATAAGGAAAA	GCTTCAATGG	CTACTAGATG2520
AAAGCTTTAA	GGGAGATAAA	ATAAAACTC	AGGAGTTTCC	ACAAATCTTT	ACACTGATG2580
GCAGGAAACC	AGTAGGATAC	CCACTGGGCT	GGCAATTTCT	GAGGAAAAAC	TGGAACAAAC2640
TTGTACAAAA	GTTTGAACCT	GGCTCATCTT	CCATAGCCCA	CATGGTAATG	GGTACAACAA2700
ATCAATTCTC	CACAAGAAAC	CGGCTTGAAG	AGGTAAAAAG	ATTCTTCAGC	TCTTTGAAAG2760
AAAATGGTTC	TGAGCTCTGT	TGTGTCCAAC	AGACAATTGA	AAOCATTGAA	GAAAAATCG2820
GTGGATGGGA	TAAGAAATTT	GATAAAATCA	GAGTGTGGCT	GCAAAAGTGA	AAGCTTGAAC2880
GTATGTAAAA	ATTCTCTCCT	TGCCAGGTTT	CTGTTATCTC	TAATCACCAA	CATTTTGTG2940
AGTGTATTTT	CAAACTAGAG	ATGGCTGTTT	TGGCTCCAAC	TGGAGATACT	TTTTTCTCTT3000

CAACTCATTTC TTTGACTATC CCTSTGAAAA GAATACTGTG TAGTTTTTCA TGAATGGCTT360
TTTTTCATGAA TGGGCTATCG CTACCATGTC TTTTGTTCAT CACAGGTGTT GGCCTGCAAC3120
GTAAACCCAA GTGTTGGGTT CCTGCCACA GAAGAATAAA GTACCTTATT TTCTC 3176

Name: 309 Len: 2059 Check: 1013
GCGGCGGSCCA AGCGATCCCT GCTCCGCGCG ACACTGGGTG CCGGCGGSCA CAGAGAGGGG 60
GTGAGGCACT TTACGGGCGG AGGTAAGTGC GTGAGGCTCG TCAGTGGCTT CAGTTTCACAS 120
GTGGGCGGCMG SASGMRGGTT GCTGTGTTTG TGCTTCCTTC TACAGCCAT ATGAAAAGGC 180
CTAAGTTAAA GAAAGCAAAT AAAAGCATGA CCGTCCATAA CGGCTATAAA ATCCAAAAAA 240
AGGTTTCAGA ATATCATGGA AAATTAAGAA AGGAGGCTAA AAAAGCAAGG CACAAAGAGC 300
CTAGGAAAAG CCCAGGAGTT CCAAAACAGT CTCCCTTTAA GGAAGGCTTT CTTAGGGAAG 360
CTGAGCTAAG GAAACAGAGG CTTGAAGAAC TAAACAGCA GCAGAACTT GACAGGCAGA 420
AGGAADTAGA AAAGAAAAGA AAAGTTGAAA CTAATCTGTA TATTAAGCCA TCAATGTGG 480
AACCTATGGA AAAGGAGTTT GGGCTTTGCA AAAGTGAGAA CAAAGCCAAAG TCGGGCAAGC 540
AGAATTCAAA GAAGCTGTAC TGCCAAGAAC TTAAAAAGGT GATTGAAGGC TCCGATGTTG 600
TCCTAGAGGT GTTGGATGCC AGAGATCCTC TTGGTTGCAG ATGTCTCAG GTAGAAGAGG 660
CCATTGTCCA GAGTGGACAG AAAAAGCTGG TACTTATATT AAATAAATCA GATCTGGTAC 720
CAAAGGAGAA TTTGGAGAGC TGGCTAAATT ATTTGAAGAA AGAATTGCCA ACAGTGGTGT 780
TCAGAGGCTC AACAAAACCA AAGGATAAAG GGAAGATAAC CAAAGGCTGT AAGGCAAGAG 840
AGAATGCTGC TCCATTGAGA AGTGAAGTCT GCTTTGGGAA AGAGGGGCTT TGGAACTTC 900
TTGGAGGTTT TCAGGAACT TGCAGCAAG CCATTGCGGT TGGAGTAATT GGTTCCTCAA 960
ATGTGGGGAA AAGCAGCATT ATCAATAGCT TAAACAAGA ACAGATGTGT AATGTTGGTG1020
TATCCATGGG GCTTACAAGG AGCATGCAAG TTGTCCCTTC GGACAAACAG ATCACAATCA1080
TAGATGTCG GAGCTTCATC GTATCTCCAC TTAATTCCTC CTCTGCGCTT GCTCTGCA1140
GTCCAGCAAG TATTGAAGTA GTAAAACCGA TGGAGGCTGC CAGTGCCATC CTTTCCAGG1200
CTGATGCTCG ACAGGTAGTA CTGAAATATA CTGTCCAGG CTACAGGAAT TCTCTGGAAT1260
TTTTTACTAT GCTTGCTCAG AGAAGAGGTA TGCAACAAAA AGGTGGAATC CCAATGTTG1320
AAGGTGCTGC CAAAGTGTG TGGTCTGAGT GGAAGGCTGC CTCATTAGCT TACTATTGCC1380
ATCCCTCTAC ATCTTGACT CCTCCTCAT ATTTTAATGA GAGTATTGTG GTAGACATGA1440
AAAGCGGCTT CAATCTGGAA GAAGTGGAAA AGAACAATGC ACAGAGCATA AGAGCCATCA1500
AGGCGCTTCA TTTGGCCAA AGCATCCTTT TCCAGTCTTC CGGTCTGACA AATGGAATAA1560
TAGAAGAAAA GGACATACAT GAAGAATTGC CAAACCGGAA AGAAAGGAAG CAGGAGGAGA1620
GGGAGGATGA CAAAGACAGT GACCAGGAAA CTGTTGATGA AGAAGTTGAT GAAAACAGCT1680
CAGGCATGTT TGCTGCAGAA GAGACAGGGG AGGCACCTCT GAGGAGACTA CAGCAGGTGA1740
ACAGTCTACA AGGTCTTTTA TCTTGGATAA AATCATTGAA GAGSATGATG CTTATGACTT1800
CAGTACAGAT TATGTGTAAC AGAACAATGG CTTTTTATGA TTTTTTTTTT TAACATTTTA1860
AGCAGACTGC TAAAGTGTG TCTGTATAAG TTATGGTATG CATGAGCTGT GTAAATTTTG1920
TGAATATGTA TTATATTTAA ACCAGGCAAC TTGGAATCCC TAAATTCTGT AAAAAGACAA1980
TTTATCTCAT TGTGAGTGGA AGTAGTTATC TGGAATAAAA AAAAGAGATA CCTATTGAAA2040
AAAAAAAAAA AAAAAAAAAA 2059

Name: 31 Len: 550 Check: 2010
TCAGACTCTC CTGCTTGGCG CAGTCAGCTC GGCTCCTTCC AAGCAACCATG TCTGACAAA 60
CCGATATGTC TGAGATCGAG AAATTGATA AGTCGAAGTT GAAGAAAACA GAAACGCAAG120
AGAAAAATCC TCTGCTTCCA AAAGAAACAA TTGAACAAGA GAAGCAAGCT GCGCAATCGT180
AATGAGGCTA GCGCGCCAA ATGCACTGTA CATTCCACGA GCATTGCTTT CTTATTTTAC240
TTCTTTTAGC TGTTTAACTT TGTAAGATGC AAAGAGGTTG GATCAAGTTT AAATCGACTG300
TCTGCGCTT TGCACATCAA AGAATCAGAA CTAAGTGAAC GGAAGGCTTC CCTGCTCT360
CCACCCCATG TGATGGTCTG GCTAGCAGAG AGGGAAAAGA ACTTGCTATG TGGTGAAGGA420
AAAAAGCTGGG TGGAGATGA TGAATNGAGA GGAATAATTC AAGATGCTCC AAGATGCTCT480
GGCAGGATGT AAATGCGAGT TTTAATCAGA GTGGCATTTT TTTTTTCTT CAAACAATTT540
TAATTATGSG 550

Name: 310 Len: 2238 Check: 1154
CCTTGCGGCG TCGCAGGTCC CGCCAGTGGC AGCGCAACGG AGGTGGAAGG CGTTTCAGACT 60
CTTAGCTGAA CCGGAGGCTG CCGCGGCTAT GCTGTGAGG GCTGCGCGG GTTTCGCGG 120
GGGCTGCGG TCGCTGCGCG GCGGTCTCGG GGTCTCTGTC CAGACCGGCG ACCGGAGCTT 180
GACCTCTGAC ATCGACCTTT CCATGGGACT TAATGAAGAG CAGAAAGAAT TTCAAAAAGT 240
GGCTTTGAC TTTGCTGCGG GAGAGATGGC TCCAAATATG GCAAGATGG ACCAGAAAGA 300
GCTGTTCCCA TTGGATGTGA TCGGGAAGGC AGCCAGCTA GGTCTGAGG GGTCTCAT 360
ACAAACAGAT GTGGGCGGGT CTGGGCTGTC ACGTCTTGAT ACCTCTGTCA TTTTTGAAGC 420
CTTGGCTACA GGTGCAACCA GCAACACAGC CTATATAAGC ATCCACAACA TGTGTGCTG 480
GATGATTGAT AGCTTCGGAA ATGAGGAACA GAGGCACAAA TTTTGGCCAC CGCTCTGTAC 540
CATGGAGAGG TTTGCTTCTT ACTGCTCAC TGAACCAGGA AGTGGAAGTG ATGCTGCTC 600
PCTCTGACC TCCGCTAAGA AACAGGGAGA TCATTACATC CTCAATGGCT CCAAGGCTT 660
CATCAGTGGT GCTGGTGAGT CAGACATCTA TGTGGTCATG TGCCCAACAG GAGGACCAGG 720

CCCTAAGGGC ATCTCATGCA TAGTATTTGA GAAGGGGACC CCTGGGCTCA GCTTTGGCAA 780
 GAAGGAGAAA AAGGTGCGST GGAATTTCCA GCCAACACGA GCTBTGATCT TCGAARACTG 840
 TGCTGTCCCT GTGGGCAACA GAATTTGGAG CGAGGGGGCAG GGGCTTCTCA TTGCGGTGAG 900
 AGGACTGAAC GGAGGAGAGA TCAATATTGC TTCTGTCTCC CTGGGGGCTG CCCAGGCTC 960
 TGCTCATCTC ACCCGAGACC ACCTTAATGT CCGGAAGCAG TTTGGAGAGC CTCTGGCCAG1020
 TAACCACTAC TTSCAATTCA CACTGGCTGA TATGGCAACA AGGCTGGTGG CCGGCGGGCT1080
 GATGGTCCCG AATGCCAGAG TGGCTGTGCA GGAGGAGAGG AAGGATGCA3 TGGCTTGTG1140
 CTCCATGGCC AAGCTCTTTG CTACAGATGA ATGCTTTGGC ATCTGCAACC AGGCTTTGCA1200
 SATGCAAGGG GGGTACGGCT ACCTGAAGGA TTACGCTGTT CAGCAGTAC3 TGGCGGACTC1260
 CAGGCTCCAC CAGATTCTAG AAGGTAGCAA TTAGCTGTT TGAAGTGAT3 AGGATACT3A TCTCTAGAAG1320
 CCTGCTTCAG CAGTAGAACC CACACTTGTT CTGGCTGGT GTTCAGTGG3 ACTGCACTCA1380
 GTGTTGAGTG GTGCCATGTG GGGGCTCTTA TTCCAAAGGA ATCATGGATT AGAGCCAAAGG1440
 ACTGAGCTCC TCTAGGGCAG GACCTGCACC CTGTGTGTTG GCACCAGCAT CCGGCTTGG1500
 ACTGGGGCAG AATCCCGAGT GGAAGCGGAA GAGCTGGACT CATGAGAAAC ATCAGAAGAA1560
 CACATACTAC CTTGTTTTCC TAATGCCAGA AGGGTGACCA GTGAAGATT3 ACCGTCAAAC1620
 CATGAAAGTC CTTTCTTGGG TCCACTTTAT CTTGATTAGT CTGCATTTTA CTAGTTCACT1680
 GGATCCCTCC TCTAGGGGCG TGGGACTTT CACTGATGCT CTTCTGATT CTAGAGCAAA1740
 GGTGTGGGAA GGGGAATGG AGGAATGGCC TCTGTCTGT GTCTTCTCT GTGCCACAGC1800
 TACAGATGCA GAAGGTCTCT CTGGATAGCA CACCTCTGAA TGTAATCAT GATAAATGG1860
 ATATTGGA AATTACTCT AAGCTGTGAT GTAGGTGTA TTTCTACTTC TGGACTGCT1920
 CAATATCAAG GGCTGAGACT TTTGAATGTT GAATATTGCT TGGGTTTCAT GTTAAGACGC1980
 CTGTGGTCCA GGAGTGCTAT TCAGTGTTC TGTTCTGAT AAACACTTTG AATATTTTT2040
 TGTGTTTTTG TTTCTTTTC TGAAGCTGTT CTTCTTTTA AATATTTTTA ATCATTGA2100
 TAAAATCTAT CTTTCACTCA CTTCTGGTTC TACTATAGT GATTTTTATT TTAAATGTTT2160
 AATTGTATTT GATTAAACAC TTAAGTGGAT TTTGGAATAA TAAACTCTC GTCCATTTG2220
 GCTTTTAAAA AAAAAAAA 2238

Name: 311

Len: 3334 Check:

1CA

CGGAGGAGGC CCAGAGAGCG GAGGCGGGAG ACCTCAGCCA GCGGCTTAGG CCCAGGCTT 60
 TCTCCACCGG AGGACCGGGG AACCGCAGTC TTCATCACAG AGGTACCGTG CTGGGGCTC 120
 CCGGCTGAC CCGGCCAGC CCGGTGCGGC GGTGCCTCCT TCCTTCTCTC TTCCCTCGG 180
 CTCTCTCTTT CGCCCGCCCG CGCTTCCCT GCGGCTCTG CCGCCATGGC 240
 TGAGAATGGC GAGAGCAGCG GCGCCCGCG GCGCTCCCGG GGGCTGCTG CCGGCCAAGG 300
 CTCGGCTGCT GCGCCGCGTG AGCTAAAAAT CATCAAAGTC ACGGTGAAGA CTCCCAAGA 360
 GAAAGAGGAG TTCGCGGTGC CCGAGAACAG CTCGGTTCAG CAGTTTAAGG AAGCGATTTC 420
 GAAACGCTTC AAATCCCAAA CCGATCAGCT AGTGCTGATT TTTGCCGGAA AAATCTTAAA 480
 AGATCAAGAT ACCTTGATC AGCATGGCAT CCATGATGGG CTGACTGTTT ACCTTGTCAT 540
 CAAAAGCCAG AACCGACCTC AGGGCCAGTC CACGCAGCCT AGCAATGCC3 CCGGAACATA 600
 CACTACCTCG GCGTCGACTC CCAGGASTAA CTCCACAACCT ATTTCCACAA ATAGCAACCC 660
 GTTTGGGTTG GGGAGCCTGG GAGGACTTGC AGGCTTAGC AGGCTAGGCT TGAGCTCGAC 720
 CAACTTCTCT GAGCTCCAGA GCGAGATGCA GCAGCAGCTT ATGGCCAGCC CTGAGATGAT 780
 GATCCAAATA ATGGAAAATC CTTTGTTCGA GAGCATGCTT TCGAATCCCG ATCTGATGAG 840
 GCAGCTGATT ATGGCTAATC CACAGATGCA GCAATTGATT CAGAGAAAAC CAGAAATCAG 900
 TCACCTGCTC AACAAAGCAG ACATAATGAG GCAGACACTC GAAATTGCA GGAATCCAGC 960
 CATGATGCAA GAGATGATGA GAAATCAAGA CTTGGCTCTT AGCAATCTAG AAAGCATCCC1020
 AGGTGGCTAT AATGCTTTAC GGGGCTGTA CACTGACATT CAGAGGCGA TGGTGAATGC1080
 CGCACAAAGAG CAGTTTGGGG GTAACTCATT TGGCTCGTG GGGAGTAGTT CTTCTCTGG1140
 GGAAGGTAGC CAGCTTTCCG GTACAGAAAA TCGGATCCA CTACCCAATC CATGGGACCC1200
 ACCGCCAGCT ATCCAGAGTT CTGAACTAC CAGCACAGCT ACAAGCACT3 CTAGTGGCTC1260
 TGGCAATAGT TCCAGCAATG CTATGGGAA CACCGTTGCT GCGGCTAATT ATGTCGCCAG1320
 CATCTTTAGT ATCCAGGGCA TCCAGAGCCT GCTGCAACAG ATAACTGAAA ACCGCCAGCT1380
 GATTTCAGAA ATGCTGTGGG GCTTTACAT GAGAAGCATG ATGCAGTGGC TGAGCTAGAA1440
 TCCAGATTTG GCTGCACAGA TGATGTGAA TAGCCCGCTG TTTACTGCAA ATCTGAGCT1500
 GCAGGAGCAG ATGGGGCCAT AGTTCCAGC CTTCTGCA3 CAGATGCAGA ATCCAAGAC1560
 ACTATCAGCC ATGTCAAAC CAGAGSCAAT GCAGGCTTTA ATGAGATTC AGCAGGGGCT1620
 ACAGACATTA GCACTGAAG CACTTGGCT GATTCCGAGC TTAAGTCCAG GTGTGGGGT1680
 GGGGGTGTG GGAAGCGCTA TAGGCTGTG AGGCGCAGTC ACCTCCATAG GCGCCATAGG1740
 CCTATAGTC CTTTCTTACC CATAAGGCC CATTGGGCTT ATAGGACTTA CTGGCTTGG1800
 AGCCCCCGCT GCTTCCACCG GTCTGTGTT GCGGAGGCG CTTACTGTST CCAGGCTGCT1860
 ACCTAGAGAA ACCAGAGTC CTATATCAGA ATCTGGAGCC AACCGAGCT TCAATCAGCA1920
 AATGGTGCAG GCGCTGCTG GATGAATGC TCCAGAGCT3 CCAATCCAG AAGTCAGATT1980
 TCAGCAACAA CTGGAACAG TGAATGCAAT GGGTTCTTA AACGTTGAAG CAAACTTGA2040
 GCGCCTAATA GGAACAGGAG GGCATATCAA TGCAGGCATT GAAAGGCTGC TGGGCTCCCA2100
 GCCATGCTAA TCACATTCT GTACTGGAA AAAAAATGTA TCTTATTTTT GATAATGCT2160

CTTAAATCTT TAAACACACA CACAAAATCT TCTTTACTT TCATTTTGAT TCTTTTAAAT222
 CTGTCTAGTT GTAAGTCTAA TATGATGCAT TTTAAGATGG AGTCCCTCJC TCTACTTCC2280
 CTCCTCTCCT TCTCCTTTTG CTTATTTTTC CTACCTTCCC TTCTCTTCTT CTCCCTACTC1340
 CTTCCCTCTT TGTTCCTTTC CTTCTTATT TCCTTTAGTT TCCTTCCTTA GCGGTTTTTA2400
 GTGGTGGGAA TCAATGCTG ITTCACTCAA AAGTGTGCA TGCAAAACAT TCTCTTTATT2460
 CTGCATTTAT TGTGATTTTT GGAACAGGT ATCAACCTTC ACAGGTTGGG TGCAACAGT2520
 GTTGTCTTAC AGATGTCCAA TTTATTTGCA TTTTAAACA TTAGCCTATG ATAGTAATTT2580
 AATGTAGAAT GAAGATATTA AAAACAGAA CAAATTATTT GAAGCCTCTT AATTTCTGT2640
 ACATATTGCT CTTATTGTGA CTTTGGCAG TATTTTTGT ACCAAAATTC TGTAAJATT2700
 ATACCATTTA TTTTITTTTG TATATTTTA TACAGTACAG TAAGTACAA TGGCCTCTTA2760
 CATCTAAAAA TTTTACASTA GAATCTGAG GTAATATGT TAACCAAAAT GAGAAAGAAT2820
 ACAAGAAATG TTTCTGAGC TAGTTATGT TCACAATTTT GTAGAATCTT ACAGCATCTT2880
 TGATAAACTT CTCACTGAAA ATGTTGGCTA GGCAAGTTCA GTTAAACAT AGTACAAAT2940
 TTTATCCTGG CATCTCTAAG TACACATTTA ATTGCACAGA AAATTTACAG TGTAACTT3000
 CTTCAACATT TGCAGATTGA CTGCATATGA CTTAATCTT TGTGCAGCCT GAAGGATCAG3060
 TGTASTAATG CCAAGAAAGT GCTTTTTTAC TAAGACTTCC TTCTCAGCTT CTCCCATAAA3120
 CAGACCTTAA TATGCATTTT GATTTGTAA TGGAAATGTA ACTTTCCCTT AAAGTGTCTAT3180
 CTGATGTTTG CATTACTTTT AACTGCTAT TATAAAGGAA ASTGTGTCTT TGTACTTAP3240
 CAGTTATTTT TCTTGCCTCC ACAGAAAAAT GCATTAAAAA TGAATAAAAA AAATAAAAAA3300
 TTAATAAATG GAAAAAATAA AAAAAAATAA AAAA 3334

Name: 312 Len: 1701 Check: 1755

GGAACAAAAG CTGGAGCTCC ACCGCGGTGG CGGCGCTCT AGAACTAGT3 GATCCCCCGG 68
 GCTGCAGGAA TTGGCAGCA GCAGAAGAGG GGGCTAGCTA GCTGTCTCT3 CGGACCAGGG 120
 GAGACCCCGC GCGCCCGCGG TGTGAGGCGG CTTCAACAGG CCGGGTGG3C TGGGAGCCG 180
 ACGCGCGCGC GGAGGAGGCT GTGAGGAGTG TGTGGAACAG GACCCGGGAC AGAGGAACCA 240
 TGGCTCCGCA GAACCTGAGC ACCTTTTGGC TGTGTCTGT ATACCTCAT CCGGCGGTGA 300
 TTGCGGAGC ABATTTCTAT AAGATCTTGG GGGTGCCTCG AAGTGCCTCT ATAAAGGATA 360
 TTAATAAGGC CTATAGGAAA CTAGCCTTGC AGCTTCATCC CGACCGGAAC CCTGATGATC 420
 CACAAGCCCA GGAGAAATTC CAGGATCTGG GTGCTGCTTA TGAGGTTCTG TCAGATAGTG 480
 AGAAACGGAA ACAGTACGAT ACTTATGGTG AAGAAGGATT AAAAGATGGT CATCAGAGCT 540
 CCCATGGAGA CATTTTTTCA CACTTCTTGG GGGATTTTGG TTTATGTTT GGAGGAACCC 600
 CTCGTGAGCA AGACAGAAAT ATTCCAAGAG GAAGTGATAT TATTGTAGAT CTAGAAGTCA 660
 CTTTGGAGA AGTATATGCA GGAAATTTTG TGGAAAGTAG TAGAAACAAA CCTGTGGCAA 720
 GGCAGGCTCC TGGCAACCGG AAGTGCAATT GTGGCAAGA GATGCGGACC ACCAGCTGG 780
 GGCCTGGGCG CTTCCAAATG ACCCAGGAGG TGGTCTGCGA CGAATGCGCT AATGTCAAAC 840
 TAGTGAATGA AGAAGGTAAG CTGGAAGTAG AAATAGAGCC TGGGGTGAGA GACGGCATGG 900
 AGTACCCCTT TATTGGAGAA GGTGAGCCTC ACGTGGATGG GGAGCCTGSA GATTTACGGT 960
 TCCGAATCAA AGTTGTCAAG CACCCAATAT TTGAPAGGAG AGGAGATGAT TTGTACACAA1020
 ATGTGACAAT CTCATTAGTT GAGTCACTGG TTGGCTTTGA GATGGATATT ACTCACTTGG1080
 ATGGTCACAA GGTACATATT TCCCGGGAFA AGATCACCAG GCCAGGAGCG AAGCTATGGA1140
 AGAAAGGGGA AGGGCTCCCC AACTTTGACA ACAACAATAT CAAGGGCTCT TTGATAATCA1200
 CTTTGTATGT GGAATTTTCA AAAGAACAGT TAACAGAGGA AGCGAGAGAA GGTATCAAAC1260
 AGCTACTGAA AAGAGGTGTA GTGCAGAGG TATACAATGG ACTGCAAGGA TATGAGAGT1320
 GAATAAAAT GGAATTTGTT TAAATAAGT GAATAAGCGA TATTTATTAT CTGCAAGGTT1380
 TTTTGTGTG TTTTTTTGTT TTTATTTTCA ATATGCAAGT TAGGCTTAAT TTTTTTATCT1440
 AATGATCATC ATGAAATGAA TAAGAGGGCT TAAGAATTTG TCATTTTGA TTCCGAAAAG1500
 AATGACACG AAAAGGTTTA CTAATAGCT TCTTTTGGG GATTTAATGT CTGCTGCTGC1560
 CGCTGTAGTT TCAAGAAATTA AAGCTGCAAG AGGACTCCAG GAGCAAAAGA AACACAATAT1620
 AGAGGGTTGG AGTTGTTAGC AATTTCTATC AAAATGCCAA CTGGAGAAAT CTGTTTTTAA1680
 ATACATTTTG TTGTTATTTT T 1701

Name: 313 Len: 5256 Check: 1313

GGGGAGAAC CTCTTTTCTC TGGGATTTCA ACTAGCTCTG TCCTTAGCTT GTCTCTGCT 68
 AGCAGTGTG CCAAAAGTAA TTTTCCACAA GGTCTGTGT CTTCGAAAT GGTCTCTAAT 128
 CAGCTGTGCTA ATTTGCTGGT TCAACCAACA TCCAGGCGAG TTCCAGAGAA CTTGGTTCCA 188
 GAAAGTCAAA AGGATCTGTA GGCAGGAAT GCTTTTCCCG GATTTGCTAA TAGCCTCT 248
 GGAAGCACAA GTGTGCTGTT AGTTCCAGCT GCACACGGCA CCTGGGTGCC TGATGGTAAT 308
 AAGGCAAAAC ATTCCAGTCA TCAGGAAGAC ACTTACGGAG CCTAGACTT TGCCTTAAGC 368
 AGGACTTTGG AAAATCTCTT AAACGTGTAC AACCTGTCCC ATTCTGACAG CTCGCTTT 428
 CAGCAAAAGT TTGCCAGTCA TCCAGACAA TCTGGGCTTG GGGCGCTTAA CCTTGACCT 488
 TTTTATCAGC AGGTACAGAA AGATGCCAG GCGGAGCTTG GCGGCGCTAA CCTTGACCT 548
 GAGCTGGGCG CACCCAGCA ACAGGCTTCT CCGGCAAC TACCCAAAGC CATGTTTTTG 608
 GAGCTGTCAA ATCCAGAAAG TCTGCCGCA CAGGGACAGG CCCAGAACTC AGCACAGTCA 668
 CCAGCAAGTC TGGTTCTGGT CGACGCGGCT CAGCAGCTGC CCTCTGGCC TCCTCAGTCC 728

TATAGTTTAT 1207867670 CAGTGGGTGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
T333CAGAGC CAGTGGGTGCT ACTTGGGTGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TACTACTAGC GGCCTTTGTA CGATGGGTGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GAGGCTGGGG CAGCCTGCTC CTATTAGGAG 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AGGCTCTATG ATGCTGCTGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CGGCTCTAGCT CAGCAGGCTC CCACTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GAAGGATAGT ATAGTTGCAA AAGTGGATG 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TACTCTAGC AATGCTGCTC TGGAGATG 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AGAGTAGG AATGCTGCTC TGGAGATG 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TACAGGAGAG AGGCTCTGCT CTTGCGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TACGATCTCT GCTTCAAGGCT GAGTTTTGAG 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
G333AAGAGG T333AAGGCT CAGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GCACAGAGCT T333AAGGCT CAGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TACAGAGGCT ACAATGTGCT T333AAGGCT CAGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CACGCTGCTC TTGCTCTAGC CAGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GAGTATGGCT ACCCTGCTC CAGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
ACTTCTCTCT AAAAATTTT CAGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTTATCAAG T333AAGGCT CAGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AGCATGAGG CTTTCTGCTC GCACAGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CCCTCTGCTC AAGAGGCTC CCATAAGGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
ATGAATGTT TCCAGAGTGA AAACTTAAAT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TTTATTTGTT TCTTATGCTC ACAAATGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTGTTAGGAG ACCACAGAAC AGTGTGGCTT CTTGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
ATTGATTTCA CCAATGAGGCT AGTGGAGGCT GTGGAGAGG 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTCTCTTTCT TCAATGCTGCT TCCGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AGGTTAGGAG AGGCTGCTC GTATGCTGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AATGCTGCTC GGGCTCAGCT TCTGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CGAGTCTGTA CCAAGTTTCT TAACAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CAGCTCATGT CCGGAGGCTC GCTTGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GATTGGAGGCT CCGAGCTGCT CATGGTCTT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TCCAGGAGCT TGGCTACCAT GGGGAGACT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CACTTCTGCT ACCTCATGGC CCAGGCTGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTTGTCTTAA TCGSATGCTC TCACAGTTG 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
ATCCAGAGGA CGGAAGGCTC TGAGTACGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CCTAGTTTCT AGGTGTTTTAA GTTCATCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
ACGCAAGCTC TCCACTGCTC TGAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TATTGCTGCT TGTGATGCTC CCAGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GCCAGGCTGA AAGAGAGGCT AGAAGAGGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTGAGGAGG TGGAGGCTC GATTAAGGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTGCTGAGG AGTGTGCTC CACTCGAGT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTGAGTCTG CAGGAGGCTC GGGATGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CCTGAGGCT CAGGAGGCTC GGGATGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GGGCTGCTC CCACTGCTC CAGAGTGGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTGGAAGGCT TGTGAGGCTC TGTGAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GGGCTGCTC TGTGAGGCTC TGTGAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GCCAGGAGG CAGAGGCTC GATAGTGGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GAGCTAAGG AAGAAAATTT TGATGGAAT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CCAGAGGCTC AGGCTGCTC AGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTGCTGCTC CAGGCTGCTC CAGAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AAGGAACTC AAGAGGCTC ATCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GAAGTTAT TCCAGATGA CAGGAACTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TGGGTAAT TAAATGAGG AGAAGAGGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
ATGCTAAG TGTGAGGCTC TGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AAGCTGCTC CTAGAGGCTC AGCAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
AGGCTGCTC AGGCTGCTC GGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CCACTGCTC TCTGCTC CTTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CCAGAGGCTC CAGGCTC AGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
GGGCTGCTC CAGGCTC TGGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
ATGCTGCTC AAGGCTC TCAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTAGGAGG TGGCTGCTC GAGGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TTCAGTCTC AGGCTGCTC CTGCTGCTC 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
TGGCTGCTC CAGGCTC ACACAGGCT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150
CTGCTGCTC CAGGCTC TGAATTTT 3333A33CAG CTGTGCGCTC AGAGCAGGCC 150

ATCATGCGAA	GAGGAGGGGT	TACAGCGATT	GGTCAATCTC	TATGGAGTTC	TACATGCGCT2150
ACATGCGAGT	GTGGGCCCAGC	AGGACACTCT	GATGGAAGTC	CGGTTCGCTG	AGGGGCGCTGA2340
GCCTTGGGAG	AACTTGTGCT	GAGGCAACTC	TGGGATGCGG	GAGGCTGGCA	GGGCTGGG30240
TGCTTGTGCT	GCGGCTGAAA	AGCAGGCCAC	GGAAGTGGCA	TTACTGCAAC	GGCAACAT30240
GCTGCTGCTG	GAGGAGCTAC	GGGCTGCGCG	GCGGCTAGGT	GAAGAAGCGG	CAACCGAAG30250
TGGGAGCTTC	GAGGCGCGGG	TCCGGGAGAG	TGAGCAGGCT	CGGGCACTGC	TGGAGCGTGA2350
GCTGGAAGAG	GCTGGAAGGC	AGCTGGGCGC	CCTGGGCGAG	ACCGAGGCACT	TCCAGCTGA2640
GCTGCTGCTG	GCTGCGAGAC	CTGTGGATCT	TGGGCGGCGC	AGGCTCGGCG	CAGGCGATGCT700
GCTTCTACTT	AGTTTCAAGC	CGGACAGGCT	CAGGCGAGGCT	ACTGAGTCTC	TGGATCTACT2740
TCTTCTACTT	CGCTCTGTTC	ATCGAAACTT	TGAGGACCGA	GAGGCGGAGG	AACTGGGAGG2800
CGCTGGAAGG	CGGCTGCAAG	ACAGCAGTGA	CCTGACACTG	GGCAGCGAGG	AGGAAGGTAG2800
GAGGCTGCTG	TCTTGGCGCC	ACAGTCCACG	AGACTTTTAC	AGAATGCAAG	ACATCGCGAG2940
GAGGAGCGAG	AGGCGCGAGC	GGGAGGCTGT	AGGCTCGAGG	AGCTAAGGGG	GCGGCTCGG3000
CCTGGCGCGT	GCGGCACTGA	AGAAACATTAC	TGAGGGGGCT	AACTTTGGGG	ACTCCAATTT3060
GCGAATGATG	AGGGAACATT	TGAAAGAAGT	GCAAAATTGT	CTTGGCAGCT	CTTGGGATCC3120
TTGGATAGCT	GGGCGCATTT	AAGAAGCTAG	GGGAATTAGG	CCACAACACC	CCCTGGGACA3180
TCCGAAAGCT	ACAGCCACAGA	TGCCAGTGGT	TCATGCCTTC	TTCCCGCAAC	TTTAGGAAAA3240
TTTATTTTAT	TATGTTTAT	TAGTTATGGG	GGGAGAGGGG	AGATTTTAAAG	GAGGAGGAG3300
ATGGAAGGCA	AGGATAGGGG	ATCAGAGGGG	CTTGTCTTGG	AACTACTACTG	GGGTATATTC3360
AGGCTCATTC	ACCGAGCTGC	TGGGTTCTTG	CCCTAACGGC	CCTCCCTTGC	AACATCCGTC3420
TTGGAGGAGA	GGCTGCAAGC	ACAGCACCTC	ACTGCCCTTT	AAATAAAGGA	GGGCTGTGGG3480
CAGGGGCGATG	TCCCTTTCTC	CTCTCCCTTC	AACCTCTTAC	TGCTGTTCTC	CCTTTCTCCG3540
TCCCTCATGG	AAGCCCTGGG	AGATAACCTG	GCTTCTTGGA	GTGATGGAA	TAAAGGTTGG3600
GCTGGGCGATA	ATGTTTGTG	GGGGGTGAGG	GAAAAAACCC	ACAGGGACCA	GAATGTTTGG3660
TTGTTCTTTT	GTTTCTTTT	TTGTACCAAA	GTCAACTGCA	CGTCTTTTAT	ATTTTTAAGA3720
GATGCTAGGC	AATTAGAGAT	CGAAGCCTCC	TATCTCCACA	TCTCTGAAGA	AGTTGAGGGG3780
TGGGGGAGAG	AATGACTTCT	GCCTTCATCT	CGAGTAACGG	GGGACCTAT	ACTGACCTCT3840
TCCCGAGGCA	TTTAGAAACA	AGTTCTAGGG	TGGGTTGGAA	AATGTCGAAG	AGCCCTGACC3900
TGATCTTCCA	CCTCAGCAAC	CATGACCTGA	AACCTCAGCG	TGAATTTGGG	GGATTTTTCA3960
GTGGAAAGCT	TGCGCCCAAA	TGTCGACCAG	CCCCCAAATG	TGGAAGAATT	TTCTTCTTGC4020
CAATTTTGT	GTTTAAAAAA	AAAATTCAGG	GAAAATTAAA	AACTGGAAC	TCC 4073

Name: 315

Len: 6948

Check:

569

GGGGCTGAAA	GACACACAGA	AGTCTTCATG	GATATAGTTG	ATACATTTAA	TCATTTAATT 60
CCTACTGAAC	ACTTAGATGA	TGCCCTATTT	CTAGGATCCA	ACCTGGAGAA	TGAAGTCTGT 120
GAGGATTTTA	GTGCAAGTCA	AAATGTCTTA	GAGGACTCGC	TGAAGAACAT	GCTCAGCGAT 180
AAGGATCTTA	TGCTAGGATC	TGCAAGTAAC	CAGTTCTGTT	TGCTGTGTTT	GGATAGCAAT 240
GATCCCAATT	TCCAGATGCC	TTGTTCAACA	GTTGTTGGTC	TTGAGATAT	TATGGATGAA 300
GGGTTTCTTA	AAGAAAAGTG	CAATGATAAC	ATTGATGAAG	AAGAACTGAT	TTTACCTAAC 360
AGGAATTTAA	GGGACAAGGT	AGAAGAAAAAT	TCAGTGAGAT	CTCCAAAGAA	ATCACCTCGT 420
ITAAATGGGAC	AAGAACAAGT	AAGAAGTTTG	CGACAGAGCA	CTATTGCCAA	GCGTTCAAAAT 480
GCAGCAGCAT	TAAATAACAC	AAAAAAAGCA	TCTGGGAAGA	CTGTATCTAC	TGCTAAAGCA 540
GCAGTGAAGC	AAGCAGAAAG	GAGTCAGGTT	AAAGAAGAAAG	TATGTATGTC	ACTGAAACCT 600
GATACCGATA	AGGAGAATAG	AAGGTGCGAGC	CGAAATAGCG	GACAAATTGA	AGTGGTACCT 660
GAATATCTAG	TGTCTTCAAG	TCATTCTTCA	GTGTCTCTTT	GTCTTGAAAT	GAAGGATGAA 720
GATGATTTAG	ATTCTAAGCA	TAAAGTGAAT	AATCGGAGAG	AAATAGATGT	GCCATCTCAT 780
GAATTAATTT	GTTCACTTCT	TTCAGAGACT	TGTGTTACTA	TTGAGAAAAA	GAAAAATGAA 840
GCTTTGATGG	AATGTAAAGC	CAAGCCTGTT	GCTAGTCCAT	TGTTTAAAGT	TTCAGATAAA 900
GAAGAAGCATG	AACAAAATTA	TTCCATTTCA	GCTAAAAAGG	GTGAGACTGT	TGTTGAAGAA 960
ATGATAGCAA	CAAGAAAAGT	TGAACAAGAT	TCAAAAGGAGA	CAGTAAAAAT	ATCCCATGAA1020
GATGAGGATA	TTCCTGAGGA	CGCTGGATCT	TCTGATATTT	CTAGTGATGC	TGCTTGTACA1080
ATTCGAAATA	AGACAGAAAA	CAGGCTTCTA	GGTTTGCTTA	GTTGTCTAGA	TGAAGTGACT1140
GAATGTAATT	TGGAATTGAA	GGATACCATG	GGTATTCTTG	ATAAAACTGA	GAAGACCTTT1200
GAAGAGAAATA	AAATGTAAAC	GTGCGGTTAT	TGTGAAGATG	CGGAGTCTAA	TAGGCGAGTTG1260
GAGAGCACTG	AGTTTAATAA	ATCAAACTTA	GAGGTGCTTG	ATACTAGTAC	TTTTGGACCG1320
GAAGTAATA	TCTTGGAATA	TGCTATTTGT	GATGTGCTTG	ACCAAAATTC	AAAAACAGTTG1380
AATGCTATAG	AAAGTACTAA	AATAGAGTCC	CATGAAACAG	CAAACTTCTA	GGATGACAGA1440
AAAGCTGATG	CAAGTAGCGT	TTCTTACTTA	GAGTCAAAAA	GTGTAAAAATC	CAAAACATACA1500
AAAGCTGTAA	TTCATTCTAA	GCAAAACATG	ACCACAGATG	CTCCGAAGAA	AATTGTTGCA1560
GCAGAGTATG	AAATAATACA	TAGCAAAACT	AAAGTTAATG	TCAAAAGTGT	GAAGCGAAAT1620
ACTGATGTAC	TAGAAATCTCA	GCAAAATTTT	CATAGGCTAG	TCAAGTCAAG	AAAAAACCAA1680
ATTGATAAGG	AGCCAAAGAT	TCAGAGTTGC	AATTTCTGGG	TTAAATCTGT	GAAAAACCAA1740
GCTCAATCTG	TACTGAAAAA	AACATTACAG	GATCAAACTT	TAGTACAAAT	TTTCAAGCCCC1800
TTAACTCATT	CTTTGAGTGA	TAAGTCACAC	GCTCATCTCT	GTGCTTGAA	AGAACCCTCAT1860

AACTTGTGAC AACTGTGGACA TGTATCACAT TOTAGCCAGA AACASTGTVA TAAGCCTCAG1300
 AAGCAGGCCC CAGCAATGAA AACCAATAGT CAGCTGAAGG AAGAGCTTGA ACACCCAGGG1300
 GTTGAACATTT TTAAGGAAGA GGATAAACTG AAACTGAAAA AACCTGAGAA GAACTTACAA2040
 CCCCCCCAAA GAAGAAGCAG CAAAAGTTTT TCTTTAGATG AGCCACCAAT GTTCATTCCA2100
 GATAACATAG CTACCATAG AAGAGAAGGC TGTGATCATA GCTCCTCATT TGAAGGCAAA2160
 TATATGTGGA CTCCCAGCAA GCAGTGTGGG TTTTGCAAAA AACACATGG CAACAGGTTT2220
 ATGTTTGGCT GTGGGAGATG TGATGACTGG TTTTATGGTG ATTGTSTTG GTTAAGTCTT2280
 TCTCAAGCAC AGCAGATGGG CGAGGAAGAC AAAGAATATG TCTGTSTAAA ATGTTSTGCT2340
 GAAAGAGACA AAAAGACTGA AATACTAGAT CCAGATACTT TGGAAAACA AGCTACASTT2400
 GAATTCCTATA GTGGAGATAA AACAATGGAG TGTGAAAAAG TTGGATTATC AAAACACACA2460
 ACAAATGATA GAACCAAATA TATAGATGAT ACASTGAAGC ACAAGGTCAG AATTTTAAAA2520
 CCGGAGTCTG GTGAAGGCAG AAATTCATCA GACTGTAGAG ATAATGAAAT TAAAAAATG52580
 CAGCTAGCTC CTCTTCGTAA GATGGGACAA CCAGTTTATC CTGGGAGATC CTCAGAAGAA2640
 AAAAGTGAAA AAATACCGAA AGAGTCTACA ACTGTTACTT GCACAGGAJA AAAAGCTTCA2700
 AAACCAAGTA CTCATGAGAA GCAAGAGATG AAAAGAAGA AAGTTGAAAA AGGAGTGCTT2760
 AATGTACATC CTGCTGCTTC TGCTTCCAAG CTTTCTGCAG ATCAGATCAG GCAAAGTGTC2820
 AGACATTCTC TCAAAGACAT TCTTATGAAG AGACTTACAG ACTCAAATTT GAAAGGTACCA2880
 GAGAAAAAGG CAGCAAAAGT TGCCACAAAA ATTGAGAAAG AGCTTTTCTC TTTTTTTT2940
 GACACAGATG CTAAATATAA GAACAAATAT AGAAGTTTGA TGTTTAATTT GAAAGATCCT3000
 AAAAAAATA TATTATTTAA AAAAGTACTG AGCTTCTAAA GAGTTAGCTG CTGGAGACG AAGAGAAAA3120
 AGAATGAGTC CAGAAGAACT AGCTTCTAAA GAGTTAGCTG CTGGAGACG AAGAGAAAA3120
 AGACATAACA TAGAAATGAT TGAGAGAGAG CAGAGAGAAG TGGAAACGAG GCCAATCAC3180
 AAAATAACTC ATAAAGGTGA AATAGAAATT GAGAGTGATG CCCCATGAA AGAACAGGAA3240
 GCAGCCATGG AGATTGAGGA ACCAGCCGCC AATAAGTCA TGGAGAAAGC AGAAGGATCT3300
 GAAAAACAAA AAGAGGAGGT TGAATCTATG TCTAAAGATA CCACTAGTCA ACACAGACAG3360
 CATCTTTTTG ATCTCAACTG CAAAATCTGC ATAGGTGCGA TGGCAACACC TGTAAGATGAT3420
 CTTTTCTCAA AAAAAGTAAA AGTTGTTGTA GGAATAGCTC GCAAAACATTC AGACAATGAA3480
 GCAGAAAGTA TAGCAGATGC ATTATCTTCA ACCTCAAATA TTTTGGCTTC TGAATTCTTT3540
 BAGGAGSAGA AACAGGAGTC TCCAAAGTCA ACCTTCTCTC CTGCTCCAGG TCCAGAGATG3600
 CTTGAACTG TTGAAGTTGA GTCTACCTTT CTGGCTCGAT TGAATTTCT CTGGAAAGGT3660
 TTTATCAACA TGCTTCTGT GGCAAAATTT GTTACCAAAG CCTATCCAGT ATCTGGCTCC3720
 CCAGAAATAC TGACAGAGGA CCTACCAGAT AGTATTCAAG TAGGTGGCAG GATATCACCT3780
 CAGACAGTTT GGGATTATGT GGAAAAAATA AAAGCATCAG GAACCAAGGA AATTTGTGTG3840
 GTTGGCTTCA CACCAGTAAC TGAAGAAGAT CAAATTTCTT ATACTTTGCT CTTTGCATAC3900
 TTAGTAGCA GAAAGCGCTA TGGAGTAGCT GCTAACACAA TGAAGCAGGT TAAAGATATG3960
 TACCTTATTC CTTTGGGTGC CACAGATAAA ATTCCACACC CTCTTGTGCT TTTTGATGGA4020
 CTTGGGCTTG AACTGCATAG ACCTAATCTA TTGTTGGGCT TAATTATTGG TCAGAAACTG4080
 AAGGAGCAGC ACAGTGCCCTG TGCTAGTACT AGTCATATAG CTGAGACTCC TGAAGTGCA4140
 CCACCAATAG CATTGCCACC TGATAAAAAA AGTAAAAATAG AAGTTTCTAC AGAAGAAGCA4200
 CCAGAGGAAG AAAATGACTT TTTTAATTCT TTTACAACTG TATTACACAA GCAGAGAAAT4260
 AAACTCAGC AGAATCTTCA GGAAGACCTT CCAACAGCAG TTGAACCTTT AATGGAAGTC4320
 ACCAAACAGG AGCCACCAAA ACCTTTAAAG TTTCTTCTCT GCSTGTTGAT TGGCTGGGAG4380
 AATCAACCTA CTACTCTGGA ATTAGCAAA TTTCTTCTCT CTGTGGATGA TATACTTCAA4440
 AACTCTTTGG GCACCACTGG TCAAGTATAT GACCAGGCCG AGTCAGTGAT GGAACAAAAC4500
 AATGTGGAAG TAATTCATTT TTTAAATGAG CAGACCAACT CAAAAATAGA GAAACAGAT4560
 GAATCTACAG ATAAGTCAGC AGAAATAGAA ACATCAGTAG TAGGTCCTC TTCCATTTCT4620
 GCAGGCTCTT TGACGAGTCT TAGTCTCAGA GGTAAAGCCA CAGATGTTTC TACAGAAACA4680
 TTTTAAACAA ATTTATCAAT TCAGTCAAAA CAAGAGGAAA CTGTGGAGAG TAAAGAGAAA4740
 AATTAACAAA GACAGCTTCA GGAAGATCAA GAGAATAATT TGCAAGATAA CCAGACTTCA4800
 AATAGTTCTC CATGCAGATC TAATGTAGGA AAAGGAAACA TAGATGGTAA TGTGAGCTST4860
 AATGAAAAAC TTGTTGCTAA TACAGGAGG TCTCAGAGT TTATCAACCT GAAAAGGGAT4920
 CTTAGGTAAG CAGGAGGAGG AAGTCAGCTT CTAATCTCTT CAGAAAACAA AGATGGAGAT4980
 AATGCGGGA ATGGAAGAAA ACACATGCTC CTCTGGCTCT CACACAAACA GAGGCACTTA5040
 AAGAAACAAA TCAATSTAGA GGAAGATTTG TGTCTGCAAG AGAAAAACTC GTGTGTTCA5100
 CAGAGTGACA ATTTAAAGT TGCACAAAAC TCAACATCAG TAGAAAAAT ACAGACTTCT5160
 CAGGAGAAAC AAGCAAAAC CTTACAGGAG GATATTTTAA TGCAAAATAT TGAAGTTGG AAACAATST5220
 CAGGCAATTC GAAGAGGATC AGCAGTAGTG ACATCTCATT TTGAAGTTGG GAAGCACCAG CCCCAGAAC5280
 CCAACAGAAAT TTCCTTCTAA AAGCATCACG CAGCCCAACC TTCAGCATCT CAAGTCTAGC5340
 AATACAAACT TTTACCCAT GAGGCCACAG CAGCCCAACC TTCAGCATCT CAAGTCTAGC5340
 CCACCTGGAT TTCTATTTCC AGGCTCTCTT AATTTTCCCT CACAAAGCAT GTTTGGATT5400
 CCACACATTT TGCCACCTCC ATTACTTCCC CTTCCAGGCT TTGGCTTTGC TCAAAATCC5460
 ATGTTTCCCT GGCCACCTGT TGTTCATCTC CCAAGTCAGC CACAGCGTAT GATGGGTCT5520

CTCTCAGAA	CATCAAGGTA	TATAGGCCCG	CAGAAATTTT	ACCAGGTTAA	AGACATTGGG5700
AGGCCAGAAA	GGCGUCATAG	TGACCCCTTG	GGTAGGCAAG	ACCAACAGCA	ACTGGATAGG5760
CCATTTAATA	GGGGTAAAGG	GGACCGCCAG	AGATTTTATA	GTGATTGACA	CCATTTGAAA5820
AGAGAGCGAC	ATGAAAAAGG	ATGGGAGGCA	GAATCTGAAA	GGCATAAGAC	CAGAGACAGA5880
AGCCAAAGACA	AGGACAGAGA	CAGAAAAAGC	AGGGAGGAAG	GGCACAAGA	TAAAGAGAGG5940
GCAAGGTTAT	CACATGGTGA	TGAGGAAACA	GATGGAAAAG	CAAGCAGAGA	TAGTAGGAAT6000
GTAGACAAGA	AGCCAGATAA	ACCTAAAAAG	GAAGACTATG	AGAAAGGACAA	AGAACGAGAG6060
AAAAGTAAAC	ACAGAGAAAG	AGAAAAAGGAC	AGGATAGGT	ACCACAAGA	TAGGGACCA6120
ACTGACAGAA	CTAAAAAGCAA	AAGGTAAAAAT	TTGAGGCTG	CTTCAGGATT	ACATTTAAAT6180
AACTGTTAAA	ATGTTGTATC	TTGTAAACAA	AAGAAAGATT	GGCTGCTAGG	ATTGTGCCAT6240
CTTTAAAAAT	TTTACTATTG	GTCAATTTGCA	GAACAGTAAA	TTCTGTGTGT	TGGTACAGAG6300
TGCTGTGTAC	CAGTGCTCAT	CATCCCTTCT	TGATACCAAC	GGTCCCTAGT	TATAGGAATT6360
TAATATTTTT	AAAAGTTTTA	CATTGCTGTA	TATTCAAAAGA	TTTGTTTTAT	TAATATGCAA6420
TAAAGGCTTA	GAAATTTTAG	TTTTATTCTT	TAATTGGTAA	ATATGGTTAA	CTATGGAATA6480
TATTTACTTC	CTCTAGTGAA	TGTCCTTTAT	ATAATGACTA	ATTTGGGAGT	AATGTGTGCT6540
CTGTAAGTTT	TTTTTAAATT	GCATGTTTTT	TAAAGAAACT	GTAGAGGAGC	AACAAAAATC6600
CAAGCAACTT	CATAATCAGA	TTATGCTAAT	CATTTAGTTG	AGCAGTTTTT	GACCAAGAAT6660
CAGAGGCCCA	AGGGGTACAT	TTATTGCTTT	AATCTGCACT	CATTGAAGTC	ATTTATTACC6720
ATATACTACA	GTTTTGTGGT	AGGCCATTAT	TTTCATTTTC	ATTTTTGGGT	CTTCAGAAAAC6780
TTGAATACTT	AAGCTTGTAC	ATGATCTTGT	GTTTTGCTAT	CCTTTTTTACT	GTAAAAATGTA6840
AAATTTTTAA	GGGATATTTT	GATTCTAAAT	ATGATAAAAT	AATTTCTCAC	CTATTTTGTG6900
TGTGTGACTT	GAAATTCAGT	AGTAAAAGAA	TTTCTTCTTT	AAAGCTTT	6943

Name: 316

Len: 3213

Check:

1F22

CCCCAGCAG	AAGGGCGCGA	CGGCTGCAAC	ATCAGCGGTT	AAATTGTACA	GCCTTTCATA 60
GGCCGGTCCA	ATGCATCCGT	ACTAAGATTG	TTAAGGCTGA	GGTCCCTAG	CCTGGGGAAA 120
AACGAAAGGA	GGCAGAGGGT	AGGGAGACGG	GAAGGAAGAC	AAGGAGGGTG	TAGAAAAACG 180
GGAGAGGAGG	GGGCGGACA	GCATGGGGAA	GGCCTCAGST	TTACTGGAGA	GATCGTGCGG 240
TTCCCATAGA	AACGTATCCC	TCCGCCCATG	ACCCGCGTGT	TAGTCTCTTC	AGTTCCCTCC 300
GGGTGGTTTC	TTGGCTGTTT	CGGCCAGCT	CCTTTGTGOC	GGCAGAAACA	ACGAGATGAC 360
GCATGGGCAA	AGCGCAGCGG	CGGCATATAT	AAACGCGAAC	CCGGGCTCTT	CCTCGTAGTG 420
CCGCCGGGAC	TCTTGGCGGG	TGAAGGTGTG	TGTGAGCTTT	TGCGTCACTC	GAGCCCTGGG 480
CGCTGCTTGC	TAAAGAGCCG	AGCACGGGGG	TCTGTGATCA	TGTCGCGTTA	CGGGCGGTAC 540
GGAGGAGGTA	AGAAGCTGGA	GTCCGGTGAG	GGACGTTGGT	GTGGGTGTAG	TGAGCACTGC 600
GAGGCGGTAG	GSTTGTGCGG	GAGGTTGGGA	GACGTTTATT	CCGCGTGCGT	AATGGCGGCT 660
TAGSAGCACG	CCAGACGAAG	CCGGAGGCAG	CGSAGGCGGG	GTGCTGAAGG	GAGACGGGAT 720
GGCGGGTGTA	CATCTGTGCC	GAGTTCCGTA	CTCTTGGGCA	TTTTTGTGGC	CCAATCCAGC 780
CTAAAGCAGG	GTTGAGATGA	CGGTTTTGCG	GTTGCCTTTC	TGCGAGCTGC	CCGCCGGGCC 840
CCCTCCCGCC	CCGCCCTCGG	CCGGCGGCTG	CCATTTTGCG	CACATTGAGG	ACCGTGGTGG 900
CGCATTTCTT	CAGCGCTTTT	CCGCCACTTC	AGCAGACAGA	TCTGGCCGCA	GCTGTAAGAT 960
CGTGGTTGTG	TTTGAGATAG	AACGAAATTG	GCAGCTGTGA	GCTGCATGTT	CTCGTCAAAC1020
AATCGGTTAA	ATTGCAGAA	GGGAATGGGG	ACGTAATCTG	CGACTGGCGG	CTGGGTTTTT1080
TTTTAGTTAT	TTCCAGCGCG	GTTTATGGCT	CTGGGGCGGG	GAGCTGGAGT	CTTGGGCGAG1140
CTGTGCTGTG	GGACGTTTGC	CGCGGAGGAC	GAGAGCGCGC	GCAGCCTGCT	TCTCTGCCCC1200
CGGCCCTTAC	CGAGGCGCTC	CGCGCGGCGA	CGCGCGGCGG	CTGCGGGGCC	CGCGCGTCCC1260
GGTGGCGCGG	GGGCTGCGGG	GACTCATGGG	TGGGCGCGGG	CCAGGTCCCG	CCCCACGGCT1320
CGTGTATCC	TACCACCGGT	TTCTGCTTGT	GTTGCGGAGG	GTCAACCCGC	ATTATTTAGA1380
ACGTTAAGAA	TTTTGTCAAA	AGTCTAGTTT	CTCGGGGATT	TGCGGACTTC	ACCAGTTTTA1440
CGACTAAGTT	TTGTCTTGA	TAGAGGGCAT	TAAATGTGCT	TTACCCAATC	TTGAGGATGG1500
CCCGTTTTTA	GGCAAGTAA	TAATTGAAAC	TTGGGCGAGA	TTTTGCATAA	CSTGCATTCT1560
TCTATTGGCG	TTTTTAAACA	GAACCCAAAG	TGTATGTTGG	TAACTGGGA	ACTGGCGCTG1620
GCAAGGAGAA	GTTAGAAAGG	GCTTTCASTT	ATTATGGTCC	TTTAAGAACT	GTATGGATTG1680
CGAGAAATCC	TCCAGGATTT	GCTTTTGTGG	AAATGGAAGA	TCTAGAGAT	GCAGAGATG1740
CAGTACGAGG	ACTGGATGGA	AAGTAAATGA	GATGTTATGA	ATCTTCTGTT	CATTAATAAT1800
TACTGTGGCT	AGATAATGAA	CTTASTGCTA	AATTTGGATT	CTGAAGTCTG	GAAGAGACCT1860
TAAATAGCTG	GTCTAGTGTG	TAAATGCTAA	AGGCACACGA	AGGTTAAAGA	AGATAGCGGA1920
GATGGAGTTA	GGGCTTGGTA	AAGACCGGCA	AAGTTTGTGG	GGGGGGGAAG	AGTGGTTGGA1980
AAGAGTGAGT	GSTTGGAAAG	AGTTCTTTTT	AAATCTATAA	GTCTGAATTA	TATTTTTAAC2040
TTTGAATTTT	TGTTAATTTG	CTTTTATTAG	GSTGATTTGT	GGTCCCGAG	TGAGGTTTGA2100
ACTATCGACA	GGCATGCTTC	GGAGATCAAG	TTTTGATAGA	CCACTGCGCC	SACGTCCCTT2160
TGATCCAAAT	GATAGATGCT	ATGAGTGTGG	CGAAAAGGGA	CATTATGCTT	ATGATTGTCA2220
TGTTTACAGC	CGGCGAAGAA	GAAGCAAGTA	TTTATTTTAA	TAAAGGAATG	GTTGGTATTC2280
TAGTTAATCA	AGTAATTTCT	TTATTAAGCA	GGCAGAAACT	AGTGTTTTTT	TATAAACTTG2340
AATGTTAATT	GTACAGGTGT	ATTTTACAAT	TTGTGTTTAA	TTAAAAAAT	GTTACTATAT2400

TAATAATCAAA CCTGGTCAAA ACCTTTCCAGG TTTCTTCGTT TGAGTCAGTC GCCTTGATTCC2480
 AGAATSTCAAT GACCTTTATG ATATCATGCT GAGGCGCCTT GCAAAACCC3A CAATTAAGAT2520
 CCTCCTAGAA CTTAGAGTGA TCAGCATAG AGGTCAGATC CCGTCGAGTC ATCTACACCT2560
 AGCTTCACCT TATTCTTTAA AGGGCAGAAA ATTTGAGACG GTGATCGCCG TAACAGTAAAL2600
 TTTGGCTTAC AATTGGGGCC CCGCTCCGCT TTAGAAAAGAG GAACACCCAGA TTGACCACAT2700
 TCCCAACTAG AAAATCTTTC TTCCGTCAAT CAAGCCTCAC CTGGCTCAAT TGGCTGTGAG2760
 TTTGATCGTC GTTAGATTGA AGAAAACATC TATATGCAGC GATCGGCTAT AGATACTTCT2820
 AGATCGTCTA GATCTACTAG ACATGGGDC AAAGAGGGTC GACTAGTTCT AATTGAGCTT2880
 TTATCTTAAA TACACATTAC ATCTTTTAT ATTATGTAAT GCTAAGTTCT AATTGAGCTT2940
 TTAACAAATC TTTTCTTAGG TAGTAAAAAA AAAAATACTC AACCACTAAT AGGCCCAGAG3000
 TTTATCTTCA AATGAGACAC TAAATTTAAA TATTTTGTAG ATTTGATTTC AGCAGAGGCA3060
 CACAACTCTT TAAAAACGAG TTATTGTCTG ACATTTTSTT TTTTCTCTAA CTGAAAAAT3120
 AGGTCAAGCT CTAGATCACA TTCTCGATCC AGAGGAAGGC GATACTCTCG CTCACGCAGC3180
 AGGAGCAGGG GACCAAGGTG AGATCTTSTT TAAGTGAAGT CTTTCTGTAT TATTATTTAA3240
 TTCACTGGTA GTCCAAACACA GAAAAAGCTC ATTATTTTTT TTGGAGACAG GTCCTTGCTC3300
 TGTCACCCGG GCTGGAGTAC AGGGGCATAA CCACGACTCA CTGCTGCCTT GATGATCTCT3360
 TGGGTTTAAAG CAGTTCTCTT ACCTCAGCTT CCGGAGTAGC TGGGACTGTA GGCCTGCGCA3420
 CCATACCCAG CTAATTTTTA TTTTGTAGA AATGCTCTTG CACTGTTTTCC CAGGCTGGTC3480
 TCAAGCTCCT GGGCTCAAAAC GATCCTCTCG CAGTGTCTGG ATTATGGGCA TGAGCCACTG3540
 CACCCTTCCC CAGTTGAAGT CTTAACAGGC CAAAAAATA AAAAAGTGTG GAGATGGACT3600
 TAAAGTTCTT TATTTTAGGT CAAGGTCAAC ATCTCCTCGA CGATCAAGAT CTATCTCTCT3660
 TCGTAGATCA AGATCAGCTT CACTCAGAAG ATCTAGGTCT TACTTGTGTT TGGATTGTTT ACATCTTATC3720
 GTATTTCCAG TATGTAACAC TTTTCTCTT GGATTGCTTC AGGGAATATT TGAGATGTAA3780
 AGTAGAGTGT CTTAAGGACA TAATTCATAT TAAATATTAC CCTAGTTTCA CAGATGAAGA3840
 AAGTTTGGAA TTTATGTGTA ACTTGTAACA TAAATATTAC CCTAGTTTCA CAGATGAAGA3900
 AAAGGGGTAC TATAGATTTT AAGGCTTCTT AGGCGGTGTG GTAGACAAGG GTCCCAAGCA3960
 ATACAGCTCT ACTCAACACT CTGGGTAGGC ATGTTGTCTAT AAACTTTTCT GACAAAAAGG CCTATTAGCA4020
 TGGATGATAC TAGCTCTGAA AGATGGTAAT TGATTTTCCC TTTTGGAAAT3 ATGGGGTTGA4140
 CCAGGAAAAAG AGATCAGAAG CAAGTAGAAA CATTCTCTCAT TTTTGGAAAT3 ATGGGGTTGA4140
 TTTGAGACAC TGGAAAGTTG ACTAGGGTAG TAGTGTGTAC ACAGAAATGA ATGTGGATTT4200
 TTTTTTTAGA CCTTTTCAGA CCTGAAAAAA CTAAAGAAC AGAGCTTTAC TATTTGTAGA4260
 AGGCCTTAAA AGGAGATAGA ATGGAAAAAA TTGTAAAAATA AGTATTGCAA CATGTAATTA4320
 ACAATATTGT TATCTGTACC AACGATAAAA CCGTGGTACG GAATGCTACT GGGAGTTAAA4380
 TTGCTGTTTA ATAGCACAAA ACCTTTAAAT GCAGGAATTC TGAATCTTGT GGTCTATTTG4440
 AGAAAGCTAT GAACCATCTC TTTAGATAAA TTTAAAGAT AGATATGTCA GTCTGATTTG4500
 GTTTGTCTGA CAGATTGATG GCTCTCAAAC ATAAGTTGAT CCGGGAAGAA GCCTGACAAA4560
 TGGGCGGCGG CTTTCTTTTC GTCTGGCCTT ATCAGCTGAA TTAGTCTCAG TTAGGCTCAG4620
 TGGTTATTTT CATCTCTGCT TAGCCTCTCG AGTAGCTGGG ACTGCCATTG TGTAACACAG4680
 TGCCAGCTG AGGATCTGT GCTTTAACTG AGGTTAGTTT TGCTTCTCTC ATACCAGTCT4740
 CATCAATGA AAACCATGTA TTTCCCTTGG ATATTACACA GTGTTTGAGA ATGTTATAC4800
 TGTACAGAAA CTAACCAATT GAGTGATAGA AACAAAGTAAT TGAAATGGGG GTTCTTATG4860
 TCTGCTAACA CTTTGTTTGA CAGTGTGTTA GACAGAATAA GGCAAGTGTT GCATCTTGT4920
 TAGTTTATAGC TTTTATATGC CTGACCAACC TAATACAGTG TTGAGTAGTT AAGGAAATTC4980
 CTTTGGACTG ATTGATATAA TTGTSTTTT TCACTTTTTT TATTAAGATC CCGCTGAGG5040
 TCAAGATCAA GATCCAGGTC TATTTCACTA CCAAGAGCA GGTAGGGTAA AAATTTGATT5100
 ATCCTTTTCT AGTTATATGG CACCAATATC CAAGAAGTTC AAAGTGTTTT TAATTGTTGA5160
 AATTTTAAAG GTTAACTCTA AACTTAGGTT TTAGTGGGAA CACAGTACCT TATTTGTGTA5220
 TGTCTATTTT ATTACTGGCT GACTTTCTCT GAACAAGGGA ATGTAAAGT ATAGTGAGAA5280
 AGAAGCTTAT GACTTGGGGG ATTATATTAA AGAGGCCCTT GTTAGAAGTG ATAGGTGCAT5340
 GGAGAAGCAT CCTGAAATCG ATGTGCTTAA AGCAGAATGT AAAAGATTAA TCATGATGT5400
 STAATTGAGT CATTTTCTGA AAAATATCTG TTGAAGATT GGCTTTTGTT AGCAACAACT5460
 GGTAGGATST TTTTCAATTT AAATGCACTC TGACATTTTA AGCTTAGGAC ATTTGGGGGT5520
 TTTAGCTTAT TGGTGAATAC AAATAATGTA TTGCTTAGTA CTCTTTCTTT AATAGAATTT5580
 CTCATGTTTT GACAGCCGAT CAAAATCTAG ATCTCCATCT GCAGAAATTTG TTGCTTACT5640
 ATGTTTCTGT GACAAATCTT CCGTSTGAAG TGTGGCCTCT TAGATTAAAA TACTATGCTA5700
 GCTTTCGACT CTTTGAAGCT TTTGGAGAAAT TGGTGTCTATA GTTTTATACT TTGCTGGAAA5760
 AGTTTCTGAA ATACTTTTTT TTTTGTATTC AGTAACATTA TTGGTCTCTT GAGTACTTGG5820
 TACTTAGTCA TAAAAATGTTA GGTGTGATTAT TAAGATGTGA CAATAGATAC AAAGTGTGGA5880
 TAGAAATTTT GGTAAAGATG ATGCTCTTTC CCGCATGTA TGACCAGAAA ACTTCAAAAT5940
 GAAAAAGTCTT GGAATATGTT ACCTGCTTAG TGTCTCTTTA TTCAAAATAG TGTCAATTTT6000
 GTTGTGATAT TTATCTAGTG CTTCTTAATG ACCAGAAGAC TTTTCTCTCT TTTTCTCTCT6060
 AACTGCAGGT TGACCTTGCA ATTTTGACAA GGAGGTGAGT GGCTCAATCT TGGCTCACTG6120
 GGATGGAGTT TCTGCTCTGT CCGCAGGCTT GGAGTGGAGT GGCTCAATCT TGGCTCACTG6180

TACAGGTAAC CACCCTCAAG COTGGCTAAT TTTTGTATT TCTAGTAGAG ACGGAGTTTC6300
 ACCATCTTGG CGAGCTTGGT CTTAAACTCC TGATCTTAGG TGATCACCTC COTCGGCTTC6340
 TCCMAAAGTB CTGGGGTTAC AGGCGTGAGC CACCGTGCCT GGCCAGGTA GCTTAATCTT6420
 AAGCTAGGGA CAAAAGATGA ATATATGTAA GTTTCATGTC ATTTTITAGGT CTTTGCTATA6480
 GGAAATTAGT ACCTTAGGOC ACCTTTGAAG TTATGAAAG TTAGTACATG TACATGAGAG6540
 TTTCAATTGA CACTAATFGG ATCCAAACCT AATSTTTTTT TTTTITAGTC TCCCCATCA6600
 GAAATCTCTC GCAGAAGTGC AAGTCCTGAA AGAATGGAAT GAAGCTCTCA AGITCACCTT6660
 TTAGGGAAAA GTTATTTTGT TTACATTATT ATAAAGGATT TGTATATCTT GTRAAGTGA6720
 ACTTAGGAAA GATAATTCAA CCATCTAATC AAAATGGATC TGGATTACTA TGTAAATTCA6780
 CAGTAGTAAG GATAATATAA ATTTTGTGTA ATGTATGAAC ATCATATGGT CTGAAAAAT6840
 TGGTTTTTAT TTGGCACATT TAAATAACAT GTTCTAATC AGATTITTTA ATTATATTTG TTAATCCTTA6900
 ATATTAAACAC TTCTTAATTT GATATATTTG AGAGTCAGAC ATTATAATTT TTAATCCTTA6960
 TTCATACATA CCTACATTCA GAATTGAAAG GTGTTGGTTA AGTCTTGAAC ATCACTATTC7020
 TATGCATAAA ACTTGGCCAG GATCTTAAGG GACTTTGAAA ATTCCATCTT ACCCTTGTAG7080
 CTCTGGGTAA GATGACCTGA GTCCCTTATG ATACAGCCTG AATGCATCAT GACAGATCCT7140
 TAGTTAGCTA ATCCGTTTGA AGTTGGTGTG AGTAGGTATT GTATGATCAG TGTGAAGCA7200
 AGTAGGACCA CTGATCTCTC TAAATGAGCA TGACAGGAAC TAAACGAAAC TGATTAAAT7260
 TATGAGAAAT AGAAACTSAT TTCTGGATGA TCTTTTACT AATTGCAGCT TTCAGGCTAC7320
 TAGGTGGCAT AGTGTTAATT AGGACTCCCC AAGATATGGG GAGTTCCTACT CTCRAATGGT7380
 TTGTTTTCTT GCTTTCTACA TTAGTTAAAC AGTTTTATAC CAAAAAATGC ATGTTTGA3G7440
 AATTSTCTGA AATTGGGACA AAACACCTTC ATGTAACCA GCTTTGCAAA ATTTCCAGC7500
 CCAGATACTC TTCATCTATT CAAATGGATT GTCTTATTCT GAGCAAAGAC CTGTTGTTAA7560
 TCTTCAAGCT AGGTTTTGCA GTTCCCAACC ACAACATTCT TCTATTTTGC CAGGCTGGTG7620
 GAAAGTAATT AAAGATGTCA ATCAGAAATG TCAATGAGAC TAAAGTGGTT TTGTAATCT7680
 CAGCTATATT TAGCAACACT CCATGTAGCT AATATTTTTT GSTAGCATCT GGTAGACCTT7740
 AGAATGTTAC ATAGCCAGTA GGTCTTTTAT TCAATTTTAA AGTATCTTAA GAATAGTAGS7800
 GCACTAACAG TTACTTTTGA GAGTTTTCTG GTCAAGCTTT TACCAGGCAT TCTCTAGCCT7860
 TGGTACAAA AAAAAAAAAA CCTGCTGGTT GCGCAATAC CTAGGCTTGT CCATTTTATG7920
 CATTTCAGCA AAGTCATTGG AGACTATTGC AACTTGGGAA TACTGGTCTG CATCAAGTTT7980
 AATTCGGTAG TTGACCGCT AGTATGTTGG AAGTTATTTG GATTGTTTTT GGAATTTTGA8040
 CTGGCTGAAT TATGGTTGGT ATAAAGTTAT GTGTATAACT GGCAGGCTTA TTTATCTGTT8100
 GCACTTGSTT AGCTTTAATT GTTCTGTATT ATTTAAAGAT AAGTTTACTC AACATAAAT8160
 CTGCAGAGAT TGAACAAATA ATCCTGATAC TTAATTTTTG GAAGTGGGAG CTC 8213

Name: 317 Len: 572 Check: 4C
 CGCCGCATTG TGGTCCGCTT CTCTGCACTA TGTGCGGTGG CCTCCTGAAG GCGCTGCGCA 60
 GCGACTCCTA CGTGGAGCTG AGCCAGTACC GGGACCAGCA GTTCCGGGGT GACAATGAAG120
 AACAGGAAA ATTACTGAAG AAAAGCTGTA CGTTATATGT TGGAAATCTT TCTTTTACAL30
 CAATCTGAAGA ACAAATCTAT GAACCTTTCA GCAPAAAGTGG TGACATAAAG AAAATCATT240
 TGGGTCTGGA TAAATGAAG AAAACAGCAT GTGGATTCTG TTTTGTGGAA TATTACTCAC300
 GCGCAGATGC GGAAACGCGC ATGCGGTACA TAAATGGGAC GCGTCTGGAT GACCGAATCA360
 TTGCAACAGA CTGGGACGCA GGCTTTAAGG AGGGTAGGCA ATACGGGCCCT GGGC3ATCT3420
 GGGTCCAGGT TCGGGATGAG TATCGGCAGG ACTACGATGC TGGGACAGGA GGGTATGGAA480
 AACTGBCACA GAACCACTGA GTGGTGAGAG CTCTGTCAAT GACAAACACT CCTTTGGCCT540
 GTTGAATTTG CTGAAGAACA TCACCTAAAG TC 572

Name: 318 Len: 338 Check: 14BF
 CAATCCTTGA ASTATAAAAA GCTGAGAGTG TTCTGGGGCA GGGAGTCTTC AGAACCAGGA 60
 CAAGGAGAAAT TTGGATGCTG GATGTTTCAT ACTACTCAGA TGATAAAGGC GTGGCAGGT3120
 CAGATGTAGA GAAGAGAAGG CGATTGCTAG AGAGCCTTCG AGGCCACGCA CTTGATGTTA180
 TTCTCTGTCC TCAAGATAAA CAATCCTTTA ATTACTGTCC GATGAATSTC TGCAGGCTCT240
 TGAAGAGSTA ITTGGGGTTA CAGATAATCC TAGGSASTTG CAGGTCAAT ATCTAACCCAC300
 NTTACCAAAA GGATGAGGAA AAGTTGTGCG CNTATGTC 338

Name: 319 Len: 451 Check: A27
 TTTTITGAC TTTAAATGAT AAACTTTTAT TCTGAATATA CTGTTTTTGC ACAABATTTA 60
 ACACAACATT TTCTGGGATT ATAAATATTT TATAACAGTA TTATACAAAT TTTTACAAAA120
 TTTTITATC AGGCTAGGTA ATTTTCACAA AAGTGTCAAG AGAACAATAA AAAGGGGAGA180
 AAATATCTAT TGTTCACAAA AGCCAGTTGG CTTTTTGCAT GAATGCACAC CATTTTAATA240
 AAATATTTCC TAAAAGCATG ATCCGACACT CATACAACAC AACAAAAAAG ACAGCTTTTAC300
 TAGGTACAT TATAAACTCA ACTGGCATCT ACACAAGACA GTATCCCAT TTTTCAGTG360
 GAATTTGAGA TAACTTGTGT GAAGTAGAAA TAAGGTAGAT GAAGAGTTGT CCAATCTTTC420
 NAAATCTGGA AATTTTTTTT CACACTCCAA N 451

Name: 32 Len: 623 Check: 213F
 GGNAGTAGCA GAACACCTGC TCTCATGAAC TTCATGATGA CAGGCTCTTG GSTGACAATT 60

TTGCGGCAAT TTGCGAGCCAT GATTGCGAGCT GGAATGCTTG TACACTCAAT ATCATATGAG120
 CAGAGCAGGG CCCAAAGCAT CTGGCTTGGG TGCTGCTATC TGCTGTGATG GGTGCGAGTTG180
 TGGCTCTCTCT GAGCATCTTA GGGGGGGGCTC TTCTCTCTGAG AGCCGCGATGG TACACCGCTG240
 GTATTGTGGG AGGCCTCTCT ACTGTGGGCA TGTGTGGGOC TAGTGAGAAG TTTCTCGAAC300
 ATGGGAGGAC CCTGGGAGT GGGCTTGGGT CTTGTCTTTT GCCTCTCTCTC TGGGGTCTAT360
 GTTTCTTCCC CCTACCTCTG TGGCTTGGT CACTCTGTAC TCAGTGSCAA TGTATGGTGG420
 ATTAGTTCTT TTCAGCATGT TCCTTCTGTA TGATACTCAG AAAGTAATCA AACGTGCGAGA480
 AATAACACCC APSTATGGAG CTCGAAAGTA TGATCCCATC AATTTGATG TTGANATCTA540
 CATNGATACA ATTAATATAT TTATGCGAGT TGCANTATG CTAGCAACTT GAAAGCAACAG600
 AAAGAATGAA GTACCCCTTT TTA 621

Name: 330 Len: 359 Check: 19E0
 GCGTACTGCA CGCGCGACCA CAACGTGAAC CCCAACATCT TCGCTTGGGT CTACAGGGAG 60
 ATCAATGATG ACCTGTCTTA CCAGATGGAG TGCCAGGCGG TGNAGTGGCA GAGCAAGCTC120
 GAGGCGAAGA AACTGGGCGA CGCCATGATG GAGGCTTCA GGAAGACTTT CCACAGTATG180
 AAGAGCGACG GCGCGATCCA CAGCAACAGC TCCTCCGAAG AGGTTTCCCA GGAATTGGAA240
 TCGATGATG GCTGAATGAA CTTTNAGAGC CTTNAGCAAA GGCAGCATTG GTCACGGGGT300
 TCAAGGGCAAT TAGATTGAGT AAGCAACGTT TCAAAATTTGG GATGAAAGAT TTCCAAATT 359

Name: 331 Len: 295 Check: 101E
 CCTCACTGCT ATGGGCGCGCA ACAAGAAGAA GAAGCGAGAT GGTGAGGACG GCGCGCGGAG 60
 GCTCGTTCTT AGCTTGGACG AGGAGAAGAG GCGGAGTAC CTGACAGGCT TCCACAAGCG120
 GAAGGTGCGG CGAAAGAAGG CAGCCATTGA GGAGATTAG CAGCGGCTGA AAGAGGAGCT180
 GAGGAAGCTT CGGGAGGAGC GCGACAGGA ATACTTGAAG ATGCTGGCAG AGAGAGAAGA240
 GGCTCTNGAG GAGGCAGATG AGCTGGACCG GTTGGTGACA GCAAAGACGG AGTGG 295

Name: 322 Len: 406 Check: 233D
 CAAAAAGCTG GTNGCCTCCA GACCCGACTT TTTCAACCAG GAGCAACAGA CAGCGGATGT 60
 GGAATGTCTC CTCACAACAG GAGAAGTTTT CAGGTTGCTG GAGGAGAGG GGGCTCGGGG120
 GGCTACCTGG AGCAGCTGTT CCGGCACGCG GCGCGAGAGC TCTTTGGAAT CCATGTGGCT180
 GAGGTTACCT ACAAACCCCT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGACACT NGAGAAGGAG240
 GGCCAGGTGC TGCTGCACTT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGGTG300
 CAGAGGCTCA AACGAGGGCG CTGCCCTAC CACTACGTGN AGGTCATGGC CTGCCCTCA360
 GGCTGCTGA AGGGCGGGGG GCGAGCTCCA GGTCCAGAC AAGGCC 406

Name: 323 Len: 489 Check: 149E
 TTTTTTTTAA CATTCTTAAG TTTCTTTATT CTTCATAGTT TTCTAATGAA CAAATAGTTA 60
 GTTTTCTCTGA GTAAGATTAT AAAAAAGTTA ACCATTCTTC CAAAAGTATA AAGACAAATA120
 AAATGTGAGC TCATAATACA AATTTTTTAC ATAGCATTAA AGGTGCAGAT ATTGACTGCC180
 CCTCTTCATT ATGATTGGCC CACCCCTTAA AAAGACTGCA ACAGAGGATT CAATTGTCTA240
 AAATACTTGG AAGTACAGAA ATTAATGCT TTAGCCGATA AACATATCCC TCATCTATTG300
 TGTGTCTAGG GAACACATGA GCAAAATCTA TCATTGCACT TTCTACTTCA GCAATCTCTA360
 GGCACACAGT GGAAGATGG TAGAAAACCT TATCCAGTTG GCAAGATACA TTTCCATTTA420
 AATGTTCTCTG TGACATGCTT TTCCACCCAT TGTCTTGCTC CAGATTTTCA ACTTTCAAT3480
 AAGTCTGAC 489

Name: 324 Len: 491 Check: 21BF
 TAAGGATTAA AAACGATTTT AATTATAGAC ATATGGTCAC AATTTTGGCT TAAAAAGATT 60
 GTTGGGAAAT GTACATAAGG CGGCTTGTAAT ATGTACATCG TGTACTGTT ATGTCTTATG120
 TCCAGAGGAA AAAATGTTAT CATAAGATT TGCTCTTACT TGGGAGTAGG CTATTCAAAA180
 ATACAGTACT CTTCTGTACA AAGAAAAAGT TCACATCACA TTTAATAAGA TGAAGAAAG240
 ATTTGGCCTCC ATGGTAACCA AATATCTCAG TCCAAATCTT TCTATTATGC ACAATACCT300
 GACTTCAATT GAAAGTGATC CAAATTCTAG CAGGTCCATA TTAACAGTCA ACAACTATGT360
 TATAAAGCAA AATGATCTCA CAATAATAAA AAGAAAGCTG GTTCATACTT CTGAAACCAT420
 ATAAAGATAA AAAATTTTTA AAAAATCACT CTCGATTTGG AGAAATAAAT TTACATTATA480
 CAACACTATA T 491

Name: 316 Len: 546 Check: 101E
 CGGCAGGAGG GACAAGCGCAG CCGGATAAAC AAGTGGAGCA CTTTCTTAA GGCAGACTG 60
 ATTTGCTCAA TTCTTGGAAG TGATGGGGCA GATACCTACT TTGATGAGCT TCAAGATATT120
 TATTTATCTC CCACAAGAGA TGAAGAAAT CTTGTAGTAT ATGGAGTCTT TACTACAAC2180
 AGCTCATCTC TCAAGGCTC TGCTGTTTGT TGTGTATAGCA TGGCTGACAT CAGAGCAGTT240
 TTTAATGGTC CATATGCTCA TAAGGAAAGT GCAGACCATC GTTGGGTGCA GTATGATGG300
 AGAATTTCTT ATCCAGGGCC TGGTACATGT CCAAGCAAAA CTTATGACCC ACTGATTAAG360
 TCCACCGGAG ATTTTCCAGA TGATGTGATC AGTTTCATAA AGCGGCACTC TGTGATGTAT420
 AAGTCCCTAT ACCCAGTTGC AGGAGGACCA AGCTTCAAGA GAATCAATGT GGATTACAGA480
 CTGACACAGA TAGTGGTGGG TCATGTCAAT GCAGAAAGATG GGCAGTACGA TGTAATGTTT540
 CTTGGA 546

Name: 326 Len: 456 Check: A6C

GCACGAGTCT ACATCCAGAG GACCAAGAGC ATGTTCCVGA BRACCACTTA CAAGTATBAG
ATBATTAAACA AGCAGAATGA GCAGATBCAT GCGCTGCTBG CCATTGCTCT CAGATGTAC120
CCCATGCTTA TTGATGAGAG CATTCACCTC CAGCTGC3GG AGAAATATBG GCACAAGATG180
TTGCGCATGU AGAAAGGTGA CCAACAAGTC TATGAAGAAC TTTTACBITA CTCTTCCCTC240
AAGTTCTCTGT CGCTGTAGT GCCCAACTAT GATAATGTGC ACCCAACTA CCACAAAGAG300
CCCTTCTCTGT AGCAGCTGAA GGTGTTTTCT GATGAAGTAC AGCAGCA33C CCAGCTTCA360
ACCATCTGCA GCTTCTGAA GCTCTACACC ACCATGCTG T33CCAA3CT GCTTGGCTTC420
CTGSACTTCA CAGAGCAGGA GTTCCGATC CAGCTT 456

Name: 327 Len: 462 Check: 1310
TTTACAGGTA CACAATTTAA TATTTATTAT ATGCATTTTA TATACATTAT TTTTCAACAG 60
CTGTATGTTT GCTATGTGGT ACAATCTTAA AAATTTGCTG ATTCATAGTT TGTAAAACAA120
AAACCTTACA AAACCTCATCA AAACCTCGCA ACTGATCAGA AAAGTTTCTC GGAAGACTAG180
AAAAAATACT TTATTGTCTT AATCATGCAT TACACAAACA AAATCTTTAG TTACACATA240
AAATTAAGCA CATCTAAAAA AATAAAACAG GGATAACTAG TCRAAAACACA GCAGATTTCT300
GTATCTGAT TCAACTATTT TTGTATCCTA TTTGTAATGC AAATAAAACT TTACTCCAAA360
TATTTTTTAA CAAGTTAGTT TTGTTTGGAA TCATGGTAAA CCAAGATATA TATCTTAGGG420
GGAACCTACT TSGTTTGTA TTTAACTAT AAAATACTCC AT 462

Name: 303 Len: 457 Check: D31
CAATTAAAGG CTTTGGCGGG ATTGGCTCCG CGTTTGGGGCT GGTCCGCT3C TCCCCACCTA 60
CCAGGCTCGG ATCCGGAGCC CTTCCCCGCG GGGCGGGGAC CTCCAAACAA CCGACTCCTT120
TCCAGCTGAA GAAACACTTA AATTCTGGAA ATAGCGACTC AGTATCATGG CCAGCAGCT180
TAATGAAGAT CCAGAAGGAA GCAGAATCAC TTATGTGAAA GGAGACCTTT TTGCATGCCC240
GAAAACAGAC TCTTTAGCCC ACTGTATCAG TGAGGATTGT CGCATGG3CG CTGGGATAGC300
TGTCTCTTTT AAGAAGAAAT TTGGAGGGGT GCAAGAACTT TTAATC3AC AAAAGAAATC360
TGGAGAAGTG GCTGTTCTGA AGAGAGATGG GCGATATATA TATTACTT3A TTACAAGAA420
AAGGCTTCC CACAAGCCAA CTTATGAAAA CTTACAG 457

Name: 329 Len: 443 Check: 77C
TTTTTTTTTT TTTTATGATG CACTCCAAGT GCCATATGTC TATTTTATTC TTCAGGAAAT 60
TATATTTTTT TTTTACAAGA GCACAACAGG AACCAGAGTA AAAGAGTAA AGATACAGCA120
CTCAGGATAA ATCATATCTT TAAAATAATA ATAAAAAAT TTACACCTTG TCGTATATCC180
TGTTAGTATT TTCATAATAT GGCCATGATT GAAAAAACA AAAGCAAGCA TCTACAATTT240
TTTTTGATAA AGACTTTTTA TGCCAGGAAT GGATTAATTA CCAACAAAT TTATACTAAT300
CAGGCTGATG TCAATCTATT TTTGTAATGT ATCATTAACA AATTTATTTT GGAAAAGATA360
AAAATATTGC CCGTTGATAA TAAATCTTTT TTTCTTTGA TGCAACAGC TAGAACACCT420
TTTTCTTTTT CTTTTTGATA TTCTAAGA 448

Name: 33 Len: 464 Check: 1237
TATTCGAAGC ACACCTTTCCA GTATGCTTAC CTTGTTACGA CTTATCTCT CTCATAAAGC 60
GATGTCTAGA AATTAATTAT GTTAAGTTTA ATTTAATTTG AG3AGGGTGA CGGGCGGTGT120
GTGCGTACTT CATTGCTCAA TTCAATTAAG CTCTCTATTC TTAATTTACT ACTAAATCCT180
CCTTAGTCTT TTAGTTTCAT AAAGGGTATA GTAATGTTCT TTTATAAGAA AATGTAGCCC240
ATTTCTTCCC ATTTCAATTG CTACACCTTG ACCTAACGTT TTTATGTTTG ATTTCTTTGC300
TTACTTTAAT AACTTTTTTAG GGTTTGCTGA AGATGGCGGT ATATAG3CTG AATTAGCAAG360
AGATGGTGAG GTAGAGCGGG GTTTATCCGA TTATAGAACA GGTTCTCTTA GATGGATATA420
AAGTAC3GCC AAGTCCNTTG AAGTTTTAAG CNAATGGCTAG TAST 464

Name: 330 Len: 373 Check: A93
GTTGCACATG CGTCCGCCCA TGACTGTGTA TGCTCTGGTG GT3GTGTTT ACTTCCTCAT 60
CAGCGGAGGA ATAATTTATG ATGTTATTGT TGAACCTCCA AGTGTG3TT CTATGACTGA120
TGAACATGGG CATCAGAGGC CAGTAGCTTT CTTGGCCTAC AGASTAAATG CACAATATAT180
TATGGAAGGA CTTCATCCA GCTTCTTATT TACAATGGSA GGATTAG3TT TCATAATCCT240
GGACCGATCG ATTCACCAA ATATCCCAA ACTCAATAGA TTTCTCTTC TCTTCATTGG300
ATTCTGTT3T CTCTATTGA GTTTTTTGAT GGCTAGAGTA TTTATGAGAA TGAAACT300360
GGGCTATCTG ATG 373

Name: 331 Len: 306 Check: 2689
GGCGAAGAGG ACCAGGACTA TGACATCACC CAGCTCCACC GAGGTCT3GA GCGCAG30CG 60
3AGGTG3TTC TCCGCAATGA CGTGGCACCA ACCATCATCC CGACAGCCAT GTACCGTCT120
CGGCCAGCCA ACCCAGATGA AATCGGCAAC TTTATAATTG AGAACCTGAA GCGCGCTAAC180
ACAGATCCCA CAGTCCCGCC CTACGACACC CTCTTGGTGT TCGACTAT3A GGGCAGCGGC240
TCCGAG30CG GCTCTCTGAG CTCCTCACC TCCTCCGCT CCGACCAAGA CCAAGATTAC300
GATTAT 306

Name: 332 Len: 626 Check: FF
TCACGTATCG CAAGGGGCTT TTATTGGATT AGTTGCGTGG G33AATCAGT TCTTCCCGAG 60
AGCAGCAAGT GCAGGCTATTA GTGTACAGAA TCCAGAGGAA G33CA3GCTG CTTGGGTGAG120
GCCTACTGCG CTGGAGACAT GTGGAGTTCT CTAGGGGTCT GCAGCCACCT CGGGGAGCTG180

GGAGATTCTT TCCAGACAC TCCTACATAT AGTAAGGTGA TCCTTCTATC TCATTCTGCA247
 CGCTTTTCTT TCCGCTATT CTCTAAGGTC TTCTCTGCTA CTCTCTGCTAT AAACCTATGCT248
 TTATCTCTTA AGACTTCTCT TGCTAAGACG ACTCTGATGG GTCTCAGAGTC AAATATCTTCT249
 ACCACTATCT CAGTACACAG GGAGGGGAGC TCTGAGTCAG AGGAATGGGT GGTACGGGTG41
 GAGACCTGAA GGTAAGTACT TGTCTCTGNC CTCTGTGAAG GTTAGCCTAAC TGGTAAACCT420
 AGTTTGAAT GGTCTGTTCA CTCTGCTGAG CAGGGAATGA GGTCTTGAAG ATCTTTGAGC40
 TGGAAAGATT GAGGAGTTT CTTCTANTCT TCTGTNAGCC TTTGGGAGC TGGAGCTAGT610
 CTTTAACTCT TGGGAGGTT AGCTGG

Name: 113 Len: 1898 Check: FCT
 GAATTCTGCG TCCAGAGGGG GTCTCGTTAC ATCTCGGCTT TCTCTCTCTT TGGCTCTGCG 60
 ACCGCTTTTG CCGGACCGCA GTTCGGGAAC ATGTTGGGCT CGAGCAGGCG GATCGGGCT 127
 GCGTGAAGCG GGGGCTGCT GCTGCGGCT CTGCTGGGG GGGCTGTGG CTGCTGAGC 180
 CGCCAGGAGC TCTTTCCCTT CGGCCCCGGA CAGGGGGACC TGGAGCTGGA GGAAGGGGAT 240
 GACTTCTCT CTCTGCTCT GGAGCTGAGT GGGGCTGCTT GCTCTACGA CAGATCCGAC 300
 ATCGAGCGAG TCTAGCTCAC CACAAATGCG ATCATTGCTA CGAGTGAAGC CCGGGCCAAA 360
 GAATCCCTAT CCGGCTCTT CCCACCAACA TTGGGTGCA TCGCCCCCTT CTTGGGAGC 420
 TTGGAGAGCA CCGATGGGCT GGGGAAGGTT TATTATCGAG AAGACTTATC CCGCTCTATC 480
 ACTGAGCGAG CAGCAGAGT TCTCCAGAGA GGTCTTCCGG AGATCTCTT CCAGCTCTAGT 540
 AGCGGGGTGG TTGTCACCTG GGAATCGGTG GCGCCCTACC AAGGGCCCG CAGGGACCCA 600
 GAGCAGAAAG GCAAGAGAAA CACGTTCCAG GCTGTTCTAG CCTCTCTGA TTCCAGCTCC 660
 TATGCTATT TCTTTTATCC TGAGGATGGT CTGAGTTCC ATACGACATT CTCAAAGAAG 720
 GAAAACAACC AAGTTCTCTG CGTGGTTGCA TTCAGTCAAG GTTCAGTGGG ATTCTTATGG 780
 AAGAGCAAG GAGCTTATAA CATATTTGCT AATGACAGG AATCAATTGA AAATTTGGCC 840
 AAGAGTAGTA ACTCTGGGCA GCAGGCTGTC TGGGTGTTG AGATTGGGAG TCCAGCCACC 900
 ACCAATGGCG TGGTGCCTGC AGAGCTGATC CTCGGAAGT AAGATGGGGC AGASTATGAT 960
 GATGAGGATG AAGATTATGA CCTGGGAGC ACTGCTCTGG GCTGGAAGA TGTGGGACCC1020
 ACGCTCTCT CTCTAAGGG TCTGAGAAGG GAGGTGCTG ACACATACAG TGTGGGACCG1080
 GTCTCTCTCG CCGGCGGGGC AGCTACCGAA AGGCCCCCTG GAGCTCCCTC AGAGAGAACC1140
 AGGTCTTTCC AGTTGGCAGT GGAGACTTTT CACCGAGCAGC ACCCTCAGGT CATAGATGTG1200
 GATGAAGTTG AGGAAACAG AGTTGTTTT AGCTATAACA CGGATTCCCG CCAGACGTGT1260
 GCTAACAACA GACAGCAGTG CTCGGTGCAC GCAGAGTGA GGGACTACGC CACGGGCTTC1320
 TGCTGAGCT GTGTGCTGG CTATACGGGC AATGGCAGGC AATGTGTTGC AGAAGGTTCC1380
 CCGCAGGAG TCAATGGCAA GGTGAAAGGA AGGATCTTTG TGGGGAGCAG CCAGGTCCCC1440
 ATTGTCTTTG AGAACACTGA CCTCCACTCT TACGTAGTAA TGAACCAAGG GCGCTCCTAC1500
 ACAGCCATCA GCACCATTC CGAGAGCGTT GGATATTCTC TGCTTCCACT GGCCCCAGTT1560
 GGAGGCTATCA TTGGATGGAT GTTTGCAAGT GAGCAGGACG GATTCAAGAA TGGGTTCAAG1620
 ATCAGCGGG GTGAGTTTAC TCGCCAGGCT GAGGTGACCT TCGTGGGCA CCGGGGCAAT1680
 CTGGTCTATTA AGCAGGGGTT CAGCGGCATG GATGAGCATG GGCACCTGAC CATGACACG1740
 GAGCTGGAGG GCGCGGTGCG GCAGATTGCG TTGGGCTCCT CCGTGCACAT TGAGCCCTAC1800
 ACGGAGCTGT ACCACTACT CACCTCAGTG ATCACTTCTT CCGTCCACCG GAGTACACG1860
 GTGACTGAGC CCGAGCGAGA TGGGGCATCT CTTTCAAGCA TCTACACTTA CCACTGGGCG1920
 CAGAGCTATCA CTTTCTAGGA ATGCGTCCAG GATGACTCCC GGCAGGCGCT GCGGAGCACC1980
 CAGGAGCTCT TGGTGGAGAG CGTGTGCTG CTGTACAACC AGGAGGAGAA GATCTTGGCG2040
 TACGCTTTCA GGAAGTCTAT TGGGCTGCT AGGGAAGGCT CCGCTGATGC TCTTCAAGT2100
 TCTTGTATCA TCGGCACTCA TGGGTGTGAG ACCAAGCGGG CCGTCTGCGC TGGTCCAGG2160
 ACACATTTCA CTTGGAGAGT CTGCTATGGG TCGGAGGAG ACAGGCGAAC CTGCTATGAT2220
 ATTGATGAAT GTTCAGAAC ACCCTCAGTG TGTGGGAGC ACACAACTTG CAATAATCAC2280
 CCAGGAAGCT TCGGCTGCGA GTGTGTGGA GGTACCAAGT TTTGAGATGA GGGAAAGCT2340
 GTGGCTGTGG TGGAGCAGCG CCGCATCAAC TACTGTGAAA CTGGCCTTCA TAACTGGAG2400
 ATAGCCAGAG CCGGCTAGTG TATCTACAGA GAGGCTCTCT CTTACACCTG TTCTTCTT2460
 CAGGCTTTT CTGGGATGG CCAAGCTGCG CAGGATGTAG ATGAATGCGA GCGAAGCT2520
 TCTGATCTTG AGGCTTCTG CTACAACACT CAGGCTCTT TCAAGTGGCA GTGCAAACT2580
 GGTATTAAG GAGAGGGCTT CCGTTCTGCT CCGGAGAGG TGGAGAAAAC CCGGTCTAG2640
 CAGGAGTGA CACACATTCT CCGGGCAGCG GGGGCGAGAG ACCACAGCG ACCCATCTCT2700
 CCGGGCTGT TCTTCTCTGA GTGGATGG CAGGGGCACT ACGGCGCCAC CCACTGCGAT2760
 GCGAGCAGCG GCTACTGCTG GTGCCTGAG CCGGAGCGGC GCGAGGTGGA GGGCAGCAG2820
 ACCAGGCTGG GATGAGGCG CCGCTGCTG ATACAGTGG CTCCCCGAT TCACCAAGGA2880
 CTTGGGCTG CTACCGGCTG GATCTCTCTG CTTCTGGGA CCAATTTACT CTTTCTCCAG2940
 ATTGGGAAGA TTGAGCGCT GCGCTGAG GGAATACCA TGAGGAAGAC AGAAGCAAG3000
 GCGTCTCTT AGTCCCGGC TAAAGTCTC ATTGAGCTGG CTTTGTAGTG CTTTGTAGTG3060
 ATGCTTTACT GAGGAGCAT CACTGAGCT TCAATTGGGA GAGCTAGTCT ACATGCTGAG3120
 GAGGCAAGCA CCAATATTAG ACAAGTCTT GGAAGTCTAG AAGGTATCGC TGTGATCAAG3180
 CTTGGGCGCA ACATCTTCTG GACAGACTCT AACCTGGATC GAATAGAAGT GCGGAAGCT3240

GACGGGACGGG	AGGCGCGGGGT	GCTCTTTTGG	ACTGACCTGG	TGAATCCGAG	AGGCTATTGTAB330
ACGGGATTCCG	TGAGAGGGAA	CTTTTACTGG	ACAGACTGGA	ACAGAGATAA	CCCGAAGATT3360
GAAACTTCTT	ACATGGACGG	CACGAACCGG	AGBATCTCTG	TGCAGGATGA	CGTGGGCTT33420
CCCAATGGAG	TGCACTTCTGA	PGCGTTCTCA	TCTCAGCTCT	GCTGGGTGGA	TGCAGGCACCG3480
AATCGGGCGG	AATGCTTGAA	CCCCAGTCA	CCCCAGCAGAC	GCAAGGCTCT	CGAAGGGCTC3540
CATATCTCTT	TTGCTGTGAC	GAGCTACGGG	AA3AATCTGT	ATTTCAACAG	CTGGAAGATG3600
AAPTCCGFGG	TGCTCTCTGA	TCTTGCAATT	TCCAGGAGA	CGGATGCTTT	CCAAACCCAC3660
AAGCAGATCC	GGCTGTATGG	CATCACCAAG	GGCTGTCTC	AGTGTCCGCA	AGGCTATAAC3720
TACTCTCTAG	TGAACAATGG	CGGCTGCACC	CACCTATCTT	TGGCCACCCG	AGGAGGAGGG3780
AGCTGCTCTT	GCTCTGACAA	CACCTTGGGA	GTTCATCTTA	TC3AAAGGAA	ATGAAGACAA3840
GATGCTCTTA	TTCTCTTTCC	AAGTATTTCA	CAGCAACACT	CTACTTGAAG	CAACTTGGTCT3900
CAGATTGAAA	AGTGTCTCTT	GGCTGAGTGG	CCACTAGGCG	CAGACCCAGC	CCAGGCTGAG3960
CCCCAACCAAC	AATTTTTTCC	TCACTGTTCC	CCAAAACATG	CACGCTGGAC	TTCTCTAATA4020
GAAAAGTCTC	CACGCTTACA	CAAGGACAGA	ACCTTCCACC	CCACCCGCA	ACCTCAGAC4080
AGACTTATAC	ACGCTTGAGT	GAGGATTACA	TGCCCCATCC	AGTGTCTTAG	GACCTTTTCC4140
CAATACTAGC	CCCCCAGTGG	TGAACAGAAC	CTCCCAAATT	TGAGTTGCAC	CCTTCCCTGT4200
GGCTTTATGA	GCTCAGGCTC	GCTTTGAGGT	ACCCACCGTC	CTGTCAGCTC	CTTACCTAT4260
GAGCTGGGGC	CTGACTAGGA	AAAGTTGGGA	GTTAAGGGA	AAATTAGCAT	TCCTTAATGT4320
TTTGTCTTTG	TGCTCTGAAT	TTCTTCTTTA	TTATAGTCTT	ATAGTTTTC	TCCTCAGTTC4380
CTCACCATCA	TCATCTTGTC	TAAGACCCCG	ATTATAATAT	TCATGCGCTG	CTTTTTTCATC4440
AAAACTTACC	CTGTCTTAGA	GATCTATGGG	CATTTGGTGG	ATGATAATGA	GCAGCCCTCT4500
CCAGATAGAA	TGTCAATATT	TGAGCAGTAG	GATATTGGCA	TTTGTTAGTT	AAAGGCTTAA4560
ATCAAAAGAA	TGTCCAAATG	TAGGAATTTT	AAGGTGTAGG	TCAGATATTT	GAGAATAGGG4620
GATTTTTTTT	ATGTGCTTTA	AATTATACCA	AA3ATTACTA	ATTATTCTCT	TTTGGCCAAA4680
ATACTTGCAT	CCAAGGTTCT	AGTCTCTGTT	GCTGTGCTGG	TCTTTAGCCC	CACTGCTGGC4740
ACTSATGTCC	CTCTTTTTTC	ACGGAGACCT	ATCTGAGGTA	CAGGATGGGG	CTGGCACCAAG4800
ATGATGTCTC	ACCACAGTCC	CTCACCTCCG	GCCTCCACAT	GACAGAACCA	ATTTACACTC4860
AACCATGACG	TCACCCCTCC	TTGGTTTTCT	CCTCCCGG		4898

Name: 334 Len: 429 Check: 74D

TGTTTTGGAG	GCNAGCGGGG	CNNGNCNTGT	GACAACTGCC	NGTAGACCTG	GGGCTGCTGA 60
ACCGASTCCG	GATGGCAACC	CCGGCCACAC	CTACAAACAG	TATACACAGA	GATACAATCA120
GAGAACAAAC	ACTAACGTAA	ATTGCCCAT	TGAGTGCTTC	ATGCCGCTAG	ATGTGCAAGC180
TGACAGAGAC	GATTCTCGAG	AGTAATCTTT	CCAGCCCCAC	CCGTACAAAT	GTNTNNTACT240
CAAGGTCAAT	CCACACCCCA	GTGATGTTAG	CAGACCTCTC	ATCTTTGAGT	GGTCTTTTCA300
CCCTTAAGCC	TTTTGCTCTG	GAGCCATGTT	CTCAGCTTCA	GACAATTTAC	AGCTTCTCCA360
AGCATGGCCC	GTGGATTGTT	TTGAGACTTC	TCTCTCAAT	GGTGACAGTT	GGTCACTGT420
TCTGCTTCA					429

Name: 335 Len: 411 Check: 55

CCGACCGAGC	CATCTGCAAA	ATCCCGGAAG	AGCCAAAGAG	GGGGACACAG	GCAGTACCAG 60
TGGCACCGAG	AGCCCAACAG	CCCCCTGCCG	CCCTGTACCT	TGTATCTCCC	TTTCCCAAG3120
GGCTGTGCTT	GAACTTGAGG	CACCTGCACAC	CCCCACACTC	ATGACCAAC	CCTCCCTAAG3180
TCCTTTTCACT	CCGAGGCTGG	TCTTCACTTA	CCCCA3CACT	CCTGAGGCTT	GTGCTCAGC240
TCATGCGAAG	AGTAGCAGCA	GCAGCGGAAG	ACCCATCCTC	TGACCCGCTT	GGCTCTCAAA300
GGCTCTCTCT	TTTGTGAGGG	GGCTGAGCCC	TACTCCCTGC	AGATGCGCAC	CTTAGGCAAT360
GTCTCTCTCC	CTTCCCCCAC	GGGTCCACCT	GGCTTGGACA	GTATCCACAG	A 411

Name: 34 Len: 308 Check: 3A1

CCGCGAGAGG	TGGGTGAGGT	GGGACTGCTG	ACTCTCAGAA	GCTCTCTGCT	GCATTTTTGT 60
CTDGGCAGAC	TGGGAGGGAG	CAGGCGCTCG	CGGAANACCG	TCACITAGTG	GGTTTGTTCAL20
CCTGTTTCCA	GCAAGTTTTG	GTCTTTTGGG	CAGAAGCCTG	TTGACCAACT	GTGGGGCACCG180
ACAGTCTTGC	ACAGAAAGGT	GGCACCCGGA	GTGTTTGTG	GGCCTCACTA	CCAAAGGCCAC240
GGGAAGGCCA	ATTTCCAGTA	GGATTGCGGG	TTTTGAATTC	TTTTCCCAAA	AGCNAAATN3300
AGTTTNAC					308

Name: 35 Len: 435 Check: 21E

AAAAAGCCAT	TAATATTCAA	ACAAAGGAAT	CACATTTTAA	AAACCTATA	CATAAGAAAC 60
AGCTCCAGG	AACATTCAAG	CAGCAGTCA	GAGGGAAAAA	TGTTTCAATA	GGCAGTTTT120
CTTCAAGATA	TGCTAGAGAA	TACAATCCAA	TTCACTGCTA	CAATTTCATAG	AATTNGTCA3180
TGTTTTCTTG	AGAGGCTGAG	GTTCACCTTT	GGCAGTTTCC	AAATGGCGCG	ATGTGCTGCT240
CAGAAAGGCC	AGCGNAGACN	AGCTGCCCCG	AAGAAGTTTC	ACTGCTGGAA	AACTGCTCC3300
CTCCCAAGGA	AAGCCCAAGG	AAGGCTGGGG	CGTGGGCTCA	CAACTTCATC	CTTTCTCCAG360
GGTCATCTAG	CTCCACGTCA	CTTGAGGTCA	ATGTGCTCNT	CCACAGGGAA	GCTCACCAT3420
CTTTGCCATC	CCAGG				435

Name: 36 Len: 505 Check: 251D

CCGGCAACGT	ACACCTTTTT	TATTAA333G	CTTCTATTGT	GTTCTGAAGT	TCCATCTCTG 60
------------	------------	------------	------------	------------	---------------

TSACACACATT	AATATACCTT	AAATACCTGG	GATGTGGTGT	GGTACATACA	TGGTGGATGC120
TGTGTGTGTA	TTATATATAC	TACTATATTA	TGAACACCTG	AGTCATGGAA	GTCTTGGCA180
AGTGTGCTTT	AAAATCCTCA	ACCTTTTATA	CITTTCTCAT	ACATCGAAGT	CAGTATTCTT240
ATGAAGGCCC	CCATATGTAA	AAAAGTCAAC	TGTCTGTGAG	AGGTGTGAGC	CATCATCATT300
TTCCAGCGGC	TGCCATCTTT	TATTCGTGGA	ACGTTTTCTG	GGTTCACCTGA	CATCATTACT360
TTGTACTAAG	TTTTCTCTGT	TGCTTAAAG	GCTGCTCTGT	AGCAACAACCT	GTCTCATCCC420
TTCAAAGCTT	TTCTAAGCAG	TTTAGCTATT	TGAAAAGGGG	GCTTTCTAAC	TTCTCTTTT480
CAAAATAAAC	TGCTGGGCAT	GCGTT			505

Name: 37 Len: 451 Check: A27

TNTTTTTAC	TTTAAATGAT	AAACTTTTTAT	TCTGAATATA	CTGTTTTTTC	ACAAGATTTA 60
ACACAACATT	TTCTGGGATT	ATAAATATTT	TATAACAGTA	TTATACAAAT	TTTTACAAA120
TGTTTTTATC	AGGCTAGGTA	ATTTTCACAA	AAGTGTCAAG	AGAACAAAAT	AAAGGGGAGA180
AAAGATCTAT	TGTTCCACAAA	AGCCAGTTGG	CCTTTTGCAT	GAATGCACAC	CATTTTAATA240
AAAGTATTCC	TAAAAGCATG	ATCCGACACT	CATACAACAC	AACAAAAAAG	ACAGCTTTAC300
TAGGTCCACAT	TATAAACTCA	ACTGGCATCT	ACACAAGACA	GSTATCCCAT	AGTTTCAGTG360
GAATTTGAGA	TAACCTGTGT	GAACTAGAAA	TAAGGTAGAT	GAAGAGTTGT	CCAATTCTTC420
NAAAATCTGG	AATTTTTTTT	CACACTCCAA	N		451

Name: 33 Len: 245 Check: CCD

GATTTGCCGT	CTTGTACCTT	TAAGAGCTAC	AGCTAGAGAA	ACCTTCACGG	GGTGGAGAGA 60
GGATTCTAAG	GCTTTTCTAG	CGTGACCTTT	TTCAAGTAGT	CTAGTCCCTT	TTTTACTTGA120
TCTTAATGGC	AAGAAGGCCA	CAAGGTAAT	TTTCTTTTTT	TAGCTCAGGA	AATATGTGAG180
GCTCAAACCA	CTTCTCAGGC	AGTTTAATGG	ACACTAGTCC	ATTGTTACAT	GAAGTGATAG240
ATAGC					245

Name: 39 Len: 403 Check: 185

AATTCAAAGG	TAAATACACT	GAGTAAAGAG	CTACATTCAG	AGTTCTCAGA	AGTTATGAAT 60
GAAATCTGGG	CTAGTGATCA	AATCAGAAAG	GCGCTCCTTA	TCTCATCAAA	GCCAGGCTGC120
TTTATTGCA	GTGCTGATAT	CAACATGTTA	GCGGCTTGCA	AGACCCCTCA	AGAAGTAACA180
CAGCTATCAC	AAGAAGCACA	GAGAATAGTT	GAGAAACTTG	AAAAGTCCAC	AAAGCCTATT240
GTGGCTGCCA	TCAATGGATC	CTGCTGGGA	GGAGGACTTG	AGGTTGCCAT	TTCTATGCCAA300
TACAGAATAG	CAACAAAAGA	CAGAAAAACA	GTATTAGGTA	CCCTGAAGTT	TTGCTGGGGG360
CCTTAACAGG	AGCAGGAGGC	ACACAAAGGG	CTGCCCAAAA	TGG	403

Name: 4 Len: 433 Check: 1372

GACTCCTTCA	CGTCAGGCTC	AGGTTCCATG	GGAGGACGAA	GCAAGTGGAG	CATTGTGGGC 60
TTTAGGGACA	GATGAGTTTT	CCAGATAGTG	TCAGCTTATT	TGAAGATTAA	TTTTCTTTGT120
TAACTTAAAA	TAACATTTTT	AACCCCTTGAG	TGGCTTCTTT	TTAAACCAAA	AACCGTCTTT180
CTTTGTCTTT	TTATCACAGC	AGAATCAGGA	TCTCTTTCTC	ATTCAAGGGG	GGAACCACCC240
CAGGGTCAAG	GCTGCGCCTG	CTGTGGCCGC	CGCGAGCCAC	GNCCTCTGGG	ATTCTTTTGG300
TACCGTCACT	CTTGGCTTGT	GCCTTCCACA	ACTTCTCGGT	TGCAGATCCC	TATGGGGGGA360
AGCTTGCTTC	AANGTTCTCT	GGAACTTGST	CAGAAGCAAG	CGCCTGGGTN	GGGTGTTTNC420
CTGGGGCCAA	TTT				433

Name: 40 Len: 527 Check: 26AF

GGACAATGAC	GGCCTCCAGT	GTCTCTCTGC	ACAAGTGGACA	GAAGATGCOCT	CTGATTGGTC 60
TGGGGACATG	GAAGAGTGAG	CCTGCTCAGG	TGAAAGCAGC	CATTAAACAT	GCCCTTAGCG120
CAGGCTACCG	CCACATTGAT	TGTGCTTCTG	TATATGGCAA	TGAAACTGAG	ATTGGGGAGG180
CCCTGAAGGA	GAGTGTGGGG	TCAGGCCAAG	CAGTCCCTGG	AGAGGAGCTG	TTTGTGACAT240
CCAAGCTGTG	GAATACTAAG	CACCAACCTG	AGGATGTAGA	ACCTGCCCTC	CGGAAGACAC300
TGGCTGATCT	GCAACTGGAG	TATTTGGACC	TCTATTTGAT	GCACTGGGCC	TTAATGCCCT360
TGAAGCCGGG	GAGACAATCC	CCTTTTCCCA	AGAAATGCCG	AATGGGAACT	GTGAGATATG420
ACTCCAACTC	ACTATTAAAG	AGACCTGGGA	GGCTCTTGGA	AGTACTGGTG	GONAAAGGGG480
CTGGTGAAAG	CCCTGGGCNT	TGTCCAACTT	TCAACAGTGG	GCAAGAT	507

Name: 41 Len: 449 Check: 516

CATAATTGAG	AACAGCACAC	TGGGAGAAAG	AGAGATTGAG	CGTGNGGGNG	AGTAATCCTG 60
AGAGAGATGC	AGGAAGTTGA	AACCAACTTG	CAGGAAGTTG	TTTTTGATTA	TCTTCATGCG120
ACANCTATCA	AAATACTGCA	CTTGGACGGA	CAATTCTGGG	ACCAACTGAA	AATATCAAAT180
CTATAAATCG	TAAAGACCTA	GTGGATTACA	TAACACACACA	CTACAAAGGGA	CCAAGAATTG240
TACTGGCTGC	CGCCGGAGGT	GTTTGCCATA	ACGAACTGCT	GGAGTTAGCA	AAGTTCCATT300
TTGCTGACTC	TTTGTGCTCA	CACAAAGGGA	GCTATACCAG	CTCTGCCCTC	CTGGCAAAGTT360
TACTGGAAGT	GAAGATTGGG	GGTGAAGGGA	TGACCAAGGAT	GCCCTTTGGG	GAACCTTGGG420
AATAACTGGT	TTGANCCAAT	TTGTTTGGG			449

Name: 42 Len: 411 Check: 19A6

TCTTCTCTGG	CAATGCGTCT	GGGGCGCGCT	CAGAGCAGTT	CATCAACCTG	CGAGAGGTCA 60
GCACCCGCTT	CCGCTTGCCA	CCCGGGGAGT	ATGTGGTGGT	GCCCTCCACC	TTGAGGCCCA120
ACAAGGAGGG	CGACGTTCTG	GCTGCGCTTC	ATTCTCAGAG	AAGAGTGCTG	GGACTGTGGA180

TTTGAATGAA ATATCCAGG CCAATCTCCG CGATGAGCAA TTGCTCTGAG AAGAGUASAT140
TGAUGAAGAA TCAAGGGCCC TCTTCAGGCA GCTGGGCAAGG GAGGACATGG AGATCAGCST300
GAAGGASTTG GGGACAATCC TCAATAGGAT CATGAGCAAA TACAAAGACC TGGGACCAAG360
GGGCTTCAGC IAASAGTCGT GCGGCAAGAT GGGTGAACCT CATGATCGT T 411

Name: 43 Len: 455 Check: 109D
TTCTCATTA CAACTCCAC GGTGGGAAGA CAGTTTATCA CTTAGTCTTA TACTTTTGGG 60
CAGCTCACTI CTGCACAATT GAGATACATT TGAAGAGTAG TCTTTTGGG ATCTGTGATA120
TTTTAATCCA CAAACAAAGG GAACTCCCTA AATTGAACTT GTCTAAATCC AGCTTTTCTG140
AACCTCCCTC CTAAGACTTA GACAAATTAG TCATTGAGAG CATCTCTTA TTAATGTTG240
CTAGAGAGCA GAGGATCAA CAGAGCTGCT GTCACTCTAA CAAATATGG AGGTTCACAA300
GGGAAIACCT TCGAGCTTCA TGCAAAGTCT AACTCAGGAG GGAACAGGCG TCCCTCTGGG360
CTGAAGAGAT CTCTCTTATC CTGGACAGCA ATCAGCTGCT TCTCTTAAAG AAATGGGTGG420
GTCAAGGGGC NACATGAGCT CATGAAATGT TCAAT 455

Name: 44 Len: 312 Check: 7C1
CTCACNTGTA GNAGATATGG AGCGGAGAGA CGTTGACTTT GAGCTTATCA AAGTAGAAGG 60
CAAAGTGGGC GGCAGGCTGG AGGACACTAA ACTGATTAAG GGCCTGATTG TGGACAAGGA120
TTTCACTCAC CCACAGATGC CAAAAAAAGT GGAAGATGCG AAGATTGCAA TTCTCACATG180
TCCATTTGAA CCAACCAAA CAAAAACAAA GCATAAGCTG GATGTGACCT CTGTGGAAGA240
TTATAAAGCC CTTAGAAAT ACCGAAAAAG AGAAATTTGA AGAGATGATT CAACAAATTA300
AAGAGACTGG TT 312

Name: 45 Len: 600 Check: 1915
TCCGGAGCGC AGTCTGGCAG TCGGCTCCCT CGTTGACCGA ATCACCAGCC TCTCTCCCCA 60
GCTGTATTTT CAAATGTCTG CTTTCTAACA AGCTGACGCT GGACAAGCTG GACGTTAAAG120
GGAAGCGGGT CTTTATGAGA GTGACTTCA ATGTTCTAT GAAAGACAA CAGATAACAA180
ACCAACAGAG GATTAAGGCT GCTGTCCCAA GCATCAAAAT CTGCTTGGAC AATGGAGCCA240
AGTCGGTAGT CTTTATGAGC CACCTAGGCG GGCCTGATGG TGTGCCCCATG COTGACAAAGT300
ACTCCTTAGA GCGAGTTGCT GTAGAACTCA AATCTCTCTT GGGCAAGGAT GTTCTGTTCT360
TGAAGGACTG TGTAGGCCCA GAAGTGGAGA AAGCCTGTTC CAAACCAAGT GCTGGGTCTG420
TCATCCTGCT GGAGAACCTC CGCTTTCTAT TGGAGGAAAG AGGGAAGGGA AAAATGCTT480
CTGGGAACAA GGTAAAGCC GAGCCAGCCA AAATAGAAAG TTTCCGAGCT TCACTTTCCA540
AGCTAGGGGA TGTCTATGTC AATGATGCTT TTGCACTGTG ACAGAGGCCAC AGCTCCATGG600

Name: 46 Len: 598 Check: 154B
TTATGCCAAA AATGGAGAAG TACTTAAATA TATTGCAAAA ATGGGTTTCAT TCGATGAGAC 60
CTGTACCCGA TTTTACACGG CTGAGATTGT GTCTGCTTTA GAGTACTTGC ACGGCAAGGG120
CATCATTCAN AGGGACCTTA AACCGGAAAA CATTTTGTTA AATGAAGATA TGCACATCCA180
GATCACAGAT TTTGGAACAG CAAAAGTCTT ATCCCCAGAG AGCAAAACAG CCAGGGCCAA240
CTCATTCGTG GGAACAGCGC AGTACGTTTC TCCAGAGCTG CTCACGGAGA AGTCCGCTG300
TAAAGATTCA GACCTTTGGG CTCTTGGATG CATAATATA CAGCTTGTGG CAGGACTCCG360
ACCATTCOGA GCTGGAAAGG AGTATCTTAT ATTTGAGAA ATCATTAAGT TGGAAATATGA420
CTTTCCAGAA AAATTTCTTC CTAAGGCAAG AGACCTCTG GAGAAACTTT TGGTTTTAGA480
TGCACANAG CGTTTAGGCT GTGAGGAAAT GGNAGGATA GGAACCTCTTA AAGCACNCCC540
GTCTCTCGAG TCCCTCACGT GGGAGANCTG CACCAAGGAG GCCTCCGAAG CTCACCGT 598

Name: 47 Len: 435 Check: 2256
AAATTCAGAA AGGAGTATTT GAGGTGAAAT CCACAAATGG GGATACCTTC TTAGGTGGGG 60
AAGACTTTGA CCAGGCTTTG CTACGGCADA TTGTGAAGGA TTTCAGAGA GAGACAAGGG120
TTGATTTGAC TAAAGACAA CAGGGCACTTC AGAGGGTACG GGAAGCTGCT GAAAAGGCTA180
AATGTGAACT CTCTCATCT GTGCAGACTG ACATCAATTT GGCCTATCTT ACAATGGATT240
CTTCTGGACC CAAGCATTTC AATATGAAGT TGACCCNGTG CTCAATTTGA AGGGATTGTG300
ACTGATCTAA TCAGAGGGAC TATCCTCTCA TGCACAAAAA CTATGCAAGA TGCAGAGATC360
AGCAAGAGTG ACATAGGAGA AGTGATTCTT GTGGGTGGCA TGAATAGGAT GCGCAAGGTT420
CAGGAGACTG TACAGGATCT TTTTGGCAGA CCCCAGTAA AGCTGTCAAT CCTGATGANG480
CTGNG 435

Name: 48 Len: 293 Check: 744
AAAGAAATGA ATTGCAGCAG ACTATTAATA AATTAACCAA GGAACCTGGA AGCTGAACAA 60
CAGAAGTTGT GGAATGAGGA GTTAAAATAT GGCAGAGNAN NGAAGCGATT GAAACACAAT120
TAGCAGAGTA TCACAAATTG GCTAGAAAAT TAAACTTAT TCCCTAAAGG TGCTGAGAAT180
TCCAAAGGTT ATGACTTTGA AATTAAGTTT AATCCCGGAG GCTGGTGCAA CTTGCTTGTG240
CAAATACAGG GGNCAAGNTT TATGTACCCC CTTAAGGAAC NCCCGAATGG AAA 293

Name: 49 Len: 632 Check: A95
GGCACAGAA CAAAAGTTTC TGTGGGAATT TTAAATATAA AACTTGAAT GTATCCACCA 60
CTCAATCAAA CTTATCTCA AGAAGTAGTG AACACACAGC TTGCTTTGGA ACCTCAGAAA120
ACTGCAGAGA AAGAGCGATT ATTTCTTSTA TATGCTAAGC AGTGGTGGAG AGAATATTTG180
CAAATTCGAC COTCACACAA CTCACGACTG GTTAAGATTT TTGCACAGGA TGAAAATGGG240

ATAAATAGAC CAGTCTCTTC CTATCTTAAA CCA TCGGA : TGGAG : TCTTCTACT300
CGAAGSCAAG CAGCAAGATT TBTAAATGTC CTTGGTTATG AACGAGGCTC TGTATTGGA360
CGAGGAGGTA AACAGGAGCA GTGGTGCAT CTGCTGCTT TTCTGTGTAG AAACAAGGCT420
CACTGTGAAG ATCAGGCTAA CCTTCTGTGC AGCTTCTTTC TTGATATAG ATTAGAAGCC480
TTTGTCTGTG TTGGGACCAA GGCAAAAGGA GTACCTCATG CATGGCTTAT GACTTGTGGA540
ACTGATGGGG GCATCACTTT TGGGAGATT TANAGGACCC AGTACTTCCC TAAACCTACN600
AATCTTGAAG AACTTCCANT GCTGAACAGN CT 532

Name: 5 Len: 603 Check: 1173
AGGATGAGCT CCATTTCTATA NAAAAAGGAT AGAAGATGAG ACTTTGAGTA ACACATGGCT 60
AAATAGGACT GACAGCATGA TTAGAGTCT TGGGCTGCTG CCATGACTAC AACTTACATG120
CACTTACTG TGGGAGAACG GTGGGCTCAT GGGAGACCAG ATTCAAGAAC CTGAGTCTGA180
ACATGTTCT SAACGAGACT TTTTACACAA TCTTCAGATG CAGATCTCTT GGTAGGCTCA240
GCGGAAGTGA GAAGACTTAA ATCGGAAGGA CAGAACAGGA ATGAATTACA TGAAAGTGA300
AACTGGAGTG AGGCATGCTG TTGCGGCTCT AATGGAGGNA GATGCTGAGC CCATCTTTGA360
AGATGTGATG ATGTCATCCC GAAGGCACTT AGAAGATATG AATGGAAAGT TTTGGAGGAC420
ACCATGGGTT ATTGATCTGC CTCCCATCAA GAAATCGGCG AGANGAGA3C TGAGCTAAGG480
CCGAGACTTC CTTTGACTCT GCCANTTATC CATNGGAGNT GATTTGAGAG ATTGAGGAAT540
TCTTATGCT TCTTGAAGTN CTGGGAGGAA ATTTTCCAAA CCTNAGACCC CTATTAATTT600
TGG 603

Name: 50 Len: 532 Check: 181
CCAGGCTATC CAAAATCCCC AAGCCCCGGA AGCCCCCTAA GCCCCCAAGG CCCCCCAAAA 60
CCTTGAAGCT CAAAGATGGA GCGAAGAAGA AAGGGAAGAA GTCCGAGAG TCAGGCTCAC120
CCAACATGCC CAACCTGGAC CTGCTCGAAG CCCACACCAA GGAAGGACTG ACCAAGATGG180
AGCGGCCCAA GAAGGGCAAG GGCACAAAGA GTGTCTTGAG TGTGCCCCAAG AAAGATGTGG240
TTCACATGCA GAATGATGTG GAGAGGCTGG AAATTCGAGA GCAAAACCAA AGCAA3TCAG300
AGGCAAGTG GAAGTACAAG AACAGCAAACT CTACTCTCTT ACTGAAGATG GAA3AGAG3C360
AGAAGCTAGA GAAGTCTGCT CTAGCTGGAA ACAAAGACAA TAAGTCTCTT TTTTCTTTGT420
CCAAACAAGAA ACTCTCTGGC TCCAAGGCTC TCAGGCCCCC GACGAGGCTT GGTGTGTTCG480
GGGCTTGTGA GAATTTCAAG GAGGACAAAG CCAAGCTCTG GGGGATGAG TATGATAGG540
TGTGGATGA CGGTGAGCTT CAGATGAGAG AGTTTCCCAT CC 582

Name: 51 Len: 523 Check: 1E87
GGTGAGCTGC GACGTGACTG GCTAGCTGCG TGGGTACTGG AACAAAGCAA CGAGGCAGCG 60
AGCGAAGGAC GGGAGCGCGA CCTGGGCTCC CGTGGAACTC CAGGCTGCGC CAGCAGCTCA120
CGCACACGCT CGGCGCTGCG ATCCGCGCAT ATAACGATAT TTGGATTTGA CCTGCATTTT180
GGAATTTATC TACACTTAAA ATGCCACCAG CAGTTGGAGG TCCAGTTGGA TACACCCCCC240
CAGATGGAGG CTGGGCTGCG GCAGTGGTAA TTGGAGCTTT CATTTCCATC GGCTTCTCTT300
ATGCAATTTCC CAAATCAAT ACTGTCTTCT TCAAAGAGAT TGAAGGTATA TTCCATGCCA360
CCACAGGCGA AGTGTGATGG AATATCTTCC ATAATGTTGG CTGTGATGTA TGGTGGAGGT420
CCTACAGCA GTATCTGGT GAATAAATAT GAAAGTCGTA TAGTCATGAT GTTTGGTGGG480
TGTGTGTGAG GTGTGTGCTT GAATTCGAG TTNCTTCTGT AAN 523

Name: 52 Len: 348 Check: 1165
GCAGGCGCAA NTACGGGGGC TGGCCAAAGGA CCTGGGAAGC TACCGTTACC CCGCGGCAAG 60
GGTGGGCHCA TGAGCAGCTC GGGACTGAAT TCGGAGAAGG TAGCTGCTCT GATACAGAAA120
CTGAATTCGG ACGGCGAGTT CGTACTTGGC CAGAATGTGG GGAACACCCA CGACCTGCTG180
GACATCTCTC TGAAGCGGGC CACGCTGCA GCGGCGCANA TGGTGTTCOA GCACGCGCTG240
CGCCAGGAGG GAAAGCCAAAT CACCAACAG AAGAGCTCAG GGCAGTGGTG GATCTTTTCT300
TGTCTGAATG TTATGAGGCT TCCATTATG AAAAAATTAA ATATTGAA 348

Name: 53 Len: 355 Check: 1803
GGGCGGCHCG GCGGCTANT ANGNAGGGTG CACAGAGAAC ACCCTTAGCA TGAACAGTGT 60
GAGGATTOCA CCAAGTCTTTT CACCATGAAG GAGACAGACC GGGAGGCTTT GCGACANAGG120
TGCAAAAGGT TCTTGGATG CTCCAGGCT GGAACAGCT GGAACAGGTG GAGCAGTAT240
GCAAGGAGGA AGCGGGGAAG AAGGCTCTCG TGGACANGAA TTTGAAGAGA GCGGATCTGA480
AAGCTCAGGT GCGGCAATTCT CTCCTGTGGC TCAGGCTGCT TGGGCGAAG TTGTGGTGTCT200
GGCTGAACAG CAGNAACTCC CCGGCCCCAA AGCCAGTTGA AGTTCTGAG CGTTC 355

Name: 54 Len: 330 Check: 2650
AACHATGCHG TTTTCTCTTT CTACACACTT GGGGCTCATG TGTGAGGCTG CAGAGGAGGT 60
GGCACTGGA GCAGAGGTGG TGGATCTGCT GGTGGGCTAT TGTAGGGGAG CTTTAGAGTCT120
CCCTAGAAAAG AGCATCATCT TTGAGCTTTA TCCCTCTGTG GTGGACCCCA CTGATCCCAA180
GACTCTGGCC TTAAACCTTA AGAAGAGGAA TTATGAAGCG GCTTCAGAAA GCTCTGGGAT240
ASTGTGATGT CTATTCGGGG AGATGAACCA GGGCTCATAA TTTGGAAATC AAGAAACAGA300
TGGACAAAGT TTGGATCCCC CTGGGCCCCAT 330

Name: 55 Len: 451 Check: 1D60
TONGACAGAA AAGGTGTAGG TTATATGTTG GAAATCTTTC TTTTACACA ACTGAAGAAC 60

```

AAATCTATMA AATCTTTCAGC AAAATCTGGT AATAAAGAA AATCATTATG GGTCTGGATA120
AAATGAAGAA AACAGCATGT GGATTCTGTT TTGTGSAATA TTAATCAAGC GCATATGCCG140
AAAACGCGAT CGGATACATA AATGGGACGC GTCTGATGA CGAATCATT CGCAGAGACT240
GGGAGCGAGG CTTTAAGGAG GGCAGGCAAT ACGGCGCTGG NGAACTCTGG GGCAGGTTCT360
CGGGATGAAG TATCCGGCAG GACTACCGAT GCTGGGAAGA GGAGGCTAAT GGGAAAACTG360
GCACAGAACC AGTGAAGTGGT TGAGAAGTCT GTCAGTGACA AACACTCCTT TGGCCTGTTT420
GAATTTGCTG AAGAACATCA CCTAAAGTGG G
Name: 56 Len: 355 Check: 1908
GSAITGTGAG TGAITGGGAAC GGTTCACATA CTGACTGTGG ATCTCAAGTA TACCATTGAA 60
AACCCAAAGG ACTTTGTGGA CTCACACCAO CAGAAGGCTG TTAATGCTAT CATCGAGCAT120
GTGCGGGAGG GCAGGTGTGGT CAGGGGCGCT CTCTCCCAAG ATTACTACCT GGTTCAGACT180
ATGCTGTGAG GCATCAAGTG CCAACTTTTT CAGCGGGAAG CAGATGCGAG TGAACCTCCA240
GAGCCTTTTT CTSCAGAAGC CAAATTTTTT ACTGAGTGGC GACTGCTTCA GAGAGATGTT300
CAGATCATTC TGGAGAGCTG CCACAACCAAG AACATTCTGG GTACCATCCT TCATC 355
Name: 57 Len: 468 Check: 291
TTGTTCTGGA TTCCCGTGGT AACTTAAAGG GAAATTTTCA CAATGTCCGG AGCCTTGTAT 60
GTCTCTCAAA TGAAAGGAGGA GATGTCTCTT AAGTTCCTTG CAGCAGGAAO CCACTTAAGT120
GGCACCAGAT TTGACTTCCA GATGGAACAG TACATCTATA AAAGGAAAG TGAATGCTAT180
TATATCATAA ATCTCAAGAG GACCTGGGAAG AAGCTTCTGC TGGCAGGCTG TGAATGCTAT240
GCCATTGAAG ACCCTGCTGA TGTGAGTGT ATATCCTCCA GGAATACTGG CCAGAGGGCT300
GTGCTGAAGT TTGCTGCTGC CACTGGAGGC ACTCCAATTG CTGGCGGCTT CACTCCTGGA360
ACCTTCACTA ACCAGATCCA GGCAGCCTTC CCGGAGCCAC GGTCTCTTGT GGTACTGAC420
CCAGGGCTGA CCACAGCTCT CAAGGGGCAT CTTATGTTAC CTACCTAC 468
Name: 58 Len: 394 Check: 520
ACAGTGTGCG TTCAGCCCGA GGAATCGGAG TCGGCTCAGA CTCCGGTCTT TTSTTTCTCT 60
GAAGGTGCGA CGGGGACTCA GGCAGGCGAG GTGAGGGGCG AGGTCCAGAG TCACAGAGCT120
TTGGAGGTCA CCGTGTAGGG GTGCGAGGGA CGGGCTTGAG ACAGGAAGTC CTTGGGTGGA180
CAATGAGCAG GTGGGGAGAC AGGGGCGCTGG GATGGGGGAG TCCAGAGGTC AGGGGTGCTCT240
GGGTGAGG GAGGGGACT CACGGCTCTC AAGCAGGTTT TTAAGAGCTT TGTCAATGTA300
AAGGCAGATG TTGGAATGTA CCAGGCTCTA CTCAGAGAGC ACCTGCTCCC GACACTCAAA360
CGCAGAGCTG GGGATCTCGG CAGGTATGAA CTGC
Name: 59 Len: 296 Check: 1081
GCCAGGGCTA CTGACAGGTG GACCAGCGGA CTGGTGGAGA TGGCGAGGCT CTCTCTGACC 60
GTGAATTCAG GAGACCTCC GCTAGGAGCT TTGCTGGCAG TAGAACAGCT GAAAGACGAT120
GTCAGCATTT CCGTTGAAGA AGGGAAAGA AATATTCTTC ATGTTTCTGA AAATGTGATA180
TTCAGAGATG TGAATCTAT ACTTCGCTAC TTGGCTAGAG TTGCAACTAC AGCTGGGGTA240
TATGGCTCTA ATCTGATGGA CCATACTTTA GATTGATCAC TTGGTTGGTA GGTTTA 296
Name: 60 Len: 573 Check: EDF
GCGACNCGCC GAGCCTCGTC AGCCTGCGCA GCGCCTCACA GGAGGCGGAG CCGGAGTGCA 60
GTCCAGAGGC CCGCCAGCG GAGGCGNCA AGTAAAGAG CAAGCTTTTG TGAGATAATC120
GAAGAACTTT TCTCCCGCGT TTGTTTGTG GAGTGGTGCC AGGTACTGGT TTTGGAGAAC180
TTGTCTACAA CAGGGGATTG ATTTTAAAGA TGTCTTTTTT TATTTTACTT TTTTTTAAAG240
AOCAAATTTT GTTGTTTTTT TTTTTCTCC CCGCCACA GATCCCATCT CAAATCATTC300
TGTAAACAC CATTCCAAAC GGTGAGGAG AGCTTAAACA CCGTCTTCTT CTGGCTTGT360
TCTCTTTTAT TTTTATTTT ITGCTATCA TATTAATGTT TTTTGCATAC TTTGCATCTT420
TATTCAAAAG GTTAAACTTT CTTTGGTCTA ATCTATGGGA CATGGGCCAT ATATGGAAGG480
AGATGGGGTG GGTCAAAAAA GGGGATATCA AATGAAAGTG GATAGGGGG CACAATGGGG540
GAAATGGAAG TGGGGGNATA ACATGCGCAA AAT
Name: 61 Len: 426 Check: 3E0
CGGAGCTCCC GGAAGTGAAG CGGAGAGAG AGGGGGCTAG CTAGCTAGTC TGTGGGAGCC 60
AGGAGAGACC CCGCGCCCCC CCGGTGTGAG GCGGCTCAG AGGGCTGGGT GGGCTGGGGA120
CGGAGCGCGG CGCAGGAGGC GTGAGGAGT GTGTGGAACA GGACCGGGA CAGAGGAAC180
ATGGCTCCGC AGAAGCTGAG CAGCTTTTGG CTGTTGCTGC TATACCTCAT CGGGGGGGGT240
ATTGCGGAGC GAGATTTCTA TAAGATCTTA GGGGTGCTTC GAAGTGGCTC TATAAGGAT300
ATTAAAAAGG CTTAAGGAA ACTAGCCTG CAGCTTCATC CCGAGCGGAA CCGTGAATGAT360
CCACAAAGGCC AGGAGAAATT CCAGGATCTG GGTGCTGCTT ATGAGGTTCT GTCAAGATAGT420
GAGAAC
Name: 62 Len: 451 Check: 1AA2
CGCTTCTGT ACAAGGGGCA GGGGCTGAAC AAGATCAGCC ATCGGGGACT ACCTGGGGGA 60
GAGGGAGAGAA CTGAACCTGG CAGTGCTCCA TGCTTTTGTG GATCTGCATG AGTTCAACCGA120
CCTCAATCTG GTGCAGGCCO TCAGGCAGTT TCTATGGAGC TTTCGCTAC CCGGAGAGGC180
CCAGAAAAAT GACCGGATGA TGGAGGCTT CCGCCAGCGA TACTGCTGT GCAACCTTGG240
GGTTTTCCAG TCCACAGACA CGTGCTATGT GGTGCTCTTC GCGCTCATCA TGCTCAACAG300

```

TAGTCTTAC AATCCCAATG TCTGGACAA TCCGGGCTG GAGGGCTTG TACGATGAA 60
CGGGGGCATC AACGAGGGCG GGGACCTGCT TGAGGAGCTG CTCAGGAAAC TGTACGAGAG 120
CATCCGAAT GAGCTCTTCA AGATTCTCTA GATGATGGG A 461

Name: 62 Len: 422 Check: 2103
ATCAACAAGG AGATGCTAAA GGTGAAAAG CAGAAAGGCT TGGTCAAGGA TACAGAGCT 60
GACTTGATG GGTATTAGGA GATGCTGAAG AACTGCCCC TTATGATGAC AAGTTTGATA 120
TTTACACCAT TCCCTTTGGG ATCTGGAATG TCACACACAT TATCAGGCA CTCAGGAA 180
CTCATCGGGT GCTGAAACCA GAGGACGGT TTCTCTGTCT GGAATTTAGC CAAGTGAACA 240
ATCTCTCAT ATCCAGGCTT TATGATCTAT ATAGCTTCCA GGTGATCTCT TCTCTGGAG 300
AGGTGATGCG TGGAGACTGG AAGCTTATCA GTAGCTTSTA GAGATATCC GAAATTTCT 360
TCTCAGGAAG AGTTCAAGGA CATGATAGAA GATGAGGGT TTTACAAGGT GACTTACGAA 420
AG 461

Name: 63 Len: 230 Check: 060
AGAAGTAGAG CAGAAGAAAG AGGGGACCTT CCGCAAGTTC AACTACGGCG GCTGAGCT 60
CGACDAGCTG CTGACATGT CCTACGAGCA GCTGATGAG CTGTACAGTG CCGGGCAGG 120
GGGGGCTGAA CCGGGGCTTG CCGGGGAAAG AGCACTCCCT GCTGAAGCGC CTGGCGAA 180
CCAAGAAAGGA GGGGCGCGCC ATGGAGAAAG CCGAAGTGGT GAAGAGCGAC CTTCGGGACA 240
TGATCATCTT ACGGAGATG GTGGGAGCA TGGTGGGCT 280

Name: 64 Len: 408 Check: A6C
CTGGGAGATG AAACAGAGGA AGAAGAAACA AAGCCCATTT AGCTCCCTGT CAAAGAGGAA 60
GAACCTCTTG AAAAACTGT TGATGTGGCA GCAGAGAAAG AAGTGGTGAA AATTACATCT 120
GAAATACAC AACTGAGAG AATGACAGAG AGGGCTGAAC GATTTCANTGT AACTNTAGG 180
TTGGAGAGTA AGAAAGCTGC TCGGGCAGCT AGGTTTGGGA TTTCTTCAAT TCCAACAA 240
GGTCTGTGAT CTGATAACAA ACCTATGGTT AACTTGGGAT AAGCTGAAGG AAAGAGCT 300
AAAGATTTGG TTTGAATGTC TCTTCAATCT CCAGAAAGTC TTGAAGATGA TGAGGAAACT 360
GAAAAAGAGG GAAGGAGCGA TTTGGGGATT GTCAAGATT CAGCTGGA 408

Name: 65 Len: 463 Check: 1000
AGCCGCTGGG GCGAGGACGG CCGGAGGCTG CTGCTGCTGC CCGGGGCGCG GCGGGCTG 60
AACGAGAGGG CCGAGCCAG CCGGGGCGCC TCTTATGCTG GAGGATGCT GAGAGTAGG 120
GGCTGCAAAAG GCTGAAGGAG GGCCTGCTGG AGAAGCGCAG ACNCGGTTGT TGCAGCTCT 180
GAGAAAAAG TGTGCTATCC TCACCGAGGA AGGGCTGCTG CTTATCCCGC CCAAGCAG 240
GCAACACAG CAGCAGCAGC CAGCAGCAGC CAGCAGCAGC CAGCAGCAGC CCGGGCAG 300
GGGGGCGGAG CCGTCCCAAC CCACTGGCCC CCGCTGCTGC AGCTCGAGG CCGGGGCT 360
GCTCAAGGAA CTGCACTTCT CCAACATGAA GACCGTGGAC TGTGTGGAGC GCAAGGGCAA 420
GTACATGTAC TTCCTGTGG TGATGGCAGA GGGCAAGGAG ATC 463

Name: 66 Len: 512 Check: 111A
CGCGCCAGG GAGTGTGTTG TCGGCTCGCG TGGTCAAGGA GGGGCTGGCG CTGCTAGCG 60
CGACAACTCC GAGACACGGC CGCCACCGAA GCTGCTTCTG CTGGCGCTAC TGGTGTCT 120
GCTGCTGGCT GGAGCTGTGC AGGGCTGGGA GACAGAGGAG AGGCCCCGGA CTCGGCAA 180
GGAGTGGAG TTCTAGCGCG GTGGACAAGT GTACCCGGGA GAGGCATCCC GGGTATCG 240
CGCCGACAC TCCCTGCAAC TAAGCAAGC GAGATTTTCC AAGCCAGCGC CTTACTGG 300
AGGAGAGCT GTGATGATG GAGAATTAA GGAATGAA GTTAACTGAT ATCTGGGAA 360
ATCTTGGGT TCTCTTCTCT ACGCACTTGA TTTCACATTT GTGTGTCCAA CTGAAATT 420
CGCTTTTGGC GACAGACTTG AAGAATTCAG ATCTATAAAT ACTGAAGTGG TAGCATGCT 480
TGTGATTCG CAGTTTACCC ATTTGGCTGG GA 512

Name: 67 Len: 367 Check: 9A2
GGAGAGCAAC ATTAGGATCT ACAGCGAGAG GCGGCTGCTT GGTGAGCAA AGATGACAT 60
CGAAGAAATG GACTCTTGGC GGACAGCGCA GTGGNCAGGG CTCTGGGCTG TGTCTCTA 120
GAGCGAGGCG GTTTCCTGGT GCTGGAGGGG GCGGCACTG GCGCTGTGCT CCGCTGTG 180
CTAGGCGGCT GTGGGCTTCT CAAGCAGGCC TTGGACATGA GTGAGGTGTT TGGCTTCA 240
CTAGACAGGA TCCCTGGGGT CAACAGGACC CTGCGCTCTG TGAGCAGGAA AGCAGAGT 300
ATCCAGAGAG GCGGNCATG CCGCATCATT CTTTGGGATG CATCTTTATC TTAGCAGAA 360
AATGADA 367

Name: 68 Len: 402 Check: 190D
TGCAGATGTA GATCCTGAAA ACCAGAACTT TTTACTGAA TCGAATTTGG GGAAGAAGAA 60
GTATGAAACA GAATTTGATC CAGGTACTAC TTTCTTTGGA ATGTGAGTAT TTAATCTGA 120
CAATGCGGAT GTGGGCGAGT GAATCTTGG GCTTTCTTAT GCGATGGCTA ATACTGGA 180
TCTCTCTTT ATAAATCTCT TGACATTTGT GTCAATATTT TCCCTGTATT CTGTTCTAT 240
CTTTTGAAG ACTGCCAATG AAGGAGGGTC TTTATTATAT GAACAATTGG GATATAAG 300
ATTTGGATTA GTTGGAAAGC TTGCAGCATC TGGATCAATT ACAATGCAGA ACATTGGAG 360
TATGTCAAGC TACCTCTTCA TAGTGAAATA TGAGTTGCTT TT 402

Name: 69 Len: 545 Check: 240C
GGGGGCTGGG GCACGTNNCA GGGGTGAAGC GGGGGCGGGG GTGGGGNCTG CAGGTAGCG 60

GGGGCTGGG ATGGCTCTCC TGGTGGTGGG TGTGGTGGG TGTACCTT CT TTTGGGAGT120
 GAATGCTCTG TATTCTCTTA GTGATGATGT GATCGAATTA ACTCCATCAA ATTCCAAACCG180
 AGAAGTCTAT CAGAGTGTATA GTTTGTGGGT TGTAGAATTC TATGGTCCAT GGTGTGGTCA240
 CTGTCAAGA TTAAGACCCAG AATGGAAGAA AGCAGCAACT GCATTAAAAAG ATGTTGTCAA300
 AGTTGGTGGCA GTTGTATGAG ATAAGCATCA TTCCCTAGGA GGTGAGTATG GTGTTCAGGG360
 ATTTCTTACC ATTAAGATTT TTGGATCCAA CAAAAACAGA CCAGAAGATT ACCAAGGTGG420
 CAGAACTGGT GAAGCCATTG TAGATGCTGC GTTGGTGGT CTGGGCCANT CTGGAAGSAT180
 CCTTGGGGG ACAGAGGGGA GGATACAGTT CTGAAAAACA AGGCAGAAAT CATAGTTCAA540
 GTAG 545

Name: 7 Len: 437 Check: 18F0
 TAAGGTTTT TCTACTATGT CCACITGGTA AAATGGGGGT GACAAITCCG TGTGGGGGCC 60
 TTADATGTT TCATCTACAA TGTGTTGAGC CAACCTTTA CATTGAGATG AATGAGAAA120
 AACCAACCTG GTTTGTGCT GTCTGTGATA AGAAGGGTCC ATATGAAGAC CTATTATTG180
 ATGGCTTGT TATGGAAATC CTAAAGTACT GTACAGACTG TGATGAAATA CAATTTAAGG240
 AGGATGGCAC TTGGGCAACG ATGAGATCAA AAAAGGAAGT ACAGGAAGTT TGTGCTCTT300
 ACAATGGAGT CGATGGATGC TTGAGCTCCA CATTGGAGCA TCAGGTAGGG TGTCAACACC360
 AGTCTTCAA TAAAAACAAG AAAAGTAGAAG TGATTGACCT AACCATAGAC AGTTTCTG420
 ATGAAGAGGA AGAAGAGCCA TGTGGCAAGA GGACCTGTCC TTCCCTATCT CCCACATCA180
 CCACTAG 487

Name: 70 Len: 359 Check: 19B0
 GCTACTGCA CGCGCGACCA CAACGTGAGC OCGAAGATCT TGGCTGGGT CTACAGGGAG 60
 ATCAATGATG ACCTGTCTTA CCAGATGGAC TGCCACGGCG TGNAGTGGA GAGCAAGCTC120
 GAGGCGAAGA AACTGGGCGA CGCCATGATG GAGGCTTCA GGAAGACTTT CCACAGTATG180
 AAGAGCGACG GCGCGATCCA CAGCAACAGC TCTCCGAAAG AGGTTTCCCA GGAATTGGAA240
 TCGATGATG GCTGAATGAA CTTTNGAGC CTTNAGCAA GCGAGCATTG GTCAAGGGGT300
 TCAAGGGAAT TAGATTGAGT AAGCAACGTT TCAAAITTTG GATGAAAGAT TTCCAAAT 359

Name: 71 Len: 392 Check: 1BC4
 CTATGTNGCA ATTCCAAGAC CAAGTCAGTA GTATTACAGC TGGCTGATGG CCAGATATTT 60
 AAGTACCTTT GCGAGTCAAC TTCTCTGGCT ATTAAGCCAT GATGAACTC TGGTGGATTT120
 CCGTGTGGGT TTCTTATCC ATGCACCCAG ACGGAATTGG CCATGATTGG AGAAGAGGAA180
 TGTNTCTTG GTCTGACTGA CAGGTGTGCG TTTTTCATCA ATGACATTGA GGTGCGTCA240
 AATATCACT CATTGTCAGT ATATGATGAG TTTTATTGT TGACAACCCA TTCCCATACC300
 TCGANTGTT TTTGCTGAG GGATGCTTCA TTTAAACAT TACAGGCGGG CCGAGCAGC360
 AATTCAATG TCCCATGGGG AAGTTTCTGC GG 392

Name: 72 Len: 344 Check: 65D
 GAGTTCAAG ACCGCACTTT GGCACGTTT CCTCACTGCA GGAAGTGTG ATCTATTGGG 60
 CCGAGATAC CAGTAAGAN ATGTATCTNC TGCTTCTTGC TTGGCTTGT TTTGGCAGTC120
 ACTGCCACTG GCTTTGCTT TGGCACATGG AAGCATGCAC GCGATATGG AGGCATCTAT180
 GCAAGCTGGG CATTNTTCAT CCGTTTGGCT GTGCTGTGTT TGGGCGGGG TCTTTATTGG240
 GCGTGTATGA AGGTGAGCCA CCGTGTCCAG AACTTCTCTT GAGCCTGATG ACCACAGAC300
 TGTGGCTGGN CCGTCTCTGG TGGGGACAGT GACACTACGA AGGG 344

Name: 73 Len: 311 Check: 1E74
 GTGGATGGG GTGCCCTTCA TCTGCGCTG CCGCAAGGCC CTGAACGAGC GCAAGGCGGA 60
 GGTGAGGCTG CAGTTCCATG ATGTGGCGGG CGACATCTTC CACGAGCAGT GCAAGGCGAA120
 CGAGCTGTT ATCGCGCTGC AGCCCAACGA GCGCGTGTAC ACCAAGATGA TGACCAAGAA180
 GCGGGCATG TTCTTCAAC CCGAGGAGTC GGAAGCTGGAC CTGACCTAGC GCAACAGATA240
 CAAGAACGTG AAGCTCCTG ACBCCTATGA GCGCTCATC CTGACCTCT TCTGCGGGAC300
 CAGATGCACT T 311

Name: 74 Len: 176 Check: 1B5C
 CTGTTCTTG GAAATGTTT ATGCTACTCT GAAAGATGGA GAAGTGAAGT TTCACTGGG 60
 TCCAGTACT ACCATGTTT TGCATTGGCT AGTGGGAATG GTATATGTT TCTACTTTGC120
 CTCTTCAAT CTACTACTGA GAGAGTACT TGAAGCTGGT GTCTGTGGT TTCTAA 176

Name: 75 Len: 276 Check: 120F
 CCAAGATTGG TTCCAGCGCC AGTAAGTGT AACTCCAGAT AGTCAGTCTC TCGCTGTGA 60
 CCGATTGGC TACATCTGT GGGTAGTCCA NCCTTCTAAT GAAGTACTGA GTTCAGATAT120
 CTGCCCCGG TGGGCCATCA TTGGTTGGCT CCGACAAAG TGCACGTCAA ATGTGCTGC180
 CTCCATGCG AAGCTGGCT TGTGTTATGA CTGGCTGTT TTTAGTCCAG ACAAGGATAG240
 CATTATGAAC ATAGAAGCAG CCATCTGGT CATGCA 276

Name: 76 Len: 310 Check: 21A5
 ACACCTCTGT GTGCAATGGG TATTGGCTTG CCGGCTGAT TCATGTGGGA GAGTCTTGT 60
 ATGCATAGT ATTGTGCAAG CATAAAGGCA TCACAAAGTG TCGGGCTCAG CTAAGTCTGT120
 TCTACAGAC TTTCTCTTT GGGATAGCGT CTCTCAACAT CTTGATTGCT TACAAACGGA180
 AGCGCCAAAA ACAAACTTGA AGTTGTCTGA AAGCTTGTCT TACACTTTTA CATTTCATCT240

TAAGCTTTTTT TTTGTGCTGT AGAGGAGGTT AGAGTANTTT ACTCAATGAT TTTTACTTTCG
TCTAGAAACT 410

Name: 77 Len: 295 Check: 102E
TTTCACTGCT ATGGGCTGCA ACAAGAAGAA SAAGCSAGAT GGTGACGAGG GGGGGCTGAG 60
GCTGCTTCTT AGCTTCGAGG AGGAGAAGAG GCGGGAGTAC CTGACAGGCT TCCACAAGCG120
GAAGGCTGAG CAAAAGAAGG CAGCCATTGA GGAGATTAAG CAGCGGCTGA AAGAGGAGCA130
GAGGAAGCTT CCGGAGGAGG GGCACCAAGG ATACTTGAAG ATGCTGCGAG ABAGAGAAGA240
GGCTCTGAGG GAGGCTAGAT AGCTGGAGCG GTTGGTGACA GCAAGAGCGG AGTGG 495

Name: 78 Len: 406 Check: 233C
CAAAAGGCTG GINGCTTCCA GAGCGGACTT TTTCAACCAG GAGGACTAGA CACGGGATGT 60
GGACTTGTCT CTCAGAACAG GAGAAATTTT CAGGTTGCTG GNGGNAAGAG GGGCTTGGGG120
GGCTACCTGG AGCACTGTGT CCGGCACGCG GCGGAGAGG TCTTTGGAAT CCATGTGGCT130
GAGGTTACCT ACAAAACCCCT GAGGAACAAA GACTTCCAGG AGGTGAACCT NGAGAAGGAG240
GGGCAAGGCT TGGTGCACCT CGCAATGGCG TACGGCTTCC GCAACATCCA GAACCTGGTG300
CAGAGGCTCA AAGGAGGGCG CTGCCCTAC CACTACGTGN AGGTGATGGC CTGCCCTCA360
GGCTGCTGA AGGGGGGGG GCCAGCTCCA GGTCCCAGAC AAGGCC 406

Name: 79 Len: 238 Check: 13D6
AAGAAAGAGA GAAAGAGAA GAGAGGGGAG AGGANGGGGG AAGAGTGGAG TGTGCTGGG 60
CTCACTTGTCT TCACGGATGA CAACAACCCAC TGGCAGACAG CCCCCTTNTG GAACCTGGGA120
TCTTTCTGTG CTTGCACGAG TTCTAACAAAT AACACCTACT GGTGTTTGCN TACAGTTAAT130
GAGAGCGATA ATTNNNTTT CTGTGAGTTT GCTACTGGCT TTTGGAGTA TTNNGATATG240
AATACAGATC CTTATCAGCT CACAAATACA GTGCACACGG TTAGAAG 288

Name: 8 Len: 168 Check: E5E
CAAATTTGTG TTGTATATAT TCGTATTCCA TGTGTTAGAT GGAAGCATTT CCTATCCAGT 60
GTGAATAAAA AGAACAGTTG TAGTAAATTA TTATAAAGCC GATGATATTT CATGGCAGGT120
TAITCTACCA AGCTGTGCTT GTTGGTNTT TCCCATGACT GATATGCT 168

Name: 30 Len: 322 Check: 1995
AAACAGCAGC TGGTGGTTAA CAAGTGGATC GTCATGTTCA GTAGTTTATA CATTATGTGA 60
GAAGTAACGT TCTGATTCTT TTTCTTACAC AGAATTGGCA GAGGGGGTGG ATTTGGGAGG120
AAAGGTGTGG CTATAAACTT TGTACTGAA GAAGACAAGA GATTTCTTCG TGACATTGAG180
ACTTTCTACA ATACTACAT GAGAGGATG CCAATGAATG TGGCTGACCT TATTTAATTG240
CTGGGATGAG AATTTTGGAT CAGTGTCTG CTGTTGCTGA ATAGGCGATC ACAACGTGCA300
TTGTGCTTCT TTCTTTTGGG GA 322

Name: 31 Len: 361 Check: 2C4
ATTCTCTAAA ATGCTTAAAT CCTTTGAAAT TTTGTAATCA AAAAAAAGCT TTGAAAAAAT 60
CTAAAGGGGA GATATTCTT TAAAGTTTTT AACATAAGCT TGTCAATGCA CATGTAGATG120
GTTAGCATGT TTAGCAAAAC TTGTGAAATT ATAATAAGTT TGTAGTTACA TGTGAAACTC130
TAAATGCATG GCAACTGTTA ATGTCATAAC AGTTTAGTTA TTTTGTCTG TTCTGTCTATG240
TGCCACAAAA TATGTACTTT TTTCACCTTT TTCCCTTTGT ATATCAGTTA GGGGTTACAA300
CTGGTTCAAT CTGAAAAA CAACAACAAA AGTCCATTCA TATTTTATAA CCATTGTATA360
3 361

Name: 32 Len: 206 Check: 7A3
TTTTTTTTTT TAGTAGTTGC AACTTCAACA CATCTTTATT ABAACTCTTT CATTTGTGGT 60
AAACAGGCCAC AAAAAATAAT GCTGACTTAG AAGGTATAAA CACAAATATT TAAACAAAAA120
TGTGTCAGC ATTCTAGAGG CAAATTGTAT CTGAACTGGA AAGGCCAATT CTGAGATAT180
CCATCAACT GGGGGGCTCT CAGCA 206

Name: 33 Len: 563 Check: 915
CATCAGCTCT CTTCGTTGCT GTGGGAACAC TGGGCGAGAG TGTACCACTG CAGGGTACT 60
GTTTATACAT GAAAGCATCC ATGATGAGGT TGTAAACAGA CTTAAAAAGG COTATGACAL20
GATCGAGTT GGAACCTAT GGGACCTTAA TGTCTCTAT GGGGCAATCC ACACCAAGCA180
GGGAGTGAAC ATGTTTCTTG GAGCAGTGA AGAAGTAAAG AAAGAAAGTG GACAGTGGT240
CTAGGGGGG AAGGTTATGG ATGCGCCCGG AAATTATGTA GAACCGACAA TTGTGAGAGG280
TCTTGGGCGAC GATGCTTCCA TTGCACACAC AGAGACTTTT GTTCCGATTC TGTATGTCTT300
TAAATTCAG AATGAAGAAG AGGTCTTTGG ATGGAATAAT GAAGTAAAG AGGGACTTTG360
AAGTAGCATC TTTACCAAG ATCTGGGGAG AATCTTTTGG TGGCTTGGAC CTAAAGGATG420
AGACTGTGGC ATTGTAAATG TCACATTC CCAAGGTGG GGTGAGATTG GAGGTGCTTT540
TGGAGGAGAA AAGCACAATG GTG 563

Name: 34 Len: 450 Check: 97B
ATTTGGTGTG TTCATGAACA CGCTAAATGG CTTGGTAAAT GGGTGTGCTT CAAAGGCTGA 60
TGGTTCAAGA TCTCTGTTT GAATTTGGTC ACAACCAAGG AGTATTGCCC CTTTTCTGT120
CTGGGTCTCT AATAGGAAC TTTCTATCCA GGCATAAACA ATCCAGATGG CTGCCACGTG180
GTCTTACCA GTGAGAGGCG TCACACAGCA CACACTGCAT GAATGGGGAT GAAATCATTC240
CTGAATTAAT ATAGGGTTAT ATTACTTGA CCTCAGCCAT TTGAGOUTCA GTGTCTGCAT300

ATATATTTT	TAGTATATGG	ACATCTAACT	AAATTAATTA	ATGTGGCAAT	TTATGCGTTC
CTTTTTTGG	AATATTCTAT	TTTAATGGAA	AGAATTATGT	AGAAATACTG	GATACATTTT
TAAAAACATC	CATAATTCCAC	CATCTTGACA			450
Name: 85	Len: 320	Check: 75F			
CCATTASTGT	TCACACTCAG	ACATTTTTTC	CCAGCTCTAA	GGTAACCTCA	TCTATAGCTG
CTCAGACTGA	TGCATTTATG	GACAACCTGT	TCCAATCAGG	TGGGGTCTCC	AGAGAAACTC
AAACCACTGG	GATAGAAAAGT	CCAACGGATG	ACCATGTACA	GATGGACCAA	GCTGSAATGT
GGGAGACAT	TTTTGAGAGT	GTTCATTTCAT	CATATAATGT	TGCTACAGST	AACATTATAA
GCACACATTT	AGTAGCAGAG	ACAGTAACTC	ATAGTTTGT	ACCTCAGCAT	GAAGCTAAGA
CTTTAAATCA	AGATATTGAG				320
Name: 86	Len: 524	Check: 1602			
AATTCGGCAC	AGGCTGGGTC	TTTGAGTTTC	AGTGAATTTG	CTGAAATGTC	GAAGAAAGTAG
TTCCAAACTT	CAATGTTCAA	TGAAATTTTC	GTTCAGTTT	GAAATGGAGA	GAGCAGCTAT
AAAAGGTACT	AAGCTTTT	CAAATTTGTT	ACTACTGGCA	CATGAGATCT	AGAGCAGGAG
CAACTTCTCA	CACATAGTAA	GTGGGAAAAA	AAAGTGCTTT	GAAAGTTTCT	CCCTCACCTA
CACAGTAGTC	GTCATGTCGA	GACCTGCCAG	AGAGAGACAC	ATTCTCAAAT	GAATCCTGGC
TTCTTGGAAG	CGCTTGCTTA	GAAGAGACAC	AGTGCATAAA	AACTAACTTT	GGGGGACAGG
TATGTTTTCT	TGCAGCTGCG	GTGTAAGGT	CTTGGCAAGA	CAAGCAGTGT	GGCCAGAATT
TGAACTTCT	GATGAATGTG	TAATGCAAA	GACCTTGATC	ATTTTTTTGT	TTCAAGGTCC
TCAAAATGAG	CACATGAAGA	GGTTGCTGTG	AACTTTAAG	TGGC	524
Name: 87	Len: 439	Check: 2297			
CTCTGGGCCC	CTCTCTTGGG	TCTGTGCTGG	AGTCTGGCG	CTGCTGATCG	CCACACCGTC
TTCTGGAACA	GTTCAAATCC	CAAGTTCCGG	AATGAGGACT	ACACCATACA	TGTGCAGCTG
AATGAATAAG	TGGACATCAT	CTGTCCGCAC	TATGAAGATC	ACTCTGTGCG	AGACGCTGCC
ATGGAGCAGT	ACATACTGTA	CCTGCTGGAG	CATGAAGAT	ACCAGCTGTG	CCAGCCCCAG
TCCAAGGACC	AAGTCCGCTG	GCACTGCCAC	CGCCCAAGTG	CCAAGCATGG	CCCGGAGAA
CTGTCTGAGA	AGTTCCAGCG	CTTCACACCT	TTCAACCTGG	GCAAGGAGTT	CAAGAGAGGA
CACAGCTACT	ACTACATCTC	CAAAACCCATC	CACAGCATG	AAGACCGCTG	CTTGAGGTTG
AAGGTAACCT	TCACTGGCA				439
Name: 88	Len: 376	Check: 233			
TGAATTGAAG	GAGCTGCAAA	AAACCTTTGA	AATCTCCATT	GGGAGAAAAA	ATGAGGTGAT
TTCTAGCTTG	TCTCATGCCA	TAGGAAGCAA	AAGGAAAAGA	TAGAGTTGAT	GAGAACATTCT
TTCCACTGGC	GAATCGGCCA	TGTCAGAGCC	AGACAGGATG	TTTATGAAAG	TAAACTAGCT
GACCACTACT	ACCAGAGAAC	TTTACTGAAG	AAAGTCTGGA	AAGTCTGGCG	TTCCGTAGTG
CAAAAGCAGT	GGAAAGATGT	GGTAGAAAGA	GCTTGTCAAG	CAAGAGCTGA	AGAAGTTTGT
ATCCAGATTT	CCAATGATTA	TGAAGCCAAA	GTTGCTATGT	TATCTGAGCC	TTTGGAAAAT
GCAAAAGCTG	AGATTC				376
Name: 89	Len: 341	Check: 7BF			
GTGAGAACAG	GTCTACAGAG	GCACTCTGT	ACAAGAAAGG	GGCTTTCTAT	AAGCTTTGGA
AGGCGCGCTG	GTTGGTGCTG	GACAAGACCA	AGCAACAGCT	GGGCTACTAC	GACCAACGTC
TGGACACAGA	GTGCAAGGGT	GTCATCGACT	TGGCGGAGGT	GGAGGCTGTG	GCACCTGGCA
CGCCCACTAT	GGGTGCCCTT	AAGACTGTGG	ACGAGAAGGC	CTTCTTTGAC	GTGAAGACAA
CGGCTCTGCT	TACAACTTCT	GTGCCAGGGA	GCTGCCCTCG	GGCCAGCAAT	GGGTGGAAAC
GATCCAGAGC	TGCTGTGCTG	ACGCTGTAGC	CTCCAGGCC	T	341
Name: 90	Len: 219	Check: 327			
AGAGAGTGGT	TCAAAGTAGA	AGATGCTATC	AAAGTTCTCC	AGTGTCTATA	ACCTGTACAT
GCAGAGTATC	TGGAAAAGCT	AAAGCTGGGT	TGTTCCCTAG	CCAATGGAAA	TTCTACAGTC
CGTTCCCTTC	CGGATAATAA	TGCTTTGTTT	GTAACCGCTG	CACAGACCTC	TGGGTTGCCA
TCTAGTGTAA	GATAGAGAGA	ACTGGGTAGG	CTCTCTCCA		219
Name: 91	Len: 394	Check: 24E			
CTTGGGCTTA	CCAGTTATTA	CCCAAGATGG	AGATTGACCC	AGTATCATCT	TCAAGATTTG
GTCACTATTA	TGATGCATCA	AAAAGAAATG	CACAAGAACT	AATTGAGGCT	TCAAATTTGG
ATGGATTTTT	TGTTCCAGAG	AAAATATCTT	CAACTCTCAA	AGTAGAACCC	TGTTCTTTGA
CCCTCTGGCT	CACAAAGCTG	CTTCAGTTTA	TCCAGAACAT	CATTTATGAG	GAAGGATTTG
ATGGAGTCAA	TGCTCAGAAA	AAACAGAGAA	ACATTTTAAG	AATAGGAATT	CAGAATCTTG
GCTCAGCTTT	ATGGGGAGAC	GATATTTGCT	GTTAGAAAAT	GCTGGCAACA	GTCAAGCCTT
TACCAAGTTC	CTCTATGTTT	TGCTGCTGCT	TCTG		394
Name: 92	Len: 153	Check: 1006			
ACCCATGGGA	TGASTGTTTT	ATTCATGCTG	TTTCCAGGAA	GGGATGTCAA	AGCTGGACCA
GTGGAAGCCC	TTGGAGGCTT	TTTTTGCACT	TGGCCACAGG	GGTGTGGGAG	GGCTGCTTAT
GGGTCTCTGA	TGTCAGAGAA	CTCTGCTTGG	GCG		153
Name: 93	Len: 479	Check: 1FC7			
CATTGGGCTT	CTAGATGCAT	GCTCGAGCGG	CGGCACTGT	GATGGATATC	TGCAGAAATC

AGCTTAAGGT TGTGAGGAG GAGTTACATT TTGTAGAAC CGGGTTCCTT TTTTCAGTTT120
 TGTACAAAAA TAGATGTTCC AGCCACCATT TACTTAACTG TCTAATATTT AAGACCBAATC120
 AATATGTTCC CTGAAAGAT GAAAAAGTCT CATGACTAAC TCGTTTTTTT AAAAAATTTT210
 TAAAACAAAA AGTGTGTGTG TGTGTGTGTG TGTGTGTGTG CTCAAAGCAC AGCATTTCOA300
 CAGCAGCAGC CAACATGGGG TTTAGTAGCT TCACTCACCC CTAACATAAG CTTTGAATAA360
 ACCAGTGAAT TACTACAAAA AACACTGTCC TTGAAAGAAA NGACNGCAGT CATACATGAA420
 TGTGAAACTT GGAATBAATTA GTTCTTAAAC ATGGCACTTA AAAAGTTACT TATCAAAA480

Name: 83 Len: 560 Check: 25DE
 TTTTTTTTCC CAGTGTGAGG ATAAAAAGTA AAATTTTAAA TTGAAAAATG TCTAGCACTT 60
 TACACAGTTG AATGAAAGAA TACGAAATTC AAAAAACATA TTAAAGATCC ATATGCGGCA120
 GCAGCAGCCTG CCATGATGAG AGCTTTTCTT CCGAGGCGCT TGTGGAGTAG CTTCTCAAC180
 CTGTCTGCGGA GACGCGCTCA GAAGAGCAGG GCGGCGATGC TGGCAACCTC GCTTTGCTCC240
 TTAACGAAGA TCTCAAAATA CTGTAGATG ATTGTGACTG CGAGCAGGAT CCGGCTTCCA300
 GACGCAATGG CGCTTAGGAA GTGAGCTAGG ACCGAGAGGG CCGGATGCA CAGCTTACCA360
 AAGGCTGCGG CTGTGCGGAT GTAGCGGTTG AGTTCATGSA CCATGGAGGT CTCTCGGTGG420
 CTTCTCATCA CCATCTGCTG CTCTTTCAGC TGCTTTGCAA CATCTTTGGC AGAGGAACCT480
 GAGAGCTCAA TCCAGCTTTT GGAGAAGAAT GCACAGGAGC CCAGCATGAA CACTATGTAT540
 ACAACTGCAT GGAACGCGTC

Name: 84 Len: 396 Check: 376
 GACCTCTTAC CTTACTGATG CTGCAAAATA ACAAATACAG ATGGAATAG ACTCTGGAAT 60
 AGTTCTCAT TTTCTTCTCT TGCTCAGGCA CCAGGAAGTT AAAGTTGASA CTGCTGCACT120
 TAGAGCTGTG GCGAACATTG TTAAGTGAAC TGATGGGCAA ACACAAGTAG TTTTGAAGT180
 TGATGCTCTT TCACACTTCC CAGCACTCTT GACACATCCC AAAGAGAAAA TTAATAAAGA240
 AGCAGTGTGG TTCTCTCTCA ACATCACTGC AGGAAATCAG CAGCAGGTAC AGGCAGTAAT300
 TGATGCGCAAT CTTGTACCAA TGATAATACA CTTTTTGGAT AAGGGGGAT TTGGGCGAAG360
 CAGCTTCTTT TTGAGTGCCA AGTGCACGCG GCGGGA

Name: 95 Len: 622 Check: 9F8
 ATGAGAGATC ACTTAATAAT AAATTTTCTC TATAGTAGGT AAATCCGATG AAAAGCAGCT 60
 GATTTCCAAAC AAAAGCTTTA GGAATTGCGA AGTTTCTTAC ATCTCTTTG TCACTTCAAL20
 TGTATGCGAA ATTGCTGCTG TCTATGTAC TGCTGAGTTC AGGTACTACA GAGCTGCGG180
 TTTCTTTTAT GTTATCCCAA TGCCACTGAT CATTCTTAAA GAAAGGATGC TGTCTGATTT240
 CTTCACACCC ATTTCTCCCA AGTCTCACTT CCTATCTGT TAAGAAAGCA CAGATGAGAT300
 CTTTGTGATG TTTGGAATT TCTGCTCTT CAGGGAACA CAGTGAATTC TTATGATCCA360
 TAATTTTGCT ATATGTTCTT ACAAGTGAAT CCGCATAAAA TGGAGTATCC CCACTAGCA420
 TCTCATAAAG GAAACACCTT ACAGACCAAC AATCACATTC TCGCCCATAG AAACCATCAC480
 CCGCTTGTGA TTTGAGAAC TCAGGTGATA TATAATCCGG TGTTCAACT GCTGTATCAC540
 AATGTACCAT GCTGTCTTCA TCCATCTTCA TACAGGTGCC AAAATCTGCT AATTTTAGAT600
 GTTCATGTTT ATCACAGAGC AT

Name: 96 Len: 445 Check: 123B
 GGAAGGGATG GAAAAAAGGA AAAGCAATAG AAAGTGTCCA ATTCACATCA GTTATCCGTC 60
 GCTTTTCTCT TGAGAGCTTG TGGAAGGTGT TAACGTGGCT GGGAAACATCA ACACCTTGGC120
 ATGCAATGAA GTTAAGTCAAG GAAGGCGAGC GATCACTTG ATAGCTTCTT CACTTAGGTG180
 CTCTCTCTCT TTGCGTCTCC TGGTAGATGT GCTTGTCTTC TCTACTGTAG ACATGAGTCT240
 TGCAAATGCA TCACTCACTT TGAGGCTTGA GGTGGAGATT TCCAGCTTAG AAGTTGTTAA300
 CTCATACAACT TCCGATCCCA CACCATCTAA AGGGTTAGTA AGGCCACTGC TACTCCAGTC360
 AAAGTGGAGG GGTGGTAGAG ACTCTTGGAA CTGATCAGAT GTACATGTGT TCAATATCTG420
 TGACATGCTG GCTGTCTGAC CGATG

Name: 97 Len: 541 Check: 147A
 CTCTCTTCTC TTTATCTCTG AGCCTCTTT TCTCAGGTAC TAGCTAGAG GGTAAACCCA 60
 CAGATCATTC TTGATAAATC CAGCAATCTT GTCAAGCTCT GCGAGGTATG TTTPGAGAACT120
 CAGCTGAAAA AGCTGTGCTT CCGCATCTTG TTCCCGTGA CAGCGCTCTG GGTTCCTTGGC180
 CCGGCTGCGA GCGGATTTGG GTTAAAGTGA ACACAGGCGG GCTTGAAGTG TTGCTGAGAA240
 ACTCTCTGAG AATCAGCATG TTTGTGAAGT AGGGGTTAGT CTGGAAGTAC AGCTTCAATT300
 TGTAGCTCAT GGAGATATGT CTGAGATCTT GTACCTGCAG AATGGGTCAA GTAGCTGAAA360
 AATGTCTTCA TCAAGTCTGT TGATCAAAAT TGAATTCTG GCGTGGTTTT GGAAGTGAAT420
 AGTGGAGTGC TTTGACCCAG AAGCTGTGGA TATGCCGAT GATGAGGTCT CTGCGCTCCA480
 GGAAGGGTCT TCGCATCTGG ATGAACCTTC GCTTGAGAGC CATGAAGGCT TTGCTGCTTT540
 G

Name: 98 Len: 384 Check: 4C9
 ATTTGGACCG GCATGCGAGG AACTTCTTTT GTTGTACAT ACCTGTATTA GGAAATTAAC 60
 ACCCATTTTA CAGAAAAATC CCAAAACATA TACTGCAATA AGCTCAAAAC AATGTGAAAA120
 AGACCAATGT GAATGGCACA CAAAAATGCT CTCTTTTATA ATTAAGTGA ATTCATGATC180
 ATGAAGTAGG CACAGGGAAA TCCAGTCTCT AGGGCTTTGC TCTCTGGAAG AACACCTTTA240

ATTATTTT AAAASTTTA GCATCAGGCT GTTAAATTT TTAAATAAA TTTTGAATTAT
TTTCTGAAAT TAATTGCAAG GAGGSCAGGT ATTCTTCTTG AAGATACTTA ACACATTCTG360
TTTCTGTTTT GAGATGAATT GTTT 384

Name: 99 Len: 535 Check: 1D3F

TTTTATTTA CAAAAGGTAG GCTCCGTTTA TTAGAGTCAC ACACAACTGA CTATCTCAGT 60
GTGACTCAAG ACCACAAAAA ACCCATTTCT CATTCACTTC TGAGTCTTGG GGTAAATACC120
TAGACCAGCA AGTGTACTGC TTGGGCTCCA TTCACAGGTT TACAAATTTT TCATTGAGTG180
CAATCTGTGA CTGTGTGAGG TTGGCCAGGT AGGTCAACAT CAAAAGGTCA TTGATGTTGC240
TGTTGAGCAT GGTCTCAAAAG TCATCTGGAA CTATTTTCTG TACTTGGTTA ACCAGGCTCA300
TCAGGAAGCG GCCCACAGTA TTGTCAAGTG ACACCTTTTC AGACAGTACA TCTCTGCAT360
ATTGCAACAC TGTACTCAGG GCATCTTGGA TGCGAGCTGA TGCCCCCTCT ACTTGCTGCA420
AGTCACTTGA GAGTCCAATC ACTCTGTTGG GGCTAAAGCA GGTCTTCATG ATCAGGTCAA480
CTCCGATGCG TTCAGTGTCT TAGTACGCGT ATTTCACTGT CAGAGGGGTG AACAT 535

Figur 13

- 1 T11
- 2 T111
- 3 T12
- 4 T6
- 5 T34
- 6 N5
- 7 N20
- 8 N280
- 9 N271
- 10 T136
- 11 T113
- 12 N133
- 13 T64
- 14 N131
- 15 T21
- 16 T132
- 17 T141
- 18 N77
- 19 N114
- 20 T49
- 21 T16
- 22 N119
- 23 N23
- 24 T114
- 25 T215
- 26 T61
- 27 T37
- 28 T131
- 29 N101
- 30 N40
- 31 T64
- 32 T120
- 33 N159
- 34 T186
- 35 N131
- 36 T147
- 37 N163
- 38 T23
- 39 T47
- 40 T43
- 41 T129
- 42 T175
- 43 N144
- 44 T33
- 45 T98
- 46 T11
- 47 T128
- 48 N21
- 49 T78
- 50 T103
- 51 T142
- 52 T41
- 53 N31
- 54 T240
- 55 N129
- 56 T133
- 57 T132
- 58 T117
- 59 T217
- 60 T191
- 61 N42
- 62 T156
- 63 T67

64 N124
 65 T21
 66 N34
 67 N134
 68 T119
 69 N36
 70 N214
 71 N256
 72 T105
 73 T75
 74 T153
 75 T184
 76 T36
 77 T111
 78 T144
 79 N192
 80 N133
 81 N271
 82 N255
 83 N61
 84 N137
 85 T174
 86 N22
 87 T2
 88 T237
 89 T15
 90 N158
 91 N59
 92 N235
 93 N349
 94 N349
 95 N252
 96 N257
 97 T38
 98 T121
 99 N16
 100 T109
 101 T68
 102 T36
 103 T40
 104 N1
 105 N212
 106 T100
 107 N112
 108 N3
 109 N238
 110 T183
 111 T238
 112 T166
 113 N28
 114 T175
 115 N175
 116 N142
 117 T77
 118 N186
 119 T212
 120 T196
 121 T48
 122 N192
 123 N158
 124 T69
 125 N7
 126 T245

123 N112
124 T203
125 N44
126 T205
127 T215
128 N253
129 T217
130 T233
131 T211
132 N244
133 T240
134 N70
135 T123
136 N253
137 N234
138 N53
139 N202
140 N81
141 T43
142 T113
143 T10
144 N71
145 N133
146 N133
147 N217
148 N37
149 N131
150 N41
151 N73
152 T133
153 T83
154 N11
155 N31
156 T30
157 N213
158 N240
159 N131
160 N41
161 T217
162 N143
163 N111
164 N111
165 T217
166 T41
167 N43
168 N43
169 T217
170 N231
171 T217
172 N43
173 N133
174 N37
175 T131
176 N133
177 N133
178 N73
179 T13
180 N43
181 T33
182 T114
183 T231
184 T33
185 N26

184 K14
185 T121
186 T17
187 T1
188 T117
189 T14
190 T13
191 K1
192 K149
193 T139
194 T170
195 T146
196 K17
197 T236
198 N74
199 K16
200 T111
201 T146
202 T124
203 N34
204 N116
205 T223
206 N193
207 N267
208 T133
209 T14
210 N113
211 N236
212 T224
213 N148
214 N138
215 N263
216 N210
217 N72
218 N152
219 T11
220 T159
221 N143
222 N78
223 T116
224 T27
225 N297
226 T31
227 N38
228 N143
229 N81
230 T24
231 N229
232 N87
233 T139
234 T188
235 N140
236 N147
237 N136
238 N204
239 N275
240 N65
241 N60
242 N115
243 N205
244 N29
245 N13
246 T48

246 T124
 247 T223
 248 N104
 249 N35
 250 T245
 251 N30
 252 T61
 253 N124
 254 N114
 255 T12
 256 T61
 257 T125
 258 T171
 259 T36
 260 T13
 261 T204
 262 T183
 263 T17
 264 T212
 265 T153
 266 T126
 267 T239
 268 N263
 269 T56
 270 N75
 271 N250
 272 T175
 273 N233
 274 T40
 275 N152
 276 N258
 277 N23
 278 T150
 279 T82
 280 N100
 281 T170
 282 N44
 283 N18
 284 T103
 285 N128
 286 N58
 287 T42
 288 T34
 289 N158
 290 N21
 291 N154
 292 N40
 293 T144
 294 T17
 295 T68
 296 T14
 297 T148
 298 T100
 299 N181
 300 N192
 301 T109
 302 N215
 303 T244
 304 T251
 305 T06
 306 T211
 307 T243
 308 N218

308 T101
309 T94
310 T183
311 N234
312 T191
313 T88
314 T9
315 N204
316 N175
317 N129
318 T141
319 N188
320 N209
321 T111
322 T144
323 N213
324 N109
325 N52
326 T235
327 N198
328 N148
329 N78
330 T116
331 N46
332 N49
333 N51
334 N52
335 T26